Table of Contents

机器学习(常用科学计算库的使用2)	
seaborn	1.2
Seaborn绘制统计图形	1.2.1
用分类数据绘图	1.2.2
案例: NBA球员数据分析	1.2.3
综合案例	1.3
北京租房数据统计分析	1.3.1

机器学习(常用科学计算库的使用2)

定位

- 知道高级绘图工具seaborn的使用方法
- 通过综合案例,对科学计算库中学习内容综合练习

目标

- 掌握seaborn的使用方法
- 可以灵活使用科学计算库中各个api

seaborn

学习目标

- 会使用seaborn绘制单变量、双变量图形
- 会使用seaborn绘制箱线图、小提琴图
- 会使用seaborn绘制条形图、点图

1.1 Seaborn----绘制统计图形

学习目标

- 知道seaborn的基本使用
- 会绘制单变量分布图形
- 会绘制双变量分布图形
- 会绘制成对的双变量分布图形

Matplotlib虽然已经是比较优秀的绘图库了,但是它有个今人头疼的问题,那就是API使用过于复杂,它里面有上千个函数和参数,属于典型的那种可以用它做任何事,却无从下手。

Seaborn基于 Matplotlib核心库进行了更高级的API封装,可以轻松地画出更漂亮的图形,而Seaborn的漂亮主要体现在配色更加舒服,以及图形元素的样式更加细腻。

不过,使用Seaborn绘制图表之前,需要安装和导入绘图的接口,具体代码如下:

```
# 安装 pip3 install seaborn

# 导入 import seaborn as sns
```

接下来,我们正式进入 Seaborn库的学习

1 可视化数据的分布

当处理一组数据时,通常先要做的就是了解变量是如何分布的。

- 对于单变量的数据来说采用直方图或核密度曲线是个不错的选择,
- 对于双变量来说,可采用多面板图形展现,比如 散点图、二维直方图、核密度估计图形等。

针对这种情况,Seaborn库提供了对单变量和双变量分布的绘制函数,如 displot()函数、 jointplot()函数,下面来介绍这些函数的使用,具体内容如下:

2 绘制单变量分布

可以采用最简单的直方图描述单变量的分布情况。 Seaborn中提供了 distplot()函数,它默认绘制的是一个带有核密度估计曲线的直方图。 distplot()函数的语法格式如下。

```
seaborn.distplot(a, bins=None, hist=True, kde=True, rug=False, fit=None, color=None)
```

上述函数中常用参数的含义如下:

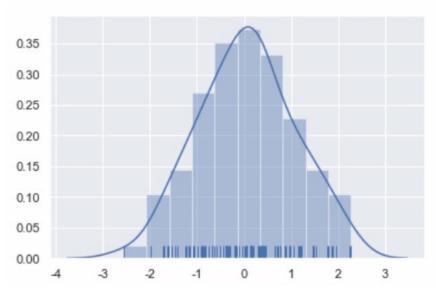
- (1) a: 表示要观察的数据,可以是 Series、一维数组或列表。
- (2) bins: 用于控制条形的数量。
- (3) hist:接收布尔类型,表示是否绘制(标注)直方图。
- (4) kde:接收布尔类型,表示是否绘制高斯核密度估计曲线。
- (5) rug:接收布尔类型,表示是否在支持的轴方向上绘制rugplot。

通过 distplot())函数绘制直方图的示例如下。

```
import numpy as np
sns.set()
np.random.seed(0) # 确定随机数生成器的种子,如果不使用每次生成图形不一样
arr = np.random.randn(100) # 生成随机数组
```

上述示例中,首先导入了用于生成数组的numpy库,然后使用 seaborn调用set()函数获取默认绘图,并且调用 random模块的seed函数确定随 机数生成器的种子,保证每次产生的随机数是一样的,接着调用 randn()函数生成包含100个随机数的数组,最后调用 distplot()函数绘制直方图。

运行结果如下图所示。



从上图中看出:

- 直方图共有10个条柱,每个条柱的颜色为蓝色,并且有核密度估计曲线。
- 根据条柱的高度可知,位于-1-1区间的随机数值偏多,小于-2的随机数值偏少。

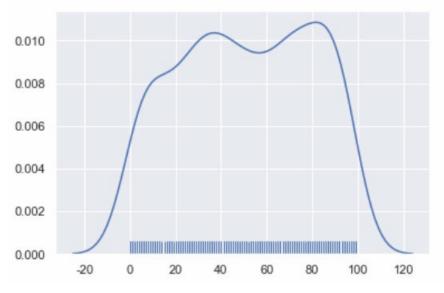
通常,采用直方图可以比较直观地展现样本数据的分布情况,不过,直方图存在一些问题,它会因为条柱数量的不同导致直方图的效果有很大的差异。为了解决这个问题,可以绘制核密度估计曲线进行展现。

● 核密度估计是在概率论中用来估计未知的密度函数,属于非参数检验方法之一,可以比较直观地看出数据样本本身的分布特征。

通过 distplot()函数绘制核密度估计曲线的示例如下。

```
# 创建包含500个位于[0, 100]之间整数的随机数组
array_random = np.random.randint(0, 100, 500)
# 绘制核密度估计曲线
sns.distplot(array_random, hist=False, rug=True)
```

上述示例中,首先通过 random.randint()函数返回一个最小值不低于0、最大值低于100的500个随机整数数组然后调用 displot()函数绘制核密度估计曲线。



从上图中看出,图表中有一条核密度估计曲线,并且在x轴的上方生成了观测数值的小细条。

3 绘制双变量分布

两个变量的二元分布可视化也很有用。在 Seaborn中最简单的方法是使用 jointplot()函数,该函数可以创建一个多面板图形,比如散点图、二维直方图、核密度估计等,以显示两个变量之间的双变量关系及每个变量在单坐标轴上的单变量分布。

jointplot()函数的语法格式如下。

上述函数中常用参数的含义如下:

- (1) kind: 表示绘制图形的类型。
- (2) stat_func: 用于计算有关关系的统计量并标注图。
- (3) color:表示绘图元素的颜色。
- (4) size: 用于设置图的大小(正方形)。
- (5) ratio:表示中心图与侧边图的比例。该参数的值越大,则中心图的占比会越大。
- (6) space: 用于设置中心图与侧边图的间隔大小。

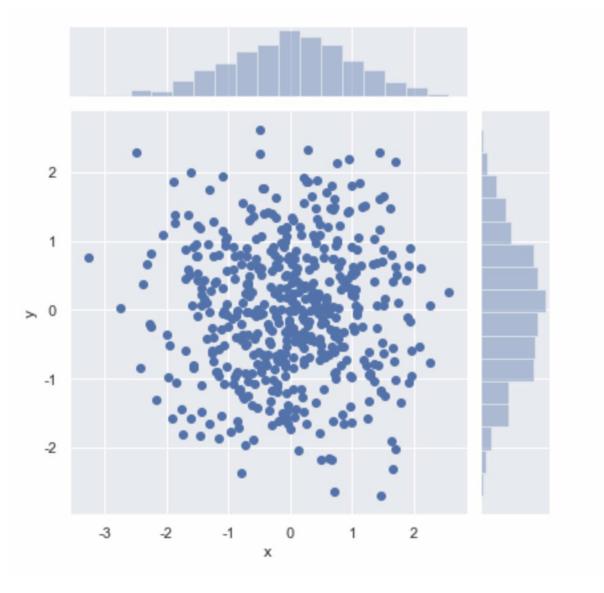
下面以散点图、二维直方图、核密度估计曲线为例,为大家介绍如何使用 Seaborn绘制这些图形。

3.1 绘制散点图

调用 seaborn.jointplot()函数绘制散点图的示例如下。

```
import numpy as np import pandas as pd import seaborn as sns # 创建DataFrame对象 dataframe_obj = pd.DataFrame({"x": np.random.randn(500),"y": np.random.randn(500)}) # 绘制放布图 sns.jointplot(x="x", y="y", data=dataframe_obj)
```

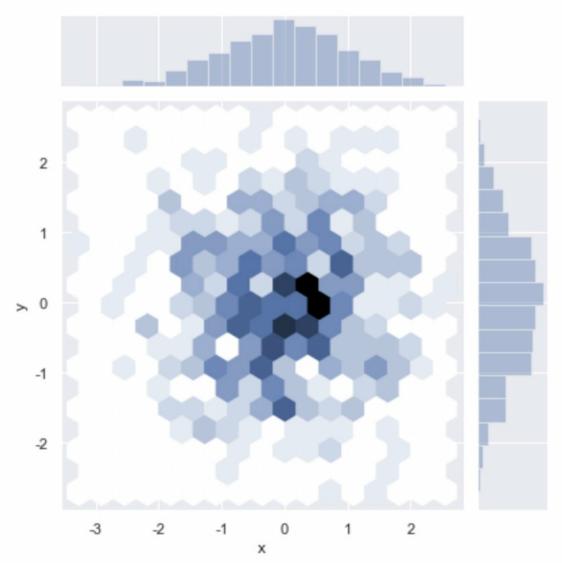
上述示例中,首先创建了一个 DataFrame对象 dataframe_obj作为散点图的数据,其中x轴和y轴的数据均为500个随机数,接着调用 jointplot0 函数绘制一个散点图,散点图x轴的名称为"x",y轴的名称为"y"。



3.2 绘制二维直方图

二维直方图类似于"六边形"图,主要是因为它显示了落在六角形区域内的观察值的计数,适用于较大的数据集。当调用 jointplot()函数时,只要传入kind="hex",就可以绘制二维直方图,具体示例代码如下。

```
# 绘制二维直方图
sns.jointplot(x="x", y="y", data=dataframe_obj, kind="hex")
```



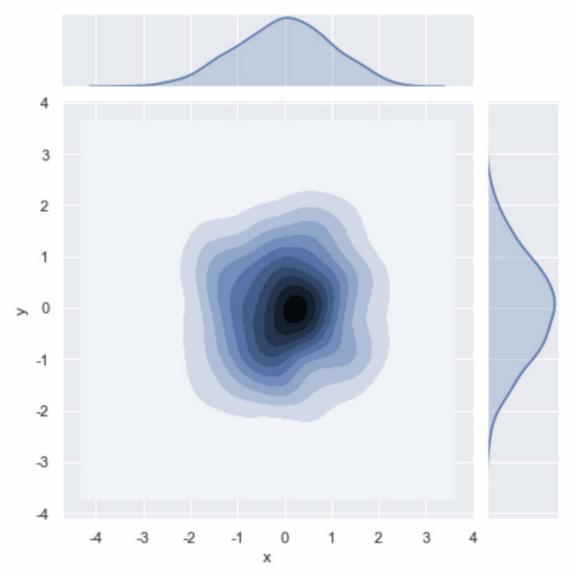
从六边形颜色的深浅,可以观察到数据密集的程度,另外,图形的上方和右侧仍然给出了直方图。注意,在绘制二维直方图时,最好使用白色背景。

3.3 绘制核密度估计图形

利用核密度估计同样可以查看二元分布,其用等高线图来表示。当调用jointplot()函数时只要传入ind="kde",就可以绘制核密度估计图形,具体示例代码如下。

```
sns.jointplot(x="x", y="y", data=dataframe_obj, kind="kde")
```

上述示例中,绘制了核密度的等高线图,另外,在图形的上方和右侧给出了核密度曲线图。 运行结果如图所示。



通过观等高线的颜色深浅,可以看出哪个范围的数值分布的最多,哪个范围的数值分布的最少

4 绘制成对的双变量分布

要想在数据集中绘制多个成对的双变量分布,则可以使用pairplot()函数实现,该函数会创建一个坐标轴矩阵,并且显示Datafram对象中每对变量的关系。另外,pairplot()函数也可以绘制每个变量在对角轴上的单变量分布。

接下来,通过 sns.pairplot()函数绘制数据集变量间关系的图形,示例代码如下

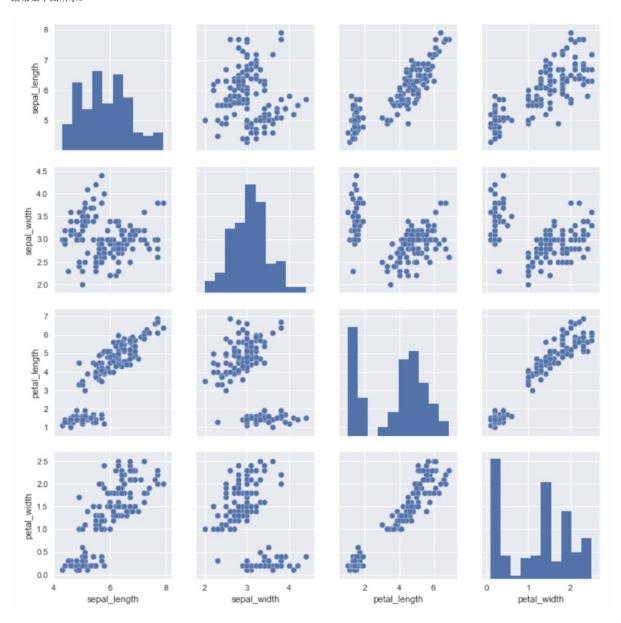
加载seaborn中的数据集
dataset = sns.load_dataset("iris")
dataset.head()

	sepal_length	sepal_width	petal_length	petal_width	species
0	5.1	3.5	1.4	0.2	setosa
1	4.9	3.0	1.4	0.2	setosa
2	4.7	3.2	1.3	0.2	setosa
3	4.6	3.1	1.5	0.2	setosa
4	5.0	3.6	1.4	0.2	setosa

上述示例中,通过 load_dataset0函数加载了seaborn中内置的数据集,根据iris数据集绘制多个双变量分布。

绘制多个成对的双变量分布 sns.pairplot(dataset)

结果如下图所示。



5 小结

- seaborn的基本使用【了解】
- 绘制单变量分布图形【知道】
 - seaborn.distplot()
- 绘制双变量分布图形【知道】
 - seaborn.jointplot()
- 绘制成对的双变量分布图形【知道】
 - Seaborn.pairplot()

1.2 用分类数据绘图

学习目标

- 会使用seaborn绘制箱线图、小提琴图
- 会使用seaborn绘制条形图、点图

数据集中的数据类型有很多种,除了连续的特征变量之外,最常见的就是类别型的数据了,比如人的性别、学历、爱好等,这些数据类型都不能用连续的变量来表示,而是用分类的数据来表示。

Seaborn针对分类数据提供了专门的可视化函数,这些函数大致可以分为如下三种:

- 分类数据散点图: swarmplot()与 stripplot()。
- 类数据的分布图: boxplot() 与 violinplot()。
- 分类数据的统计估算图:barplot() 与 pointplot()。

下面两节将针对分类数据可绘制的图形进行简单介绍,具体内容如下

1类别散点图

通过 stripplot()函数可以画一个散点图, stripplot0函数的语法格式如下。

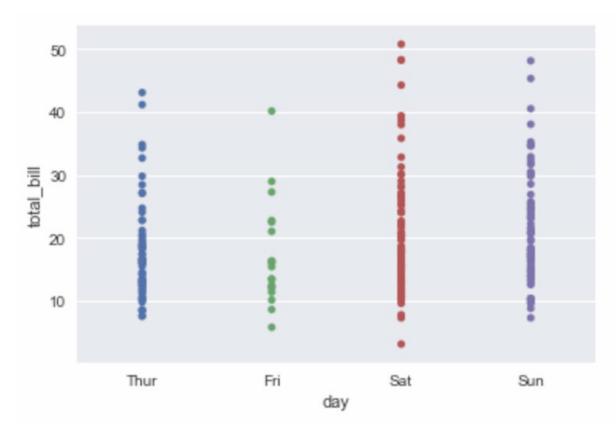
seaborn.stripplot(x=None, y=None, hue=None, data=None, order=None, hue_order=None, jitter=False)

上述函数中常用参数的含义如下

- (1) x, y, hue: 用于绘制长格式数据的输入。
- (2) data: 用于绘制的数据集。如果x和y不存在,则它将作为宽格式,否则将作为长格式。
- (3) jitter:表示抖动的程度(仅沿类別轴)。当很多数据点重叠时,可以指定抖动的数量或者设为Tue使用默认值。

为了让大家更好地理解,接下来,通过 stripplot()函数绘制一个散点图,示例代码如下。

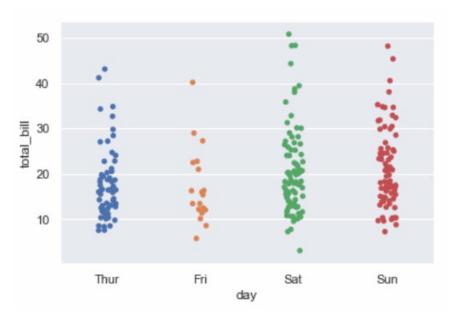
```
# 获取tips数据
tips = sns.load_dataset("tips")
sns.stripplot(x="day", y="total_bill", data=tips)
```



从上图中可以看出,图表中的横坐标是分类的数据,而且一些数据点会互相重叠,不易于观察。为了解决这个问题,可以在调用striplot()函数时传入jitter参数,以调整横坐标的位置,改后的示例代码如下。

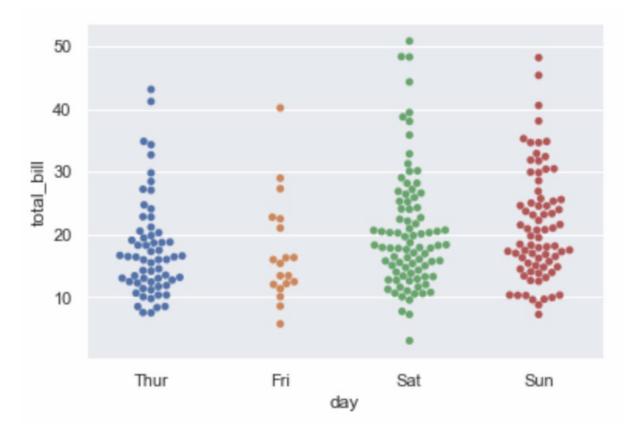
```
sns.stripplot(x="day", y="total_bill", data=tips, jitter=True)
```

运行结果如下图所示。



除此之外,还可调用 swarmplot0函数绘制散点图,该函数的好处是所有的数据点都不会重叠,可以很清晰地观察到数据的分布情况,示例代码如下。

```
sns.swarmplot(x="day", y="total_bill", data=tips)
```

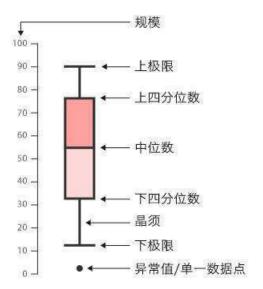


2 类别内的数据分布

要想查看各个分类中的数据分布,显而易见,散点图是不满足需求的,原因是它不够直观。针对这种情况,我们可以绘制如下两种图形进行查看:

• 箱形图:

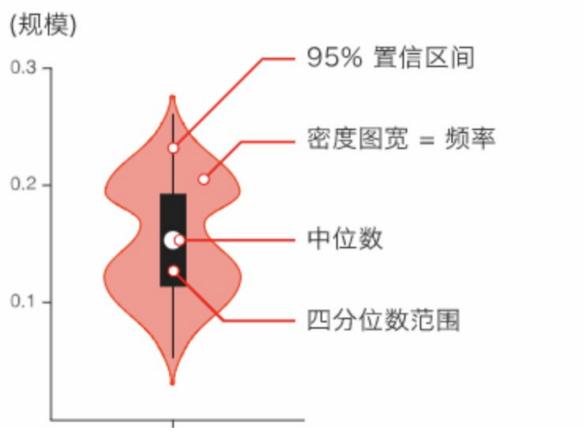
- o 箱形图(Box-plot)又称为盒须图、盒式图或箱线图,是一种用作显示一组数据分散情况资料的统计图。因形状如箱子而得名。
- o 箱形图于1977年由美国著名统计学家约翰·图基(John Tukey)发明。它能显示出一组数据的最大值、最小值、中位数、及上下四分位数。



• 小提琴图:

- o 小提琴图 (Violin Plot) 用于显示数据分布及其概率密度。
- $oldsymbol{o}$ 这种图表结合了箱形图和密度图的特征,主要用来显示数据的分布形状。
- o 中间的黑色粗条表示四分位数范围,从其延伸的幼细黑线代表 95% 置信区间,而白点则为中位数。

o 箱形图在数据显示方面受到限制,简单的设计往往隐藏了有关数据分布的重要细节。例如使用箱形图时,我们不能了解数据分布。 虽然小提琴图可以显示更多详情,但它们也可能包含较多干扰信息。



接下来,针对 Seaborn库中箱形图和提琴图的绘制进行简单的介绍。

2.1 绘制箱形图

seaborn中用于绘制箱形图的函数为 boxplot(), 其语法格式如下:

```
seaborn.boxplot(x=None, y=None, hue=None, data=None, orient=None, color=None, saturation=0.75, width=0.8)
```

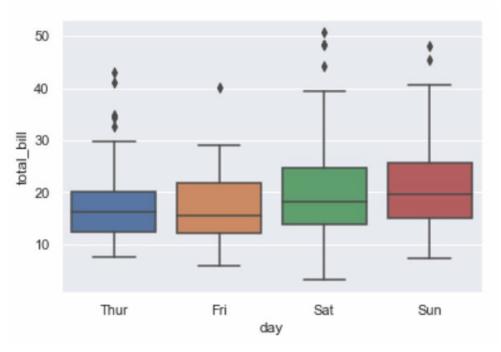
常用参数的含义如下:

- (1) palette: 用于设置不同级别色相的颜色变量。---- palette=["r","g","b","y"]
- (2) saturation: 用于设置数据显示的颜色饱和度。---- 使用小数表示

使用 boxplot()函数绘制箱形图的具体示例如下。

```
sns.boxplot(x="day", y="total_bill", data=tips)
```

上述示例中,使用 seaborn中内置的数据集tips绘制了一个箱形图,图中x轴的名称为day,其刻度范围是 Thur~Sun(周四至周日), y轴的名称为 total bill,刻度范围为10-50左右



从图中可以看出,

- Thur列大部分数据都小于30,不过有5个大于30的异常值,
- Fri列中大部分数据都小于30,只有一个异常值大于40,
- Sat一列中有3个大于40的异常值,
- Sun列中有两个大于40的异常值

2.2 绘制提琴图

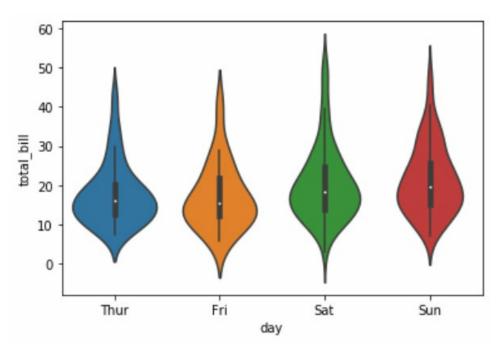
seaborn中用于绘制提琴图的函数为violinplot(),其语法格式如下

```
seaborn.violinplot(x=None, y=None, hue=None, data=None)
```

通过violinplot()函数绘制提琴图的示例代码如下

```
sns.violinplot(x="day", y="total_bill", data=tips)
```

上述示例中,使用seaborn中内置的数据集绘制了一个提琴图,图中x轴的名称为day,y轴的名称为total_bill 运行结果如图所示。



从图中可以看出,

- Thur一列中位于5~25之间的数值较多,
- Fri列中位于5-30之间的较多,
- Sat-列中位于5-35之间的数值较多,
- Sun一列中位于5-40之间的数值较多。

3 类别内的统计估计

要想查看每个分类的集中趋势,则可以使用条形图和点图进行展示。Seaborn库中用于绘制这两种图表的具体函数如下

- barplot()函数: 绘制条形图。
- pointplot()函数: 绘制点图。

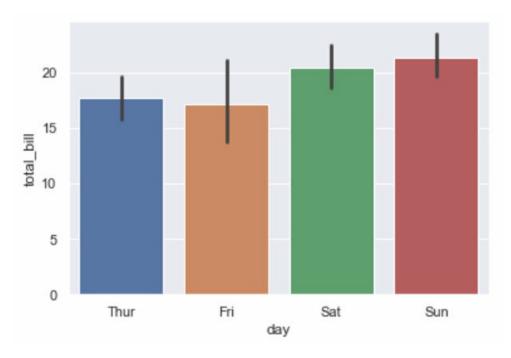
这些函数的API与上面那些函数都是一样的,这里只讲解函数的应用,不再过多对函数的语法进行讲解了。

3.1 绘制条形图

最常用的查看集中趋势的图形就是条形图。默认情况下, barplot函数会在整个数据集上使用均值进行估计。若每个类别中有多个类别时(使用了hue参数),则条形图可以使用引导来计算估计的置信区间(是指由样本统计量所构造的总体参数的估计区间),并使用误差条来表示置信区间。

使用 barplot()函数的示例如下

sns.barplot(x="day", y="total_bill", data=tips)



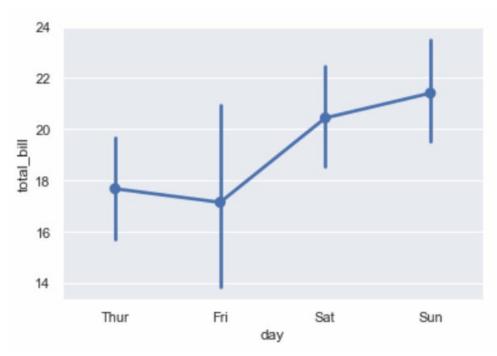
3.2 绘制点图

另外一种用于估计的图形是点图,可以调用 pointplot()函数进行绘制,该函数会用高度低计值对数据进行描述,而不是显示完整的条形,它只会绘制点估计和置信区间。

通过 pointplot()函数绘制点图的示例如下。

```
sns.pointplot(x="day", y="total_bill", data=tips)
```

运行结果如图所示。



4 小结

- 类别散点图
 - o seaborn.stripplot()

- 类别内的数据分布
 - o 箱线图
 - seaborn.boxplot()
 - o 小提琴图
 - seaborn.violinplot()
- 类别内的统计估计
 - o 条形图
 - barplot()
 - 点图
 - pointplot()

1.3 案例: NBA球员数据分析

1 基本数据介绍

每个球迷心中都有一个属于自己的迈克尔·乔丹、科比·布莱恩特、勒布朗·詹姆斯。 本案例将用jupyter notebook完成NBA菜鸟数据分析初探。 案例中使用的数据是2017年NBA球员基本数据,数据字段见下表:

Rk	Rank	
player		
position		
age		
MP	Minutes played per game	出场时间
FG	Field goals per game	命中次数
FGA	Field goal attempts per game	出手次数
FG%	Field goal percentage	命中率
3P	3-point field goals per game	三分球命中
3PA	3-point field goal attempts per game	三分球出手
3P%	3-point field goal percentage	三分球命中率
2P	2-point field goals per game	两分球命中
2PA	2-point field goal attempts per game	两分球出手
2P%	2-point field goal percentage	两分球命中率
eFG%	Effective field goal percentage	真实命中率
FT	Free throws per game	罚球命中
FTA	Free throw attempts per game	罚球次数
FT%	Free throw percentage	罚球命中率
ORB	Offensive rebounds per game	进攻篮板
DRB	Defensive rebounds per game	防守篮板
TRB	Total rebounds per game	
AST	Assists per game	助攻
STL	Steals per game	 抢断
BLK	Blocks per game	盖帽
TOV	Turnovers per game	 失误
PF	Personal fouls per game	犯规
Points	Points per game	 得分
TEAM		50 AP 2-252
GP		
MPG	Minutes per game	出场时间
ORPM	Offensive real plus minus	进攻正负值
DRPM	Defensive real plus minus	防守正负值
RPM	Real plus minus	正负值
Wins_RPM	-	赢球正负值
Pie	(不太明白这个pie是什么意思)	9243000 See- 20 50 30 30 30
Pace	(这个好像是球队场均得分)	
W		赢球场次
Salary_million		薪水

2 案例基本分析

见【nba_data.ipynb】具体分析

综合案例

学习目标

• 能够使用之前学习科学计算库对北京租房数据进行统计分析

2.1 数据分析实战----北京租房数据统计分析

学习目标

- 掌握 Pandas的读写操作
- 会使用预处理技术过滤数据。
- 会使用 Matplotlib库绘制各种图表。
- 会基于数据进行独立分析。

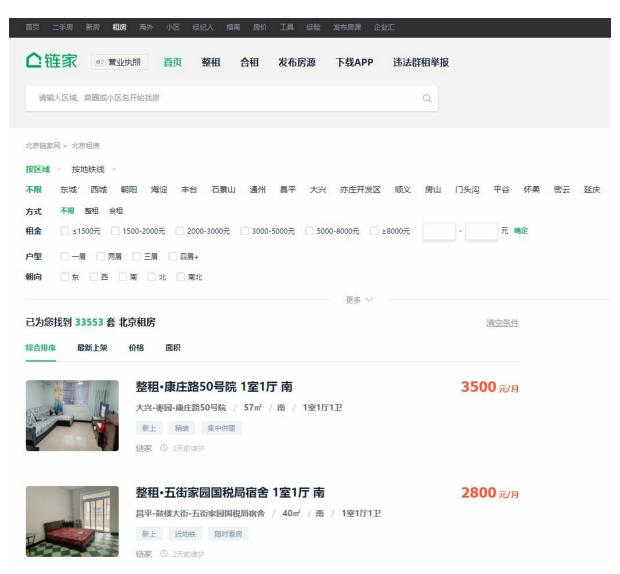
近年来随着经济的快速发展,一线城市的资源和就业机会吸引了很多外来人口,使其逐渐成为人口密集的城市之一。据统计,**2017**年北京市常住外来人口已经达到了**2170.7万**人,其中绝大多数人是以租房的形式解决居住问题。

本文将租房网站上北京地区的租房数据作为参考,运用前面所学到的数据分析知识,带领大家一起来分析真实数据,并以图表的形式得到以下统计指标:

- (1)统计每个区域的房源总数量,并使用热力图分析房源位置分布情况。
- (2)使用条形图分析哪种户型的数量最多、更受欢迎。
- (3)统计每个区域的平均租金,并结合柱状图和折线图分析各区域的房源数量和租金情况。
- (4)统计面积区间的市场占有率,并使用饼图绘制各区间所占的比例。

1数据基本介绍

目前网络上有很多的租房平台,比如自如、爱屋吉屋、房天下、链家等,其中,链家是目前市场占有率最高的公司,通过链家平台可以便捷且 全面地提供可靠的房源信息。如下图所示:



通过网络爬虫技术,爬取链家网站中列出的租房信息(爬取结束时间为2018年9月10日),具体包括所属区域、小区名称、房屋、价格、房屋面积、户型。需要说明的是,链家官网上并没有提供平谷、怀柔、密云、延庆等偏远地区的租房数据,所以本案例的分析不会涉及这四个地区。

将爬到的数据下载到本地,并保存在"链家北京租房数据.csv"文件中,打开该文件后可以看到里面有很多条(本案例爬取的数据共计**8224**条)信息,具体如下图所示。

- 4	А	В	С	D	Е
1	区域	小区名称	户型	面积(m²)	价格(元/月)
2	东城	万国城MOMA	1室0厅	59.11平米	10000
3	东城	北官厅胡同2号院	3室0厅	56.92平米	6000
4	东城	和平里三区	1室1厅	40.57平米	6900
5	东城	菊儿胡同	2室1厅	57.09平米	8000
6	东城	交道口北二条35号院	1室1厅	42.67平米	5500
7	东城	西营房	2室1厅	54.48平米	7200
8	东城	地坛北门	1室1厅	33.76平米	6000
9	东城	安外东河沿	1室1厅	37.62平米	5600
10	东城	清水苑	1室1厅	45.61平米	6200

2 数据读取

准备好数据后,我们便可以使用 Pandas读取保存在CSV文件的数据,并将其转换成DataFrame对象展示,便于后续操作这些数据。 首先,读取数据:

```
import pandas as pd
import numpy as np

# 读取链家北京租房信息
file_data = pd.read_csv('./data/链家北京租房数据.csv')
file_data.head()
```

读取效果如下:

	区域	小区名称	户型	面积(㎡)	价格(元/月)
0	东城	万国城MOMA	1室0厅	59.11平米	10000
1	东城	北官厅胡同2号院	3室0厅	56.92平米	6000
2	东城	和平里三区	1室1厅	40.57平米	6900
3	东城	菊儿胡同	2室1厅	57.09平米	8000
4	东城	交道口北二条35号院	1室1厅	42.67平米	5500

3 数据预处理

尽管从链家官网上直接爬取下来的数据大部分是比较规整的,但或多或少还是会存在一些问题,不能直接用做数据分析。为此,在使用前需要 对这些数据进行一系列的检测与处理,包括处理重复值和缺失值、统一数据类型等,以保证数据具有更高的可用性。

3.1重复值和空值处理

预处理的前两步就是检查缺失值和重复值。如果希望检查准备的数据中是否存在重复的数据,则可以通过 Pandas中的 duplicated()方法完成。接下来,通过 duplicated()方法对北京租房数据进行检测,只要有重复的数据就会映射为True,具体代码如下。

```
# 重复数据检测file_data.duplicated()
```

由于数据量相对较多,所以在 Jupyter NoteBook工具中有一部分数据会省略显示,但是从输出结果中仍然可以看到有多条返回结果为True的数据,这表明有重复的数据。这里,处理重复数据的方式是将其删除。接下来,使用 drop_duplicates()方法直接删除重复的数据,具体代码如下。

```
# 删除重复数据
file_data = file_data.drop_duplicates()
```

与上一次输出的行数相比,可以很明显地看到减少了很多条数据,只剩下了5773条数据。

对数据重复检测完成之后,便可以检测数据中是否存在缺失值,我们可以直接使用 dropna()方法检测并删除缺失的数据,具体代码如下。

```
# 删除缺失数据
file_data = file_data.dropna()
```

经过缺失数据检测之后,可以发现当前数据的总行数与之前相比没有发生任何变化。因此我们断定准备好的数据中并不存在缺失的数据。

3.2 数据转换类型

在这套租房数据中,"面积(m²)"一列的数据里面有中文字符,说明这一列数据都是字符串类型的。为了方便后续对面积数据进行数学运算,所以需要将"面积(m)"一列的数据类型转换为float类型,具体代码如下。

	区域	小区名称	户型	面积(m²)	价格(元/月)
0	东城	万国城MOMA	1室0厅	59.11	10000
1	东城	北官厅胡同2号院	3室0厅	56.92	6000
2	东城	和平里三区	1室1厅	40.57	6900
3	东城	菊儿胡同	2室1厅	57.09	8000
4	东城	交道口北二条35号院	1室1厅	42.67	5500

除此之外,在"户型"一列中,大部分数据显示的是"室厅",只有个别数据显示的是"\房间*卫"(比如索引8219对应的一行)。为了方便后期的使用,需要将"房间"替换成"室",以保证数据的一致性。

接下来,使用 Pandas的 replace() 方法完成替换数据的操作,具体代码如下。

```
# 获取"户型"一列数据
housetype_data = file_data['户型']
temp_list = []
# 通过replace()方法进行替换
for i in housetype_data:
    new_info = i.replace('房间','室')
    temp_list.append(new_info)
file_data.loc[:,'户型'] = temp_list
```

通过比较处理前与处理后的数据可以发现,索引为8219的户型数据已经由"4房间2卫"变成"4室2卫",说明数据替换成功。

4图表分析

数据经过预处理以后,便可以用它们来做分析了,为了能够更加直观地看到数据的变化,这里,我们采用图表的方式来辅助分析。

4.1房源数量、位置分布分析

如果希望统计各个区域的房源数量,以及查看这些房屋的分布情况,则需要先获取各个区的房源。为了实现这个需求,可以将整个数据按照"区域"一列进行分组。

为了能够准确地看到各区域的房源数量,这里只需要展示"区域"与"数量"这两列的数据即可。因此,先创建一个空的 DataFrame对象,然后再将各个区域计算的总数量作为该对象的数据进行展示,具体代码如下。

```
# 创建一个DataFrame对象,该对象只有两列数据: 区域和数量

new_df = pd.DataFrame({'区域':file_data['区域'].unique(),'数量':[0]*13})
```

	区域	数量
0	东城	0
1	丰台	0
2	亦庄开发区	0
3	大兴	0
4	房山	0
5	昌平	0
6	朝阳	0

接下来,通过 Pandas的 groupby()方法将 file data对象按照"区域"一列进行分组,并利用count()方法统计每个分组的数量,具体代码如下。

```
# 按"区域"列将file_data进行分组,并统计每个分组的数量
groupy_area = file_data.groupby(by='区域').count()
new_df['数量'] = groupy_area.values
```

区域	数量
东城	282
丰台	577
亦庄开发区	147
大兴	362
房山	180
昌平	347
朝阳	1597
	东城 丰台 亦庄开发区 大兴 房山 昌平

通过 sort_values()方法对new_df对象排序,按照从大到小的顺序进行排列,具体代码如下。

```
# 按"數量"一列从大到小排列

new_df.sort_values(by=['数量'], ascending=False)
```

	区域	数量
6	朝阳	1597
7	海淀	605
1	丰台	577
10	通州	477
9	西城	442
3	大兴	362

通过输出的排序结果可以看出,房源数量位于前的区域分别是朝阳区、海淀区、丰台区。

4.2 户型数量分析

随着人们生活水平的提高,以及各住户的生活需求,开发商设计出了各种各样的户型供人们居住。接下来,我们来分析一下户型,统计租房市场中哪种户型的房源数量偏多,并筛选出数量大于50的户型。

首先,我们定义一个函数来计算各种户型的数量,具体代码如下。

```
# 定义函数,用于计算各户型的数量

def all_house(arr):
    key = np.unique(arr)
    result = {}
    for k in key:
        mask = (arr == k)
        arr_new = arr[mask]
        v = arr_new.size
        result[k] = v
    return result

# 获取户型数据

house_array = file_data['户型']
house_info = all_house(house_array)
```

{'0室0厅': 1, '1室0卫': 10, '1室0厅': 244, '1室1卫': 126, '1室1厅': 844, '1室2厅': 13, '2室0卫': 1, '2室0丁': 23, '2室1卫': 120,

程序输出了一个字典,其中,字典的键表示户型的种类,值表示该户型的数量。

使用字典推导式将户型数量大于50的元素筛选出来,并将筛选后的结果转换成 DataFrame对象,具体代码如下。

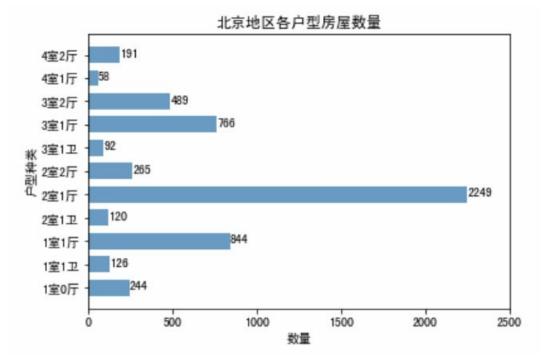
户型 数量 0 1室0厅 244 1 1室1卫 126 2 1室1厅 844 3 2室1卫 120 4 2室1厅 2249 5 2室2厅 265 6 3室1卫 92

为了能够更直观地看到户型数量间的差异,我们可以使用条形图进行展示,其中,条形图纵轴坐标代表户型种类,横坐标代表数量体代码如下

```
import matplotlib.pyplot as plt
```

```
house_type = show_houses['户型']
house_type_num = show_houses['数量']
plt.barh(range(11), house_type_num, height=0.7, color='steelblue', alpha=0.8)
plt.yticks(range(11), house_type)
plt.xlim(0,2500) # 把x轴坐标延长到2500
plt.xlabel("数量")
plt.ylabel("为量")
plt.ylabel("户型种类")
plt.title("北京地区各户型房屋数量")
for x, y in enumerate(house_type_num):
    plt.text(y + 0.2, x - 0.1, '%s' % y)
plt.show()
```

运行结果如下图所示。



通过图可上以清晰地看出,整个租房市场中户型数量较多分别为"2室1厅"、"1室1厅"、"3室1厅"的房屋,其中,"2室1厅"户型的房屋在整个租房市场中是数量最多的。

4.3 平均租金分析

为了进一步剖析房屋的情况,接下来,我们来分析一下各地区目前的平均租金情况。计算各区域房租的平均价格与计算各区域户型数量的方法 大同小异,首先创建一个 DataFrame对象,具体代码如下。

区域 房租总金额 总面积(㎡)

0 东城 0 0 1 丰台 0 0 2 亦庄开发区 0 0 3 大兴 0 0 4 房山 0 0 5 昌平 0 0 6 朝阳 0 0			43	
2 亦庄开发区 0 0 3 大兴 0 0 4 房山 0 0 5 昌平 0 0	0	东城	0	0
3 大兴 0 0 4 房山 0 0 5 昌平 0 0	1	丰台	0	0
4 房山 0 0 5 昌平 0 0	2	亦庄开发区	0	0
5 昌平 0 0	3	大兴	0	0
	4	房山	0	0
6 朝阳 0 0	5	昌平	0	0
	6	朝阳	0	0

接下来,按照"区域"一列进行分组,然后调用**sum()**方法分别对房租金额和房屋面积执行求和计算,具体代码如下:

```
# 求总金额和总面积

sum_price = file_data['价格(元/月)'].groupby(file_data['区域']).sum()
sum_area = file_data['面积(m')'].groupby(file_data['区域']).sum()
df_all['房租总金额'] = sum_price.values
df_all['总面积(m')'] = sum_area.values
```

	区域	房租总金额	总面积(m²)
0	东城	3945550	27353.99
1	丰台	4404893	50922.79
2	亦庄开发区	1318400	15995.53
3	大兴	2286950	35884.15
4	房山	726750	15275.41
5	昌平	2521515	35972.92
6	朝阳	20281396	166921.72

计算出各区域房租总金额和总面积之后,便可以对每平方米的租金进行计算。在df_all对象的基础上增加一列,该列的名称为"每平方米租金(元)",数据为求得的每平方米的平均价格,具体代码如下。

```
# 计算各区域每平米房租价格,并保留两位小数

df_all['每平米租金(元)'] = round(df_all['房租总金额'] / df_all ['总面积(m')'], 2)
```

	区域	房租总金额	总面积(m²)	每平米租金(元)
0	东城	3945550	27353.99	144.24
1	丰台	4404893	50922.79	86.50
2	亦庄开发区	1318400	15995.53	82.42
3	大兴	2286950	35884.15	63.73
4	房山	726750	15275.41	47.58
5	昌平	2521515	35972.92	70.09
6	朝阳	20281396	166921.72	121.50

为了能更加全面地了解到各个区域的租房数量与平均租金,我们可以将之前创建的 new_df对象(各区域房源数量)与df_all对象进行合并展示,由于这两个对象中都包含"区域"一列,所以这里可以采用主键的方式进行合并,也就是说通过 merge()函数来实现,具体代码如下。

```
# 合并new_df与df_all

df_merge = pd.merge(new_df, df_all)
```

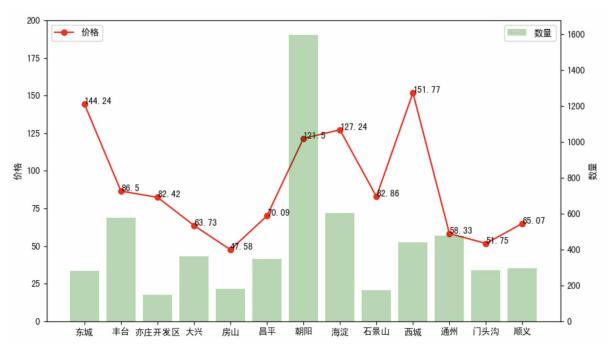
	区域	数量	房租总金额	总面积(m²)	每平米租金(元)
0	东城	282	3945550	27353.99	144.24
1	丰台	577	4404893	50922.79	86.50
2	亦庄开发区	147	1318400	15995.53	82.42
3	大兴	362	2286950	35884.15	63.73
4	房山	180	726750	15275.41	47.58
5	昌平	347	2521515	35972.92	70.09
6	朝阳	1597	20281396	166921.72	121.50

合并完数据以后,就可以借用图表来展示各地区房屋的信息,其中,房源的数量可以用柱状图中的条柱表示,每平方米租金可以用折线图中的 点表示,具体代码如下。

```
l=[i for i in range(13)]
lx=df_merge['区域']
fig = plt.figure(figsize=(10, 8), dpi=100)
# 显示折线图
ax1 = fig.add_subplot(111)
ax1.plot(l, price,'or-',label='价格') # "or-" 显示那个小红圆点
for i,(_x,_y) in enumerate(zip(l,price)):
  plt.text(_x,_y,price[i])
ax1.set_ylim([0, 200])
ax1.set_ylabel('价格')
plt.legend(loc='upper left')
# 显示条形图
ax2 = ax1.twinx() # 显示次坐标轴ax2=ax1.twinx()
plt.bar(1,num,alpha=0.3,color='green',label='数量')
ax2.set_ylabel('数量')
plt.legend(loc="upper right")
plt.xticks(1,lx)
```

plt.show()

运行结果如下:



从图中可以看出,西城区、东城区、海淀区、朝阳区的房租价格相对较高,这主要是因为东城区和西城区作为北京市的中心区,租金相比其他 几个区域自然偏高一些,而海淀区租金较高的原因推测可能是海淀区名校较多,也是学区房最火热的地带,朝阳区内的中央商务区聚集了大量 的世界**500**强公司,因此这四个区域的房租相对其他区域较高。

4.4 面积区间分析

下面我们将房屋的面积数据按照一定的规则划分成多个区间,看一下各面积区间的上情况,便于分析租房市场中哪种房屋类型更好出租,哪个面积区间的相房人数最多

要想将数据划分为若干个区间,则可以使用Pame中的cut()函数来实现,首先,使用max()与min()方法分别计算出房屋面积的最大值和最小值,具体代码如下。

```
# 查看房屋的最大面积和最小面积 print('房屋最大面积是%d平米'%(file_data['面积(m')'].max())) print('房屋最小面积是%d平米'%(file_data['面积(m')'].min())) # 查看房租的最高值和最小值 print('房租最高价格为每月%d元'%(file_data['价格(元/月)'].max())) print('房屋最低价格为每月%d元'%(file_data['价格(元/月)'].min()))
```

在这里,我们参照链家网站的面积区间来定义,将房屋面积划分为8个区间。然后使用describe()方法显示各个区间出现的次数(counts表示)以及频率(freps表示),具体代码如下。

```
# 面积划分
area_divide = [1, 30, 50, 70, 90, 120, 140, 160, 1200]
area_cut = pd.cut(list(file_data['面积(m')']), area_divide)
area_cut_data = area_cut.describe()
```

	counts	freqs
categories		
(1, 30]	41	0.007102
(30, 50]	710	0.122986
(50, 70]	1566	0.271263
(70, 90]	1094	0.189503
(90, 120]	1082	0.187424
(120, 140]	381	0.065997
(140, 160]	274	0.047462
(160, 1200]	625	0.108263

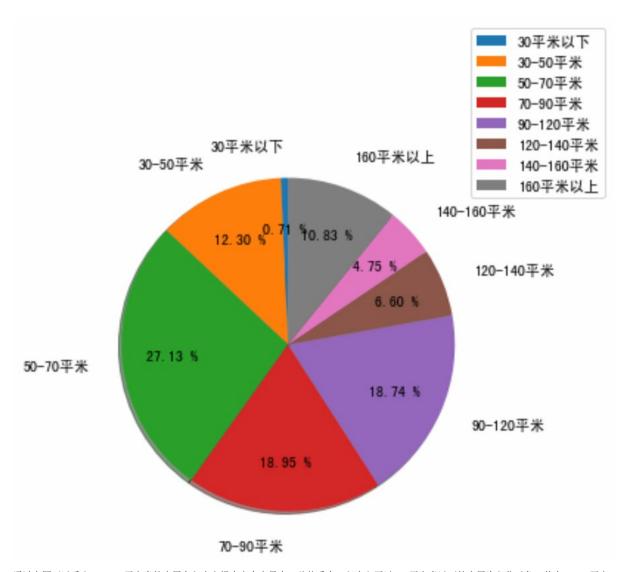
接着,使用饼图来展示各面积区间的分布情况,具体代码如下。

```
area_percentage = (area_cut_data['freqs'].values)*100

labels = ['30平米以下', '30-50平米', '50-70平米', '70-90平米', '90-120平米', '120-140平米', '140-160平米', '160平米以上']

plt.figure(figsize=(20, 8), dpi=100)
plt.axes(aspect=1) # 显示的是圆形,如果不加,是椭圆形
plt.pie(x=area_percentage, labels=labels, autopct='%.2f %%', shadow=True)
plt.legend(loc='upper right')
plt.show()
```

运行结果如图所示:



通过上图可以看出,50-70平方米的房屋在租房市场中占有率最大。总体看来,租户主要以120平方米以下的房屋为租住对象,其中50~70平方米以下的房屋为租户的首选对象。