

@reddyGeneticFunctionalDrivers2017

Summary of novel genes

Entity	Tier 1 genes	Tier 2 genes
DLBCL	7	53

```
---
config:
  sankey:
    showValues: true
    linkColor: target
    width: 600
    height: 300
    nodeAlignment: right
    prefix: '('
    suffix: ' genes)'
---
sankey-beta
This study, New Tier 1, 7
New Tier 1, DLBCL Tier 1, 7
This study, New Tier 2, 53
New Tier 2, DLBCL Tier 2, 53
All other DLBCL studies, DLBCL Tier 1, 121
All other DLBCL studies, DLBCL Tier 2, 145
```

Novel genes reported in this study

Tier 1

Novel gene	DLBCL tier	Rating of reviewed variants
ATM	1	★ ★ ★ ☆ ☆
BIRC6	1	★ ★ ★ ☆ ☆
HIST1H2BC	1	★ ★ ★ ★ ☆
HNRNPU	1	★ ★ ★ ☆ ☆
SETD1B	1	★ ★ ☆ ☆ ☆
TOX	1	★ ★ ★ ☆ ☆
UBE2A	1	★ ★ ★ ☆ ☆

Tier 2

Novel gene	DLBCL tier	Average variant quality	QC outcome
ANKRD17	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
ARID1B	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
ARID5B	2	★ ★ ★ ★ ☆	Pass
ATR	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
BRINP3	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
BTBD3	2	★ ★ ★ ★ ☆	Pass
CASP8	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
CBLB	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
CD22	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
CDC73	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
CHD1	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
CHD8	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
CHST2	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
DCAF6	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
DDX10	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
DICER1	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
DNMT3A	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
FOXP1	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
FUBP1	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
GNAS	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
GOLGA5	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
HRAS	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
IKBKB	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
JUNB	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
KCMF1	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
LIN54	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
MAGT1	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
MAP4K4	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
MARK1	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
MCL1	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail

Novel gene	DLBCL tier	Average variant quality	QC outcome
MECOM	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
MET	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
MSH2	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
MSH6	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
MYB	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
NCOR1	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
NF1	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
NFKB2	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
PHF6	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
PIK3CD	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
PTPN6	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
PTPRK	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
RARA	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
RUNX1	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
SETD5	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
SYK	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
TGFB2	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
TIPARP	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
WAC	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
YY1	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass
ZBTB7A	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆	Fail
ZFAT	2	★ ★ ☆ ☆ ☆	Fail
ZFX	2	★ ★ ★ ☆ ☆	Pass

See Also

The primary data supporting each of the mutations reported in this study can be viewed in [IGV reports](#) along with mutations unique to the GAMBL re-analysis.[@drevalRevisitingReddyDLBCL2023]

References
