

# @reddyGeneticFunctionalDrivers2017

---

## Summary of novel genes

Entity	Tier 1 genes	Tier 2 genes
DLBCL	7	53

```
---
config:
  sankey:
    showValues: true
    linkColor: target
    width: 600
    height: 300
    nodeAlignment: right
    prefix: '('
    suffix: ' genes)'
---
sankey-beta
This study, New Tier 1, 7
New Tier 1, DLBCL Tier 1, 7
This study, New Tier 2, 53
New Tier 2, DLBCL Tier 2, 53
All other DLBCL studies, DLBCL Tier 1, 121
All other DLBCL studies, DLBCL Tier 2, 145
```

## Novel genes reported in this study

### Tier 1

Novel gene	DLBCL tier	Average variant quality
<a href="#">ATM</a>	1	★★★★☆☆
<a href="#">BIRC6</a>	1	★★★★☆☆
<a href="#">HIST1H2BC</a>	1	★★★★★☆☆
<a href="#">HNRNPU</a>	1	★★★★☆☆☆☆
<a href="#">SETD1B</a>	1	★★★☆☆☆☆
<a href="#">TOX</a>	1	★★★★☆☆☆☆
<a href="#">UBE2A</a>	1	★★★★☆☆☆☆

### Tier 2

Novel gene	DLBCL tier	Average variant quality	QC outcome
ANKRD17	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
SETD5	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
ARID5B	2	★ ★ ★ ★ ☆	Pass
ATR	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
BRINP3	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
BTBD3	2	★ ★ ★ ★ ☆	Pass
CASP8	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
TGFB2	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
TIPARP	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
CD22	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
NF1	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
IKBKB	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
JUNB	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
KCMF1	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
MAGT1	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
MECOM	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
PTPN6	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
MET	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
ZFX	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
YY1	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
FOXP1	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
FUBP1	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
GOLGA5	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
MSH6	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
CDC73	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
CHD1	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
CHD8	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
CHST2	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
DCAF6	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
DDX10	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail

Novel gene	DLBCL tier	Average variant quality	QC outcome
<a href="#">DICER1</a>	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">DNMT3A</a>	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">HRAS</a>	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">LIN54</a>	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">MAP4K4</a>	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">MARK1</a>	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">MCL1</a>	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">MSH2</a>	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">GNAS</a>	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">MYB</a>	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">NCOR1</a>	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">NFKB2</a>	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">PHF6</a>	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">PIK3CD</a>	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">PTPRK</a>	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">RARA</a>	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">ARID1B</a>	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">RUNX1</a>	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">CBLB</a>	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">SYK</a>	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">WAC</a>	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">ZBTB7A</a>	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">ZFAT</a>	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail

## See Also

The primary data supporting each of the mutations reported in this study can be viewed in [IGV reports](#) along with mutations unique to the GAMBL re-analysis.[@drevalRevisitingReddyDLBCL2023]

## References

---