

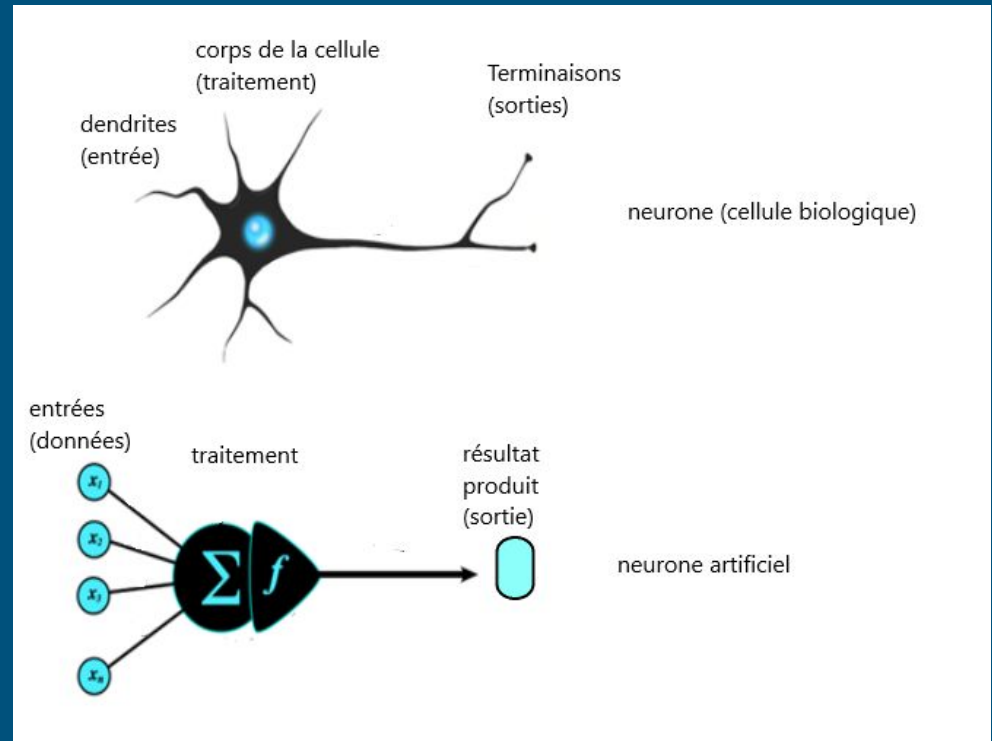
Réseaux de neurones & Deep Learning

Chapitre I

Réseaux de neurones & Deep Learning

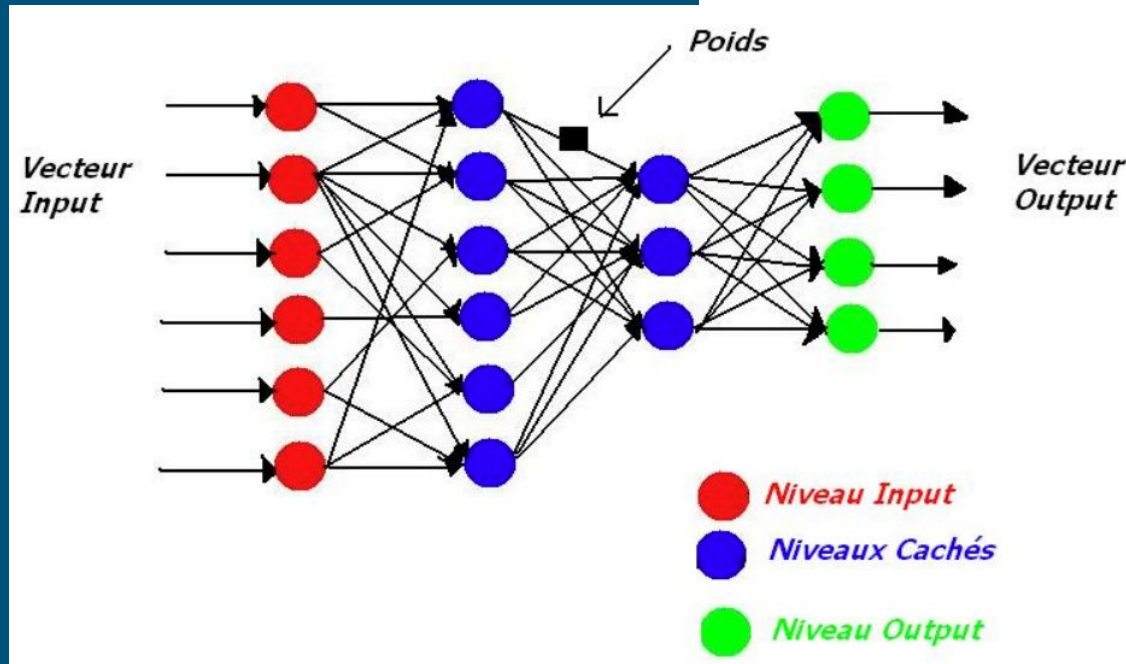
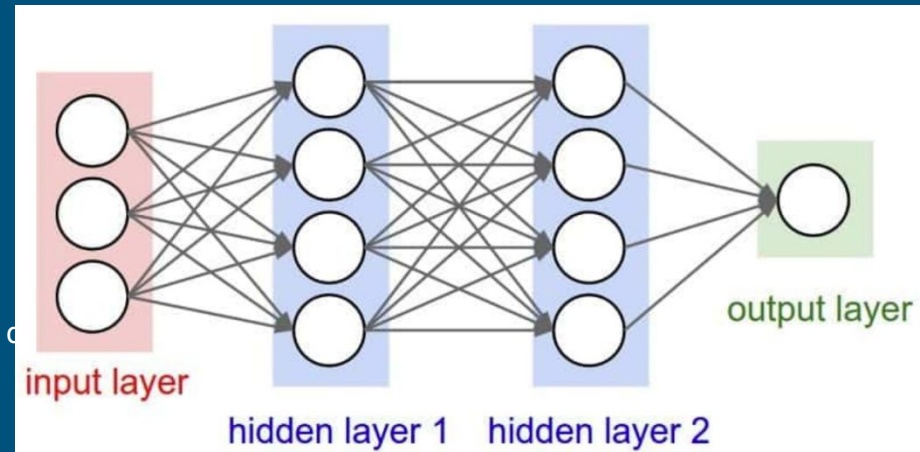
RNA ou ANN (Artificial Neural Network)

- un modèle de calcul
- conception schématiquement inspirée du fonctionnement des neurones biologiques.
- Il permet de réaliser des traitements d'apprentissage automatique.
- Grande vitesse de traitement

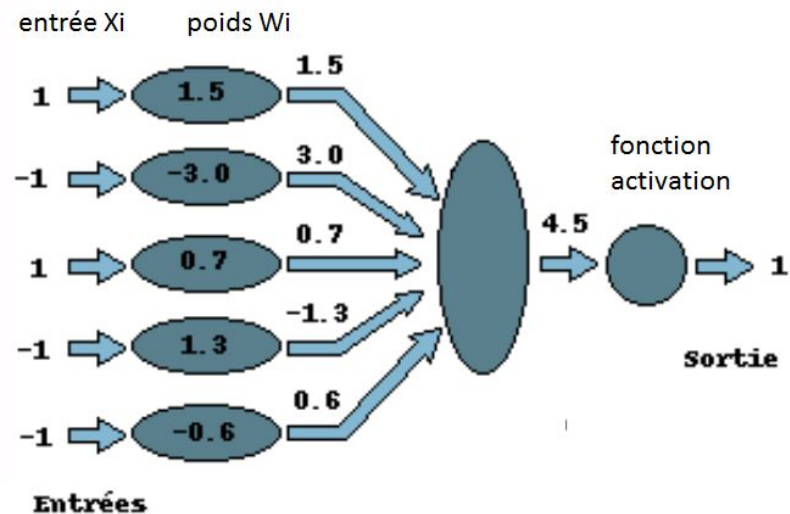
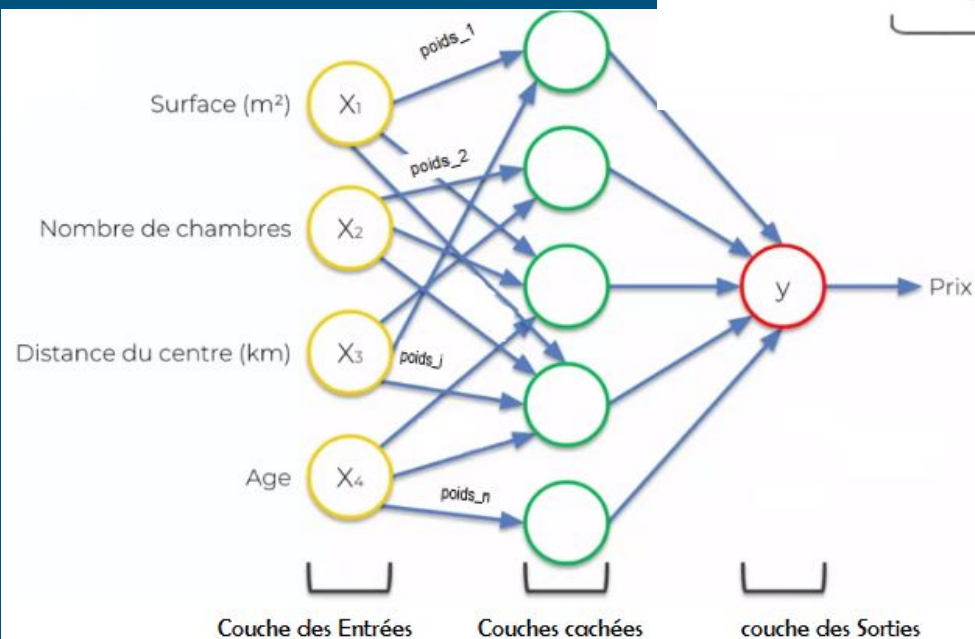
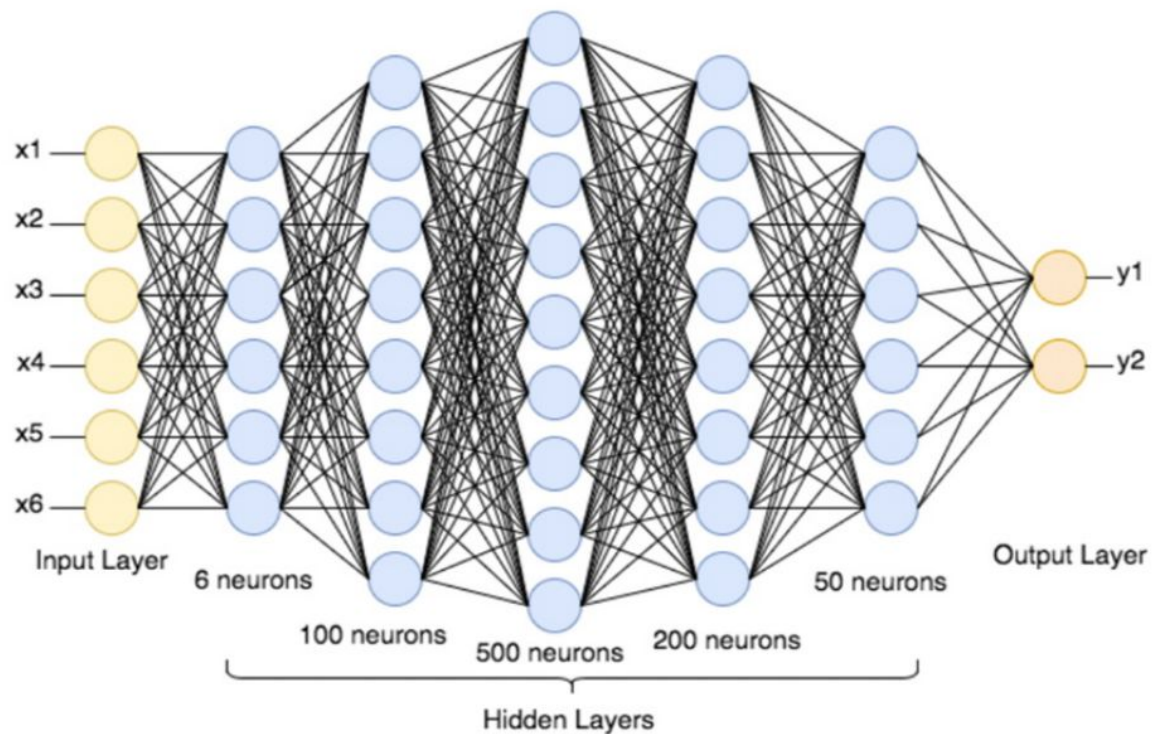


Architecture des RNA

- Des blocs opérant en parallèle et organisés en couches
- Couche d'entrée : valeurs des attributs
- Chaque entrée à une couche est pondérée par un poids
- Couche sortie : fournit, grâce à une fonction particulière, le résultat du modèle
- 1 ou plusieurs couches intermédiaires.
- La couche intermédiaire reçoit en entrée les données en sortie de la couche précédente, qui ont subi des transformations par l'application de fonctions mathématiques appelées fonctions d'activation.
- La taille de la couche sortie dépend du résultat objectif

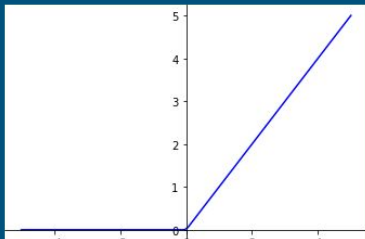


Exemples de RNA

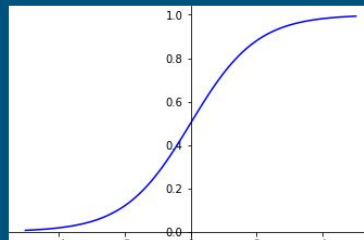


Exemples de Fonctions d'activation

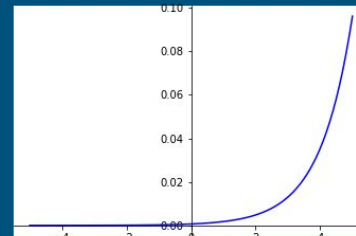
Rôle	Fonction	Calcul	valeur
Inter-couche	ReLU	$F(x) = \max(x, 0)$	0 ou x
Classification Binaire Regression logistique	Sigmoid		[0, 1]
Multi-classes	Softmax		
Classification binaire à valeurs négatives	Tanh		[-1, 1]



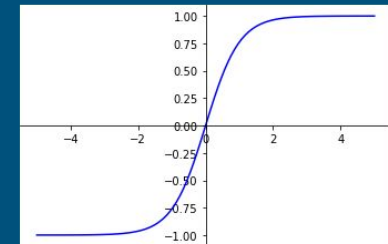
Fonction ReLU



Fonction Sigmoide



Fonction Softmax



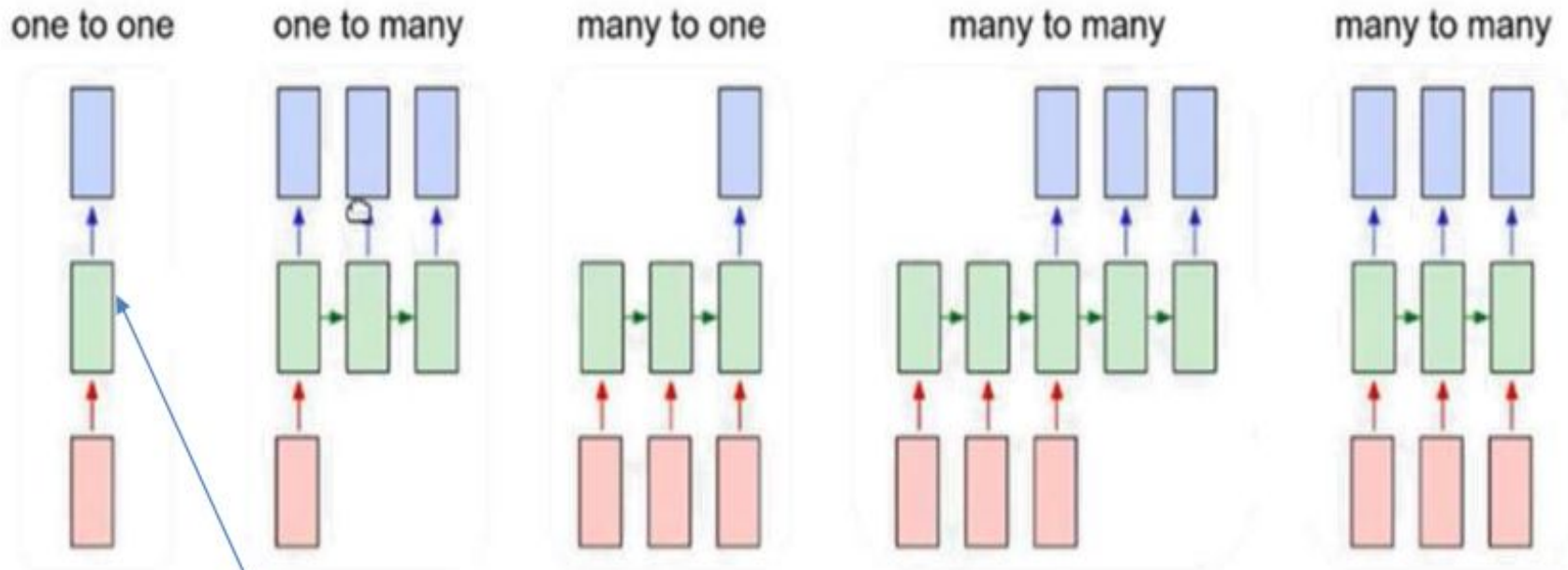
Fonction Tanh

Principe de L'apprentissage dans un RNA

- Propagation avant (feedforward) □ Pas de cycle dans le RNA
- A chaque itération une observation différente est fournit au RNA
- Initialisation aléatoire des poids
- La modification des poids se fait grâce à une règle d'apprentissage.
- La règle d'apprentissage tend à minimiser la fonction Coût (minimum, gradient, dérivée ...) par des itérations successives(epochs)
- Consiste à ajuster progressivement les poids synaptiques w_{ij} jusqu'à ce que les réponses soient conformes à ce que l'on attend sur la base d'apprentissage.

Réseaux Récurrents

RNN (feedback network)



Une cellule= une
couche dense

Lexique Apprentissage

(Hyperparamètres / paramètres)

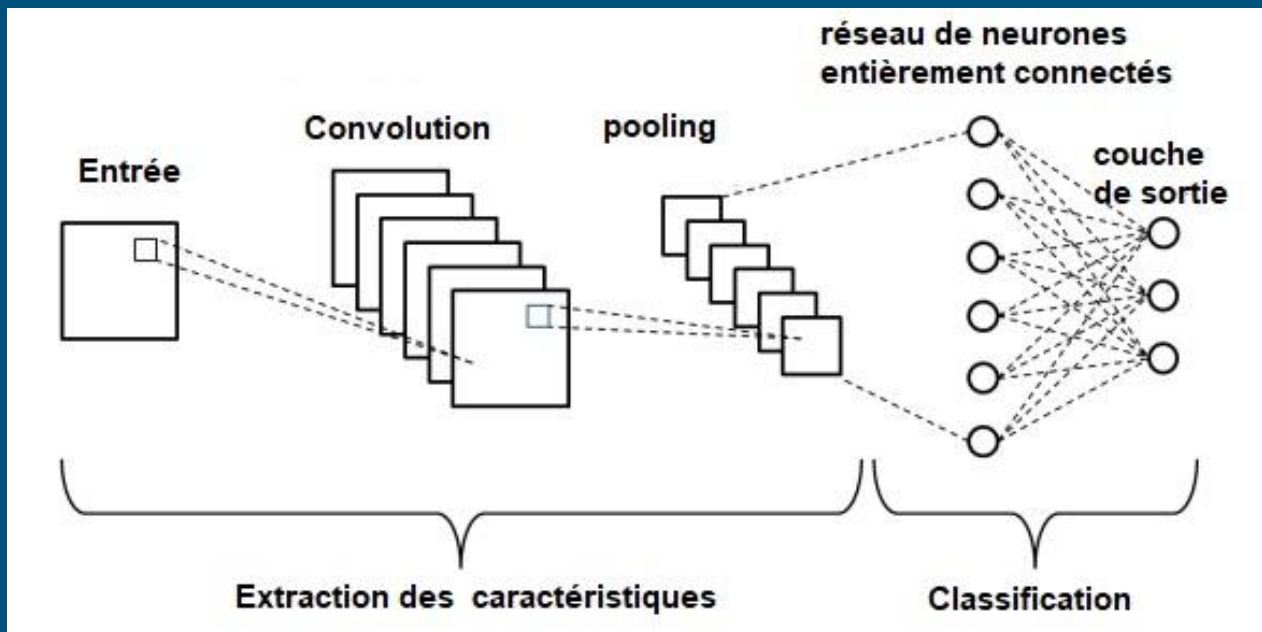
Terme	Signification	Exemples
batch	Nombre d'observations soumis en 1 fois	Généralement 32
epoch	Une itération complète tel que toutes les entrées ont été introduites	Au min 20
optimizer	Algorithme de calcul pour l'ajustement des poids pendant l'apprentissage	SGD, momentum, adagrad, RMSprop, Adam
learning-rate	Facteur multiplicatif aide à la convergence	0,001 ,,,
Loss function	Fonction globale du modèle	Categorical_crossentropy, MSE (mean square error)

Deep Learning et ses applications

Domaine	Exemple
Vision par ordinateur	détection d'objets, la segmentation d'images, classification, génération d'images surveillance vidéo, diagnostic médical, robotique
Traitement langage naturel	traduction automatique, reconnaissance vocale, génération de texte, traitement du langage naturel (analyse de sentiments, chatbots, résumés automatiques, etc.
Jeux	StarCraft, AlphaStar, jeu d'échecs
Finance et économie	prévision des marchés financiers, analyse de données financières, détection de fraude, évaluation des risques,
Robotique	contrôle des robots, manipulation d'objets, navigation autonome, etc.

CNN : Convolutional Neural Network

- Très performant pour la classification d'images
- Comporte 2 parties :
 - Des couches qui permettent d'extraire les caractéristiques des images (couches de convolution et de pooling)
 - Des couches de classification (fully connected neurones)



Implémentation d'un CNN

Construisons un modèle CNN avec Tensorflow

Objectif

Créer un modèle CNN pour classifier des images.

Dataset utilisée

MNSIT Fashion de keras contient plus de 70000 images en niveau de gris

Librairies

numpy , tensorflow , matplotlib, tensorflow.keras, pandas, sklearn, seaborn

Description des données

Dimension : 28x28,

Niveau de Gris

10 étiquettes :



0 – T-shirt/haut

1 – Pantalon

2 – Pullover

3 – Robe

4 – Manteau

5 – Sandale

6 – Chemise

Etapes de Conception d'un modèle de classification CNN

- 1- Import des librairies
- 2- Import / ouverture dataset
- 3- préparation des données (normalisation, redimensionnement,...)
- 4- Diviser les données en 2 ensembles : Train et Test
- 5- Création des couches du modèle
- 6- Choix des paramètres, hyperparamètres et compilation du modèle
- 7- phase d'apprentissage
- 8- Evaluation des performances du modèle
- 9- Appliquer le modèle sur un jeu de données

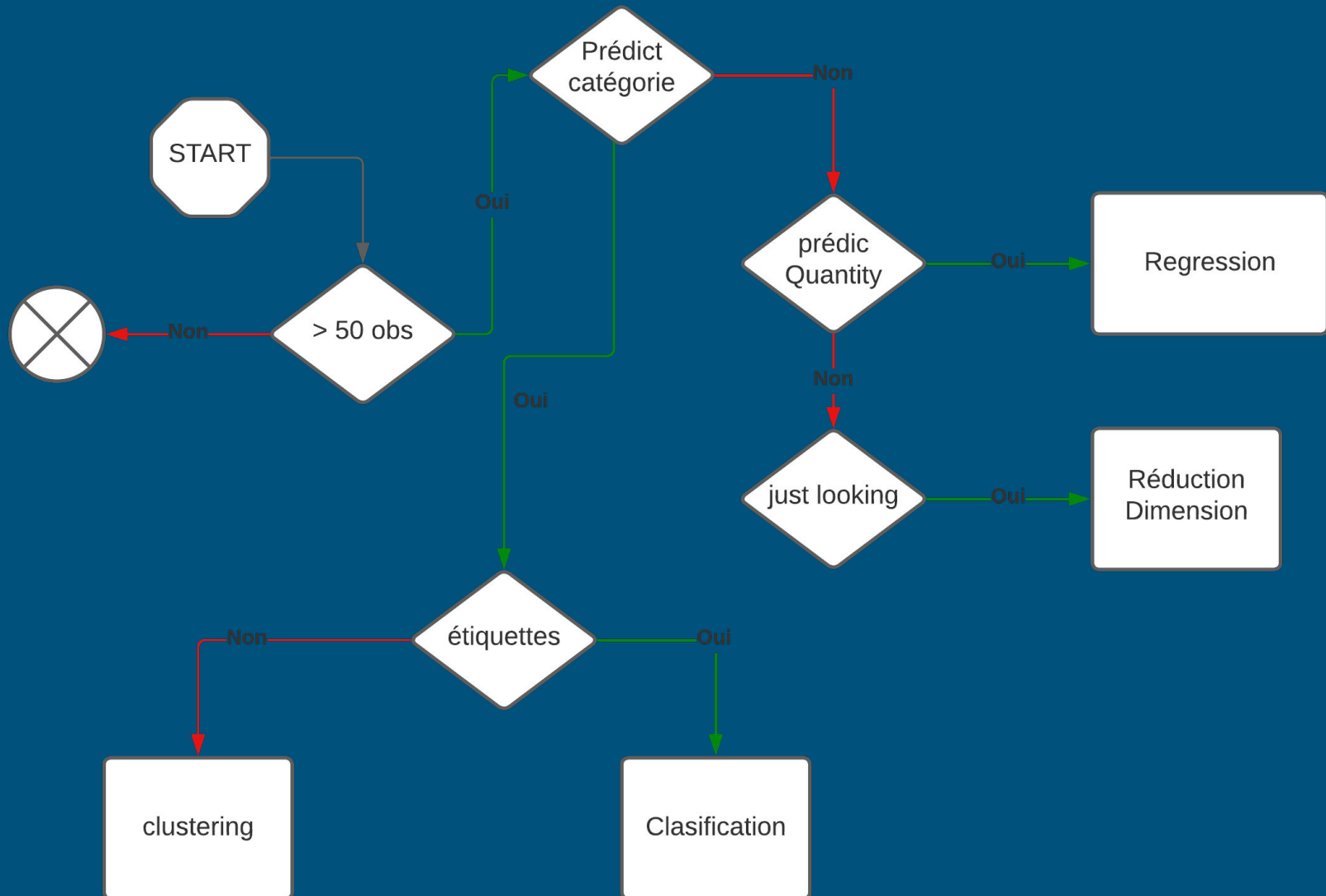
explication instruction python

fonction sur les tableaux	<code>import numpy as np</code>
import du framework tensorflow	<code>import tensorflow as tf</code>
afficher graphiques, courbes,...	<code>import matplotlib.pyplot as plt</code>
import des couches et différents éléments d'un modèle	<code>from tensorflow.keras.layers import Dense, Conv2D, Input, Flatten, Dropout, MaxPooling2D</code>
import composante model	<code>from tensorflow.keras.models import Model</code>
opérations sur les dataset...	<code>import pandas as pd</code>
éléments évaluation modèle	<code>from sklearn.metrics import classification_report, confusion_matrix</code>
arrêt de l'app si convergence	<code>from tensorflow.keras.callbacks import EarlyStopping</code>
Affichage graphique élaborés	<code>import seaborn as sns</code>
import du dataset mnist fashion	<code>dataset_fashion_mnsit = tf.keras.datasets.fashion_mnist</code>
séparation jeu train/test	<code>(X_train, y_train), (X_test, y_test)=dataset_fashion_mnsit.load_data()</code>
compter le nombre d'étiquettes	<code>pd.DataFrame(y_train)[0].value_counts()</code>
normalisation des tensor [0,1]	<code>X_train = X_train / 255</code> <code>X_test = X_test / 255</code>
afficher dimension tensor	<code>print(f"Données entraînement: {X_train.shape}, Test: {X_test.shape}")</code>
afficher la première image et son étiquette	<code>plt.imshow(X_train[0])</code> <code>y_train[0]</code>
ajouter 1 dimension pour couleur	<code>X_train = X_train.reshape(60000, 28, 28, 1)</code> <code>X_test = X_test.reshape(10000, 28, 28, 1)</code>
""création du modèle""	<code>mon_cnn = tf.keras.Sequential()</code>

explication instruction python

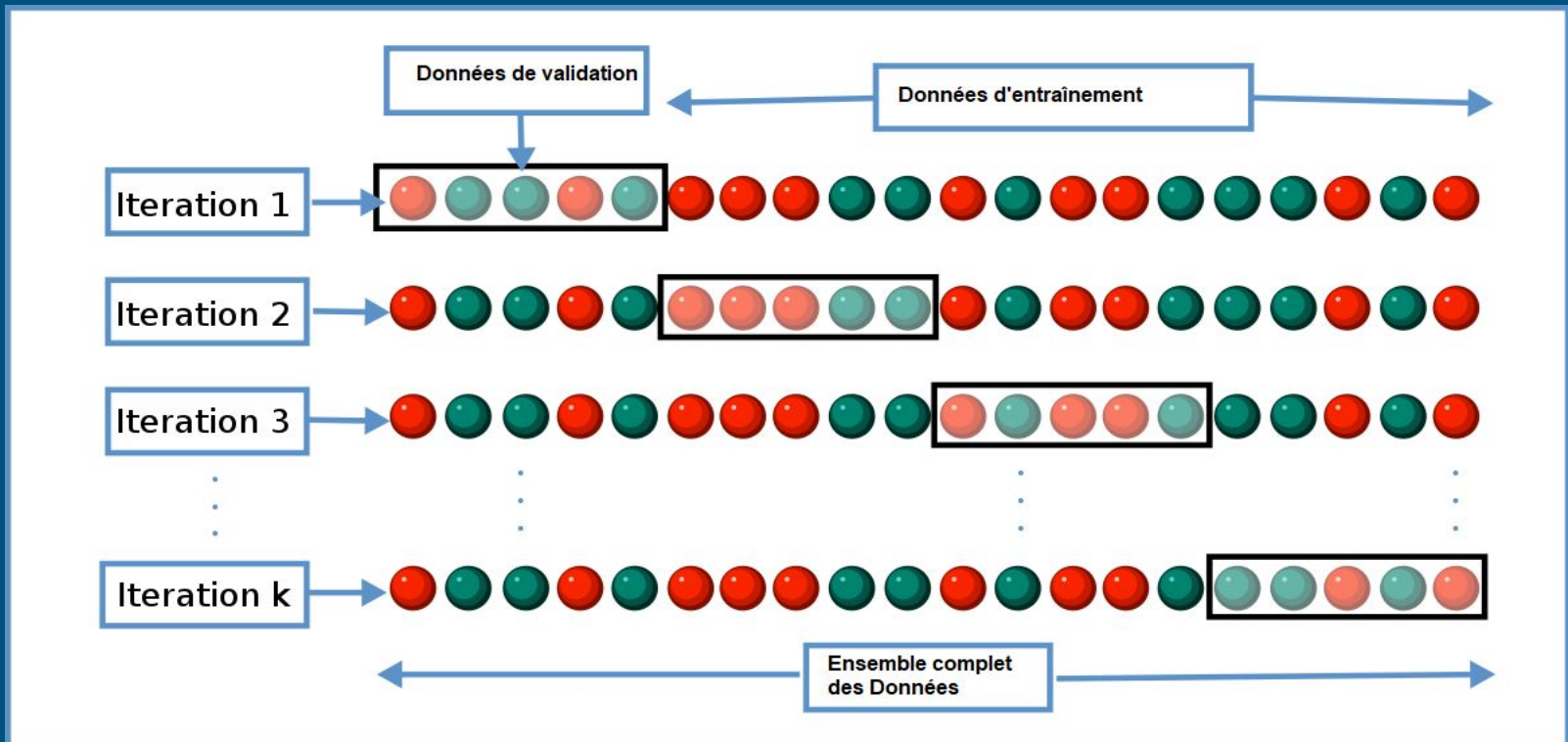
3 couches de convolution, avec Nb filtres progressif 32, 64 puis 128	<pre> mon_cnn.add(Conv2D(filters=32, kernel_size=(3,3), input_shape=(28, 28, 1), activation='relu')) mon_cnn.add(MaxPooling2D(pool_size=(2, 2))) mon_cnn.add(Conv2D(filters=64, kernel_size=(3,3), input_shape=(28, 28, 1), activation='relu')) mon_cnn.add(MaxPooling2D(pool_size=(2, 2))) mon_cnn.add(Conv2D(filters=64, kernel_size=(3,3), input_shape=(28, 28, 1), activation='relu')) </pre>
remise à plat	<pre>mon_cnn.add(MaxPooling2D(pool_size=(2, 2)))</pre>
Couche dense classique ANN	<pre>mon_cnn.add(Flatten())</pre>
Couche de sortie (classes de 0 à 9)	<pre>mon_cnn.add(Dense(512, activation='relu'))</pre>
meilleur nombres de epochs	<pre>mon_cnn.add(Dense(10, activation='softmax'))</pre>
compiler le model	<pre>early_stop = EarlyStopping(monitor='val_loss',patience=2)</pre>
afficher résumé model	<pre>mon_cnn.compile(optimizer='adam',</pre>
""""train model""""«	<pre> loss='sparse_categorical_crossentropy', metrics=['accuracy']) mon_cnn.summary()</pre>
Evaluation du modèle	<pre>mon_cnn.fit(x=X_train, y=y_train, validation_data=(X_test, y_test),</pre>
Affichage courbe accuracy et Loss	<pre> epochs=25,callbacks=[early_stop])</pre>
Prédiction^pour X_test	<pre>losses = pd.DataFrame(mon_cnn.history.history)</pre>
""""Matrice de Confusion graphique""""«	<pre>losses[['accuracy', 'val_accuracy']].plot() losses[['loss', 'val_loss']].plot()</pre>
Matrice confusion textuelle	<pre>pred=np.argmax(mon_cnn.predict(X_test) , axis=-1)</pre>
Classification Report	<pre> plt.figure(figsize=(6,4)) sns.heatmap(confusion_matrix(y_test, pred),annot=True) cm=confusion_matrix(y_test, pred) print(cm) </pre>

Feuille de route ML



Techniques d'amélioration des performances du modèle

- ❑ Réglage des hyperparamètres du modèle (gridsearch)
- ❑ Validation croisée pour l'évaluation du modèle (K-fold)
- ❑ Techniques de régularisation pour éviter overfitting (earlystop)

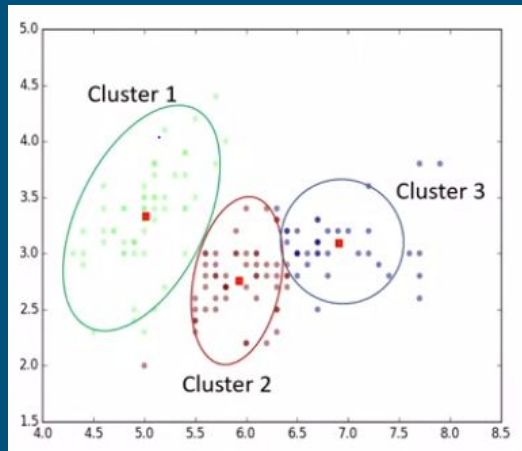


Apprentissage non supervisé

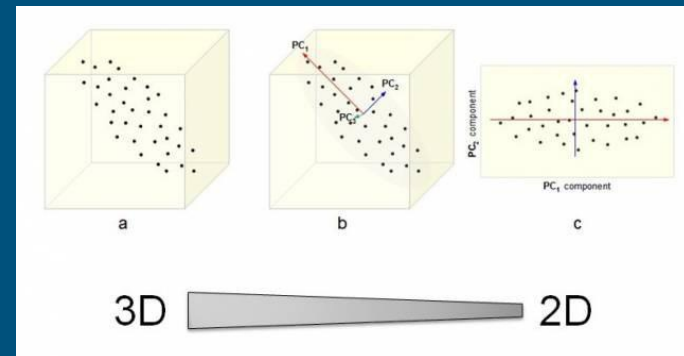
Pas d'étiquettes pour les observations □ apprentissage non supervisé

Rôle du modèle : analyser et comprendre la structure des données

Clustering : former des classes et regrouper les observations



Réduction de dimensionnalité : réduire nombre d'attributs



Règles d'association : trouver des liaisons entre les observations et/ou les attributs



Clustering

Basée sur 2 notions :

- Calcul de distances
- Regroupement selon un critère de similarité ou désimilarité

Type regroupement	Algorithme de clustering
Catégorisation par partitionnement	<ul style="list-style-type: none">• K-means et ses variantes• Partitionnement Hiérarchique Descendant• Partitionnement spectral
Catégorisation par agglomération	Regroupement Hiérarchique Ascendant
Catégorisation par modélisation	<ul style="list-style-type: none">• Mélange de gaussiennes (GMM)• Cartes de Kohonen (Self-Organizing Maps, SOM)
Catégorisation basé sur la densité	DBSCAN

K-means, K-means++, K-médoides, Fuzzy C-means

Répartir chacun des N individus dans une certaine classe i en minimisant la variance intra-classe données par une fonction objectif

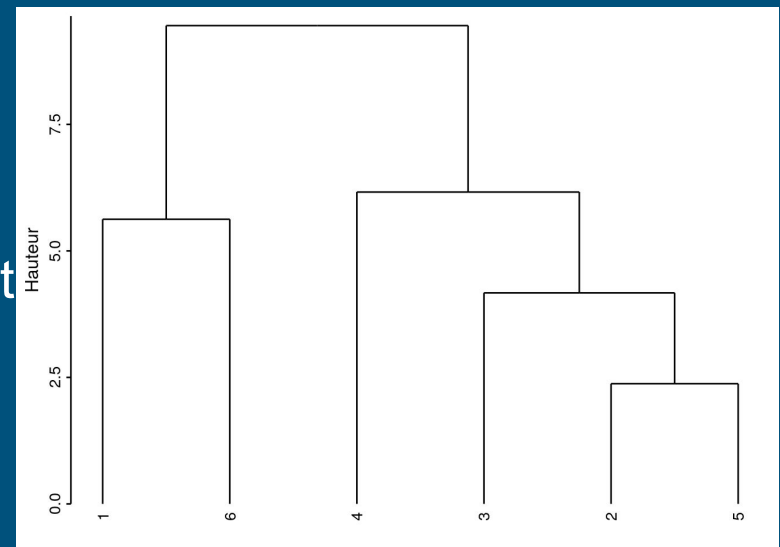
- Somme distances entre centre d'une classe et chaque membre

Hiérarchique ascendante CAH

On démarre avec N classes

Regrouper au fur et à mesure les classes 2 par 2 selon un indice d'agrégation Jusqu'à aboutir à une seule classe

Un diagramme (dendrogramme) permet de déterminer le nombre de classes optimal



DBSCAN

DBSCAN : Density-Based Spatial Clustering of Applications with Noise.

- Catégorisation basée sur la densité
- Rechercher les zones se caractérisant par une grande densité de données.
- Separation des classes de haute densité de ceux ayant une faible densité.
- Se base sur deux paramètres "eps" et "MinPts"

Activité 5 : clustering K-means

On désire réaliser une catégorisation des individus de la base "pima-indians-diabetes.csv" par l'algorithme k-means.

1- Préparation des données

Pour pouvoir afficher les individus dans un plan (2D), avec les classes d'appartenance on fera les restrictions suivantes :

Pour la description des individus, on se restreindra à deux attributs.

Pour le nombre des individus, on se restreindra à 100 individus.

a- Construire le nouvel ensemble de données (100 individus et 2 attributs).

b- Effectuer la normalisation des données afin que valeurs des deux attributs soient dans un intervalle [0-1].

c- Afficher dans un graphe les individus tel que le premier attribut représente les abscisses et le deuxième attribut représente les ordonnées.

2- Catégorisation : Effectuer la catégorisation par la méthode des k-moyennes puis afficher le résultat de la catégorisation pour des valeurs de $k = 2, 3$ et 4 .

3- Conclure

Activité 6 : clustering CAH

Effectuer la catégorisation automatique d'un ensemble de fromages (CAH).

- 1- Importer les données à partir du fichier "fromage.txt".
- 2- Afficher la dimension de l'ensemble de données et en déduire le nombre des variables utilisées.
- 3- Afficher les noms de ces variables.
- 4- Déterminer l'intervalle de variation de chacune des variables.
- 5- Changer l'échelle des données pour les ramener dans l'intervalle [0-1].
- 6- Afficher le dendrogramme correspondant
 - a- Utiliser la distance euclidienne et tester plusieurs critères d'agrégation : "indice de Ward", "le lien minimum", "le lien maximum" et "le lien moyen".
 - b- Analyser les dendrogrammes obtenus en identifiant, pour chacun des critères, le meilleur choix du nombre de classes k .
- 7- Effectuer la catégorisation avec CAH et visualiser les résultats obtenus et ce en utilisant : Variables : 1^{er} et 2^{ème} attributs, Distance : euclidienne, agrégation : "l'indice de Ward", "le lien maximum" et "le lien moyen".

Réduction de dimensionnalité

C'est Quoi?

- Réduire le nombre de variables en conservant au mieux leur structuration initiale et leur organisation globale.
- Permet d'améliorer la lisibilité des données.

Comment ?

- Choisir un sous ensemble de variables parmi les variables de départ
- Créer des nouvelles variables combinaisons linéaires des variables de départ

Méthodes

- L'analyse en composantes principales (**ACP**)
 - Adaptée à des observations décrites par des variables quantitatives.
 - Trois variantes : ACP générale, ACP centrée, ACP normée
- L'analyse des correspondances binaires (**AFCB**) ou multiples (**ACM**)
 - Adaptée à des observations décrites par des variables nominales (à modalités).
- L'analyse factorielle discriminante (**AFD**),
 - Adaptée à des observations décrites par des variables quantitatives et appartenant à plusieurs classes.

ACP : Analyse en Composantes Principales

C'est Quoi ?

L'ACP permet de réduire les dimensions d'une donnée multivariée à deux ou trois composantes principales, qui peuvent être visualisées graphiquement (2D ou 3D), en perdant le moins possible d'information.

Comment ?

1. Normalisation des variables
 - Centrer et réduire les données.
2. Trouver les nouvelles variables
 - Calculer les composantes principales
3. Décrire les données d'origine en utilisant les nouvelles variables

ACP avec

```
from sklearn import decomposition
```

```
pca = decomposition.PCA()
```

```
pca.fit(X_CR) #déterminer les nouveaux axes,
```

```
# X_CR are inputs after being centered and scaled
```

```
#afficher les inerties expliquées pour les différents nouveaux axes
```

```
print(pca.explained_variance_ratio_)
```

□ Un vecteur qui contient les inerties



Activité 7 ACP

Soit la base "IRIS" du package `sklearn.datasets`. La base contient des fleurs de type Iris appartenant à trois classes différentes (Setosa, Versicolour et Virginica).

- 1- Importer les données à partir de la base "IRIS".
- 2- Afficher la dimension de l'ensemble de données et en déduire le nombre des variables utilisées.
- 3- Afficher les noms de ces variables.
- 4- Centrer et réduire les données : normaliser les valeurs des variables pour qu'elles suivent une loi normale de moyenne 0 et de variance 1.
- 5- Effectuer l'analyse en composantes principales (ACP).
- 6- Projeter les données sur les nouveaux axes.
- 7- Afficher les inerties expliquées. En déduire le nombre approprié de composantes principales qu'on doit considérer.
- 8- Afficher les données en considérant 3 composantes principales, puis 2 composantes principales. Conclure.

Règles d'association

- Utiliser dans le cadre de la fouille de données (data Mining)
- Permet de dégager les implications conditionnelles entre un ensemble de variables appelées items
- Permet de découvrir des relations, corrélations, ou structures causales entre deux ou plusieurs variables à partir d'un entrepôt de données (BD, fichier, ...)

Exemples d'application

- L'analyse des données de ventes dans un supermarché
 - Une règle découverte pourrait indiquer qu'un client achetant des oignons et des pommes de terre simultanément, serait susceptible d'acheter un hamburger.
 - Une telle information peut être utilisée pour prendre des décisions marketing
 - des promotions ou des emplacements bien choisis pour les produits associés
- L'analyse des logs web sur un serveur web
 - Permet de découvrir de comportements utilisateur (web usage mining) dans le but d'adapter ou de personnaliser le site ou de découvrir des comportements types sur certains sites (E-commerce par exemple)

Processus de découverte des règles d'associations

2 étapes :

1. L'extraction des ensembles fréquents d'items (Itemsets fréquents)
= Ceux qui ont un support minimum (supérieur à un seuil)
2. La génération des règles d'associations à partir de ces ensembles
Sous la forme : Antécédent \Rightarrow Conséquent

Définitions

– Items : Un domaine d'application donné doit être décrit par une liste limitée d'atomes (items).

Par exemple, pour l'application du panier de ménagère la liste des items correspond à l'ensemble d'articles disponibles dans le supermarché [pain; fromage; chocolat; ...].

– Itemset : Un ensemble d'items : c'est une succession d'items.

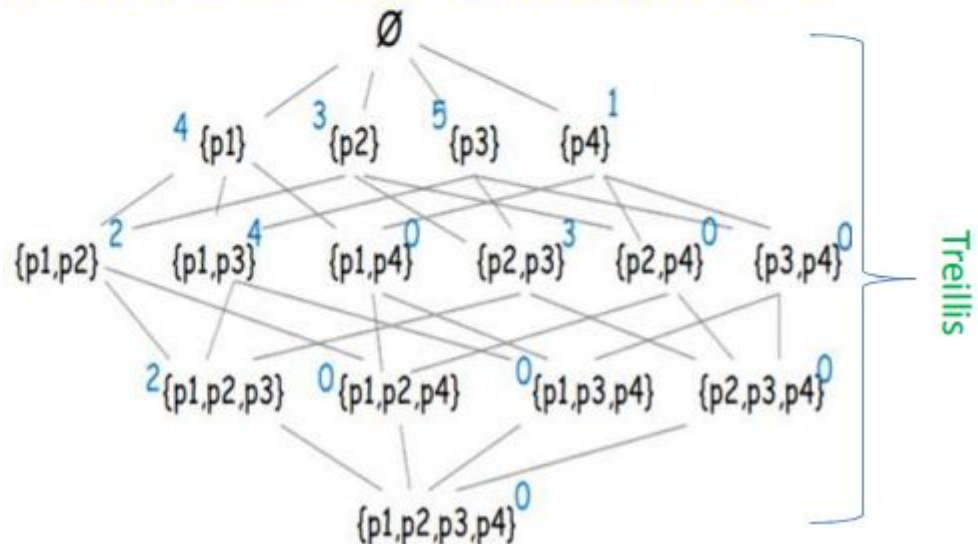
Règles d'association

1. Extraction des Itemsets fréquents

- 1^{ère} méthode : lister toutes les configurations de Itemsets possibles
 - Très coûteux en complexité: Il s'agit de construire un treillis
 - ➔ Essayer de minimiser le nombre de configurations.

Données

Caddie	p1	p2	p3	p4
1	1	1	1	0
2	1	0	1	0
3	1	1	1	0
4	1	0	1	0
5	0	1	1	0
6	0	0	0	1



Règles d'association

1. Extraction des Itemsets fréquents

– Trouver seulement les **Itemsets fréquents**

- **Itemset fréquent** : itemset dont le support est supérieur à **support minimum** (défini par l'utilisateur selon le contexte)
- Utiliser **la règle suivante** : Un sous-ensemble d'un ensemble fréquent est fréquent

– Exemple

» si $\{P_1, P_2\}$ est fréquent alors $\{P_1\}$ et $\{P_2\}$ le sont aussi

→ Si un **itemset n'a pas un support minimum** (n'est pas fréquent), alors **aucun itemset l'incluant n'est fréquent**.

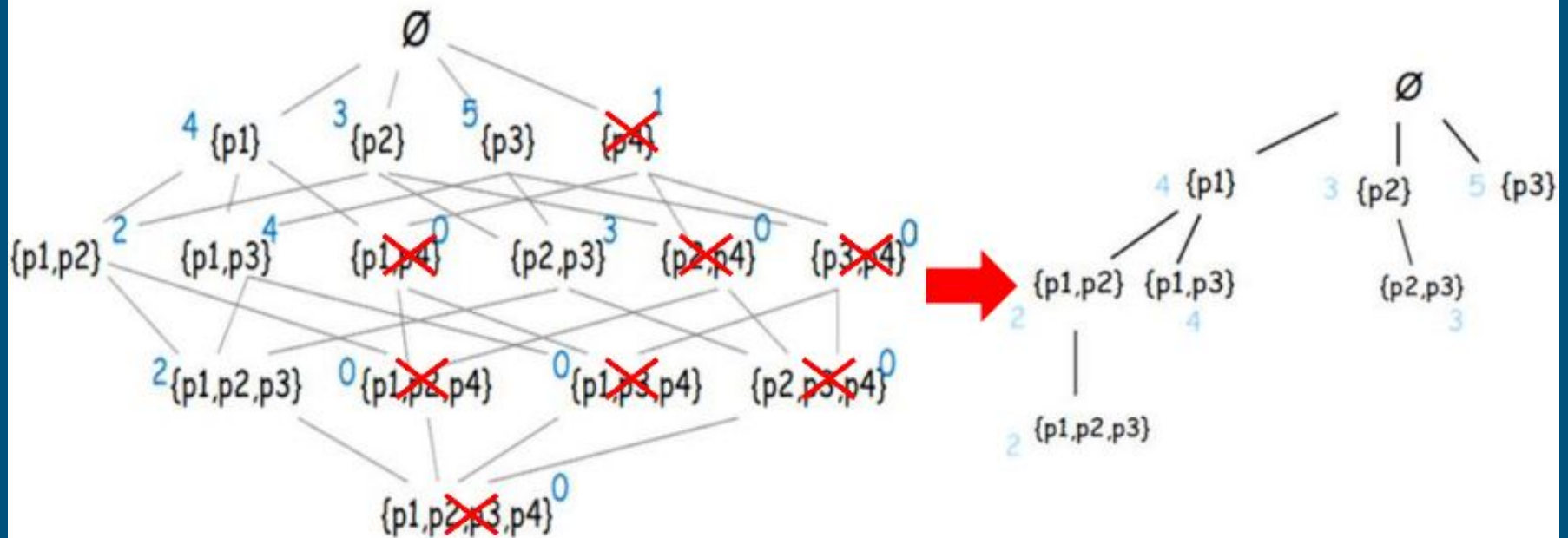
– Exemple

» Si $\{P_1\}$ n'est pas fréquent alors $\{P_1 P_2\}$ ne peut pas l'être

Règles d'association

1. Extraction des Itemsets fréquents

➤ Exemple : Support minimum=2



Règles d'association

2. Génération des règles d'association

- Extraire toutes les règles **de grande confiance** à partir des ensembles d'items fréquents trouvés dans l'étape précédente.
- Ne choisir que les règles ayant **une confiance supérieur à une confiance minimale**
- Il faut tester **toutes les combinaisons possibles**

Fin

Merci Pour Votre Attention