# گروه دیابت شیمیایی

ابتدا دادهها را فراخوانی میکنیم

```
data<-read.table("C:/Users/12345/Desktop/TABLE.txt",header = T)

chemical<-data[1:36,-6]

normal<-data[37:112,-6]

overt<-data[113:145,-6]</pre>
```

## فاصله اطمينان

متوسط مقدار وزن نسبی به ازای میزان تحمل گلوکز ۴۱۳ ،پاسخ انسولین به گلوکز خوراکی برابر ۳۴۴ و معیار مقاومت به انسولین ۲۷۰ با اطمینان ۹۵ درصد در فاصله اطمینان ۱.۰۷۷ و ۱.۲۰۱۱ قرار می گیرد .

متوسط مقدار سطح گلوکز پالسما ناشتا به ازای میزان تحمل گلوکز ۴۱۳ ،پاسخ انسولین به گلوکز خوراکی ۳۴۴ و معیار مقاومت به انسولین ۲۷۰ با اطمینان ۹۵ درصد در فاصله اطمینان ۸۵.۳۴ و ۹۶.۲۸ قرار می گیرد.

## فاصله پیش بینی

متوسط مقدار وزن نسبی به ازای میزان تحمل گلوکز ۴۹۳ ،پاسخ انسولین به گلوکز خوراکی ۲۸۸ و معیار مقاومت به انسولین۲۰۸ با اطمینان ۹۵ درصد در فاصله پیش بینی ۲۰۸۰ تا ۱.۲۳۸ قرار می گیرد .(یعنی در واقع ما برای مقدار متغیرهای داده شده پیش بینی میکنیم با اطمینان ۹۵ درصد متوسط وزن نسبی در فاصله ۷.۸۷ و ۱.۲۳ قرار بگیرد)

متوسط مقدار سطح گلوکز پالسما ناشتتا به ازای میزان تحمل گلوکز ۴۹۳ ،پاسخ انسولین به گلوکز خوراکی ۲۸۸ و معیار مقاومت به انسولین۲۰۸ با اطمینان ۹۵ درصد در فاصله پیش بینی ۸۲.۹۵ تا ۱۱۵.۴۶ قرار می گیرد.

```
> ch.Model=lm(cbind(y1,y2) ~ x1+x2+x3,data=chemical)
> test.coef1=linearHypothesis(ch.Model,hypothesis.matrix=c("x1=0","x2=0","x3=0"))
>
E.ch<-test.coef1$SSPE
> H.ch<-test.coef1$SSPH
> landa.ch<-det(E.ch)/det(E.ch+H.ch)
> (R2.ch=1-landa.ch)
[1] 0.5657656
> (A.landa=1-landa.ch^2)
[1] 0.8114405
> E.ch.prim=solve(E.ch)
> landa =eigen(E.ch.prim*H.ch)
> (teta.ch=min(landa$values)/1+min(landa$values))
[1] 0.8418205
```

در واقع ضریب تعیین به ما نسبت تغییرات تبیین متغیر پاسخ به وسیله متغیرهای رگرسیونی را به ما نشان میدهد.

گروه ديابت سالم

ابتدا دادهها را فراخوانی میکنیم

```
data<-read.table("C:/Users/12345/Desktop/TABLE.txt",header = T)
chemical<-data[1:36,-6]
normal<-data[37:112,-6]
overt<-data[113:145,-6]</pre>
```

فاصله اطمينان

متوسط مقدار وزن نسبی به ازای میزان تحمل گلوکز ۳۰۶ ،پاسخ انسولین به گلوکز خوراکی ۱۷۸ و معیار مقاومت به انسولین۶۶ با اطمینان ۹۵ درصد در فاصله اطمینان **0.855** تا ۰.۹۰۲ قرار می گیرد .

متوسط مقدار سطح گلوکز پالسما ناشتا به ازای میزان تحمل گلوکز ۳۰۶ ،پاسخ انسولین به گلوکز خوراکی۱۷۸ و معیار مقاومت به انسولین۶۶ با اطمینان ۹۵ درصد در فاصله اطمینان ۸۴.۵۱ تا ۹۱.۰۲ قرار می گیرد.

## فاصله پیش بینی

متوسط مقدار وزن نسبی به ازای میزان تحمل گلوکز ۳۴۹ ،پاسخ انسولین به گلوکز خوراکی ۱۷۲ و معیار مقاومت به انسولین ۱۱۴ با اطمینان ۹۵ درصد در فاصله پیشبینی ۰.۷۰۹ قرار می گیرد .(یعنی در واقع ما برای مقدار متغیرهای داده شده پیش بینی میکنیم با اطمینان ۹۵ درصد متوسط وزن نسبی در فاصله ۰.۷۰۹ و ۱.۱۶۴ قرار بگیرد)

متوسط مقدار سطح گلوکز پالسما ناشتتا به ازای میزان تحمل گلوکز ۳۴۹ ،پاسخ انسولین به گلوکز خوراکی ۱۷۲ و معیار مقاومت به انسولین۱۱۴ با اطمینان ۹۵ درصد در فاصله پیشبینی ۷۵.۰۱ تا ۲۷.۲۳ قرار می گیرد.

#### ضريب تعيين

```
> N.Model=lm(cbind(y1,y2)~x1+x2+x3, data=normal)
> 
> test.coef2<-linearHypothesis(N.Model,hypothesis.matrix=c("x1=0","x2=0","x3=0"))
> 
> E.norm=test.coef2$SSPE
> H.norm=test.coef2$SSPH
> landa.norm=det(E.norm)/det(E.norm+H.norm)
> (R2.norm=1-landa.norm)
[1] 0.3001059
> (A.landa=1-landa.norm^2)
[1] 0.5101483
> E.norm.prim=solve(E.norm)
> landa =eigen(E.norm.prim*H.norm)
> (teta.norm=min(landa$values)/1+min(landa$values))
[1] 0.1943836
```

در واقع ضریب تعیین به ما نسبت تغییرات تبیین متغیر پاسخ به وسیله متغیرهای رگرسیونی را به ما نشان میدهد.

```
data<-read.table("C:/Users/12345/Desktop/TABLE.txt",header = T)
chemical<-data[1:36,-6]
normal<-data[37:112,-6]
overt<-data[113:145,-6]</pre>
```

## فاصله اطمينان

```
> (conf.y1=predict(lm(y1~x1+x2+x3,data=overt),list(x1=849,x2=159,x3=310),inte
rval ='confidence'))
    fit     lwr     upr
1 1.032299 0.9930255 1.071573
> (conf.y2=predict(lm(y2~x1+x2+x3,data=overt),list(x1=849,x2=159,x3=310),inte
rval ='confidence'))
    fit     lwr     upr
1 173.1696 162.9575 183.3816
```

متوسط مقدار وزن نسبی به ازای میزان تحمل گلوکز ۸۴۹ ، پاسخ انسولین به گلوکز خوراکی ۱۵۹ و معیار مقاومت به انسولین۳۱۰ با اطمینان ۹۵ درصد در فاصله اطمینان 993. تا ۱.071 قرار می گیرد .

متوسط مقدار سطح گلوکز پالسما ناشتا به ازای میزان تحمل گلوکز ۸۴۹ ،پاسخ انسولین به گلوکز خوراکی۱۵۹ و معیار مقاومت به انسولین ۳۱۰ با اطمینان ۹۵ درصد در فاصله اطمینان ۱۶۲.95 تا 183.۳۸ قرار می گیرد.

## فاصله پیش بینی

متوسط مقدار وزن نسبی به ازای میزان تحمل گلوکز ۱۰۴۳ ،پاسخ انسولین به گلوکز خوراکی ۱۰۶ و معیار مقاومت به انسولین۳۱۸ با اطمینان ۹۵ درصد در فاصله پیشبینی ۰.۷۹۷ تا ۱.۱۶۹ قرار می گیرد. (یعنی در واقع ما برای مقدار متغیرهای داده شده پیش بینی میکنیم با اطمینان ۹۵ درصد متوسط وزن نسبی در فاصله ۷۹۷، و ۱.۱۶۹ قرار بگیرد)

متوسط مقدار سطح گلوکز پالسما ناشتتا به ازای میزان تحمل گلوکز ۱۰۴۳ ، پاسخ انسولین به گلوکز خوراکی ۱۰۶ و معیار مقاومت به انسولین۳۱۸ با اطمینان ۹۵ درصد در فاصله پیشبینی ۱۶۹.۰۵ تا ۲۶۵.۸۳ قرار می گیرد.

### ضريب تعيين

```
> O.Model=lm(cbind(y1,y2)~x1+x2+x3, data=overt)
> test.coef3<-linearHypothesis(N.Model,hypothesis.matrix=c("x1=0","x2=0","x3=0"))
> E.overt=test.coef3$SSPE
> H.overt=test.coef3$SSPH
> landa.overt=det(E.overt)/det(E.overt+H.overt)
> (R2.overt=1-landa.overt)
[1] 0.3001059
> (A.landa=1-landa.overt^2)
[1] 0.5101483
> E.overt.prim=solve(E.overt)
> landa =eigen( E.overt.prim*H.overt)
> (teta.overt=min(landa$values)/1+min(landa$values))
[1] 0.1943836
```

در واقع ضریب تعیین به ما نسبت تغییرات تبیین متغیر پاسخ به وسیله متغیرهای رگرسیونی را به ما نشان میدهد.