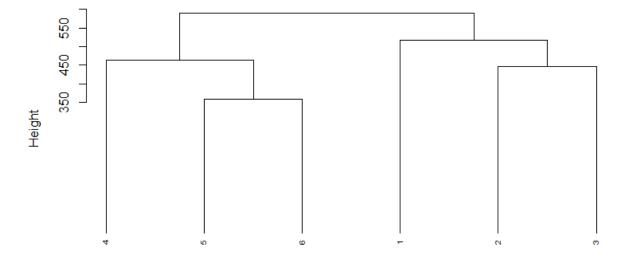
ابتدا دادههای خود را فراخوانی میکنیم سپس ماتریس فاصله را بدست میآوریم:

```
> data=c(16.5,4.2,11.6,18.1,6.9,13.0,24.8,13.3,
         24.7,34.2,41.5,35.7,106,122,340,184,173,477,147,90,242,293,191,220,1
112,982,808,1668,1534,
        1566,905,669,609,901,1368,1183,494,954,645,602,780,788)
> jorm=matrix(data,nrow = 6,ncol = 7)
                                                                   ماتريس فاصله :
> distance=dist(jorm,upper = TRUE,diag = TRUE)
> distance
                                                           6
1
     0.0000
           536.6419
                      516.3700 590.1753 693.5741
                                                    716.1962
              0.0000 447.4033 833.0708 914.9784
2 536.6419
                                                    881.0858
           447.4033
3 516.3700
                        0.0000 924.0035 1073.3948
                                                    971.5271
4 590.1753 833.0708 924.0035
                                  0.0000 527.6673
                                                    464.4677
                                            0.0000
5 693.5741 914.9784 1073.3948 527.6673
                                                    358.6654
6 716.1962 881.0858 971.5271 464.4677 358.6654
                                                      0.0000
```

خوشه بندی پیوند تکی

```
> # Hierarchical clustering using single Linkage
> hc_single <- hclust(d=distance, method = "single" )
> plot(hc_single, cex = 0.6, hang = -1)
```

Cluster Dendrogram

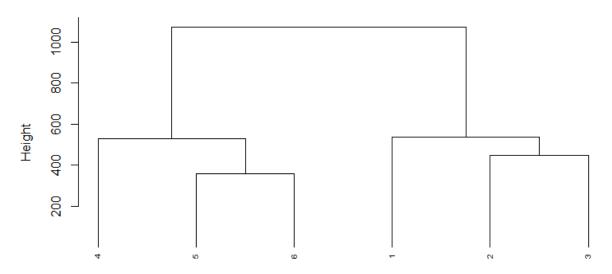


distance hclust (*, "single")

خوشه بندی پیوند کامل

```
> # Hierarchical clustering using Complete Linkage
> hc_complete <- hclust(d=distance, method = "complete" )
> plot(hc_complete, cex = 0.6, hang = -1)
```

Cluster Dendrogram

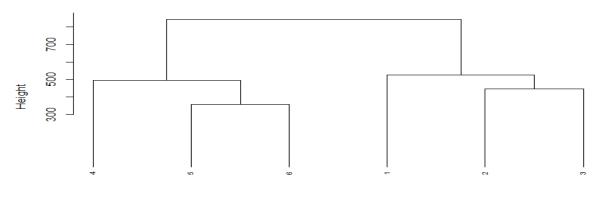


distance hclust (*, "complete")

خوشه بندی پیوند میانگین

```
> # Hierarchical clustering using average Linkage
> hc_average <- hclust(d=distance, method = "average" )
> plot(hc_average, cex = 0.6, hang = -1)
```

Cluster Dendrogram



distance hclust (*, "average")

```
> # Hierarchical clustering using ward Linkage
> hc_ward <- hclust(d=distance, method = "ward.D2" )</pre>
> plot(hc_ward, cex = 0.6, hang = -1)
                                           Cluster Dendrogram
      1200
      8
      9
      8
      90
                                               distance
hclust (*, "ward.D2")
                  Cluster Dendrogram
                                                                        Cluster Dendrogram
     350 600
                                                          880
Height
                         distance
                                                                               distance
                      hclust (*, "single")
                                                                          hclust (*, "complete")
                                                                        Cluster Dendrogram
                  Cluster Dendrogram
                                                          200 800
Height
                                                      Height
                         distance
                                                                               distance
```

از نمودارهای فوق نتیجه میگیریم چهار روشی که استفاده کردیم دارای نتایج تقریبا یکسانی هستند و ۶ شهر را به یک صورت خوشه بندی کرده اند .

hclust (*, "ward.D2")

hclust (*, "average")

نرخ جرم و جنایت در هر صد هزار نفر جمعیت برای ۱۶ شهر

City	Murder	Rape	Robbery	Assault	Burglary	Larceny	AutoTheft
Atlanta	16.5	24.8	106	147	1112	905	494
Boston	4.2	13.3	122	90	982	669	954
Chicago	11.6	24.7	340	242	808	609	645
Dallas	18.1	34.2	184	293	1668	901	602
Denver	6.9	41.5	173	191	1534	1368	780
Detroit	13.0	35.7	477	220	1566	1183	788
Hartford	2.5	8.8	68	103	1017	724	468
Honolulu	3.6	12.7	42	28	1457	1102	637
Houston	16.8	26.6	289	186	1509	787	697
Kansas City	10.8	43.2	255	226	1494	955	765
Los Angeles	9.7	51.8	286	355	1902	1386	862
New Orleans	10.3	39.7	266	283	1056	1036	776
New York	9.4	19.4	522	267	1674	1392	848
Portland	5.0	23.0	157	144	1530	1281	488
Tucson	5.1	22.9	85	148	1206	756	483
Washington	12.5	27.6	524	217	1496	1003	793

٣.

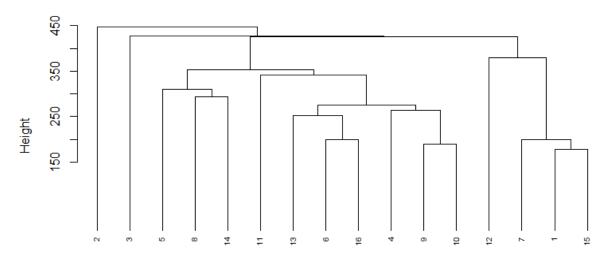
ابتدا دادههای خود را فراخوانی میکنیم و ماتریس فاصله را بدست می آوریم سپس مانند سوال قبل خوشه بندیهای مختلف را اجرا میکنیم:

```
> data=read.table("~/city.txt",header = T)
> data2<- data[,-1]
>
> # distance matrix
> distance2=dist(data2,upper = TRUE,diag = TRUE)
```

خوشه بندی پیوند تکی:

```
> # Hierarchical clustering using single Linkage
> hc_single <- hclust(d=distance2, method = "single" )
> plot(hc_single, cex = 0.6, hang = -1)
```

Cluster Dendrogram

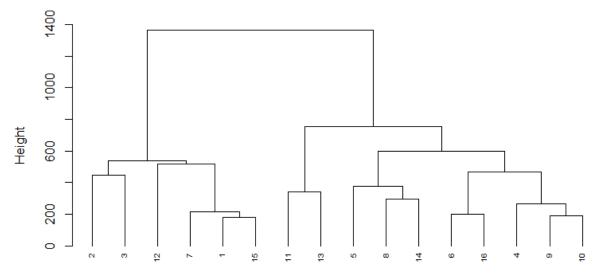


distance2 hclust (*, "single")

خوشه بندی پیوند کامل:

```
> # Hierarchical clustering using Complete Linkage
> hc_complete <- hclust(d=distance2, method = "complete" )
> plot(hc_complete, cex = 0.6, hang = -1)
```

Cluster Dendrogram

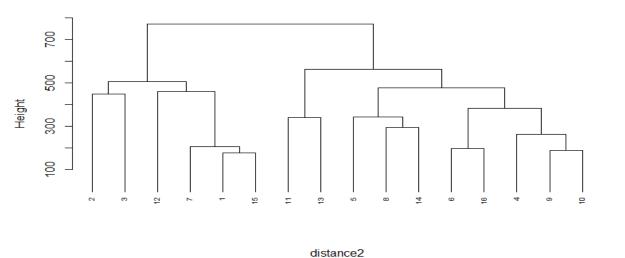


distance2 hclust (*, "complete")

خوشه بندی پیوند میانگین

```
> # Hierarchical clustering using average Linkage
> hc_average <- hclust(d=distance2, method = "average" )
> plot(hc_average, cex = 0.6, hang = -1)
```

Cluster Dendrogram

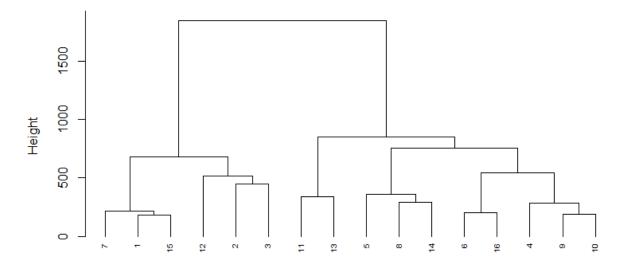


خوشه بندی Ward

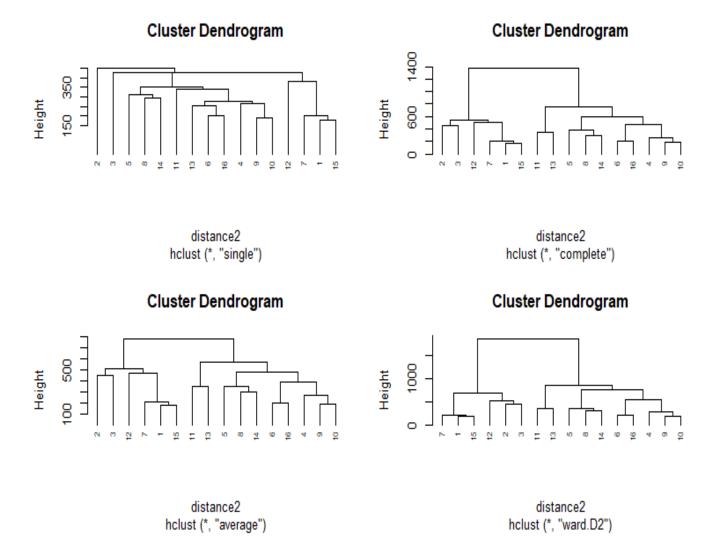
```
> # Hierarchical clustering using ward Linkage
> hc_ward <- hclust(d=distance2, method = "ward.D2" )
> plot(hc_ward, cex = 0.6, hang = -1)
```

Cluster Dendrogram

hclust (*, "average")



distance2 hclust (*, "ward.D2")



در نمودارهای بالا تفاوت خوشه بندی به روشهای مختلف را مشاهده میکنید .

روش خوشه بندی پیوند تکی با بقیه بسیار تفاوت دارد.

روش خوشه بندی پیوند کامل و پیوند میانگین دقیقا مانند یکدیگر عمل کردهاند .

روش Ward در خوشه بندی شهرهای ۱۱،۱۳٬۵٬۸،۱۴٬۶٬۱۶٬۴٬۹،۱۰ مانند روشهای پیوند کامل و میانگین عمل کرده است.