# 04\_Background\_Removal\_QR

#### Martin Reißel

### 27. Juni 2022

## **Inhaltsverzeichnis**

	kground Removal mit TSVD
1.1	Überblick
1.2	Motivation
1.3	SVD mit Standardverfahren
1.4	Iterative Verfahren
	1.4.1 Krylov Raum Verfahren
	1.4.2 Singulärwertberechnung mit Projected Gradient Descent
	1.4.3 Singulärwertberechnung über Unterraum-Iteration
1.5	Randomized SVD
	1.5.1 ARPACK
	1.5.2 Randomized
1.6	Zusammenfassung

## 1 Background Removal mit TSVD

## 1.1 Überblick

Viele Anwendungen im Bereich Machine Learning führen zu Problemstellungen der numerischen linearen Algebra für sehr große Matrizen. Ein Beispiel dafür ist die (abgeschnittene) Singulärwertzerlegung beim **Background Removal** in Videosequenzen.

An diesem Beispiel werden verschiedene Zugänge zur (T)SVD vorgestellt und mit den Standardverfahren verglichen.

#### 1.2 Motivation

Es gibt eine sehr einfache Methode, wie man in Videos Vorder- und Hintergrund separieren kann.

Man wandelt zunächst das Video in eine Matrix X um, wobei jeder Frame in einen Spaltenvektor (mit entsprechender Farbinformation pro Pixel) transformiert wird.

Betrachten wir nun die erste Hauptrichtungen  $u_1$ . Der Vektor  $u_1$  stellt ein spezielles Bild dar. Projizieren wir alle Frames des Videos darauf, so erhalten wir große Varianzen, d.h.  $u_1$  stellt eine Art Maske dar, die auf stark variable Bereiche im Video (sprich bewegte Objekte) sehr sensibel reagiert, d.h.  $u_1$  wird im wesentlichen Informationen zum Hintergrund enthalten.

Mit wachsendem Index i werden die Varianzen der Projektion auf  $u_i$  immer kleiner, d.h. dort werden die eher "dynamischen" Elemente des Videos erfasst, also die sich bewegenden Objekte.

Um jetzt bewegte Objekte und Hintergrund zu trennen geht man wie folgt vor:

• man berechnet eine kleine Anzahl k von Hauptrichtungen, d.h.

$$u_i, \sigma_i, v_i, \quad i = 1, \ldots, k, \quad X = U \Sigma V^T$$

• damit erzeugt man eine Matrix  $X_k$  als TSVD von X durch

$$X_{k} = U_{k} \Sigma_{k} V_{k}^{T},$$

$$U_{k} = (u_{1}, \dots, u_{k}),$$

$$\Sigma_{k} = \begin{pmatrix} \sigma_{1} & \ddots & \\ & \ddots & \\ & & \sigma_{k} \end{pmatrix},$$

$$V_{k} = (v_{1}, \dots, v_{k}),$$

die weitgehend die Information über den Hintergrund enthält ( $X_k$  ist eine Rang-k-Approximation von X)

• die Informationen zum Vordergrund erhält man dann durch

$$Y_k = X - X_k$$

Wir wenden die Methode auf das folgende Video an (Movies von SBMnet oder CDNET)

```
import numpy as np
import scipy as sp
import scipy.linalg as spl
import matplotlib.pyplot as plt

import moviepy.editor as mpe
import gc

%matplotlib inline

video = mpe.VideoFileClip("DatenNotebooks/Video_003.avi")
video.ipython_display(maxduration = 300)

Moviepy - Building video __temp__.mp4.
Moviepy - Writing video __temp__.mp4

Moviepy - Done !
Moviepy - Done !
Moviepy - video ready __temp__.mp4

<moviepy.video.io.html_tools.HTML2 object>
```

#### Wir haben dabei

```
print('Anzahl Frames = {}'.format(int(video.duration * video.fps) + 1))

f = video.get_frame(0)
hbt = f.shape
print('Höhe x Breite x Farbtiefe = {}'.format(hbt))

Anzahl Frames = 795
Höhe x Breite x Farbtiefe = (240, 320, 3)
```

d.h. wir bekommen eine Matrix X mit den Dimensionen

```
def v2m(video):
    nframes = int(video.duration * video.fps) + 1
    npixel = (np.array(video.size)).prod()

A = np.empty((npixel * 3, nframes))

t = np.linspace(0, video.duration, nframes)

for k,tk in enumerate(t):
    fk = video.get_frame(tk)
    A[:,k] = fk.flatten() / 255.0
```

```
return(A)

def m2v(X, hbt):
    Xs = (X - X.min()) / (X.max() - X.min())

L = [Xs[:, k].reshape(hbt)*255 for k in range(X.shape[1])]
    v = mpe.ImageSequenceClip(L, fps = 25)

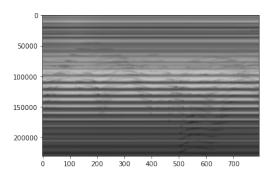
    return(v)

X = v2m(video)
X.shape
```

#### und folgender Besetzungsstruktur

(230400, 795)

```
plt.imshow(X, cmap = 'gray')
plt.axis('auto');
```



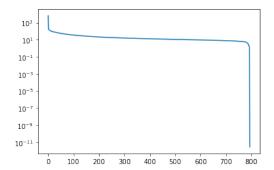
## 1.3 SVD mit Standardverfahren

Die Matrix ist zwar groß, aber da sie nur wenige Spalten hat, können wir uns "trauen", die Standard-SVD aus SciPy zu verwenden:

```
%time U, s, VT = spl.svd(X, full_matrices=False)
CPU times: user 1min 41s, sys: 8.44 s, total: 1min 50s
Wall time: 16.6 s
```

Die (skalierten) Varianzen  $\sigma_i^2$  fallen sehr schnell ab

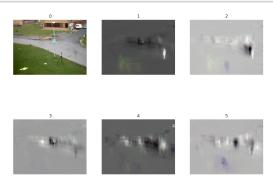
```
plt.semilogy(s);
```



#### Die ersten Hauptrichtungen ergeben folgende Masken

```
def frameplot(UU, hbt, n = 3):
    U = UU.copy()
    if U.ndim < 2:
       U = U.reshape(-1,1)
   mi, ni = U.shape
    m = (ni - 1) // n + 1
    if m==1:
       n = ni
    fak = 12.0 / max(hbt)
    fig, ax = plt.subplots(m, n, figsize = [hbt[1] * fak, hbt[0] * fak])
    ax = np.array([ax]).ravel()
    for axk in ax:
        axk.axis('off')
    for k, axk in enumerate(ax[:ni]):
        u = U[:,k].reshape(hbt)
        if u.mean() < 0:
        u = -u

u = (u - u.min()) / (u.max() - u.min())
        axk.imshow(u)
        #axk.matshow(images[k].reshape(mi,pi), cmap = plt.cm.gray_r)
        axk.set_title(str(k))
frameplot(U[:,:6], hbt)
```



Schon die zweite enthält nur noch wenig Information über den Hintergrund. Deshalb wählen wir hier k = 2 und zerlegen X in  $X_k$  und  $Y_k = X - X_k$ .

## Für den Hintergrund erhalten wir dann

```
vXk = m2v(Xk, hbt)
vXk.ipython_display()

Moviepy - Building video __temp__.mp4.
Moviepy - Writing video __temp__.mp4
```

```
Moviepy - Done !
Moviepy - video ready __temp__.mp4

<moviepy.video.io.html_tools.HTML2 object>
```

#### bzw. für den Vordergrund

```
vYk = m2v(Yk, hbt)
vYk.ipython_display()

Moviepy - Building video __temp__.mp4.
Moviepy - Writing video __temp__.mp4

Moviepy - Done !
Moviepy - video ready __temp__.mp4

<moviepy.video.io.html_tools.HTML2 object>
```

Das Ergebnis ist nicht perfekt, aber dafür ist es sehr einfach zu erzeugen.

Der Flaschenhals dabei ist natürlich die (T)SVD. Da wir für jeden Frame des Videos eine Spalte in der Matrix X erhalten, wird diese bei längeren Video-Sequenzen so groß, das es nicht mehr möglich ist, eine vollständige SVD zu berechnen.

Andererseits benötigen wir hier nur einige wenige der größten Singulärwerte und -vektoren (und diese vielleicht auch nicht mit äußerster Genauigkeit).

Deshalb betrachten wir jetzt Verfahren, die auf solche Fälle zugeschnitten sind und mit wenig Aufwand eine (approximative) TSVD erzeugen.

#### 1.4 Iterative Verfahren

#### 1.4.1 Krylov Raum Verfahren

In der numerischen linearen Algebra gibt es einige Verfahren, die mit relativ wenig Aufwand einen Teil der Eigenwerte/Eigenvektoren bzw. Singulärwerte/Singulärvektoren einer Matrix X bestimmen können.

Getriggert durch Gleichungssysteme die bei der Diskretisierung partieller Differentialgleichungen entstehen sind die Verfahren oft so aufgebaut, dass der wesentliche Aufwand aus Matrix-Vektor-Produkten mit A bzw.  $A^T$  besteht. Ist der Aufwand zur Berechnung dieser Produkte gering (z.B. bei sehr dünn besetzten Matrizen), dann sind diese Verfahren sehr effizient.

Ein triviales Beispiel ist die Vektoriteration zur Berechnung des größten Eigenwerts und des zugehörigen Eigenvektors.

Die am weitesten verbreiteten Methoden basieren aber wieder auf Krylov-Raum-Projektionen. Die in SciPy implementierte Funktion scipy.sparse.linalg.svds basiert z.B. auf ARPACK.

Wir berechnen damit jetzt die ersten 5 Singulärwerte und -vektoren und vergleichen die Laufzeit mit oben.

```
gc.collect()
from scipy.sparse.linalg import svds
k = 5
%time Us, ss, VsT = svds(X, k)

CPU times: user 7.18 s, sys: 5.73 ms, total: 7.19 s
Wall time: 6.85 s
```

Der Zeitgewinn ist hier noch nicht spektakulär. Bei größeren Matrizen wird er aber sehr deutlich.

Jetzt vergleichen wir die Singulärwerte

```
ss[::-1]
array([6492.19400221, 198.0855534, 168.71892036, 154.61039747, 137.69877822])
```

mit denen von oben

```
s[:k]
array([6492.19400221, 198.0855534 , 168.71892036, 154.61039747, 137.69877822])
```

Die Ergebnisse sind identisch.

### 1.4.2 Singulärwertberechnung mit Projected Gradient Descent

Die Berechnung von Singulärwerten und Singulärvektoren kann man als restringiertes konvexes Optimierungsproblem beschreiben. Für den ersten Spaltenvektor  $v_1$  von V gilt

$$v_1 = \operatorname{argmax}_{\|v\|_2^2 = 1} f(v) = \operatorname{argmax}_{\|v\|_2^2 \le 1} f(v)$$

mit

$$f(v) = \|Xv\|_2^2, \quad f(v_1) = \sigma_1^2.$$

Allgemein gilt mit  $V_k = (v_1, \dots, v_k)$ 

$$v_k = \operatorname{argmax}_{\|v\|_2^2 = 1, v \perp V_{k-1}} f(v) = \operatorname{argmax}_{\|v\|_2^2 \le 1, v \perp V_{k-1}} f(v)$$

mit

$$f(v) = ||Xv||_2^2, \quad f(v_k) = \sigma_k^2.$$

Ein einfaches Verfahren zum Lösen dieser Optimierungsprobleme ist Projected Gradient Descent:

- man führt einen Schritt des GD Verfahrens
- die neu berechnete Näherung  $v^{\text{neu}}$  wird dann so projiziert, dass sie die Nebenbedingung erfüllt, d.h. man sucht einen Vektor der die Nebenbedingung erfüllt und minimalen Abstand zu  $v^{\text{neu}}$  hat

In unserem Fall ist Projektion recht einfach:

- $v_1$ :  $v^{\text{neu}}$  wird einfach auf Länge 1 skaliert
- $v_k$ : von  $v^{\text{neu}}$  wird die Projektion auf  $V_k$  subtrahiert und das Resultat auf Länge 1 skaliert

Damit erhalten wir die Singulärwerte

```
gc.collect();

def mf(v):
    Xv = X.dot(v)
    return(-Xv.dot(Xv))

def mf1(v):
    Xv = X.dot(v)
    return(-2 * X.T.dot(Xv))

def GDp(w0, l1, pro, gamma = 1.0, nit = 10):
    w = w0.copy()
    w = pro(w)

ww = [w]
```

```
for k in range(nit):
       w = w - gamma * l1(w)
        w = pro(w)
        ww.append(w)
    return ww
m, n = X.shape
v0 = np.ones(n)
#pro1 = lambda w : w / np.linalg.norm(w ,2)
def pro1(w):
   normw = np.linalg.norm(w ,2)
   if normw > 1.0:
       w = w / normw
   return w
vv = GDp(v0, mf1, pro1)
v1 = vv[-1]
s1 = np.sqrt(-mf(vv[-1]))
u1 = X.dot(v1)/s1
#def pro2(w):
    ws = w - v1.dot(w) * v1
  return(ws / np.linalg.norm(ws ,2))
   ws = w - v1.dot(w) * v1
   normws = np.linalg.norm(ws ,2)
    if normws > 1.0:
       ws = ws / normws
   return ws
vv = GDp(v0, mf1, pro2)
v2 = vv[-1]
s2 = np.sqrt(-mf(vv[-1]))
u2 = X.dot(v2) / s2
(s1, s2)
```

(6492.194002211024, 198.0030562202398)

### Im Vergleich dazu betrachten wir die Werte von oben

Moviepy - Writing video \_\_temp\_\_.mp4

```
s[:2]
array([6492.19400221, 198.0855534])
```

## Die Werte sind nahezu identisch. Als Vordergrund-Video erhalten wir

```
Xk = np.c_[u1, u2] * np.array([s1, s2]) @ np.c_[v1, v2].T
Yk = X - Xk
vYk = m2v(Yk, hbt)
vYk.ipython_display()
Moviepy - Building video __temp__.mp4.
```

```
Moviepy - Done !
Moviepy - video ready __temp__.mp4

<moviepy.video.io.html_tools.HTML2 object>
```

#### 1.4.3 Singulärwertberechnung über Unterraum-Iteration

Die Singulärwerte von X sind die Wurzeln der Eigenwerte der semidefiniten Matrix  $A = X^T X$ . Ein einfaches Verfahren zur Berechnung des größten Eigenwerts von A ist die Vektoriteration

- wähle  $v^{(0)}$  mit  $||v^{(0)}||_2 = 1$ ,
- wiederhole für i = 0, 1, ...

$$w^{(i+1)} = Av^{(i)} = X^T X v^{(i)}$$
$$v^{(i+1)} = \frac{w^{(i+1)}}{\|w^{(i+1)}\|_2}$$
$$\lambda^{(i+1)} = (v^{(i)}, w^{(i+1)})_2$$

Unter einigen Voraussetzungen konvergiert  $\lambda^{(i)}$  gegen den größten Eigenwert von  $A = X^T X$  und  $v^{(i)}$  gegen den zugehörigen Eigenvektor  $v_1$ .

Mit der Vektoriteration können wir also  $\sigma_1$  und  $v_1$  bestimmen und wegen

$$Xv_1 = U\Sigma V^T v_1 = \sigma_1 u_1$$

auch  $u_1$ .

Um mehr als einen Eigenwert bzw. Eigenvektor zu berechnen, kann man die Vektoriteration einfach zu einer Unterraum-Iteration erweitern. Statt Vektoren  $v^{(i)}$  betrachtet man Matrizen

$$V^{(i)} = (v_1^{(i)}, \dots, v_k^{(i)})$$

und sorgt dafür, dass die Spalten orthonormal sind:

- wiederhole für i = 0, 1, ...

$$\tilde{U}^{(i+1)} = XV^{(i)}$$

$$W^{(i+1)} = AV^{(i)} = X^{T}\tilde{U}^{(i+1)}$$

$$Q^{(i+1)}R^{(i+1)} = W^{(i+1)}$$

$$V^{(i+1)} = Q^{(i+1)}$$

$$\Lambda^{(i+1)} = \operatorname{diag}(R^{(i+1)})$$

Unter geeigneten Voraussetzungen konvergiert -  $\Lambda^{(i)}$  gegen eine Diagonalmatrix, die (in absteigender Reihenfolge) die k größten Eigenwerte von  $A = X^T X$ , (also die Quadrate der k größten Singulärwerte von X) enthält

•  $V^{(i)}$  gegen eine Matrix  $V_k$ , deren orthonormale Spalten die zugehörigen Eigenvektoren (bzw. Singulärvektoren)  $v_j$ ,  $j = 1, \ldots, k$ , sind

Analog zur Vektoriteration erhalten wir daraus wegen

$$Xv_j = U\Sigma V^T v_j = \sigma_j u_j, \quad j = 1, \dots, k,$$

auch die zugehörigen linken Singulärvektoren  $U_k = (u_1, \dots, u_k)$ .

In unserem Fall ist

$$X \in \mathbb{R}^{m \times n}$$
,  $V^{(i)} \in \mathbb{R}^{n \times k}$ ,  $k \ll m$ 

und

$$U^{(i+1)} = XV^{(i)} \in \mathbb{R}^{m \times k},$$
  
$$W^{(i+1)} = X^T U^{(i+1)} \in \mathbb{R}^{n \times k}.$$

Der Aufwand für die beiden Matrix-Produkte zur Berechnung von  $U^{(i+1)}$  und  $W^{(i+1)}$  ist somit nicht sehr hoch. Das selbe gilt auch für die QR-Zerlegung  $Q^{(i+1)}R^{(i+1)} = W^{(i+1)}$ .

Wir wenden nun die Unterraum-Iteration auf unser Background-Removal-Problem an. Für  $V^{(0)}$  erzeugen wir eine zunächst eine zufällige  $m \times k$ -Matrix, deren Spalten wir dann orthonormalisieren.

Als Approximationen der Singulärwerte erhalten wir

```
def subspace(X, k = 5, nit = 10):
    m, n = X.shape
    # Startvektoren für V, orthonormal
    V,_ = np.linalg.qr(np.random.randn(n, k))
    for i in range(nit):
        U = X.dot(V)
W = X.T.dot(U)
        V,R = np.linalg.qr(W)
    d = np.diag(R)
    s = np.sqrt(np.abs(d))
    sneg = s.copy()
    sneg[d<0] = -sneg[d<0]
    U = U / sneg
    return U, s, V
\#k = 3
nit = 10
np.random.seed(17)
Uk, sk, Vk = subspace(X, k, nit)
sk
array([6492.19400221, 198.04867298, 163.03493323, 137.79295522,
```

Ein Vergleich mit den Ergebnissen der vollständigen SVD zeigt, das selbst mit wenigen Iterationen akzeptable Näherungen erzeugt werden.

```
s[:k]

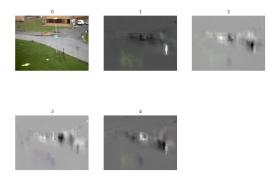
array([6492.19400221, 198.0855534 , 168.71892036, 154.61039747, 137.69877822])
```

Das gilt auch für die Singulärvektoren, wie der folgende Vergleich der  $u_k$  zeigt.

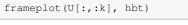
Die Singulärvektoren der Unterraum-Iteration

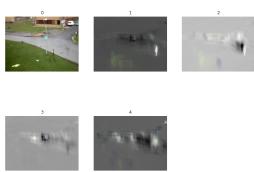
158.93329203])

```
frameplot(Uk[:,:k], hbt)
```



#### sind von denen der vollständigen SVD





visuell praktisch nicht zu unterscheiden.

**Bemerkung:** Für k = m und  $V^{(0)} = I$  ist die Unterraum-Iteration äquivalent zu einer QR-Iteration ohne Shift angewandt auf  $A = X^T X$ .

• aus der Iterationsvorschrift erhält man

$$V^{(i+1)}R^{(i+1)} = AV^{(i)},$$

wobei alle Matrizen quadratisch aus  $\mathbb{R}^{m \times m}$  sind

• da die  $V^{(i)}$  orthonormal sind gilt damit insbesondere

$$V^{(i)^{-1}} = V^{(i)^T}$$

• betrachten wir nun

$$A^{(i)} = V^{(i)}^T A V^{(i)}$$

dann gilt  $A^{(0)} = A$  und

$$A^{(i)} = \underbrace{V^{(i)}^{T} V^{(i+1)}}_{=:Q^{(i+1)}} R^{(i+1)}$$

bzw.

$$\begin{split} A^{(i+1)} &= {V^{(i+1)}}^T A V^{(i+1)} \\ &= {V^{(i+1)}}^T A V^{(i)} {V^{(i)}}^T V^{(i+1)} \\ &= {V^{(i+1)}}^T V^{(i+1)} R^{(i+1)} {V^{(i)}}^T V^{(i+1)} \\ &= R^{(i+1)} Q^{(i+1)}, \end{split}$$

insgesamt also

$$A^{(0)} = A,$$
  
 $A^{(i)} = Q^{(i+1)}R^{(i+1)},$   
 $A^{(i+1)} = R^{(i+1)}Q^{(i+1)}$ 

#### 1.5 Randomized SVD

Scikit Learn stellt eine Methode zur Berechnung der TSVD zur Verfügung.

```
del Xk, Yk, vYk
gc.collect()
from sklearn.decomposition import TruncatedSVD

doc = (TruncatedSVD.__doc__)
for d in doc.splitlines()[:30]:
    print(d)
```

Dimensionality reduction using truncated SVD (aka LSA).

This transformer performs linear dimensionality reduction by means of truncated singular value decomposition (SVD). Contrary to PCA, this estimator does not center the data before computing the singular value decomposition. This means it can work with sparse matrices efficiently.

In particular, truncated SVD works on term count/tf-idf matrices as returned by the vectorizers in :mod:`sklearn.feature\_extraction.text`. In that context, it is known as latent semantic analysis (LSA).

This estimator supports two algorithms: a fast randomized SVD solver, and a "naive" algorithm that uses ARPACK as an eigensolver on `X \* X.T` or `X.T \* X`, whichever is more efficient.

Read more in the :ref:`User Guide <LSA>`.

```
Parameters
-----
n_components: int, default=2
Desired dimensionality of output data.
Must be strictly less than the number of features.
The default value is useful for visualisation. For LSA, a value of 100 is recommended.

algorithm: {'arpack', 'randomized'}, default='randomized'
SVD solver to use. Either "arpack" for the ARPACK wrapper in SciPy (scipy.sparse.linalg.svds), or "randomized" for the randomized algorithm due to Halko (2009).
```

Über den Parameter algorithm kann man unterschiedliche Algorithmen auswählen.

## 1.5.1 ARPACK

Bei algorithm = 'arpack' benutzt Scikit Learn ARPACK, also die selbe Bibliothek die auch Scipy für dünn besetzte Matrizen einsetzt. Dementsprechend sind die Ergebnisse und die Laufzeiten vergleichbar.

#### 1.5.2 Randomized

Bei algorithm = 'randomized' erhalten wir folgende Resultate:

```
del Xk, Yk, vYk
gc.collect()

tsvd_rand = TruncatedSVD(n_components = k, algorithm = 'randomized')

#fit_transform(X) berechnet U_k * S_k, die V_k stehen in components_
%time Xk = tsvd_rand.fit_transform(X).dot(tsvd_rand.components_)

tsvd_rand.singular_values_

Yk = X - Xk
    vYk = m2v(Yk, hbt)
    vYk.ipython_display()

CPU times: user 25.4 s, sys: 383 ms, total: 25.8 s
Wall time: 4.13 s
Moviepy - Building video __temp__.mp4.
Moviepy - Writing video __temp__.mp4

Moviepy - Done !
Moviepy - Done !
Moviepy - video ready __temp__.mp4

<moviepy.video.io.html_tools.HTML2 object>
```

Die Ergebnisse sind von den oben fast nicht zu unterscheiden, die Laufzeit ist allerdings nochmal deutlich geringer.

Die Funktionsweise des Verfahrens soll anhand einer (sehr stark) vereinfachten Variante erklärt werden (**Gaussian Projection**). Um eine Approximation der ersten k Singulärwerte und -vektoren von  $X \in \mathbb{R}^{m \times n}$  zu berechnen, erzeugen wir eine zufällige Matrix

$$\Omega \in \mathbb{R}^{m \times (k+p)}, \quad \omega_{ij} \sim \mathcal{N}(0,1)$$
 iid

mit  $k + p \ll n$  und berechnen dann für die (sehr viel kleinere) Matrix

$$\tilde{X} = X\Omega \in \mathbb{R}^{m \times (k+p)}$$

die SVD mit einem Standardverfahren. Dies kann mehrfach wiederholt werden mit anschließender Mittelung der Ergebnisse. Vergleichen wir die erhaltenen Näherungen für die Singulärwerte

```
del Xk, Yk, vYk
gc.collect();
```

```
def GaussProjection(A, s = 1):
   m, n = A.shape
   Om = np.random.randn(n, s) / np.sqrt(s)
   C = A.dot(Om)
    return(C)
m, n = X.shape
kp = 4
nav = 10
Ukp = np.zeros((m, kp))
skp = np.zeros(kp)
for i in range(nav):
   Xkp = GaussProjection(X, kp)
   Ui, si, VTi = sp.linalg.svd(Xkp, full_matrices=False)
   Ukp += Ui
    skp += si
Ukp /= nav
skp /= nav
skp
```

array([7193.80590422, 447.86687315, 405.07333403, 360.15226648])

### mit denen von oben

```
s[:kp]
array([6492.19400221, 198.0855534 , 168.71892036, 154.61039747])
```

so fallen einige Abweichungen auf (die in Scikit Learn deutlich kleiner sind).

```
k = 2

Uk = Ukp[:,:k]

Xk = Uk.dot(Uk.T.dot(X))

Yk = X - Xk
```

Das damit erzeugte Video ist trotzdem durchaus brauchbar.

```
vYk = m2v(Yk, hbt)
vYk.ipython_display()

Moviepy - Building video __temp__.mp4.
Moviepy - Writing video __temp__.mp4

Moviepy - Done !
Moviepy - video ready __temp__.mp4
```

<moviepy.video.io.html\_tools.HTML2 object>

## 1.6 Zusammenfassung

Anhand des Background Removal bei Videos haben wir für die (T)SVD zahlreiche verschiedene numerische Algorithmen vorgestellt und bezüglich Performance miteinander verglichen:

- Standardverfahren (SciPy, LAPACK)
- Krylov-Raum-Methoden (ARPACK)
- Projected Gradient Descent
- Unterraum-Iteration
- Randomized (T)SVD (Scikit Learn, Gaussian Projection)