

# @loveGeneticLandscapeMutations2012

## Summary of novel genes

Entity	Tier 1 genes	Tier 2 genes
BL	3	56

```
---
config:
  sankey:
    showValues: true
    linkColor: target
    width: 600
    height: 300
    nodeAlignment: right
    prefix: '('
    suffix: ' genes)'
---
sankey-beta
This study, New Tier 1, 3
New Tier 1, BL Tier 1, 3
This study, New Tier 2, 56
New Tier 2, BL Tier 2, 56
All other BL studies, BL Tier 1, 26
All other BL studies, BL Tier 2, 101
```

## Novel genes reported in this study

### Tier 1

New gene	BL tier
ARID1A	1
GNA13	1
PTEN	1

### Tier 2

New gene	BL tier	Rating of reviewed variants
ACAD9	2	★☆☆☆☆
ACE	2	★☆☆☆☆
ATP2C2	2	★★☆☆☆

New gene	BL tier	Rating of reviewed variants
BCL6	2	★ ★ ★ ★ ☆
BRAF	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆
BRD4	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆
BTG2	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆
C6orf27	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆
CAD	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆
CARD4	2	★ ★ ★ ★ ☆
CCT6B	2	<i>Germline</i>
CDC73	2	★ ★ ★ ☆ ☆
CDH17	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆
COL4A2	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆
CREBBP	2	★ ★ ★ ★ ☆
CYB5D1	2	★ ★ ☆ ☆ ☆
CYP4F22	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆
DLGAP1	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆
DTX1	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆
EIF2C4	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆
EML2	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆
ENTPD3	2	★ ★ ☆ ☆ ☆
EPHB2	2	★ ★ ☆ ☆ ☆
EZH2	2	★ ★ ★ ★ ★
FAM129B	2	★ ★ ☆ ☆ ☆
FGFR3	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆
FTCD	2	<i>Germline</i>
GGTLA4	2	★ ★ ★ ★ ☆
GRIK5	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆
ICK	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆
ITPR3	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆
KIFC3	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆
MAP3K6	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆

New gene	BL tier	Rating of reviewed variants
<a href="#">MYH10</a>	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆
<a href="#">NBEAL1</a>	2	★ ★ ★ ★ ☆
<a href="#">NOTCH1</a>	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆
<a href="#">NRXN2</a>	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆
<a href="#">P2RY2</a>	2	
<a href="#">PC</a>	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆
<a href="#">POLRMT</a>	2	
<a href="#">POR</a>	2	
<a href="#">PRSS22</a>	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆
<a href="#">PTPRN</a>	2	
<a href="#">RANBP6</a>	2	
<a href="#">RBP3</a>	2	
<a href="#">RET</a>	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆
<a href="#">SALL3</a>	2	
<a href="#">SAPS2</a>	2	
<a href="#">SBF1</a>	2	
<a href="#">SF3B1</a>	2	
<a href="#">SHANK1</a>	2	
<a href="#">SLC29A2</a>	2	
<a href="#">SYNGAP1</a>	2	★ ☆ ☆ ☆ ☆
<a href="#">TBC1D9B</a>	2	
<a href="#">TIGD6</a>	2	
<a href="#">TPST2</a>	2	
<a href="#">ZNF229</a>	2	<i>Germline</i>

## See Also

The primary data supporting each of the mutations reported in this study can be viewed in [IGV reports](#)

## Details

---