

# @loveGeneticLandscapeMutations2012

## Summary of novel genes

Entity	Total	Tier 1	Tier 2	Tier 2 Pass	Tier 2 Fail
BL	59	3	56	9	47

```
---
config:
  sankey:
    showValues: true
    linkColor: target
    width: 600
    height: 300
    nodeAlignment: right
    prefix: '('
    suffix: ' genes)'
---
sankey-beta
New to this study, BL Tier 1, 3
New to this study, BL Tier 2, 56
BL Tier 2, Pass QC, 9
BL Tier 2, Fail QC, 47
```

## Novel genes reported in this study

### Tier 1

New gene	BL tier
<a href="#">ARID1A</a>	1
<a href="#">GNA13</a>	1
<a href="#">PTEN</a>	1

### Tier 2

Novel gene	DLBCL tier	Average variant quality	QC outcome
<a href="#">ACAD9</a>	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">ACE</a>	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">ATP2C2</a>	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">BCL6</a>	2	★ ★ ★ ★ ☆	Pass
<a href="#">BRAF</a>	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail

Novel gene	DLBCL tier	Average variant quality	QC outcome
BRD4	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
BTG2	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
C6orf27	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
CAD	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
CARD4	2	★ ★ ★ ★ ☆	Pass
CCT6B	2	<i>Germline</i>	Fail
CDC73	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
CDH17	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
COL4A2	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
CREBBP	2	★ ★ ★ ★ ☆	Pass
CYB5D1	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
CYP4F22	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
DLGAP1	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
DTX1	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
EIF2C4	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
EML2	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
ENTPD3	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
EPHB2	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
EZH2	2	★ ★ ★ ★ ★	Pass
FAM129B	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
FGFR3	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
FTCD	2	<i>Germline</i>	Fail
GGTLA4	2	★ ★ ★ ★ ☆	Pass
GRIK5	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
ICK	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
ITPR3	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
KIFC3	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
MAP3K6	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
MYH10	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
NBEAL1	2	★ ★ ★ ★ ☆	Pass

Novel gene	DLBCL tier	Average variant quality	QC outcome
<a href="#">NOTCH1</a>	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">NRXN2</a>	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">P2RY2</a>	2	★ ★ ★ ★ ☆	Pass
<a href="#">PC</a>	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">POLRMT</a>	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">POR</a>	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">PRSS22</a>	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">PTPRN</a>	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">RANBP6</a>	2	★ ★ ★ ★ ★	Pass
<a href="#">RBP3</a>	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">RET</a>	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">SALL3</a>	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">SAPS2</a>	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">SBF1</a>	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">SF3B1</a>	2	★ ★ ★ ★ ☆	Fail
<a href="#">SHANK1</a>	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">SLC29A2</a>	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">SYNGAP1</a>	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">TBC1D9B</a>	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">TIGD6</a>	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">TPST2</a>	2	☆ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
<a href="#">ZNF229</a>	2	<i>Germline</i>	Fail

### See Also

The primary data supporting each of the mutations reported in this study can be viewed in [IGV reports](#)

## Details

---