**程式處理臨床醫療資料作業要求**

說明: 健康醫療過程會產生許多不同類型、不同格式的生醫資料檔案。解析及處理這些資料是醫療資訊人員的大挑戰(因都沒人教)。但這些檔案皆可用 C 語言基礎的語法解讀分析，如下:

unsigned char buffer[2000];

FILE \* pFile;

pFile = fopen ("d:\\img\\MRBRAIN.DCM", "rb");

fread (buffer , sizeof(char), sizeof(buffer), pFile);

fclose (pFile);

int i;

for(i=0; i< 2000;i++)

{ printf("index:%d, value: %03d, %02x, ASCII:%c\n",i, buffer[i], buffer[i],buffer[i]); }

解讀後，即可轉成 FHIR 標準格式，上傳到 FHIR server。或存放在醫學影像、基因序列、生醫波形、影音伺服器。

作業要求:

1. 加入陽明牙醫影像群組--影像報告及醫護表單

https://line.me/R/ti/g/pLjuEMG9rN



1. 參與線上或實體醫資專家會議，近期會議:

2020/11/27 晚上八點視訊會議

視訊連結:

<https://zoomtw.zoom.us/j/6477065852?pwd=Y1RKa3lqVzNYZXN5Tzg5ZUFaSVIwZz09>

2020/11/28 下午一點半，福田樓 H707 醫學影像資料解析

2020/11/28 下午三點， 福田樓 H707 睡眠訊號解析

1. 選定某一組特定資料，每個同學皆不相同(會議中討論)，整理及說明自行撰寫或學長姐發展的資料解析程式。需在自己電腦可執行。

後續會議會發布再 line 群組，也可主動約專家會議討論。醫資專家:

林欣怡: 生理訊號

黃亮綜: 基因資料

莊舒雅: 醫學影像

楊子億: FHIR 表單