Documentación del predictor de mutaciones patológicas

Las secuencias van a ser sobre la proteína **Glycerol kinase.**

<https://www.uniprot.org/uniprot/P32189>

Para importar las secuencias al proyecto se utiliza la librería biopython

<http://biopython.org/DIST/docs/tutorial/Tutorial.html>

En la bbdd de uniprot encontramos 4 isoformas