

## Initiation à l'Intelligence Artificielle

## Pr. Mohammed AMEKSA

Ancien professeur à l'École Marocaine des Sciences de l'Ingénieur - EMSI Enseignant Chercheur à la Faculté des Sciences Semlalia – FSSM

#### E-mail:

info.ameksa@gmail.com



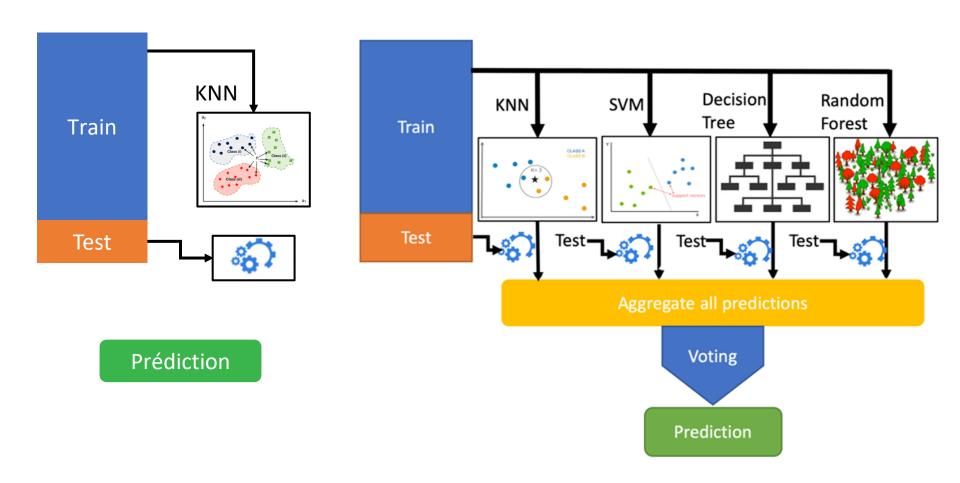
# Random Forest – RF







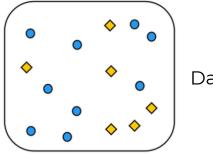
#### **ENSEMBLISTE**



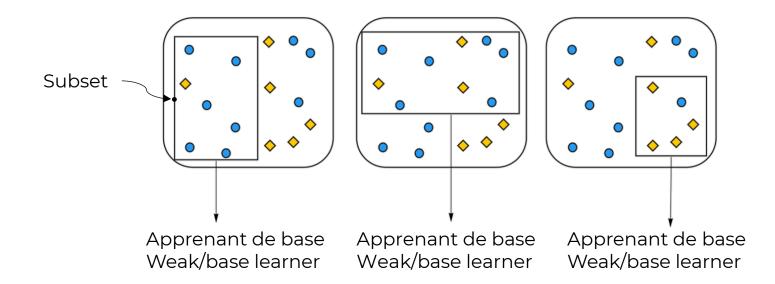




#### **BAGGING**

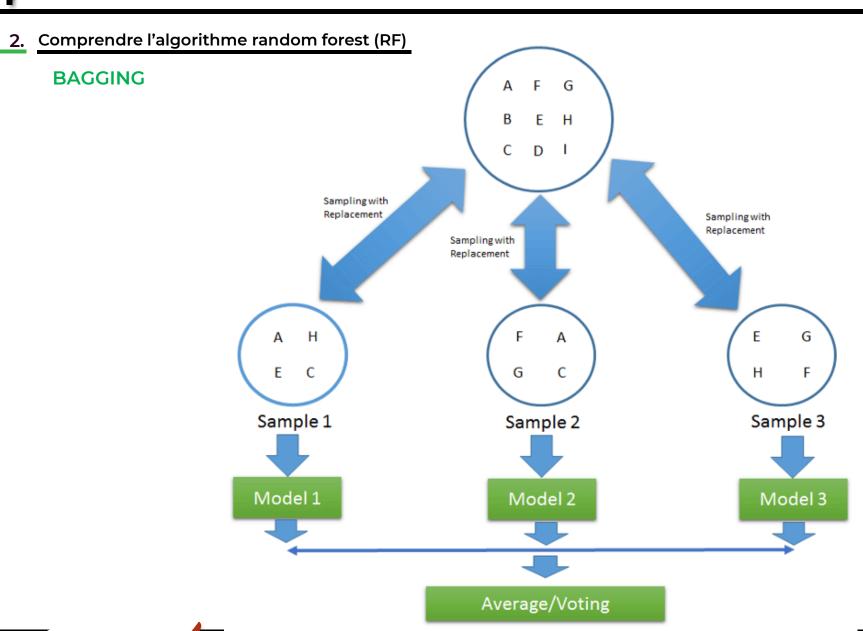


Dataset initial





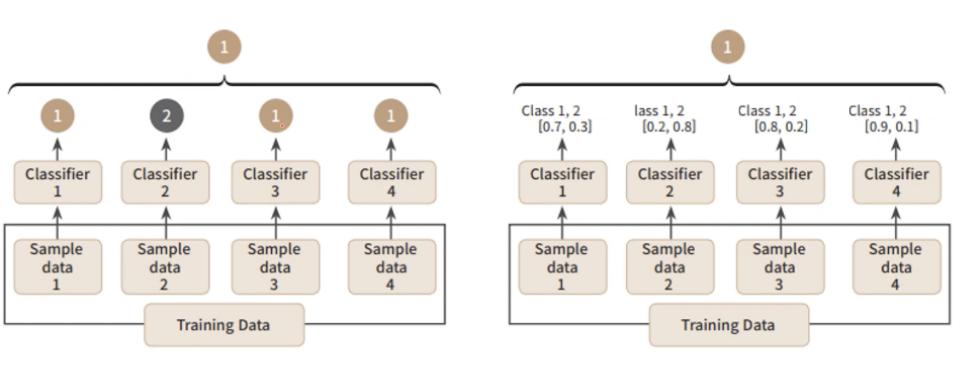








#### **BAGGING**







**BAGGING: Syntaxe Hands ON** 



Importation

Création du modèle

**Entrainement** 

Faire des prédictions

from sklearn.ensemble import BaggingClassifier

BC = BaggingClassifier(n\_estimators=50)

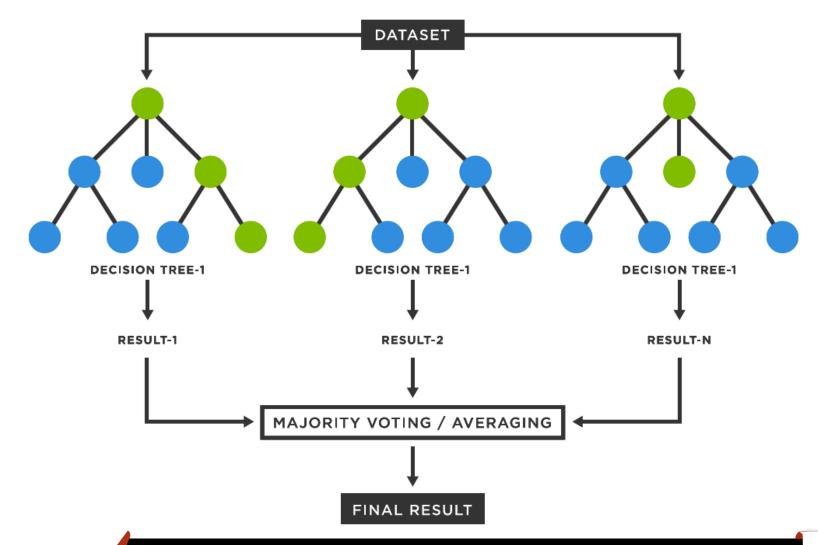
BC = BC.fit(X\_train, y\_train)

y\_predict = BC.predict(X\_test)





#### **Random Forest**







#### **Random Forest**

Étape 1 : Création d'un ensemble de données bootstrappées

échantillons de données avec remplacement

#### **Dataset initial**

Stinky	Green	Indoor	Age	Plant Disease
No	No	No	125	No
Yes	Yes	Yes	180	Yes
Yes	Yes	No	210	No
Yes	No	Yes	167	Yes

## **Bootstrapped dataset**

Stinky	Green	Indoor	Age	Plant Disease	
--------	-------	--------	-----	------------------	--





#### **Random Forest**

Étape 1 : Création d'un ensemble de données bootstrappées

échantillons de données avec remplacement

#### **Bootstrapped dataset**

Stinky	Green	Indoor	Age	Plant Disease
Yes	Yes	Yes	180	Yes
Yes	Yes	No	210	No
Yes	No	Yes	167	Yes
Yes	Yes	Yes	180	Yes

→ Pour créer un ensemble de données « bootstrapped » de même taille que l'original, il suffit de sélectionner des échantillons dans l'ensemble de données original.



Nous sommes autorisés à choisir le même échantillon plus d'une fois





#### **Random Forest**

Étape 2 : créer un arbre de décision à l'aide de l'ensemble de données bootstrappées, tout en utilisant un sous-ensemble aléatoire de variables (ou de colonnes) à chaque étape.

## **Bootstrapped dataset**

Stinky	Green	Indoor	Age	Plant Disease
Yes	Yes	Yes	180	Yes
Yes	Yes	No	210	No
Yes	No	Yes	167	Yes
Yes	Yes	Yes	180	Yes

→ Dans cet exemple nous considérons 2 variables / étape



Il existe des règles pour bien choisir le nombre optimal des variables a considérer





#### **Random Forest**

Étape 2 : créer un arbre de décision à l'aide de l'ensemble de données bootstrappées, tout en utilisant un sous-ensemble aléatoire de variables (ou de colonnes) à chaque étape.

## **Bootstrapped dataset**

Stinky	Green	Indoor	Age	Plant Disease
Yes	Yes	Yes	180	Yes
Yes	Yes	No	210	No
Yes	No	Yes	167	Yes
Yes	Yes	Yes	180	Yes

→ Donc, au lieu de considérer les 4 variables pour déterminer comment diviser le nœud racine ...







#### **Random Forest**

Étape 2 : créer un arbre de décision à l'aide de l'ensemble de données bootstrappées, tout en utilisant un sous-ensemble aléatoire de variables (ou de colonnes) à chaque étape.

#### **Bootstrapped dataset**

Stinky	Green	Indoor	Age	Plant Disease	→ nous sélectionnons au hasard 2
	Yes	Yes	180	Yes	???
Yes	Yes	No	210	No	
	No	Yes	167	Yes	
Yes	Yes	Yes	180	Yes	



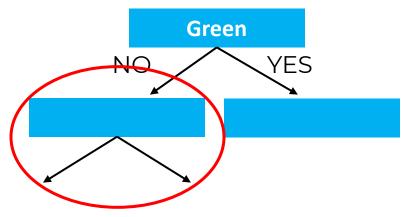


#### **Random Forest**

Étape 2 : créer un arbre de décision à l'aide de l'ensemble de données bootstrappées, tout en utilisant un sous-ensemble aléatoire de variables (ou de colonnes) à chaque étape.

## **Bootstrapped dataset**

Stinky	Green	Indoor	Age	Plant Disease
Yes	Yes	Yes	180	Yes
Yes	Yes	No	210	No
Yes	No	Yes	167	Yes
Yes	Yes	Yes	180	Yes



→ Maintenant, nous devons déterminer comment diviser les échantillons au niveau de ce nœud



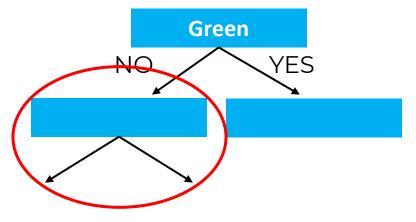


#### **Random Forest**

Étape 2 : créer un arbre de décision à l'aide de l'ensemble de données bootstrappées, tout en utilisant un sous-ensemble aléatoire de variables (ou de colonnes) à chaque étape.

## **Bootstrapped dataset**





→ De la même manière que pour la racine, nous sélectionnons au hasard 2 variables comme candidates, au lieu des 3 colonnes restantes.



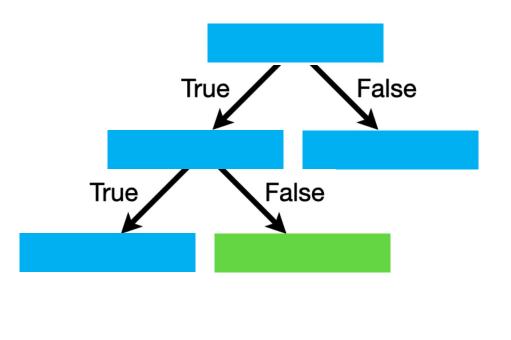


#### **Random Forest**

Étape 2 : créer un arbre de décision à l'aide de l'ensemble de données bootstrappées, tout en utilisant un sous-ensemble aléatoire de variables (ou de colonnes) à chaque étape.

## **Bootstrapped dataset**

<b>→</b>	Et nou:	s constr	uisons	l'arbre (	comme	
	d'habit	ude, m	ais en r	ne cons	idérant	
	qu'un	sous-er	semble	e aléat	oire de	
	variables à chaque étape					







#### **Random Forest**

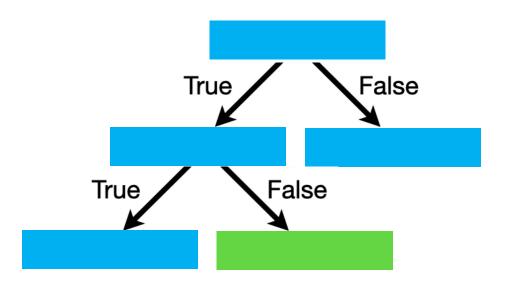
## Récap:

nous construisons un arbre:

- 1. à l'aide d'un ensemble de données bootstrapées
- 2. en ne considérant qu'un sous-ensemble aléatoire de variables à chaque étape

#### **Bootstrapped dataset**

Stinky	Green	Indoor	Age	Plant Disease
Yes	Yes	Yes	180	Yes
Yes	Yes	No	210	No
Yes	No	Yes	167	Yes
Yes	Yes	Yes	180	Yes

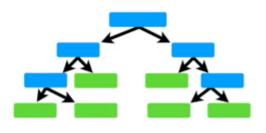


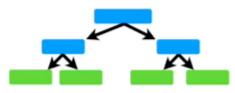


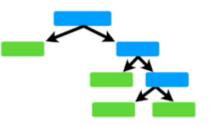


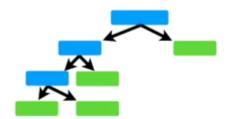
#### **Random Forest**

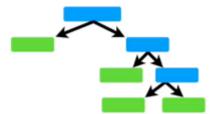
Ensuite, revenez à l'étape 1 et répétez l'opération : créez un nouvel ensemble de données bootstrappé et construisez un arbre en considérant un sous-ensemble de variables à chaque étape.

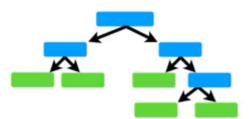










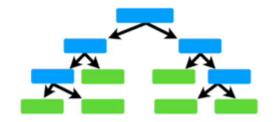


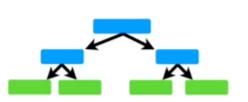


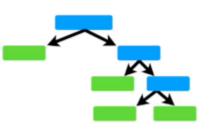


#### **Random Forest**

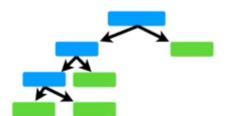
idéalement, vous feriez cela des centaines de fois, mais ici, juste pour avoir une idée



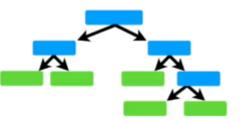




La variété est ce qui rend les algorithmes RF plus efficaces que les arbres de décision individuels.







Comment l'utiliser?





#### **Random Forest**

- → Pour commencer, nous recevons une nouvelle plante
- dont nous avons pris toutes les mesures ...
- → et nous souhaitons savoir si elle est malade ou non.

## **Bootstrapped dataset**

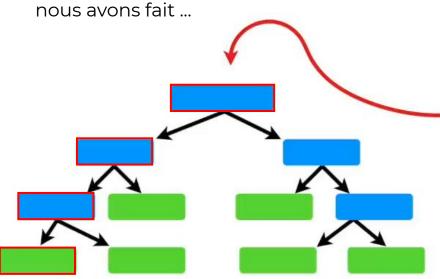
	Stinky	Green	Indoor	Age	Plant Disease
(	Yes	No	No	168	>???





#### **Random Forest**

→ Nous prenons donc les données et nous les faisons descendre dans le premier arbre que



## **Bootstrapped dataset**

	Stinky	Green	Indoor	Age	Plant Disease
-	YES	NO	NO	168	

le premier arbre dit « oui »



→ Nous gardons le suivi de cela ici

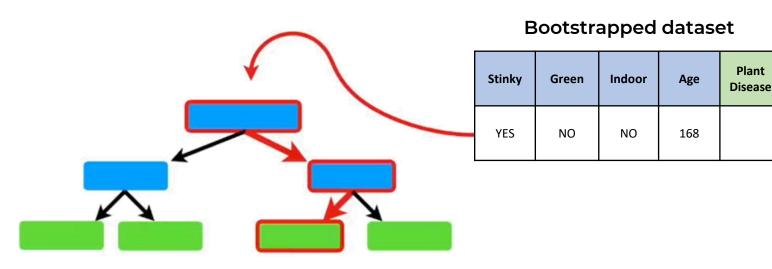
<b>Plant Disease</b>			
YES	NO		
1	0		





#### **Random Forest**

→ Nous prenons donc les données et nous les faisons descendre dans le 2ème arbre ...



2ème arbre dit aussi « oui »



Plant Disease			
YES	NO		
2	0		





#### **Random Forest**

→ Après avoir parcouru les données dans tous les arbres de la forêt aléatoire, nous voyons quelle est l'option qui recueille le plus de votes.

#### **Bootstrapped dataset**

Stinky	Green	Indoor	Age	Plant Disease
YES	NO	NO	168	YES



Plant Disease			
YES	NO		
5	1		

→ Dans ce cas, c'est le « YES » qui a recueilli le plus grand nombre de votes, ce qui nous permet de conclure que cette plante est malade.





#### **Random Forest**

nous avons autorisé des doublons dans l'ensemble de données bootstrappées ...

## **Bootstrapped dataset**

	Stinky	Green	Indoor	Age	Plant Disease
	Yes	Yes	Yes	180	Yes
·	Yes	Yes	No	210	No
	Yes	No	Yes	167	Yes
	Yes	Yes	Yes	180	Yes

#### **Dataset initial**

Stinky	Green	Indoor	Age	Plant Disease
No	No	No	125	No
Yes	Yes	Yes	180	Yes
Yes	Yes	No	210	No
Yes	No	Yes	167	Yes

- → Par conséquent, cette entrée n'a pas été intégrée dans l'ensemble de données bootstrappé.
- En général, environ 1/3 des données originales ne se retrouve pas dans l'ensemble de données obtenu.







#### **Random Forest**

- → Voici l'entrée qui n'a pas été retenue dans l'ensemble de données bootstrappé
- → c'est ce qu'on appelle le « Out-Of-Bag Dataset »

## **Out-Of-Bag Dataset**

Stinky	Green	Indoor	Age	Plant Disease
No	No	No	125	No

#### **Dataset initial**

Stinky	Green	Indoor	Age	Plant Disease
No	No	No	125	No
Yes	Yes	Yes	180	Yes
Yes	Yes	No	210	No
Yes	No	Yes	167	Yes



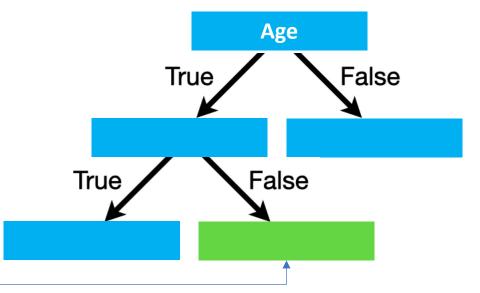


#### **Random Forest**

- → Étant donné que les données Out-Of-Bag n'ont pas été utilisées pour créer cet arbre
- → nous pouvons l'exécuter et voir s'il permet de classer l'échantillon dans la catégorie « Absence de maladie des plantes »

## **Out-Of-Bag Dataset**

Stinky	Green	Indoor	Age	Plant Disease
No	No	No	125	No



→ Dans ce cas, l'arbre étiquette correctement l'échantillon « Out of Bag » comme étant « No ».



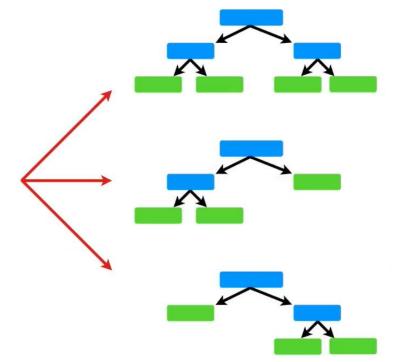


#### **Random Forest**

→ puis nous passons cet échantillon « out of bag » à travers tous les autres arbres qui ont été construits sans lui.

**Out-Of-Bag Dataset** 

Stinky	Green	Indoor	Age	Plant Disease
No	No	No	125	No





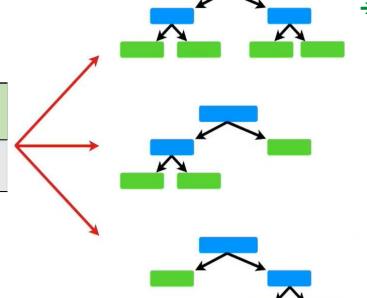


#### **Random Forest**

→ puis nous passons cet échantillon « out of bag » à travers tous les autres arbres qui ont été construits sans lui.



Stinky	Green	Indoor	Age	Plant Disease
No	No	No	125	No



→ cet arbre a incorrectement étiqueté l'échantillon

→ cet arbre a correctement étiqueté l'échantillon

 cet arbre a correctement étiqueté l'échantillon





#### **Random Forest**

→ puis nous passons cet échantillon « out of bag » à travers tous les autres arbres qui ont été construits sans lui.

#### **Out-Of-Bag Dataset**

Stinky	Green	Indoor	Age	Plant Disease
No	No	No	125	No



- → Puisque l'étiquette qui obtient le plus grand nombre de votes gagne, c'est l'étiquette que nous attribuons à l'échantillon out-of-bag
- → Dans ce cas, l'échantillon out-of-bag est correctement étiqueté par la Random Forest.





#### **Random Forest**

**Out-Of-Bag Dataset** 

Stinky	Green	Indoor	Age	Plant Disease
No	No	No	125	No



→ nous faisons ensuite la même chose pour tous les autres échantillons « out of bag » pour tous les arbres.

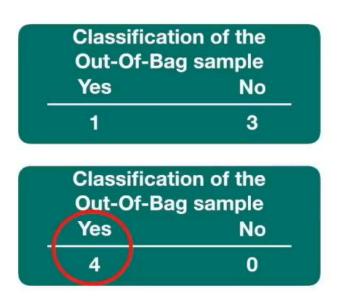




#### **Random Forest**

#### **Out-Of-Bag Dataset**

Stinky	Green	Indoor	Age	Plant Disease
YES	YES	YES	180	YES



→ Cet échantillon a également été correctement étiqueté

Stinky	Green	Indoor	Age	Plant Disease
NO	NO	NO	125	NO

→ Cet échantillon a a été incorrectement étiqueté.







#### **Random Forest**

- → En fin de compte, nous pouvons mesurer la précision de notre RF par la proportion d'échantillons Out-Of-Bag qui ont été correctement classés.
- → La proportion d'échantillons Out-Of-Bag qui ont été incorrectement classés est « l'erreur Out-Of-Bag »

Classification of the Out-Of-Bag sample		
Yes	No	
1	3	





etc... etc... etc...





#### **Random Forest**

## Récap:

- 1. Construire un modèle Random Forest
- 2. Utiliser ce type des modèles
- 3. estimer la précision de ce modèle

Nous pouvons approfondir notre discussion sur la façon de faire **le 1**er **point.** 





#### **Random Forest**

→ nous sélectionnons au hasard 2 variables



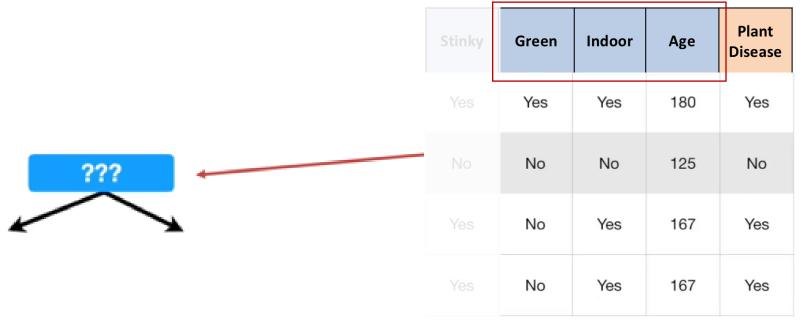
→ Nous pouvons maintenant comparer l'erreur Out-Of-Bag pour une « random forest » construite en utilisant seulement 2 variables par étape





#### **Random Forest**

## **Bootstrapped Dataset**



- → pour construire le modèle random forest à l'aide de 3 variables par étape
- → et nous testons un certain nombre de configurations différentes et choisissons le modèle le plus précise.





Random Forest: Hands On

```
from sklearn.ensemble import RandomForestClassifier

RC = RandomForestClassifier(n_estimators=100, max_features=10)

RC = RC.fit(X_train, y_train)

y_predict = RC.predict(X_test)
```





#### 3. Hands-On: Live Coding Demonstration with Python and Scikit-Learn

#### **Hands On**



- 2. Chargement des données : Importer et charger le jeu de données
- **3. Prétraitement des données :** Nettoyer, transformer et préparer les données pour l'entraînement.
- 4. Entraînement du modèle : entraîner Random Forest à l'aide des données prétraitées.
- 5. Évaluation du modèle : Évaluer les performances en calculant le MSE de chaque modèle entraîné et effectuer des ajustements.
- 6. Sauvegarde du modèle entraîné.
- 7. Déploiement du modèle : Utiliser le framework Django pour exploiter les modèles entraînés.



2024 / 2025





## 3. Hands-On: Live Coding Demonstration with Python and Scikit-Learn

#### **Hands On**



#### Questions à réfléchir

- 1. Quel modèle donne la meilleure précision entre Bagging et RF? Pourquoi?
- 2. En quoi RF améliore le simple Bagging?
- 3. Essayez de visualiser l'importance des features (feature\_importances\_) avec le modèle RF.
- 4. Changez le nombre d'estimateurs (par exemple 10, 100, 500) pour observer l'impact.