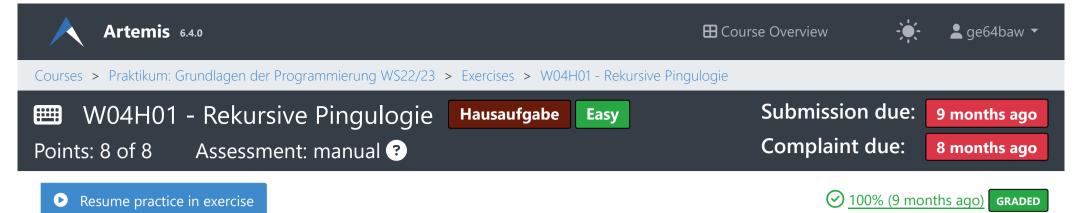
17.08.23, 21:47 Exercise details



Recent results:



Show all results >

Tasks:

Rekursive Pingulogie

Die Forschuine der PUM (Pingu Universität München) haben vor kurzem große Fortschritte in ihrer Forschung gemacht. Einige ihrer Thesen müssen abe noch überprüft werden und dafür brauchen sie - natürlich - deine Hilfe! Da es sich bei der PUM aber um eine Exzellenzuniversität handelt, haben die Forschuine einige Anforderungen an dich, die du unter den einzelnen Aufgaben findest.

Update 10.11. Kritische Fehler in der Aufgabenstellung zu Aufgabe 4 wurden behoben (Sorry an alle Early-Solver und vielen Dank für die Hinweise). Außerdem wurden Hinweise zu Public Tests und Exception-Feedback hinzugefügt.

Update 11.11. Fehlerhafte Tests für Aufgabe 1 wurden durch korrekte Versionen ersetzt.

Update 14.11. Keine negativen Eingaben für PinguDNS

Allgemeine Anforderungen

- Jede Teilaufgabe **muss** rekursiv gelöst werden. Insbesondere sind Schleifen in der gesamten Aufgabe verboten und eine Verwendung dieser führt zu einer Bewertung mit 0 Punkten bei den entsprechenden Teilaufgaben. Das Gleiche gilt für Streams (wer diese schon kennt).
- Private Hilfmethoden, sowie (statische) Hilfsvariablen sind erlaubt. Die Methoden müssen aber ohne zusätzliche Aufrufe funktionieren (also so, wie sie in der main-Methode verwendet werden). Außerdem gilt zu beachten, dass die Tests mehrere Methodenaufrufe hintereinander ausführen und statische Hilfsvariablen dazwischen **nicht** zurückgesetzt werden.
- Die Signatur der vorgegebenen Methoden (Name, Rückgabetyp, Parametertypen) darf nicht verändert werden.

Aufgaben

Aufgabe 1 - Rekursive Pinguin Reihe No results

Als Erstes musst du die neuste Pinguin Reihe implementieren. Diese ist abhängig von einem Start-Vektor p=(p0,p1,p2) und folgt dieser Berechnungsvorschrift:

pinguSequenceRec(0) = p0

pinguSequenceRec(1) = p1

pinguSequenceRec(2) = p2

pinguSequenceRec(n) = 2 * pinguSequenceRec(-n), falls n < 0

pinguSequenceRec(n) = pinguSequenceRec(n-1) - pinguSequenceRec(n-2) + 2 * pinguSequenceRec(n-3), sonstFür deine Implementierung geben dir die Forschuine den Vektor komponentenweise mit, sodass deine Methode insgesamt vier Parameter übernimmt. Außerdem gelten folgende Einschränkungen:

- -122 < n < 145
- Die Berechnung muss auf einem durchschnittlichen PC für jede Eingabe in unter einer Sekunde terminieren. Für größere n (~>30) musst du dir alsc etwas einfallen lassen.
- Bei getesteten Kombinationen aus n und p wird es beim Ergebnis nicht zu long-Overflows kommen.
- lacktriangledown Beispiel für $ext{pinguSequenceRec}$ mit p=(1,1,2). (main-Methode mit testTask = 1 ausführen)

```
Task 1 example output
0: 1
1: 1
2: 2
3: 3
4: 3
5: 4
6: 7
7: 9
8: 10
9: 15
10: 23
11: 28
12: 35
13: 53
14: 74
15: 91
16: 123
17: 180
18: 239
19: 305
20: 426
21: 599
22: 783
23: 1036
24: 1451
25: 1981
26: 2602
27: 3523
28: 4883
29: 6564
30: 8727
31: 11929
32: 16330
33: 21855
34: 29383
35: 40188
36: 54515
37: 73093
38: 98954
39: 134891
40: 182123
41: 245140
42: 332799
43: 451905
44: 609386
45: 823079
46: 1117503
47: 1513196
48: 2041851
49: 2763661
50: 3748202
51: 5068243
52: 6847363
53: 9275524
54: 12564647
55: 16983849
56: 22970250
57: 31115695
58: 42113143
59: 56937948
60: 77056195
61: 104344533
62: 141164234
63: 190932091
64: 258456923
65: 349853300
66: 473260559
67: 640321105
68: 866767146
69: 1172967159
70: 1586842223
71: 2147409356
72: 2906501451
73: 3932776541
74: 5321093802
75: 7201320163
76: 9745779443
77: 13186646884
78: 17843507767
```

```
Exercise details
79: 24148419769
80: 32678205770
81: 44216801535
82: 59835435303
83: 80975045308
84: 109573213075
85: 148269038373
86: 200645915914
87: 271523303691
88: 367415464523
89: 497183992660
90: 672815135519
91: 910462071905
92: 1232014921706
93: 1667183120839
94: 2256092342943
95: 3052939065516
96: 4131212964251
97: 5590458584621
98: 7565123751402
99: 10237091095283
100: 13852884513123
101: 18746040920644
102: 25367338598087
103: 34327066703689
104: 46451809946890
105: 62859420439375
106: 85061743899863
107: 115105943354268
108: 155763040333155
109: 210780584778613
110: 285229431153994
111: 385974927041691
112: 522306665444923
113: 706790600711220
114: 956433789349679
115: 1294256519528305
116: 1751403931601066
117: 2370014990772119
118: 3207124098227663
119: 4339916970657676
120: 5872822853974251
121: 7947154079771901
122: 10754165167113002
123: 14552656795289603
124: 19692799787720403
125: 26648473326656804
126: 36060987129515607
127: 48798113378299609
128: 66034072902097610
129: 89357933782829215
130: 120920087637330823
131: 163630299658696828
132: 221426079587024435
133: 299635955202989253
134: 405470474933358474
135: 548686678904418091
136: 742488114377038123
137: 1004742385339336980
138: 1359627628771135039
139: 1839861472185874305
140: 2489718614093413226
141: 3369112399449808999
142: 4559116729728144383
143: 6169441558465161836
144: 8348549627636635451
```

3 Aufgabe 2 - Pingu Zwillinge No results

```
Als Nächstes musst du für die Forschuine die Zwillingsreihe pinguF und pinguM implementieren, die sich wie folgt berechnet:
```

```
pinguF(0) = 1
pinguF(n) = n - pinguM(pinguF(n-1)), falls n > 0
pinguM(0) = 0
\operatorname{pinguM}(n) = n - \operatorname{pinguF}(\operatorname{pinguM}(n-1)), \operatorname{falls} n > 0
```

Die Forschuine verichern dir außerdem, dass die Eingabe n niemals negativ sein wird und beim Ergebnis zu keinem int-Overflow führen wird.

▼ Beispiel für pinguF und pinguM mit n=0...9. (main-Methode mit testTask = 2 ausführen)

17.08.23, 21:47 Exercise details

```
Task 2 example output
pinguF: 1, 1, 2, 2, 3, 3, 4, 5, 5, 6,
pingM: 0, 0, 1, 2, 2, 3, 4, 4, 5, 6,
```

? Aufgabe 3 - Der Pingu Code No results

Im Land der Pinguine gilt der "Pingu Code" als eins der am schwersten zu verstehenden Geheimnisse. Die Forscher der PUM haben jüngst einen Ansatz gefunden, diesen Code zu berechnen.

Das Ergebnis ist von zwei Eingabezahlen n und m abhängig und lässt sich außerdem rekursiv unter Beachtung des Zwischenergebnisses berechnen. Anfangs ist das Zwischenergebnis natürlich 0. Falls n=0 gilt, so ist das Endergebnis die Summe aus m und dem Zwischenergebnis. Ansonsten muss unterschieden werden, ob die Summe aus n und dem Zwischenergebnis gerade ist oder nicht. Falls es gerade ist, wird rekursiv weitergerechnet, wobei das neue n den Wert von m erhält und das neue m die Hälfte des alten n (abgerundet). Außerdem werden n-halbe (altes n, abgerundet) zum Zwischenergebnis addiert. Falls obige Summe ungerade ist, wird auch rekursiv weitergerechnet. In diesem Fall wird jedoch m zum Zwischenergebnis addiert, n um eins reduziert und m halbiert (abgerundet).

Auch bei dieser Aufgabe werden nur nicht-negative Eingaben verwendet und es wird nicht zu int-Overflows kommen. "Abgerundet" meint in dieser Aufgabe das normal Java-Rundungsverhalten (Richtung 0).

lacktriangle Beispiel für pinguCode mit $n=0\ldots 9, m=0\ldots 9$. (main-Methode mit testTask = 3 ausführen)

Aufgabe 4 - Pingu DNS No results

Zu guter Letzt musst du den Forschuinen noch helfen, die DNS eines Pinguins zu bestimmen, bei dem nur die Pingu-Werte der Eltern (f und m) bekannt sind. Für die rekursive Berechnung ist vor allem die binäre Darstellung dieser Werte relevant, die dir in Form eines (nicht negativen) int übergeben wird. Zur Bestimmung des DNA-Strings haben die Forscher folgende Prozedur gefunden:

Sollten die Pingu-Werte beider Eltern 0 sein, so ist die resultierende DNS der leere String "".

Falls nur f 0 ist, so wird für jedes Bit von m abzüglich führender 0er-Bits ein "A" angehängt, im ungekehrten Fall (nur m=0) ein "T". pinguDNA(0,2) gibt alsc "AA" zurück, da 2=10b entspricht. Für pinguDNA(10,0) ist die Lösung "TTTT", da 10=1010b ist.

Interessant wird es, falls beide Pingu-Werte nicht 0 sind. In diesem Fall muss zuerst unterschieden werden, ob f und m mit dem selben Bitwert enden (Tipp: gerade/ungerade).

Falls ja hängt das Basenpaar davon ab, ob f > m ("GT"), f < m ("GA") oder f = m ("GC") gilt.

Falls nein, ist es relevant, welcher Pingu-Wert mit einem 1-er Bit endet. Sollte f so enden, wird "TC" angehängt, sonst "AC".

Jedes Bit wird für genau eine Nukleinbase im Ausgabestring verwendet und kann daher für die Rekursion verworfen werden (Tipp: Division durch 2). Ein Schritt-für-Schritt Beispiel findest du, wenn du das folgende Beispiel aufklappst.

▼ Beispiel für pinguDNA mit Erklärung. (main-Methode mit testTask = 4 ausführen)

```
pinguDNA(21, 25) = GCACTCGAGA
```

21 in binär ist "10101b"

25 in binär ist "11001b"

- 1. 21 != 0 != 25, beide enden mit 1er Bit und 21 < 25 => "GA"
- 2. Bits entfernen => f="1010b"=10, m="1100b"=12
- 3. f,m != 0, enden mit 0er Bit, f "GA" => insgesamt "GAGA"
- 4. Bits entfernen => f="101b"=5, m="110b"=6
- 5. f,m != 0, enden mit unterschiedlichem Bitwert, m ist durch 2 teilbar => "TC" => insgesamt "TCGAGA"
- 6. Bits entfernen => f="10b"=2, m="11b"=3
- 7. f,m != 0 enden mit unterschiedlichem Bitwert, f ist durch 2 teilbar => "AC" => insgesamt "ACTCGAGA"
- 8. Bits entfernen => f="1b"=1, m="1b"=1
- 9. f,m != 0, enden mit 1er Bit und sind gleich => "GC" => insgesamt "GCACTCGAGA"
- 10. Bits Entfernen => f=0, m=0 => "", fertig => insgesamt "GCACTCGAGA"

Hinwaisa

Release date:

Submission due:

Assessment due:

Complaint due:

Nov 10, 2022 18:30

Nov 20, 2022 18:00

Nov 27, 2022 18:00

Dec 4, 2022 18:00

Every student is allowed to complain once per exercise. In total 1000 complaints are possible in this course. You still have 998 complaints left. 1

How useful is this feedback to you?



17.08.23, 21:47 Exercise details

About Request change Release notes Privacy Statement Imprint