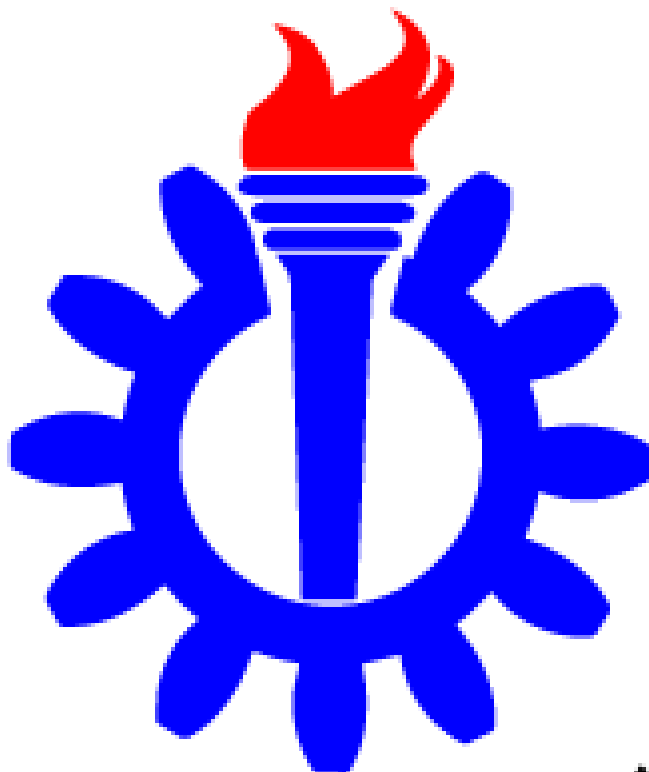


به نام پروردگار زیبا‌ی‌س



دانشگاه علم و صنعت ایران

مصد عرفان زارع زردینر 98411432

هوشربا سبائر سمریخ سرر 4 تنورر

دکتر مزینر

سوال 1

طبق مطالعات انجام شده، مورچه ها به سیگنال های محرک محیطی واکنش نشان می دهند و این محرک و واکنش بر بقیه مورچه ها هم اثر می گذارد و به این محرک، **stigmergy** گویند. آزمایشات نشان می دهد که مورچه ها از **positive feedback** برای یافتن کوتاهترین مسیر از کلونی به غذا استفاده می کنند. به این فرایند اتوکاتالیز گویند. پس از گذشت t واحد زمانی، اگر m_1 حشره از پل اول و m_2 حشره از پل دوم بروند، احتمال آنکه حشره بعدی از پل اول برود مطابق فرمول زیر هست: (پارامتر k و h ، پارامتر مورد نیاز برازش هست).

$$p_1(m+1) = \frac{(m_1 + k)^h}{((m_1 + k)^h + (m_2 + k)^h)}$$

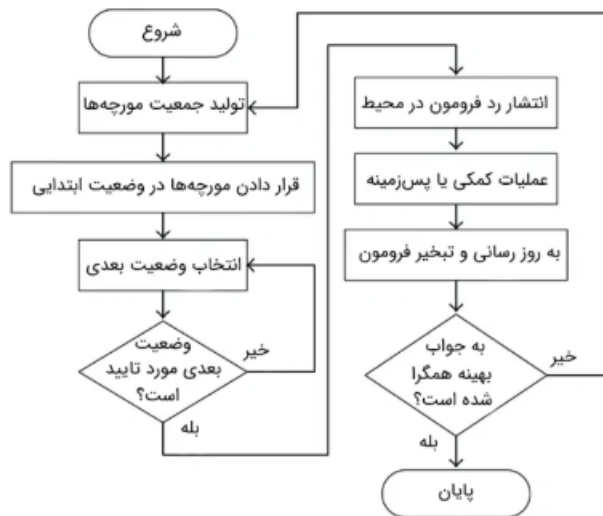
احتمال عبور از پل دوم مکمل همین مقدار هست. طبق شبیه سازی های انجام شده، مقدار k و h به ترتیب 20 و 2 رام قرار مناسب دونسته.

برای شبیه سازی با الگوریتم کلونی مورچه ها، ابتدا باید مدل سازی انجام شود برای یک مساله ترکیباتی که می شود:

$$A \text{ model } P = (S, \Omega, f)$$

که S فضای جستجو، امگا متغیر های مساله و f نیز تابع هدف است که باید کمینه شود.

مراحل انجام الگوریتم بدین گونه هست که ابتدا جمعیت حشرات تولید شده و به صورت رندوم در وضعیت اولیه شان قرار می گیرند. سپس باید وضعیت بعدی حشرات مشخص شود. این عمل تا جایی ادامه پیدا می کند که یک وضعیت قابل قبول برای حشرات پیدا شود. حال که این وضعیت تعیین شد باید رد فرومون در محیط انتشار یابد. سپس عملیات کمکی را انجام و در فرومون را بروز رسانی و تبخیر می کنیم. حال بررسی می کنیم که آیا جواب بهینه مان همگرا شده است یا خیر. اگر شده بود به الگوریتم پایان می دهیم و اگر نه به قسمت تولید جمعیت حشرات باز می گردیم.



به روزرسانی فرومون به شکل زیر است:

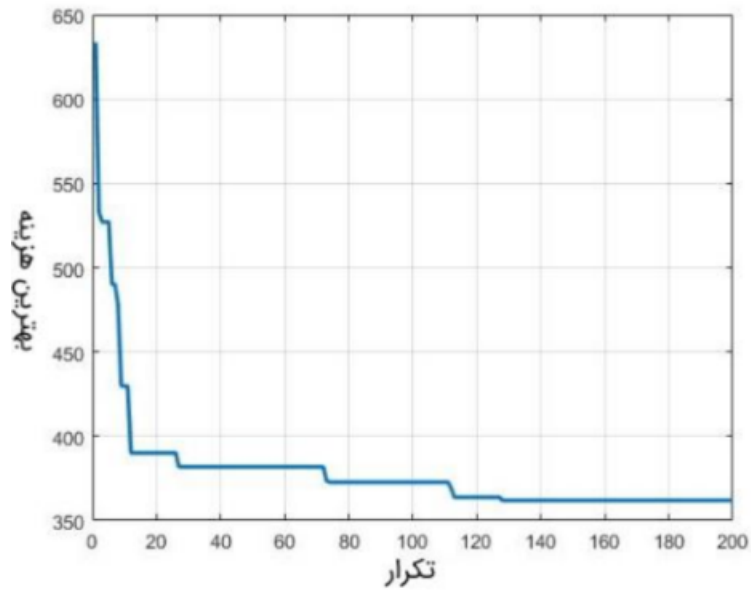
$$\tau_{ij} \leftarrow (1 - \rho)\tau_{ij} + \rho \sum_{s \in S_{upd} | c_{ij} \in s} F(s)$$

فرایند مورد بحث سبب می شود که با افزایش مقدار فرومون های متناظر با مورچه ها در بهترین مسیرهای موجود به سمت بهینه قراردارند، دارای برازندگی بالایی اند. بدین صورت بقیه مورچه ها به مسیر موردنظر همگرا می شوند

اگر بفواهیم این الگوریتم را به شکل دیگر توضیح بدهیم، میتوان گفت که فرض کنیم یکسری مورچه دارند در دو مسیر مستقل درحال حرکت به سمت غذا هستند ، در حالی که هرکدام رد یا فرومون به جای میگذارند که بشکل طبیعی با گذشت زمان متلاشی می شود. مورچه هایی که به شکل رندوم کمترین مسیر را نسبت به بقیه برای رسیدن به غذا پیدا میکنند ، سریعتر به کلونی برمیگردند و ردی که در مسیر بر جای میذارند سبب تقویت اثر می شود و سبب می شود مورچه ها بیشتر در این مسیر ها حرکت کنند. این اتفاق سبب می شود که کم کم این مسیر به مسیر پرترد تر تبدیل شود و تقویت رد فرومون بیشتر میشود.

از پر بحث ترین مسائل حل شده با این الگوریتم ، می توان به مسئله فروشنده دوره گرد اشاره نمود. سوال این گونه هست که ما یکسری شهر داریم و باید تنها با یک بار عبور از شهر ها ، کمترین مسیر را یافت. تاثیر الگوریتم مورچه ها در این سوال بدین گونه هست که در حرکتیمان شهر ها ، مولفه های جواب کاندید اند یعنی که از حرکت از مسیر 1 به 2 مولفه جواب کاندید $C_{12}=C_{21}$ مسئله هستند. گراف سافتاری $G=(V,E)$ از طریق ایجاد رابطه میان شهرها با رئوس v در گراف سافتاری می باشد.

مورچه ها گویی از یک نقطه شروع به حرکت و رفتن به شهر های دیگر می کنند و در این راه ، مسیر های پیموده شده را به خاطر سپرده و به مضم آنکه تمام شهر ها توسط یک مورچه پیموده شد، شروع ، جواب کاندید تولید می شود.



منبع: <https://blog.faradars.org/ant-colony-optimization>

سوال 2)

در حل سوال ابتدا وزن ها و مقادیر (value) در نظر بگیریم.

```
w = np.array([2,4,1,3,5,1,7,4])
val = np.array([30,10,20,50,70,15,40,25])
thrshd_knackpack = 25
print('Item num \t Weight \t Values')
for i in range(len(w)):
    | print('{0} \t \t {1}\t \t {2}\n'.format(i, w[i], val[i]))
```

فروچی به شکل زیر می شود:

Item Number	Weight	Value
0	2	30
1	4	10
2	1	20
3	3	50
4	5	70
5	1	15
6	7	40
7	4	25

حال جمعیت اولیه برای سوال ایجاد و در ادامه با توجه به جمعیت، مقادیر نسل های بعدی جمعیت هم تولید می شود.
اعداد جمعیت به شکل تصادفی تولید می شوند .

```
init_poulate = np.random.randint(2, size = (10,8))
init_poulate = init_poulate.astype(int)
num_gen = 50
print('init population: \n{}'.format(init_poulate))
```

تعداد نسل ها برای حل سوال 50 در نظر میگیریم. در هر نسل 10 عدد تصادفی تولید می شو که شامل 8 رقم باینری است.
نمونه جمعیت تولیدی به شکل زیر است:

```

[[0 1 1 1 1 1 0 1]
 [0 0 0 1 0 0 0 1]
 [1 0 0 1 1 1 1 0]
 [0 0 1 1 1 1 1 0]
 [0 0 0 1 1 0 1 1]
 [1 0 1 1 1 1 0 0]
 [0 0 0 1 1 0 0 1]
 [0 0 0 1 0 0 1 0]
 [1 0 1 1 0 0 1 1]
 [0 1 0 0 1 1 0 1]]

```

حال توابع مورد نیاز برای تولید جمعیت پیاده سازی شده اند. توابع `mohasebe_fitness` و `selection` وظیفه انتخاب و مرتب کردن بهترین فیتنس را دارد. `Mutation` که جهش را تولید نموده و تابع `optimizer` برای بهینه سازی هست.

تابع `crossover` پیاده سازی شده ولی در حال از روش دیگر استفاده می شود.

```

def mohasebe_fitness(w, val, population, threshold):
    fitness = np.empty(population.shape[0])
    for i in range(population.shape[0]):
        val_sum = np.sum(population[i] * val)
        w_sum = np.sum(population[i] * w)
        if w_sum <= threshold:
            fitness[i] = val_sum
        else :
            fitness[i] = 0
    return fitness.astype(int)

```

تابع `fitness` برای جمع کردن مقادیر ارزش هر ایتِم هست. تابع بالا هم فیتنس را مناسبه می کند.

```

def selection(fitness, num_parents, population):
    fitness = list(fitness)
    parents = np.empty((num_parents, population.shape[1]))
    for i in range(num_parents):
        max_fitness_idx = np.where(fitness == np.max(fitness))
        parents[i,:] = population[max_fitness_idx[0][0], :]
        fitness[max_fitness_idx[0][0]] = -999999
    return parents

```

تابع بالا عناصر جمعیت را با توجه به فیتنس مرتب می کند.

```
def mutation(parents):
    mutations = np.empty((parents.shape))
    rate_mute = 0.5
    for i in range(parents.shape[0]):
        random_value = rd.random()
        mutations[i,:] = parents[i,:]
        if random_value > rate_mute:
            continue

        randval1 = randint(0,parents.shape[1]-1)
        mutations[i, randval1] = 0 if mutations[i, randval1] == 1 else 1

    return mutations
```

تابع بالا نیز جهش را پیاده میکند. ابتدا عدد رندوم انتخاب میشود. اگر مقدار رندوم از حد استانی احتمالی که برای جهش در نظر گرفته بودیم بیشتر بود، رقم رندوم دیگر تولید می شود که ماکزیمم طولش باید تعداد بیت های هر یک از عناصر جمعیت ما باشد.

پس از تولید رقم مان، در عناصری که باید جهش رخ بدهد، از آن عنصر تصادفی به بعد بیت هایش قرینه می شود.

```
def optimizer(w, val, population, pop_size, num_gen, threshold):
    parameters, fitness_history = [], []
    num_parents = int(pop_size[0]/2)
    num_offsprings = pop_size[0] - num_parents
    for i in range(num_gen):
        fitness = mohasebe_fitness(w, val, population, threshold)
        fitness_history.append(fitness)
        parents = selection(fitness, num_parents, population)
        mutations = mutation(parents)
        population[0:parents.shape[0], :] = parents
        population[parents.shape[0]:, :] = mutations

    print('Last generation: ')
    print(population)
    last_gen_fitness = mohasebe_fitness(w, val, population, threshold)
    print('Fitness of the last generation: ')
    print(last_gen_fitness)
    max_fitness = np.where(last_gen_fitness == np.max(last_gen_fitness))
    parameters.append(population[max_fitness[0][0],:])
    return parameters, fitness_history
```

تابع بالا هم توابع تعریف شدرو فرا میخواند وبا تولید نسل جدید به جواب بهینه می مد نظرماتن برسیم. جواب نهایی می شود به شکل زیر:

Last generation:

[1 0 1 1 1 1 1 1]

[1 0 1 1 1 1 1 1]

[1 0 1 1 1 1 1 1]

[1 0 1 1 1 1 1 1]

[1 0 1 1 1 1 1 1]

[1 0 1 1 0 1 1 1]

[1 0 1 1 1 1 1 1]

[1 0 1 1 1 1 1 1]

[1 0 1 1 1 1 1 1]

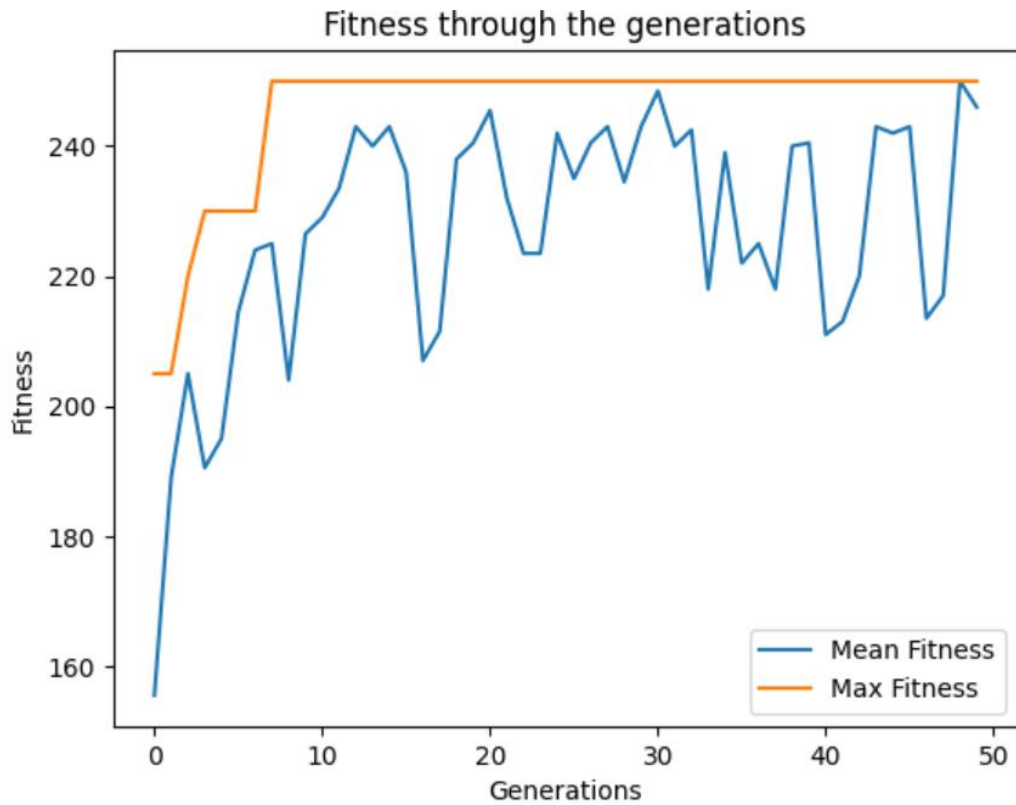
[1 0 1 1 1 1 1 1]]

Fitness of the last generation:

[250 250 250 250 250 180 250 250 250 250]

The optimized parameters for the given inputs are:

[array([1, 0, 1, 1, 1, 1, 1, 1])]



(50, 10)

منبع حل سوال :

<https://arpitbhayani.me/blogs/genetic-knapsack#:~:text=For%20our%20knapsack%20example%2C%20we,the%20next%20steps%20of%20evolution>

[Genetic Algorithm: Part 3 — Knapsack Problem | by Satvik Tiwari | Koderunners | Medium](#)

