인 공 지 능

[6. 비지도 학습]

소프트웨어융합대학 소프트웨어학부

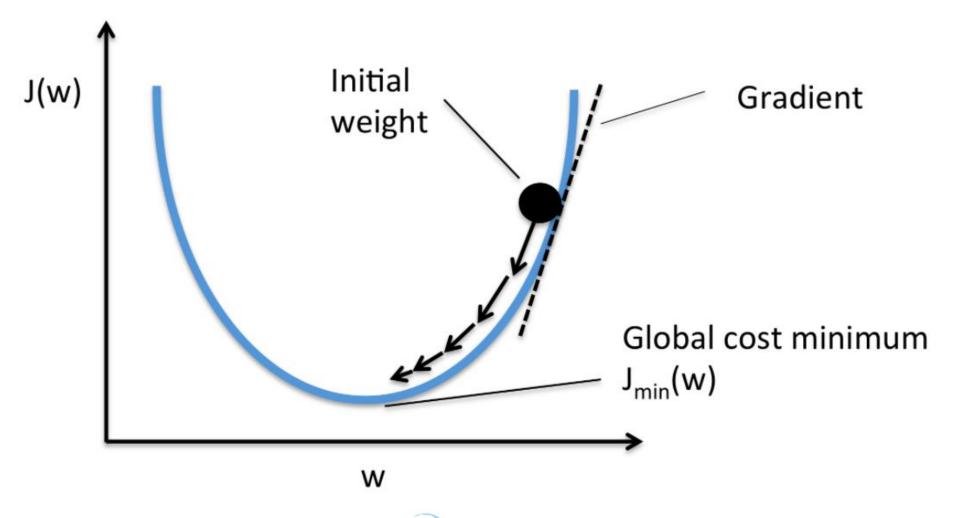
본 자료는 해당 수업의 교육 목적으로만 활용될 수 있음. 일부 내용은 다른 교재와 논문으로부터 인용되었으며, 모든 저작권은 원 교재와 논문에 있음.



지난 장에는 뭐했지?

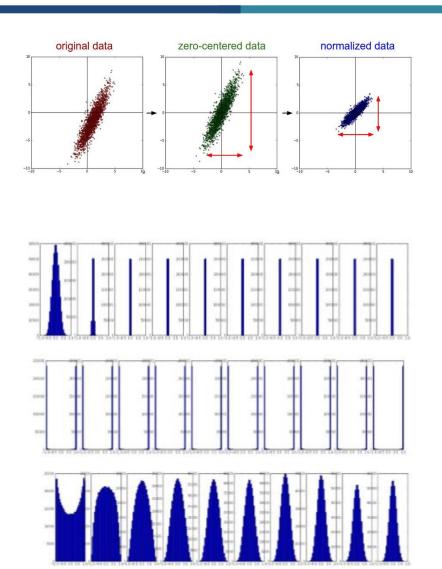


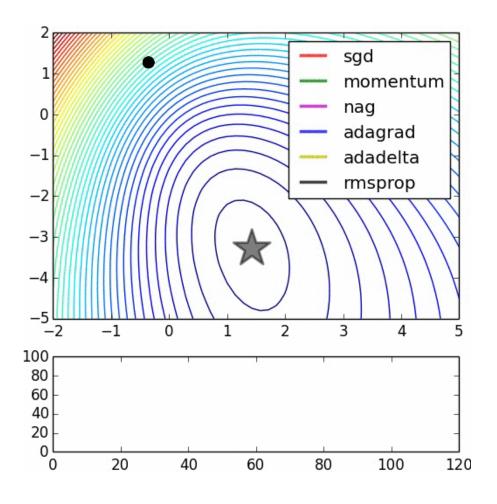
5.1. 목적함수





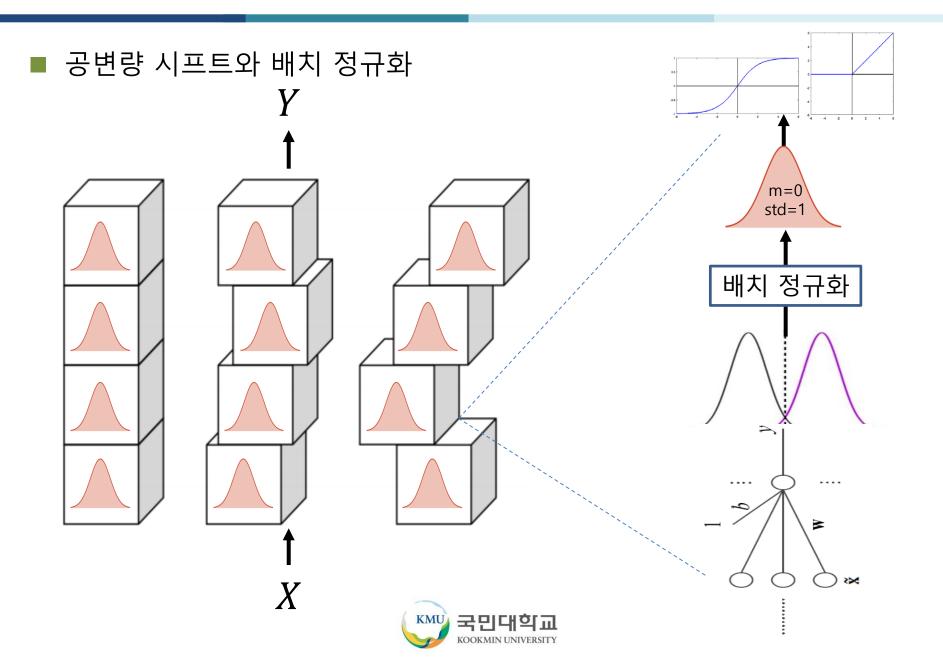
5.2. 성능 향상을 위한 조언







5.2. 성능 향상을 위한 조언



5.3. 5.4. 규제

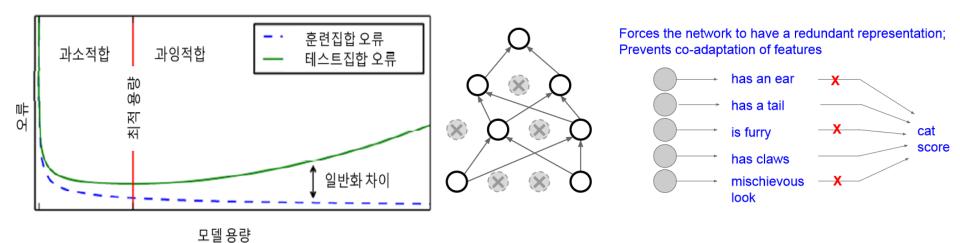
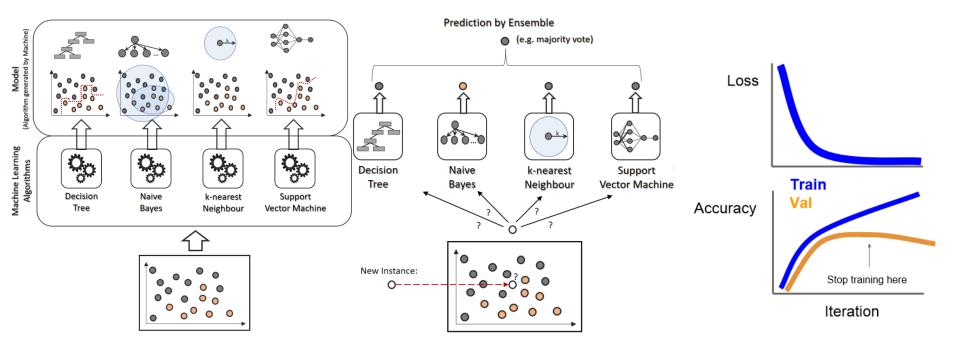


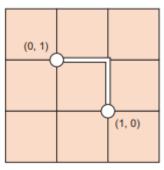
그림 5-18 학습 모델의 용량과 일반화 능력의 관계



5.3. 5.4. 규제

$$\underbrace{J_{regularized}(\mathbf{\Theta}; \mathbb{X}, \mathbb{Y})}_{\text{규제를 적용한 목적함수}} = \underbrace{J(\mathbf{\Theta}; \mathbb{X}, \mathbb{Y})}_{\text{목적함수}} + \lambda \underbrace{R(\mathbf{\Theta})}_{\text{규제 항}}$$

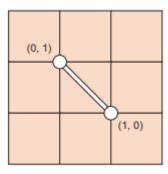
■ L1 (lasso) 놈



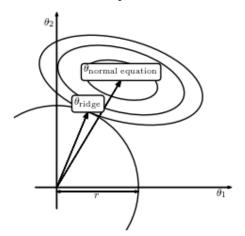
 θ_{1asso} θ_{1asso} θ_{1asso} θ_{1asso}

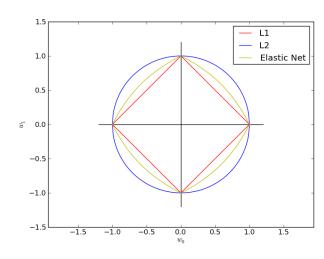
Regression with L2	Regresssion with L1
Not very robust	Robust
Stable solution	Unstable solution
Always one solution	Possibly multiple solutions
No feature selection	Built-in feature selection
Non-sparse outputs	Sparse outputs
Computational efficient due to having analytical solutions	Computational inefficient on non-sparse cases

■ L2 (ridge) 놈



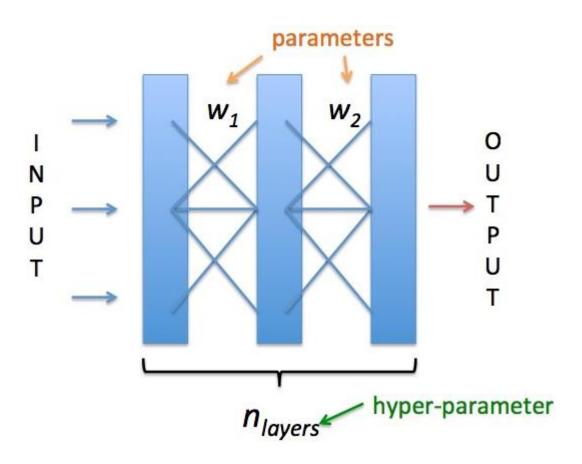
Elastic Net (L1+L2)







5.5. 하이퍼 매개변수 최적화



Coarse to fine search

val acc:	0.412000,	tri	1.405206e-84,	reg:	4.793564e-01,	(1/	100)
val acc:	0.214000,	lr:	7.231888e-96,	reg:	2.321281e-04,	(2/	100)
val acc:	0.208000,	tr:	2.119571e-86,	reg:	8.011857e+01,	(3 /	100)
val acc:	0.196000,	tr:	1.551131e-05,	reg:	4.374936e-05,	(4/	100)
val acc:	0.079000,	lr:	1.753300e-05,	reg:	1.200424c+03,	(5 /	100)
val acc:	0.223000,	tr:	4.215128e-05,	reg:	4.196174e+01.	(6/	100)
val acc:	0.441000,	lr:	1.750259e-04,	reg:	2.110897e-04,	(7/	100)
val acc:	0.241000,	lr:	6.749231e-05,	reg:	4.226413e+01,	(8 /	100)
val acc:	0.482000,	lri	4.296863c-84,	reg:	6.642555e-01,	(9 /	100)
VAL acc:	0.079000,	Lr:	5.401602e-86,	reg:	1.599828e+04,	(10	100
wat acc-	0.154000	200	1 610508e-06	CHO!	4 925252e-61	(11	/ 1001

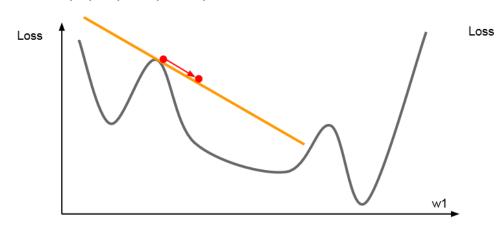
val acc:	9.527098,	ln	5.340517e-04,	reg:	4.097824e-01,	(0 / 100)
ABT SCC:	9,492000,	Lf:	2.279484e-04,	reg:	9.991345e-84,	(1 / 100)
val acc:	0.512000,	Ir:	8.680827e-04,	reg:	1.349727e-02,	(2 / 100)
val. acc:	8.461698,	lr:	1.828377e-64,	reg:	1.220193e-02,	(3 / 100)
val acc:	8.458008,	lr:	1.113730e-04,	reg:	5.244389e-82.	(4 / 100)
val acc:	0.498000.	tro	9.477776e-04,	reg:	2.001293e-03,	(5 / 100)
val acc:	8.469008.	1ri	1.484369e-64,	reg:	4.328313e-81,	(6 / 100)
val acc:	8.322008,	lr:	5.586261e-64,	reg:	2.312685e-84,	(7 / 100)
val acc:	0.538000	tro	5.808183e-04,	req:	8.259964e-02.	(8 / 100)
val acc:	8.489000,	lr:	1.979168e-04,	req:	1.010889e-04,	(9 / 100)
			2.836931e-94,			
val acc:	0.475000.	lr:	2.021162e-04,	reg:	2.287987e-01,	(11 / 100)
val acc:	9.460000,	lr:	1.135527e-04,	reg:	3.985040e-82.	(12 / 100)
val acc:	8.515008.	Iri	6.947668c-64,	reg:	1.562888e-82.	(13 / 108)
val acc:	9.531000,	lr:	9.471549e-04,	reg:	1.433895e-83,	(14 / 198)
val acc:	0.509000,	lr:	3.140888e-04,	reg:	2.857518e-01,	(15 / 100)
val acc:	8.514008,	lr:	6.438349e-64,	reg:	3.033781e-61,	(16 / 100)
val acc:	8.582008,	lri	3.921784e-04,	reg:	2.797126e-84,	(17 / 198)
val acc:	0.509000,	tri	9.752279e-04.	reg:	2.850865e-03,	(18 / 100)
			2.412048e-04,			
			1.319314e-84,			
					1.528291e-02.	



5.6. 경사 하강법 보완 기법

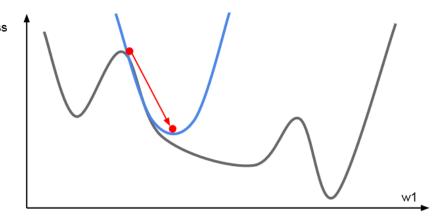
1차 미분의 최적화

- 그레이디언트 사용하여 선형 근사 사용
- 이차 최소화 근사



2차 미분의 최적화

- 그레이디언트와 헤시안을 사용하여 2차 근사 사용
- 이차 최소값 근사





오늘 수업에는 뭐하지?



PREVIEW

- 지도 학습과 비지도 학습
 - 지금까지는 훈련집합으로 ※와 ※가 주어지는 지도 학습supervised learning
 - 6장은 XV만 주어지는 비지도 학습unsupervised learning
- 다양한 응용
 - 맞춤 광고, 차원 축소, 데이터 압축, 데이터 가시화, 특징 추출, 생성 모델 구축 등
- 현대 기계 학습에서 더욱 중요해짐



각 절에서 다루는 내용

- 6.1절 비지도 학습을 지도 학습, 준지도 학습과 비교한다.
- 6.2절_ 비지도 학습의 일반 연산으로 군집화, 밀도 추정, 공간 변환을 소개한다.
- 6.3절 군집화 알고리즘으로 k-평균과 친밀도 전파 알고리즘을 설명한다.
- 6.4절_ 밀도 추정 방법으로 커널 밀도 추정과 가우시안 혼합을 설명한다.
- 6.5절_ 기계 학습에서 공간 변환의 중요성을 강조한다.
- 6.6절 선형 인자 모델로서 PCA, ICA, 희소 코딩을 소개한다.
- 6.7절 오토인코더를 소개하고 규제 오토인코더로서 SAE, DAE, CAE를 설명한다.
- 6.8절 매니폴드 개념을 소개하고 IsoMap, LLE, t-SNE라는 매니폴드 학습 기법을 설명한다.



6.1 지도 학습과 비지도 학습, 준지도 학습

- 세 가지 유형의 학습
 - <mark>지도 학습</mark>supervised learning: 모든 훈련 샘플이 레이블 정보를 가짐
 - 비지도 학습unsupervised learning: 모든 훈련 샘플이 레이블 정보를 가지지 않음 ← 6장의 주제
 - 준지도 학습semi-supervised learning: 레이블을 가진 샘플과 가지지 않은 샘플이 섞여 있음 ← 7장의 주제

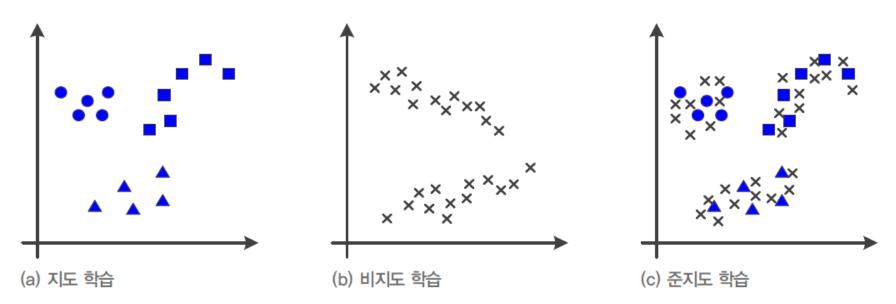


그림 6-1 기계 학습의 유형(속이 찬 샘플은 레이블이 있고, x 표시된 샘플은 레이블이 없음)



6.1 지도 학습과 비지도 학습, 준지도 학습

- 기계 학습이 사용하는 두 종류의 지식
 - 훈련집합을 통한 전체 데이터에 대한 지식
 - 사전 지식prior knowledge (세상의 일반적인 규칙)
- 중요한 두 가지 사전 지식prior beliefs
 - 매니폴드 가정 manifold hypothesis: 데이터집합은 하나의 매니폴드 또는 여러 개의 매니폴드를 구성하며, 모든 샘플은 매니폴드와 가까운 곳에 있다. 매니폴드와 매니폴드 가정은 6.8.1절에서 자세히 설명한다.
 - 매끄러움 가정 moothness hypothesis: 샘플은 어떤 요인에 의해 변화한다. 예를 들어, 장면과 카메라 위치를 고 (=local constancy prior) 정한 상태에서 조명을 조금씩 변화하면서 영상을 획득한 경우, 획득된 영상 샘플은 특징 공간에서 위치가 조금씩 바뀔 것이다. 이때 [그림 6-1(b)]와 같이 매끄러운 곡면을 따라 위치가 변한다.
- 비지도 학습과 준지도 학습은 사전 지식을 더 명시적으로 사용
 - 매니폴드와 매끄러움 사전 지식에 의해

우리가 학습하는 함수는 작은 영역 내에서는 많이 변하지 않음을 가정함

$$f(x) \approx f(x + \epsilon)$$
, ϵ : 작은 변화

• 예로 좋은 입력들의 경우, 정답이 같으면 유사한 입력 특징 공간에 존재할 확률이 높음



6.2 비지도 학습

- 6.2.1 비지도 학습의 일반 과업
- 6.2.2 비지도 학습의 응용 과업



6.2.1 비지도 학습의 일반 과업

- 세 가지 일반 과업
 - 군집화clustering: 유사한 샘플을 모아 같은 그룹으로 묶는 일
 - 밀도 추정density (probability mass function) estimation: 데이터로부터 확률분포를 추정하는 일
 - 공간 변환space transformation: 원래 특징 공간을 저차원 또는 고차원 공간으로 변환하는 일
- 데이터에 내재한 구조를 잘 파악하여 새로운 정보를 발견해야 함

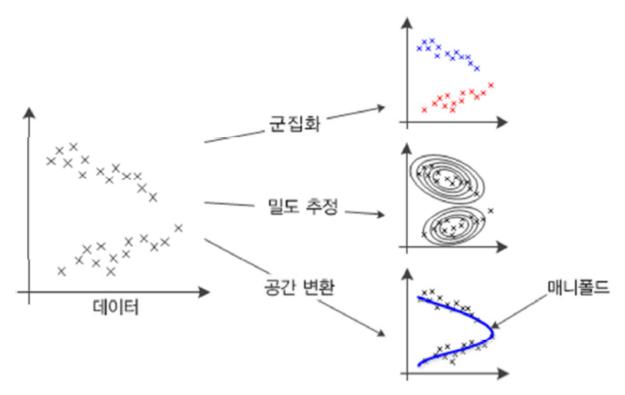


그림 6-2 비지도 학습의 군집화, 밀도 추정, 공간 변환 과업이 발견하는 정보

6.2.2 비지도 학습의 응용 과업

- 아주 많은 응용 (서로 밀접하게 관련됨)
 - 군집화의 응용
 - 영상 분할
 - 유전자 데이터 분석
 - 맞춤 광고, SNS 실시간 검색어 분석을 통해 사람들의 관심 파악하여 제안

- 밀도 추정의 응용
 - 분류, 생성 모델 구축 등

- 공간 변환의 응용
 - 데이터 가시화, 데이터 압축, 특징 추출 (표현 학습) 등



- 6.3.1 *k*-평균 알고리즘
- 6.3.2 친밀도 전파 알고리즘



- 군집화 문제
 - $\mathbb{X} = \{\mathbf{x}_1, \mathbf{x}_2, \dots, \mathbf{x}_n\}$ 에서 식 (6.1)을 만족하는

군집cluster or group 집합 $C = \{c_1, c_2, \dots, c_k\}$ 를 찾아내는 작업

$$c_{i} \neq \emptyset, i = 1, 2, \dots, k$$

$$\bigcup_{i=1}^{k} c_{i} = \mathbb{X}$$

$$c_{i} \cap c_{j} = \emptyset, i \neq j$$

$$(6.1)$$

- 군집의 개수 k는 주어지는 경우와 자동으로 찾아야 하는 경우가 있음
- 군집화를 부류 발견 작업이라 부르기도 함
- 군집화의 주관성: 군집의 개수, 최적의 거리 측정 방식을 설정해야 함

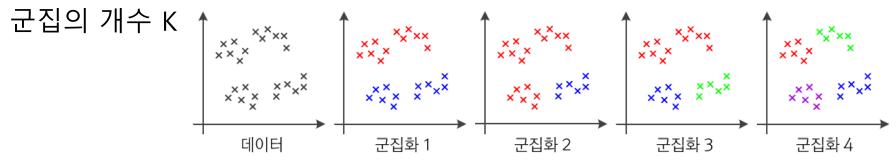
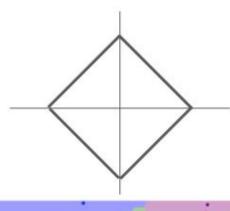


그림 6-3 군집화의 주관성



- 거리 측정법distance metric
 - L1 (Manhattan) distance

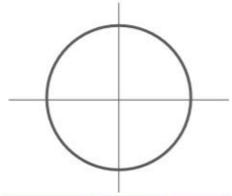
$$d_1(I_1,I_2) = \sum_p |I_1^p - I_2^p|$$

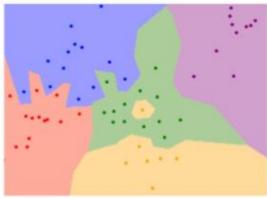




L2 (Euclidean) distance

$$d_2(I_1,I_2)=\sqrt{\sum_pig(I_1^p-I_2^pig)^2}$$

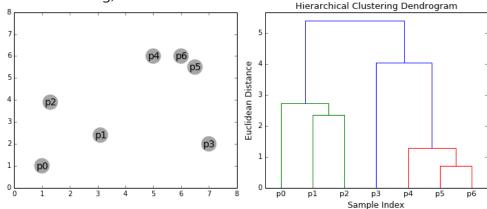






■ 분류

- 연결 기준 군집화connectivity-based clustering (hierarchical clustering)
 - 예) single-linkage clustering



- 중심 기준 군집화centroid-based clustering
 - 예) k-means clustering
- 분포 기준 군집화distribution-based clustering
 - 예) gaussian mixture model clustering

- 밀도 기준 군집화density-based clustering
 - 예) DBSCAN



- k-평균 군집화k-mean clustering 알고리즘의 특성
 - 원리 단순하지만 성능이 좋아 인기 좋음
 - 직관적으로 이해하기 쉽고 구현 쉬움
 - 군집 개수 *k*, 거리측정 방법을 설정해야 함

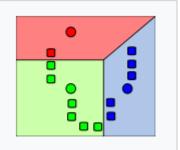
알고리즘 6-1 k-평균

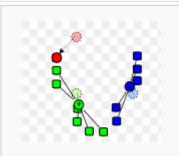
입력: 훈련집합 $\mathbb{X} = \{\mathbf{x}_1, \mathbf{x}_2, \cdots, \mathbf{x}_n\}$, 군집의 개수 k

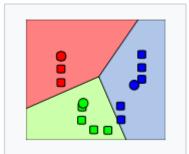
출력: 군집집합 $C = \{c_1, c_2, \dots, c_k\}$

- 1 k개의 군집 중심 $Z = \{\mathbf{z}_1, \mathbf{z}_2, \dots, \mathbf{z}_k\}$ 를 초기화한다.
- 2 | while (true)
- 3 for (i=1 to n)
- \mathbf{x}_i 를 가장 가까운 군집 중심에 배정한다.
- 5 if (라인 3~4에서 이루어진 배정이 이전 루프에서의 배정과 같으면) break
- 6 for (j=1 to k)
 - \mathbf{z}_i 에 배정된 샘플의 평균으로 \mathbf{z}_i 를 대치한다.
- 8 for (j=1 to k)
 - \mathbf{z}_{j} 에 배정된 샘플을 c_{j} 에 대입한다.



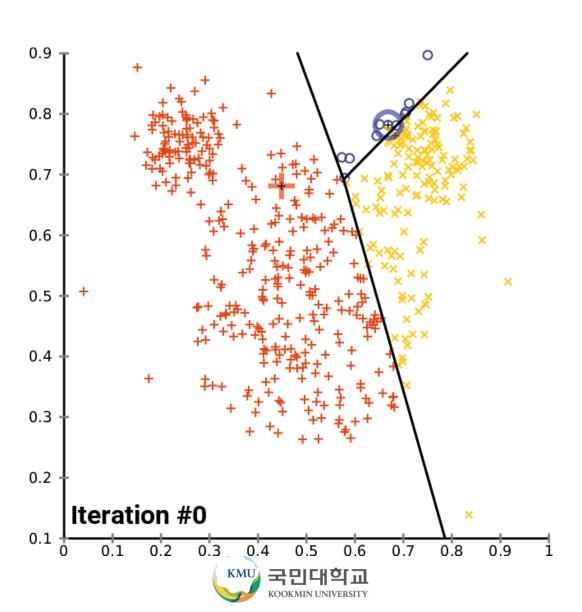








■ 동작 예제



- *k*-평균과 *k*-중앙객체^{medoids} 군집
 - K-평균은 [알고리즘 6-1]의 라인 7에서 샘플의 평균으로 군집 중심을 갱신 (잡음에 민감)
 - K-중앙객체는 실제 존재하는 객체들 중 하나를 뽑아 대표 객체로 선정하고
 이 객체를 중심으로 군집 중심을 갱신 (k-평균에 비해 잡음에 둔감)
 - 중앙객체medoids: 객체 집합에서 수학적으로 대표적인 객체



○ k-평균에 의한 새로운 군집 중심

○ k-medoids에 의한 새로운 군집 중심

그림 6-4 k-평균과 k-medoids가 군집 중심을 갱신하는 과정

- 최적화 문제로 해석
 - *k*-평균은 식 (6.2)의 목적함수를 최소화하는 알고리즘
 - 행렬 A는 군집 배정 정보를 나타내는 k*n 행렬 (i번째 샘플이 j번째 군집에 배정되었다면 a_{ji} 는 1, 그렇지 않으면 0)

$$J(Z, \mathbf{A}) = \sum_{i=1}^{n} \sum_{j=1}^{n} a_{ji} dist(\mathbf{x}_i, \mathbf{z}_j)$$
(6.2)



예제 6-1

k-평균의 동작

[그림 6-5]는 훈련집합이 7개의 샘플을 가진 n=7인 예를 보여 준다. 좌표는 다음과 같다.

$$\mathbf{x}_1 = \begin{pmatrix} 18 \\ 5 \end{pmatrix}, \ \mathbf{x}_2 = \begin{pmatrix} 20 \\ 9 \end{pmatrix}, \ \mathbf{x}_3 = \begin{pmatrix} 20 \\ 14 \end{pmatrix}, \ \mathbf{x}_4 = \begin{pmatrix} 20 \\ 17 \end{pmatrix}, \ \mathbf{x}_5 = \begin{pmatrix} 5 \\ 15 \end{pmatrix}, \ \mathbf{x}_6 = \begin{pmatrix} 9 \\ 15 \end{pmatrix}, \ \mathbf{x}_7 = \begin{pmatrix} 6 \\ 20 \end{pmatrix}$$

군집의 개수 k=3이라 하자. 맨 왼쪽 그림은 초기 군집 중심을 보여 준다. [알고리즘 6-1]의 라인 $3\sim4$ 는 7개 샘플을 아래와 같이 배정할 것이다.

$$\{\mathbf{x}_1\} \stackrel{\diamond}{\leftarrow} \mathbf{z}_1, \ \{\mathbf{x}_2\} \stackrel{\diamond}{\leftarrow} \mathbf{z}_2, \ \{\mathbf{x}_3, \mathbf{x}_4, \mathbf{x}_5, \mathbf{x}_6, \mathbf{x}_7\} \stackrel{\diamond}{\leftarrow} \mathbf{z}_3$$

이 배정을 행렬 A로 표현하면 다음과 같다.

$$\mathbf{A} = \begin{pmatrix} 1 & 0 & 0 & 0 & 0 & 0 & 0 \\ 0 & 1 & 0 & 0 & 0 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & 1 & 1 & 1 & 1 & 1 \end{pmatrix}$$



[그림 6-5]의 가운데 그림은 새로 계산한 군집 중심이다. $\mathbf{z}_1 = (18,5)^{\mathrm{T}}, \mathbf{z}_2 = (20,9)^{\mathrm{T}}, \mathbf{z}_3 = (12,16.2)^{\mathrm{T}}$ 이고, 식 (6.2)에 대입하면 J = 244.80 된다. 이때 거리함수 dist로 식 (1.7)의 유클리디언 거리를 사용한다.

두 번째 루프를 실행하면 행렬 **A**는 아래와 같이 바뀐다. 군집 중심은 $\mathbf{z}_1 = (18,5)^{\mathrm{T}}$, $\mathbf{z}_2 = (20,13.333)^{\mathrm{T}}$, $\mathbf{z}_3 = (6.667,16.667)^{\mathrm{T}}$ 이다. 이것을 식 (6.2)에 대입하면 J=58.0이 된다. [그림 6-5]의 맨 오른쪽 그림은 두 번째 루프수행 후의 상황이다.

$$\mathbf{A} = \begin{pmatrix} 1 & 0 & 0 & 0 & 0 & 0 & 0 \\ 0 & 1 & 1 & 1 & 0 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & 0 & 0 & 1 & 1 & 1 \end{pmatrix}$$

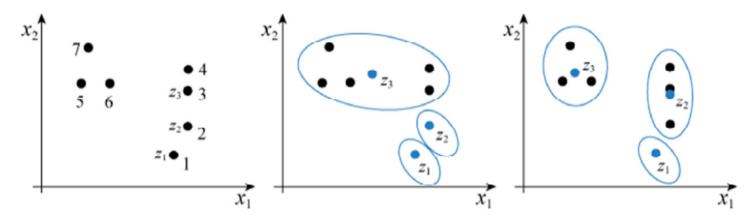


그림 6-5 k-평균의 동작 예제

- 다중 시작 *k*-평균
 - k-평균은 [알고리즘 6-1]의 라인 1에서 초기 군집 중심이 달라지면 최종 결과가 달라짐
 - 다중 시작은 서로 다른 초기 군집 중심을 가지고 여러 번 수행한 다음,

가장 좋은 품질의 해를 취함

알고리즘 6-2 다중 시작 k-평균

입력: 훈련집합 $\mathbb{X} = \{\mathbf{x}_1, \mathbf{x}_2, \cdots, \mathbf{x}_n\}$, 군집의 개수 k, 다중 시작 횟수 t

출력: 군집집합 $C = \{c_1, c_2, \dots, c_k\}$

- 1 for (i=1 to t)
- 2 X에서 임의로 *k*개 샘플을 뽑는다.
- 3 라인 2에서 뽑은 샘플을 초기 군집 중심으로 삼고 $_{\prime}$ [알고리즘 6-1]의 k-평균을 수행한다.
 - k-평균이 출력한 해를 가지고 식 (6.2)의 목적함숫값을 계산한다.
- 5 |*t*개의 해 중 목적함숫값이 가장 작은 해를 최종해로 취한다.



- EM (expectation maximization) 기초
 - k-평균에서 훈련집합 \mathbb{X} 와 군집집합 C (행렬 A)는 각각 입력단과 출력단에서 관찰 가능
 - 중간 단계의 임시 변수 Z (입출력단에서 보이지 않기 때문에 은닉변수latent variable라 부름)
 - ▶ k-평균의 할당assignment과 갱신update 과정은
 Z의 추정 (E 단계)과 A의 추정 (M 단계)을 번갈아 가면 수행하는 EM 알고리즘과 유사

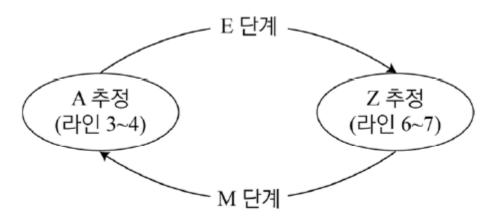


그림 6-6 k-평균을 EM 알고리즘으로 해석



- 친밀도 전파affinity propagation 알고리즘
 - 데이터들간의 신호 전달message passing 개념을 사용하여

모든 데이터가 친밀도 기준에 따라 자신을 대표할 중심 데이터를 선택하고 군집화 함

- 책임responsibility 행렬 R과 가용availability 행렬 A라는 두 종류의 친밀도 행렬을 이용하여 군집화
 - r_{ik} : 데이터 x_k 가 데이터 x_i 의 대표가 되어야 한다는 책임의 근거
 - a_{ik} : 데이터 x_i 가 데이터 x_k 를 대표로 선택될 가능성의 근거
- <mark>군집 개수 k를 자동으로 추정</mark>하여 알아냄 (k-평균 군집의 단점 해소)
- 샘플 i와 k의 유사도 s_{ik} $s_{ik} = -\|\mathbf{x}_i - \mathbf{x}_k\|_2^2, \qquad i \neq k$ 이고 $i, k = 1, 2, \cdots, n$ (6.3)
 - 유사도를 이용하여 책임 행렬과 가용 행렬을 계산
 - 유클리디언 거리의 제곱에 음수
 - 가까울수록, 즉 유사할수록 큰 값을 가짐



■ 책임 행렬 R과 가용 행렬 A의 계산

그림 6-7 친밀도 계산 과정



- \blacksquare 자가 유사도 S_{kk}
 - 유사도의 최솟값, 중앙값^{median}, 최댓값 중에서 선택 (하이퍼 매개변수임)
 - 최솟값은 적은 수의 군집, 최댓값은 많은 수의 군집을 생성. 중앙값은 중간 정도
- 자가 친밀도 r_{kk} 와 a_{kk}
 - r_{kk} 는 식 (6.4)를 그대로 사용. 즉 $r_{kk} = s_{kk} \max_{k' \neq k} (a_{kk'} + s_{kk'})$
 - a_{kk} 는 식 (6.6)으로 계산

$$a_{kk} = \sum_{i' \neq k} \max(0, r_{i'k}) \tag{6.6}$$



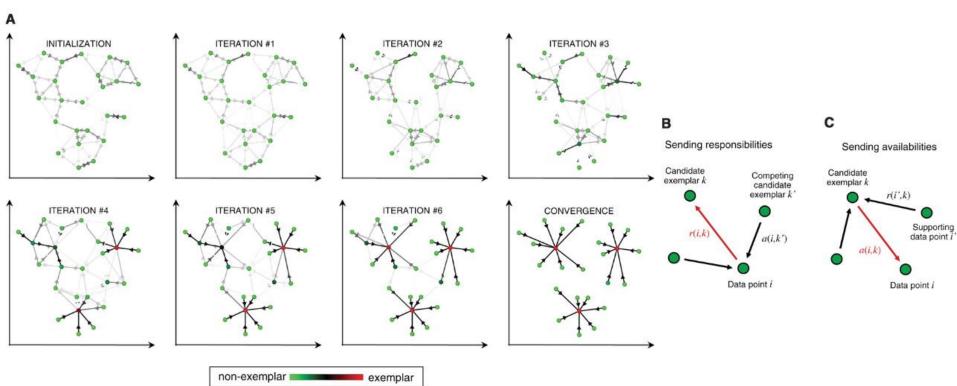
알고리즘 6-3 친밀도 전파 군집화

```
출력: 군집 정보 \mathbf{z} = (z_1, z_2, \dots, z_n)^{\mathrm{T}}
    for (모든 샘플 쌍 i와 k에 대해) if (i \neq k) s_{ik} = -\|\mathbf{x}_i - \mathbf{x}_k\|_2^2 // 싴(6.3)
2 for (k = 1 \text{ to } n) s_{kk}=선택 사항에 따라 라인 1의 유사도의 최솟값, 중앙값, 또는 최댓값
   for (모든 샘플 쌍 i와 k에 대해) a_{ik}^0 = 0, r_{ik}^0 = 0
4
    t = 0
    repeat
6
       t++
      for (모든 샘플 쌍 <math>i와 k에 대해)
7
          r_{ik}^t = s_{ik} - \max_{k' \neq k} (a_{ik'}^t + s_{ik'})
8
                                                                                 // 식(6.4)
          r_{ik}^{t} = \lambda r_{ik}^{t} + (1 - \lambda) r_{ik}^{t-1}
9
      for (모든 샘플 쌍 i와 k에 대해)
10
           if (i \neq k) a_{ik}^t = \min(0, r_{kk}^t + \sum_{i' \neq i,k} \max(0, r_{i'k}^t))
                                                                                // 식(6.5)
11
           else a_{kk}^t = \sum_{i'\neq k} \max(0, r_{i'k}^t)
12
                                                                                 // 식(6.6)
13
          a_{ik}^t = \lambda a_{ik}^t + (1 - \lambda) a_{ik}^{t-1}
                                       // 라인 9과13은
    until (멈춤 조건)
                                                   진자 현상을 방지하기 위해 감폭 인자damping factor 적용
    for (i = 1 \text{ to } n)
15
         \hat{k} = \operatorname{argmax}_{k=1} n(a_{ik}^t + r_{ik}^t)
16
       if (\hat{k} = i) z_i = i // 이 샘플은 군집 중심임
17
                                                                // 자신의 자가 친밀도가 최고이면 군집 대표
        else z_i = \hat{k} // 이 샘플은 \hat{k} 군집 중심에 속함
18
```

입력: 훈련집합 $\mathbb{X} = \{\mathbf{x}_1, \mathbf{x}_2, \cdots, \mathbf{x}_n\}$. 군집 개수 선택사항 $\in \{$ 최솟값,메디안,최댓값 $\}$. 댐핑 인자 λ



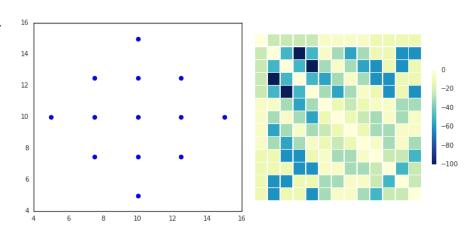
■ 알고리즘 세부 과정



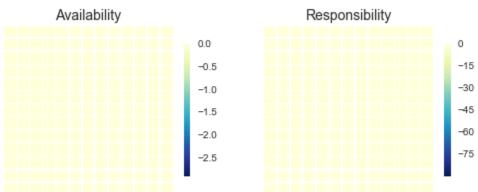
- (B) "책임" r(i, k): 데이터 포인트 → 후보 표본 각 데이터 포인트가 다른 후보 표본보다 후보 표본를 선호하는 정도
- (C) "가용도" a(i, k): 후보 표본 → 데이터 포인트 각 후보 표본이 데이터 포인트의 군집 중심으로 사용될 수 있는 정도



말고리즘 동작 유사도 계산



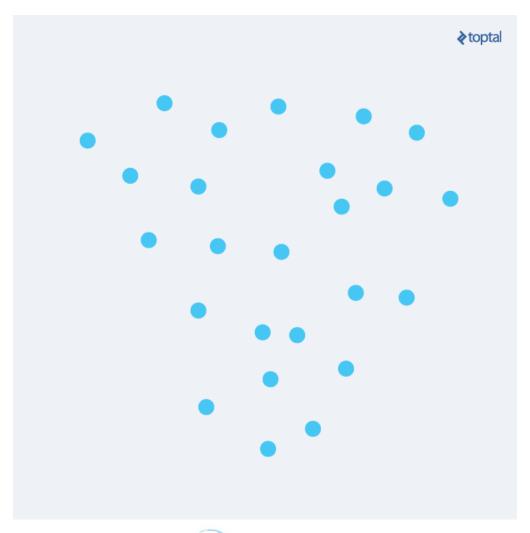
대표 추출 = 책임+가용 > 0







■ 동작 예제





6.4 밀도 추정

- 6.4.1 커널 밀도 추정
- 6.4.2 가우시안 혼합
- 6.4.3 EM 알고리즘
- 밀도 추정 문제
 - <mark>모수적parametric 추정</mark>: 정해진 확률 밀도 함수로 추정 (=몇 개의 매개변수로 확률 분포 정의)
 - 비모수적nonparametric 추정: 관측치만으로 데이터의 분포를 추정^x2↑
 - 어떤 점 x에서 데이터가 발생할 확률,
 즉 확률분포 P(x)를 구하는 문제
 - 예를 들어, 그림 6-8에서 $P(\mathbf{x}_1) > P(\mathbf{x}_2) > P(\mathbf{x}_3)$

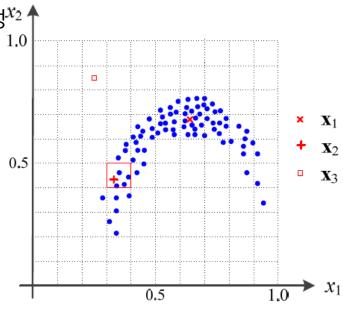




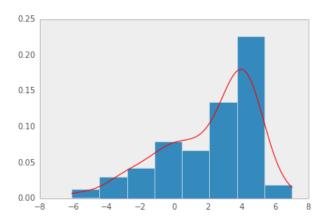
그림 6-8 밀도 추정 문제

■ 히스토그램histogram 추정법

- 특징 공간을 칸bin의 집합으로 분할한 다음, 칸에 있는 샘플의 빈도를 세어 식 (6.7)로 추정
- $P(\mathbf{x} = +) = \frac{4}{80} = 0.05$

$$P(\mathbf{x}) = \frac{bin(\mathbf{x})}{n} \tag{6.7}$$

- 여러 문제점
 - 매끄럽지 못하고 (경계에서의 불연속성) 계단 모양을 띠는 확률밀도함수가 됨
 - 칸의 크기와 위치에 민감함





- 커널 밀도 추정법kernel density estimation method (비모수 방법)
 - 커널함수를 이용한 확률 밀도 함수를 만들어 히스토그램 추정의 단점을 개선
 - 커널kernel (=알맹이): 원점 대칭이면서 1인 적분값을 가지는 함수로 정의
 - 점 x에 [그림 6-9]가 예시하는 커널을 씌우고 커널 안에 있는 샘플의 가중합을 이용함
 - 대역폭bandwidth h의 크기가 중요

$$P_{h}(\mathbf{x}) = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} K_{h}(\mathbf{x} - \mathbf{x}_{i}) = \frac{1}{nh^{d}} \sum_{i=1}^{n} K\left(\frac{\mathbf{x} - \mathbf{x}_{i}}{h}\right)$$

$$\Rightarrow |\mathcal{T}| |\mathcal{K}| \quad K_{h}(\mathbf{x}) = \frac{1}{h^{d}} K\left(\frac{\mathbf{x}}{h}\right)$$

$$-K(\mathbf{x})$$

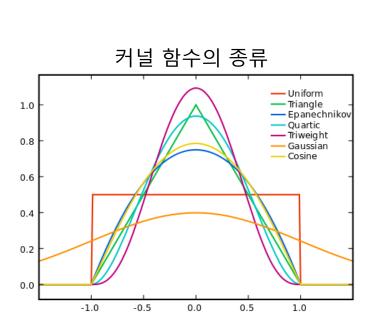
$$-K_{h}(\mathbf{x})$$

$$1/h$$

$$-0.5 \quad 0.0 \quad 0.5$$

그림 6-9 표준커널함수 K와 크기 변환된 커널함수 K_h





(6.8)

- 히스토그램 방법과 커널 밀도 추정법의 비교
 - 관측된 샘플마다 해당 값을 중심으로 하는 커널 함수 생성 $K_h(x-x_i)$
 - 얻어진 커널 함수의 결과를 더하여 전체 개수로 나눔
 - → 커널 밀도 추정법은 매끄러운 확률밀도함수를 추정함

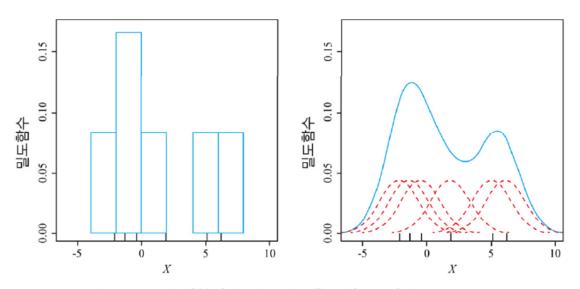
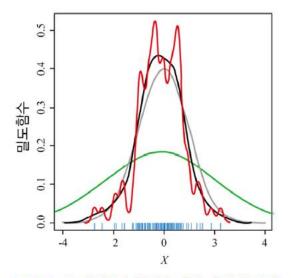


그림 6-10 히스토그램 방법(왼쪽)과 커널 밀도 추정법(오른쪽)의 비교



- 커널 밀도 추정법에서 대역폭 *h*의 중요성
 - h가 너무 작으면 (빨강) 뾰족뾰족한 모양, h가 너무 크면 (녹색) 뭉개짐,

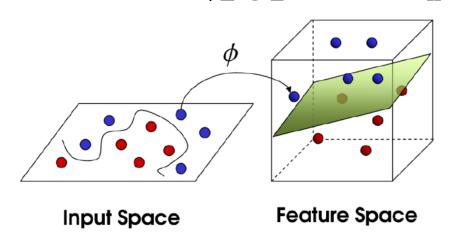


적절하게 설정해야 함 (검정)

그림 6-11 대역폭이 확률밀도함수 추정에 미치는 영향

- 커널 밀도 추정 기법의 근본적 문제점
 - 샘플을 모두 저장하고 있어야 하는 메모리 기반 방법
 (새로운 샘플이 주어질 때마다 식 (6.8)을 처음부터 다시 계산)
 - 데이터 희소성 (차원의 저주)
 - → 데이터가 낮은 차원인 경우로 국한하여 활용

- (참고) 커널 함수kernel function
 - 커널 밀도 추정법의 예와 같이 확률 밀도 추정에서 활용
 - 차원 변환에서도 활용
 - 원공간input space에서 선형 분리가 안되는 데이터들을 공간 변형을 통해 고차원 공간feature space으로 옮기고 선형 분리되도록 함



- → 커널 대치kernel trick
- 서포트벡터머신support vector machine (SVM)에서 활용됨
- 실제 데이이터를 새로운 공간으로 변형하지 않고 변형된 공간의 데이터간의 거리를 구함
- 예) 다항식 커널, 가우시안 커널gaussian kernel 혹은 radial basis function



6.4.2 가우시안 혼합

- 가우시안gaussian을 이용한 방법 (모수적 방법)
 - 데이터가 가우시안 분포를 따른다고 가정하고 평균 벡터 μ와 공분산 행렬 Σ를 추정함

$$P(\mathbf{x}) = N(\mathbf{x}; \boldsymbol{\mu}, \boldsymbol{\Sigma}) = \frac{1}{\sqrt{|\boldsymbol{\Sigma}|} \sqrt{(2\pi)^d}} \exp\left(-\frac{1}{2}(\mathbf{x} - \boldsymbol{\mu})^T \boldsymbol{\Sigma}^{-1} (\mathbf{x} - \boldsymbol{\mu})\right)$$

$$|\mathbf{x}| \boldsymbol{\mu} = \frac{1}{n} \sum_{i=1,n} \mathbf{x}_i, \boldsymbol{\Sigma} = \frac{1}{n} \sum_{i=1,n} (\mathbf{x}_i - \boldsymbol{\mu}) (\mathbf{x}_i - \boldsymbol{\mu})^T$$
(6.9)

■ 대부분 데이터가 하나의 가우시안으로 불충분 ([그림 6-12]의 오른쪽)

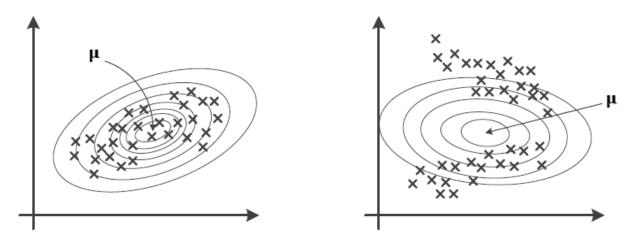
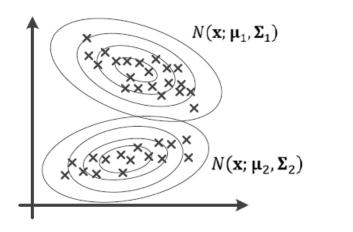


그림 6-12 하나의 가우시안으로 밀도 추정



6.4.2 가우시안 혼합

- 가우시안 혼합gaussian mixture
 - [그림 6-13]은 2개의 가우시안을 사용한 예



$$P(\mathbf{x}) = \frac{21}{37}N(\mathbf{x}; \boldsymbol{\mu}_1, \boldsymbol{\Sigma}_1) + \frac{16}{37}N(\mathbf{x}; \boldsymbol{\mu}_2, \boldsymbol{\Sigma}_2)$$

그림 6-13 가우시안 혼합으로 밀도 추정

- k개의 가우시안으로 일반화하면,
 - 확률분포 $P(\mathbf{x})$ 는 k개 가우시안의 선형 결합으로 표현(식 (6.10))

$$P(\mathbf{x}) = \sum_{j=1}^{k} \pi_j N(\mathbf{x}; \boldsymbol{\mu}_j, \boldsymbol{\Sigma}_j)$$
 (6.10)



6.4.2 가우시안 혼합

■ 주어진 데이터와 추정해야 할 매개변수를 정리하면,

주어진 데이터: 훈련집합 $\mathbb{X} = \{\mathbf{x}_1, \mathbf{x}_2, \cdots, \mathbf{x}_n\}$, 가우시안의 개수 k 추정해야 할 매개변수집합: $\Theta = \{\boldsymbol{\pi} = (\pi_1, \pi_2, \cdots, \pi_k), (\boldsymbol{\mu}_1, \boldsymbol{\Sigma}_1), (\boldsymbol{\mu}_2, \boldsymbol{\Sigma}_2), \cdots, (\boldsymbol{\mu}_k, \boldsymbol{\Sigma}_k)\}$

■ 최대 우도maximum likelihood를 이용한 최적화 문제로 공식화

$$P(\mathbb{X}|\Theta) = \prod_{i=1}^{n} P(\mathbf{x}_i|\Theta) = \prod_{i=1}^{n} \left(\sum_{j=1}^{k} \pi_j N(\mathbf{x}_i; \boldsymbol{\mu}_j, \boldsymbol{\Sigma}_j) \right)$$
(6.11)

$$\log P(X|\Theta) = \sum_{i=1}^{n} \log \left(\sum_{j=1}^{k} \pi_{j} N(\mathbf{x}_{i}; \boldsymbol{\mu}_{j}, \boldsymbol{\Sigma}_{j}) \right)$$
(6.12)

$$\widehat{\Theta} = \underset{\Theta}{\operatorname{argmax}} \log P(\mathbb{X}|\Theta) \tag{6.13}$$

 \rightarrow 주어진 X가 발생할 가능성이 가장 큰 Θ 를 찾는 문제



6.4.3 EM 알고리즘

- EM 알고리즘을 이용한 식 (6.13)의 풀이
 - Θ를 모르므로 난수로 설정하고 출발 ([그림 6-14]의 예시 2개의 가우시안을 사용)

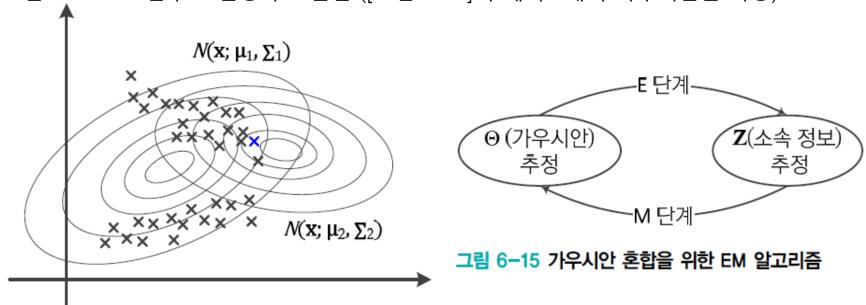


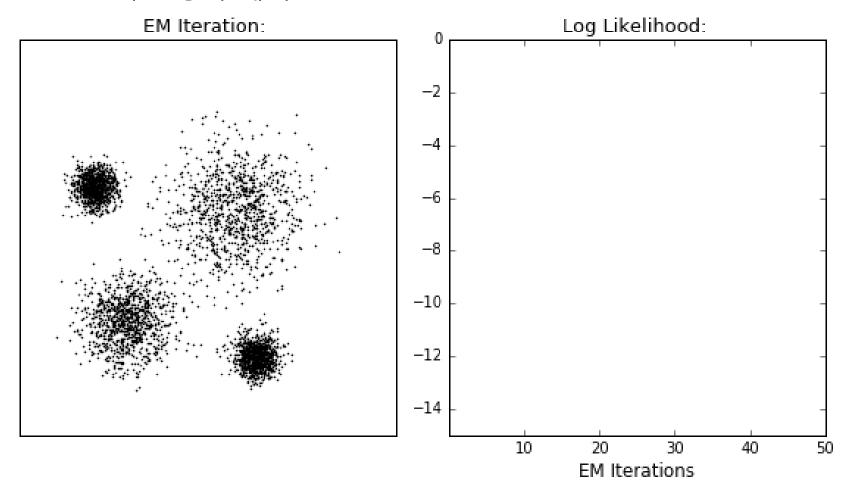
그림 6-14 샘플의 소속 확률을 어떻게 추정할 것인가

- 과정: 가우시안으로 샘플의 소속 정보 개선 (E단계)
 - → 샘플의 소속 정보로 가우시안 개선 (M단계)
 - → 가우시안으로 샘플의 소속 정보 개선 (E단계)
 - → 샘플의 소속 정보로 가우시안 개선 (M단계)
 - → ([그림 6-15])



6.4.3 EM 알고리즘

■ EM 알고리즘 동작 예제





6.4.3 EM 알고리즘

■ 가우시안 혼합을 위한 EM 알고리즘

알고리즘 6-4 가우시안 혼합을 위한 EM 알고리즘

입력: 훈련집합 $\mathbb{X} = \{\mathbf{x}_1, \mathbf{x}_2, \cdots, \mathbf{x}_n\}$, 가우시안의 개수 k

출력: 최적의 가우시안과 혼합 계수 $\Theta = \{ \boldsymbol{\pi} = (\pi_1, \pi_2, \cdots, \pi_k), (\boldsymbol{\mu}_1, \boldsymbol{\Sigma}_1), (\boldsymbol{\mu}_2, \boldsymbol{\Sigma}_2), \cdots, (\boldsymbol{\mu}_k, \boldsymbol{\Sigma}_k) \}$

- 1 0를 초기화한다.
- 2 while (!멈춤조건)
- 3 Θ를 이용하여 소속확률 행렬 **Z**를 추정한다. // E단계
- 4 **Z**를 이용하여 Θ를 추정한다. // M단계
- 라인 3과 라인 4를 위한 수식
- z_{i} 는 x_{i} 가 j번째 가우시안에 속할 확률

$$z_{ji} = \frac{\pi_j N(\mathbf{x}_i; \boldsymbol{\mu}_j, \boldsymbol{\Sigma}_j)}{\sum_{q=1}^k \pi_q N(\mathbf{x}_i; \boldsymbol{\mu}_q, \boldsymbol{\Sigma}_q)}$$
 (6.14)

$$\mu_{j} = \frac{1}{n_{j}} \sum_{i=1}^{n} z_{ji} \mathbf{x}_{i}$$

$$\Sigma_{j} = \frac{1}{n_{j}} \sum_{i=1}^{n} z_{ji} (\mathbf{x}_{i} - \boldsymbol{\mu}_{j}) (\mathbf{x}_{i} - \boldsymbol{\mu}_{j})^{\mathrm{T}}$$

$$\pi_{j} = \frac{n_{j}}{n}$$

$$\text{ord} n_{j} = \sum_{i=1}^{n} z_{ji}$$

$$(6.15)$$



6.5 공간 변환의 이해

- 간단한 상황 예시
 - 2개 군집을 가진 [그림 6-16]의 2차원 특징 공간을 극좌표polar coordinates 공간으로 변환하면 1차원만으로 2개 군집 표현 가능

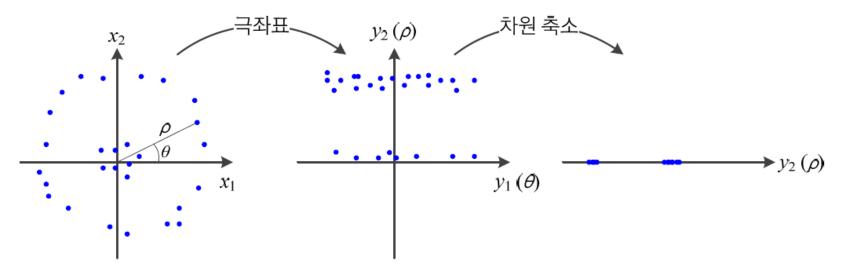


그림 6-16 공간 변환의 예

■ 실제 문제에서는 비지도 학습을 이용하여

최적의 공간 변환을 자동으로 알아내야 함



6.5 공간 변환의 이해

- 인코딩encoding과 디코딩decoding
 - 원래 공간을 다른 공간으로 변환하는 인코딩 과정 (f), 변환 공간을 원래 공간으로 역변환하는 디코딩 과정 (g)

잠복변수latent variable (은닉변수hidden variable)라고 함

- 예) 데이터 압축의 경우, 역변환으로 얻은 $\hat{\mathbf{x}}$ 은 원래 신호 \mathbf{x} 와 가급적 같아야 함
- 예) 데이터 가시화에서는 2차원 또는 3차원의 z 공간으로 변환



6.6 선형 인자 모델

- 6.6.1 주성분 분석
- 6.6.2 독립 성분 분석
- 6.6.3 희소 코딩



6.6 선형 인자 모델

- 선형 인자 모델linear factor models
 - 선형 연산을 이용한 공간 변환 기법
 - 선형 연산을 사용하므로 행렬 곱으로 인코딩 (식 (6.17))과 디코딩 (식 (6.18)) 과정을 표현

$$f: \mathbf{z} = \mathbf{W}_{enc}\mathbf{x} + \boldsymbol{\alpha}_{enc}$$
 (6.17)
$$g: \mathbf{x} = \mathbf{W}_{dec}\mathbf{z} + \boldsymbol{\alpha}_{dec}$$
 (6.18)

- α는 데이터를 원점으로 이동하거나 잡음을 추가하는 등의 역할
- 인자 \mathbf{z} 와 추가 항 $\boldsymbol{\alpha}$ 에 따라 여러 가지 모델이 존재
 - z에 확률 개념이 없고 α를 생략하면 주성분 분석principal component analysis (PCA) (6.6.1절)
 :관찰 벡터 x와 인자 z는 결정론적인 1:1 매핑 관계
 - $-\mathbf{z}$ 와 α 가 가우시안 분포를 따른다고 가정하면 확률 주성분 분석 $^{\mathsf{probabilistic}}$ PCA
 - z가 비가우시안 분포를 따른다고 가정하는 독립 성분 분석independent component analysis (ICA) (6.6.2절)



데이터를 원점 중심으로 옮기는 전처리를 먼저 수행

$$\mathbf{x}_{i} = \mathbf{x}_{i} - \mathbf{\mu}, \qquad i = 1, 2, \cdots, n$$

$$|\mathbf{u}| \quad \mathbf{\mu} = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} \mathbf{x}_{i}$$
(6.19)

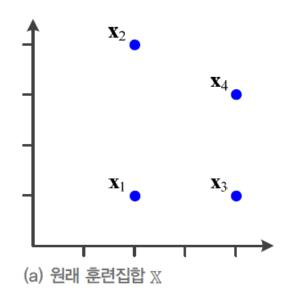
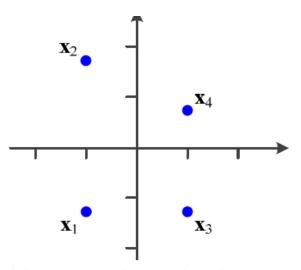


그림 6-18 ※의 평균을 0으로 변환



(b) ※에 식 (6.19)를 적용한 이후



- 주성분 분석PCA이 사용하는 변환식
 - 일반적인 선형 변환식인 식 (6.17)에서 z에 확률 개념이 없고 α 를 생략하면 주성분 분석
 - 변환 행렬 W는 d*q로서 주성분 분석은 d차원의 x를 q차원의 z로 변환 (q < d)
 - \mathbf{W} 의 j번째 열 벡터와의 내적 $\mathbf{u}_i^{\mathrm{T}}\mathbf{x}$ 는 \mathbf{x} 를 \mathbf{u}_i 가 가리키는 축으로 투영

$$\mathbf{z} = \mathbf{W}^{\mathrm{T}} \mathbf{x}$$

$$|\mathbf{w}| \mathbf{W} = (\mathbf{u}_1 \ \mathbf{u}_2 \ \cdots \ \mathbf{u}_q) |\mathbf{u}_j| = (u_{1j}, u_{2j}, \cdots, u_{dj})^{\mathrm{T}}$$
(6.20)

■ 예, 2차원을 1차원으로 변환하는 상황 (*d* = 2, *q* = 1)

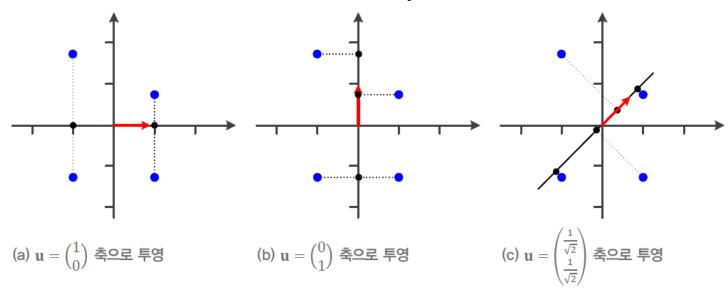


그림 6-19 투영에 의해 2차원을 1차원으로 변환

- 주성분 분석의 목적
 - 손실을 최소화하면서 저차원으로 변환하는 것
 - [그림 6-19]에서 정보 손실 예
 - [그림 6-19(a)]는 \mathbf{x}_1 과 \mathbf{x}_2 쌍, \mathbf{x}_3 과 \mathbf{x}_4 쌍이 같은 점으로 변환되는 정보 손실
 - [그림 6-19(b)]는 x_1 과 x_3 쌍이 같은 점으로 변환되는 정보 손실
 - [그림 6-19(c)]는 4개 점이 모두 다른 점으로 변환되어 정보 손실이 가장 적음
 - 주성분 분석은 변환된 훈련집합 $\mathbb{Z} = \{\mathbf{z}_1, \mathbf{z}_2, \dots, \mathbf{z}_n\}$ 의 분산이 클수록 정보 손실이 적다고 판단



예제 6-2 [그림 6-19]의 세 가지 경우의 분산

[그림 6-18(a)]의 훈련집합에 식 (6.19)를 적용하기 전과 후는 다음과 같다.

$$\mathbf{x}_1 = \begin{pmatrix} 2 \\ 1 \end{pmatrix}, \ \mathbf{x}_2 = \begin{pmatrix} 2 \\ 4 \end{pmatrix}, \ \mathbf{x}_3 = \begin{pmatrix} 4 \\ 1 \end{pmatrix}, \ \mathbf{x}_4 = \begin{pmatrix} 4 \\ 3 \end{pmatrix} \implies \mathbf{x}_1 = \begin{pmatrix} -1 \\ -1.25 \end{pmatrix}, \ \mathbf{x}_2 = \begin{pmatrix} -1 \\ 1.75 \end{pmatrix}, \ \mathbf{x}_3 = \begin{pmatrix} 1 \\ -1.25 \end{pmatrix}, \ \mathbf{x}_4 = \begin{pmatrix} 1 \\ 0.75 \end{pmatrix}$$

[그림 6-19(a)]의 $\mathbf{u} = (1\ 0)^{\mathrm{T}}$ 축으로 투영된 점은 다음과 같다. $z_1 \sim z_4$ 의 분산은 1.0이다.

$$z_1 = (1\ 0) \begin{pmatrix} -1 \\ -1.25 \end{pmatrix} = -1, \ z_2 = (1\ 0) \begin{pmatrix} -1 \\ 1.75 \end{pmatrix} = -1, \ z_3 = (1\ 0) \begin{pmatrix} 1 \\ -1.25 \end{pmatrix} = 1, \ z_4 = (1\ 0) \begin{pmatrix} 1 \\ 0.75 \end{pmatrix} = 1$$

이제 [그림 6-19(c)]의 $\mathbf{u}=\left(\frac{1}{\sqrt{2}}\,\frac{1}{\sqrt{2}}\right)^{\mathrm{T}}$ 축으로 투영된 점을 구해 보자. $z_1\sim z_4$ 의 분산은 1.093이다.

$$z_{1} = \left(\frac{1}{\sqrt{2}} \frac{1}{\sqrt{2}}\right) {\binom{-1}{-1.25}} = -1.591, \ z_{2} = \left(\frac{1}{\sqrt{2}} \frac{1}{\sqrt{2}}\right) {\binom{-1}{1.75}} = 0.530,$$

$$z_{3} = \left(\frac{1}{\sqrt{2}} \frac{1}{\sqrt{2}}\right) {\binom{1}{-1.25}} = -0.177, \ z_{4} = \left(\frac{1}{\sqrt{2}} \frac{1}{\sqrt{2}}\right) {\binom{1}{0.75}} = 1.237$$

따라서 $\mathbf{u} = \left(\frac{1}{\sqrt{2}} \frac{1}{\sqrt{2}}\right)^T$ 축이 $\mathbf{u} = (1 \ 0)^T$ 보다 우수하다고 할 수 있다. 그렇다면 $\mathbf{u} = \left(\frac{1}{\sqrt{2}} \frac{1}{\sqrt{2}}\right)^T$ 보다 더 좋은 축이 있을까? 이제부터 최적해를 찾는 방법을 살펴보자.



주성분 분석의 최적화 문제

문제 6.1 $\mathbb{Z}=\{\mathbf{z}_1,\mathbf{z}_2,\cdots,\mathbf{z}_n\}$ 의 분산을 최대화하는 q개의 축, 즉 $\mathbf{u}_1,\mathbf{u}_2,\cdots,\mathbf{u}_q$ 를 찾아라. 이 단위 벡터는 식 (6.20)에 따라 변환 행렬 **W**를 구성한다.

■ a = 1로 국한하고 분산을 쓰면,

$$\sigma^{2} = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} (z_{i} - \bar{z})^{2} = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} z_{i}^{2} = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} (\mathbf{u}^{T} \mathbf{x}_{i})^{2} = \mathbf{u}^{T} \sum \mathbf{u}$$

$$\nabla \mathbf{u}^{T} \mathbf{u}^{$$

■ [문제 6.1]을 바꾸어 쓰면,

문제 6.2 식 (6.21)의 분산 σ^2 을 최대로 하는 \mathbf{u} 를 찾아라.



- 주성분 분석의 최적화 문제
 - u가 단위 벡터라는 사실을 적용하여 문제를 다시 쓰면,

문제 6.3 $L(\mathbf{u}) = \mathbf{u}^{\mathrm{T}} \sum \mathbf{u} + \lambda (1 - \mathbf{u}^{\mathrm{T}} \mathbf{u})$ 를 최대로 하는 \mathbf{u} 를 찾아라.

- $L(\mathbf{u})$ 를 \mathbf{u} 로 미분하면, $\frac{\partial L(\mathbf{u})}{\partial \mathbf{u}} = 2\mathbf{\Sigma}\mathbf{u} 2\lambda\mathbf{u}$
- $\frac{\partial L}{\partial \mathbf{u}} = 0$ 을 풀면,

 $\mathbf{\Sigma}\mathbf{u} = \lambda\mathbf{u} \tag{6.22}$

- 주성분 분석의 학습 알고리즘
 - 1. 훈련집합으로 공분산 행렬 **∑**를 계산한다.

 - 3. 고윳값이 큰 순서대로 $\mathbf{u}_1, \mathbf{u}_2, \mathbf{u}_3, \cdots, \mathbf{u}_d$ 를 나열한다. (이들을 주성분 $^{\text{principal component}}$ 이라 부름)
 - q개의 주성분 $\mathbf{u}_1, \mathbf{u}_2, \cdots, \mathbf{u}_q$ 를 선택하여 식 (6.20)에 있는 행렬 **W**에 채운다.



예제 6-3

PCA 수행

식 (6.22)를 풀어 [그림 6-18]에 있는 데이터의 최적해를 구해 보자. 먼저 공분산 행렬 Σ 와 Σ 의 고윳값과 고유 벡터를 구하면 다음과 같다. 공분산을 구하는 방법은 2장의 식 (2.39)를 참조하라.

$$\Sigma = \begin{pmatrix} 1.000 & -0.250 \\ -0.250 & 1.688 \end{pmatrix}$$

$$\lambda_1 = 1.7688, \boldsymbol{u}_1 = \begin{pmatrix} -0.3092 \\ 0.9510 \end{pmatrix}, \ \lambda_2 = 0.9187, \boldsymbol{u}_2 = \begin{pmatrix} -0.9510 \\ -0.3092 \end{pmatrix}$$

고유 벡터 2개 중 고윳값이 큰 \mathbf{u}_1 을 선택하고, \mathbf{u}_1 에 샘플 4개를 투영하면 [그림 6-20(a)]가 된다. 변환된 점의 분산은 1.7688로 [그림 6-19]에 있는 축보다 훨씬 크다는 사실을 확인할 수 있다. \mathbf{u}_1 은 PCA 알고리즘으로 찾은 최적으로서 더 좋은 축은 없다.

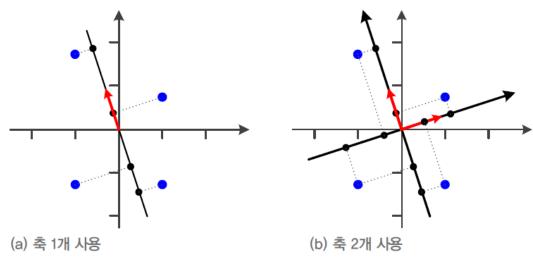
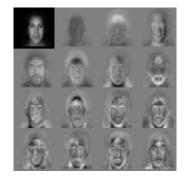


그림 6-20 PCA가 찾은 최적 변환

- 디코딩 과정
 - 역변환은 $\mathbf{x} = (\mathbf{W}^{\mathrm{T}})^{-1}\mathbf{z}$ 인데, \mathbf{W} 가 정규직교orthonormal 행렬이므로 식 (6.23)이 됨 $\tilde{\mathbf{x}} = \mathbf{W}\mathbf{z} \tag{6.23}$
 - q = d로 설정하면 W가 d * d이고 $\tilde{\mathbf{x}}$ 는 원래 샘플 \mathbf{x} 와 같게 됨 ([그림 6-20(b)]의 예시)
 - 원래 공간을 단지 일정한 양만큼 회전하는 것에 불과
- 실제로는 q < d로 설정하여 차원 축소를 꾀함
 - 많은 응용이 있음
 - 데이터 압축
 - q = 2 또는 q = 3으로 설정하여 2차원 또는 3차원으로 축소하여 데이터 가시화
 - 고유얼굴eigen faces 기법: 256*256 얼굴 영상 (d = 65536)을
 q = 7차원으로 변환하여 얼굴 인식 (정면 얼굴에 대해 96% 정확률)
 - → 상위 몇 개의 고유벡터들이 대부분 정보를 가짐





■ 블라인드 원음 분리 문제

■ 실제 세계에서는 여러 신호가 섞여 나타남 ([그림 6-21]은 음악과 대화가 섞이는 예)

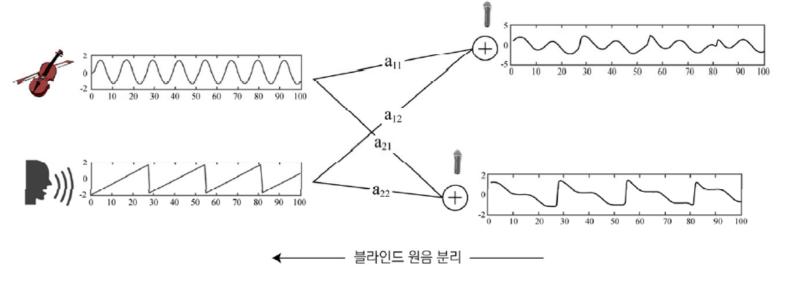


그림 6-21 블라인드 원음 분리 문제

- 마이크로 측정한 혼합 신호로부터 원음(음악과 목소리)을 복원할 수 있나?
 - → 블라인드 원음 분리 문제라 부르며 독립 성분 분석 기법으로 해결 가능
- 아주 많은 예, 뇌파와 다른 장기 신호가 섞인 EEG, 장면과 잡음이 섞인 영상, ...



- 문제 정의
 - 표기
 - 원래 신호를 $z_1(t)$ 와 $z_2(t)$, 측정된 혼합 신호를 $x_1(t)$ 와 $x_2(t)$ 로 표기
 - t 순간에 획득된 $\mathbf{x}_t = (x_1(t), x_2(t))^{\mathrm{T}}$ 를 훈련 샘플로 취함
 - 따라서 훈련집합은 $\mathbb{X} = \{\mathbf{x}_1, \mathbf{x}_2, \cdots, \mathbf{x}_n\}$
 - 블라인드 원음 분리 문제는 $\mathbb{X}=\{\mathbf{x}_1,\mathbf{x}_2,\cdots,\mathbf{x}_n\}$ 로부터 $\mathbb{Z}=\{\mathbf{z}_1,\mathbf{z}_2,\cdots,\mathbf{z}_n\}$ 를 찾는 문제

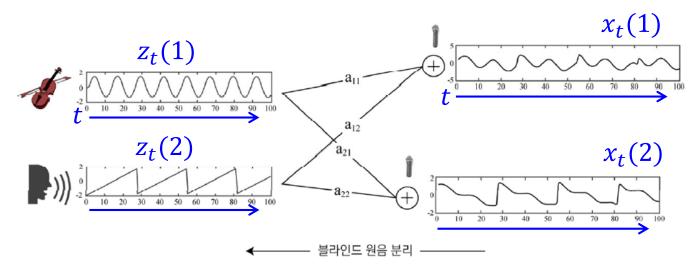


그림 6-21 블라인드 원음 분리 문제



■ 문제 공식화

■ 혼합 신호 x를 원래 신호 z의 선형 결합으로 표현 가능 $(z_1(t))$ 와 $z_2(t)$ 가 독립이라는 가정)

$$\begin{aligned}
 x_1 &= a_{11}z_1 + a_{12}z_2 \\
 x_2 &= a_{21}z_1 + a_{22}z_2
 \end{aligned}
 \tag{6.24}$$

■ 행렬 표기로 쓰면,

$$\mathbf{x} = \mathbf{A}\mathbf{z} \tag{6.25}$$

■ 블라인드 원음 분리 문제란 A를 구하는 것. A를 알면, 식 (6.26)으로 원음 복원 $\tilde{\mathbf{z}} = \mathbf{W}\mathbf{x}$, 이때 $\mathbf{W} = \mathbf{A}^{-1}$ (6.26)

- 식 (6.25)는 과소 조건 문제
 - ▼ 정수 하나를 주고 어떤 두 수의 곱인지 알아내라는 문제와 비슷함
 (예를 들어, 32는 1*32, 2*16, 4*8 등 여러 답이 가능) ← 추가 조건을 주면 유일 해가 가능
 - 문제도 과소 적합
 - 추가 조건을 이용하여 식 (6.25)의 해를 찾음 > 독립성 가정과 비가우시안 가정

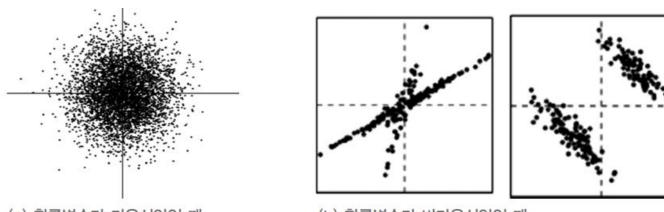


- 독립성 가정
 - 원래 신호가 서로 독립이라는 가정 (예, 음악과 대화는 서로 무관하게 발생함)

$$P(\mathbf{z}) = P(z_1, z_2, \dots, z_d) = \prod_{j=1}^{d} P(z_j)$$
 (6.27)

- 비가우시안nongaussianity 가정
 - 원래 신호가 가우시안이라면

혼합 신호도 ([그림 6-22(a)]처럼) 가우시안이 되므로 분리할 실마리 없음 하지만, 비가우시안이면 ([그림 6-22(b)]처럼) 실마리가 있음



(a) 확률변수가 가우시안일 때

(b) 확률변수가 비가우시안일 때

그림 6-22 서로 독립인 두 확률변수의 결합 분포

- 독립 성분 분석ICA의 문제 풀이
 - 원래 신호 z의 비가우시안인 정도를 최대화하는 가중치를 구하는 전략 사용
 - 원래 신호를 식으로 쓰면,

$$z_j = w_{j1}x_1 + w_{j2}x_2$$
)
행렬 형태로 쓰면 $z_j = \mathbf{w}_j\mathbf{x}$)

(6.28)

• 비가우시안을 최대화하는 가중치를 구하는 식을 쓰면,

$$\widehat{\mathbf{w}}_j = \underset{\mathbf{w}_j}{\operatorname{argmax}} \, \widecheck{G}(\mathbf{z}_j) \tag{6.29}$$

- $-\check{a}$ 는 비가우시안 정도를 측정하는 함수
- 주로 식 (6.31)의 <mark>첨도kurtosis</mark>를 사용
 - » 첨도: (분포상의) 뾰쪽함의 정도를 나타내는 수치

$$kurtosis(\mathbb{Z}_j) = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} z_{ji}^4 - 3\left(\frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} z_{ji}^2\right)^2$$
 (6.31)

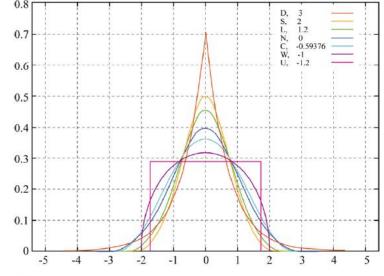


그림 6-23 여러 가지 분포의 첨도 측정

가우시안 (N)의 첨도 0 가우시안을 기준, 분포가 뾰쪽할수록 첨도 커지고 펑퍼짐해질수록 음수



■ 독립 성분 분석 학습

- 1. 전처리 수행
 - 훈련집합 ※의 평균이 0이 되도록 이동centering (식 (6.19) 적용)
 - 식 (6.30)의 화이트닝whitening 변환 적용

$$\mathbf{x}_i' = \left(\mathbf{D}^{-\frac{1}{2}}\mathbf{V}^{\mathrm{T}}\right)\mathbf{x}_i, i = 1, 2, \cdots, n \tag{6.30}$$

2. 식 (6.29)를 풀어 최적 가중치 구함 예. 신경망 최적화와 유사하게 w를 초기화하고 첨도를 구하고, 첨도가 작아지는 방향으로 개선

■ PCA와 ICA 비교

- ICA는 비가우시안과 독립성 가정, PCA는 가우시안과 비상관을 가정
- ICA는 4차 모멘트까지 사용, PCA는 2차 모멘트까지 사용
- ICA로 찾은 축은 수직 아님, PCA로 찾은 축은 서로 수직
- ICA는 주로 블라인드 원음 분리 문제를 푸는데, PCA는 차원 축소 문제를 품

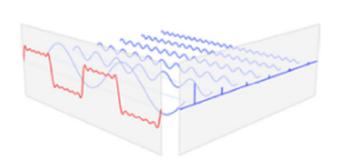


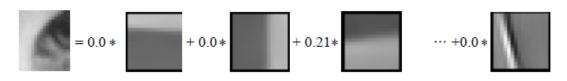
6.6.3 희소 코딩

- 기저함수basis function 또는 기저벡터basis vector의 선형 결합으로 신호를 표현
 - 푸리에 변환Fourier transform ([그림 6-24(a)) 또는 웨이블릿 변환wavelet transform 등
- 희소 코딩sparse coding
 - 사전 $^{ ext{dictionary}}$ \mathbf{D} 를 구성하는 기저 벡터 (단어 $^{ ext{atoms}}$) $\mathbf{d}_1,\mathbf{d}_2,\cdots,\mathbf{d}_m$ 의 선형 결합으로 신호(영상) \mathbf{x} 를 표현

$$\mathbf{x} = \mathbf{D}\mathbf{a}$$
 이때 $\mathbf{D} = (\mathbf{d}_1 \ \mathbf{d}_2 \cdots \mathbf{d}_m)$

(6.32)







희소 코드 a=(0.0, 0.0, 0.21, ···, 0.0)

(a) 푸리에 변환

(b) 희소 코딩

그림 6-24 신호를 기저함수 또는 기저 벡터의 선형 결합으로 근사 표현



6.6.3 희소 코딩

- 희소 코딩이 다른 변환 기법과 다른 점
 - 비지도 학습이 사전 (즉 기저 벡터)를 자동으로 알아냄 (푸리에 변환은 삼각함수를 사용함)
 - → 희소 코딩은 데이터에 맞는 기저 벡터를 사용하는 셈
 - 사전의 크기 (m)를 기저벡터의 크기 (d)보다 과잉 완벽하게 책정over-complete spanning set (m>d)
 - 희소 코드 a를 구성하는 요소 대부분이 0 값을 가짐
- 희소 코딩 구현
 - 최적의 사전과 최적의 희소 코드를 알아내야 함
 - ullet ϕ 는 희소 코드의 희소성을 강제 (많은 계수들을 0으로 만듬)하는 규제항

$$\widehat{\mathbf{D}}, \widehat{\mathbf{A}} = \underset{D,A}{\operatorname{argmin}} \sum_{i=1}^{n} ||\mathbf{x}_i - \mathbf{D}\mathbf{a}_i||_2^2 + \lambda \phi(\mathbf{a}_i)$$
(6.33)

■ 결과적으로 $x = 0 \cdot d_1 + 0 \cdot d_2 + 0.4 \cdot d_3 + \dots + 0 \cdot d_{m-1} + 0.1 \cdot d_m$ 처럼

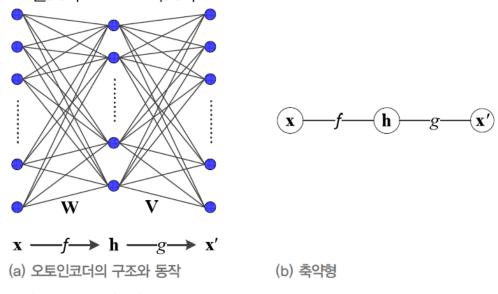
최대한 많이 0이 되게 하는 선형 계수를 찾는 학습 알고리즘



- 6.7.1 규제 오토인코더
- 6.7.2 적층 오토인코더



- 오토인코더autoencoder
 - 특징 벡터 x를 입력 받아 동일한 또는 유사한 벡터 x'를 출력하는 신경망 인코더 디코더



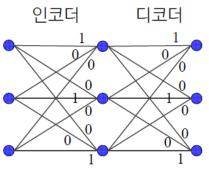
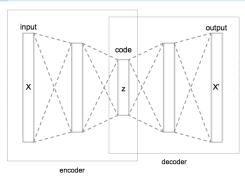


그림 6-26 단위 행렬로 오토인코더 구현

- 그림 6-25 오토인코더
- 단순 복사하는 단위 행렬([그림 6-26])은 무의미 $\mathbf{x} = g(f(\mathbf{x})) = \mathbf{VW}\mathbf{x} = \mathbf{II}\mathbf{x}$
 - 일반적으로 차원 감소를 위해 데이터 집합에 대한 표현을 학습함
- 여러 가지 규제 기법 적용하여 유용한 신경망으로 활용



- 병목 구조 오토인코더의 동작 원리
 - m < d인 구조



(예, 256*256 영상을 입력 받아 256*256 영상을 출력하는 경우 d = 65536인데 m = 1024로 설정)

- 은닉층의 h는 훨씬 적은 메모리로 데이터 특징 표현. 필요하면 디코더로 원래 데이터 복원
- h는 x의 핵심 정보를 표현 → 특징 추출, 영상 압축 등의 응용
- 여러 형태의 오토인코더
 - 은닉 노드의 개수에 따라 m < d, m = d, m > d 구조
 - 활성함수에 따라 선형 (식 (6.34))과 비선형 (식 (6.35))

$$\mathbf{h} = f(\mathbf{x}) = \mathbf{W}\mathbf{x}$$

$$\mathbf{x} = g(\mathbf{h}) = \mathbf{V}\mathbf{h}$$
(6.34)

$$\mathbf{h} = f(\mathbf{x}) = \tau_{encode}(\mathbf{W}\mathbf{x})$$

$$\mathbf{x} = g(\mathbf{h}) = \tau_{decode}(\mathbf{V}\mathbf{h})$$
(6.35)



- 오토인코더의 학습
 - 주어진 데이터는 훈련집합 $\mathbb{X} = \{\mathbf{x}_1, \mathbf{x}_2, \cdots, \mathbf{x}_n\}$,

알아내야 하는 매개변수는 f와 g라는 매핑함수, 즉 가중치집합 $\Theta = \{\mathbf{W}, \mathbf{V}\}$

■ 오토인코더 학습을 최적화 문제로 쓰면,

$$\widehat{\Theta} = \underset{\Theta}{\operatorname{argmin}} \sum_{i=1}^{n} L\left(\mathbf{x}_{i}, g(f(\mathbf{x}_{i}))\right)$$
(6.36)

$$L\left(\mathbf{x}_{i}, g(f(\mathbf{x}_{i}))\right) = \|\mathbf{x}_{i} - g(f(\mathbf{x}_{i}))\|_{2}^{2}$$

$$(6.37)$$



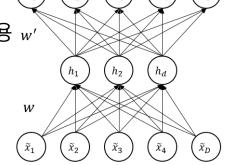
6.7.1 규제 오토인코더

- 여러 규제 기법을 적용
 - *m* > *d*인 상황에서도 단순 복사를 피할 수 있음
 - ← 충분히 큰 모델을 사용하되 적절한 규제 기법을 적용하는 현대 기계 학습 추세를 따름
- SAE (sparse autoencoder): 희소한 독립적 인자들로 표현 가능
 - 은닉 벡터 \mathbf{h}_i 가 희소하도록 강제화 (0이 아닌 요소의 개수를 적게 유지)
 - $\phi(\mathbf{h}_i)$: 벡터 \mathbf{h}_i 가 희소하도록 강제하는 규제항 (가중치 감쇄) + 활성함수 제한 규제

SAE:
$$\widehat{\Theta} = \underset{\Theta}{\operatorname{argmin}} \sum_{i=1}^{n} L\left(\mathbf{x}_{i}, g(f(\mathbf{x}_{i}))\right) + \lambda \phi(\mathbf{h}_{i})$$
 (6.38)

- DAE (denoising autoencoder): 입력의 부분 손실에도 견고한 표현 학습
 - 잡음을 추가한 다음, 원본을 복원하도록 학습하는 원리
 - 특징 벡터 \mathbf{x}_i 에 적절한 양의 잡음을 추가한 $\tilde{\mathbf{x}}_i$ 를 입력으로 사용 w'

DAE:
$$\widehat{\Theta} = \underset{\Theta}{\operatorname{argmin}} \sum_{i=1}^{n} L\left(\mathbf{x}_{i}, g(f(\widetilde{\mathbf{x}}_{i}))\right)$$
 (6.39)





6.7.1 규제 오토인코더

■ CAE (contractive autoencoder): 데이터의 작은 변화에 견고한 표현 학습 ■ 인코더함수 f의 야코비안 행렬의 프로베니우스 놈을 작게 유지

CAE:
$$\widehat{\Theta} = \underset{\Theta}{\operatorname{argmin}} \sum_{i=1}^{n} L\left(\mathbf{x}_{i}, g(f(\mathbf{x}_{i}))\right) + \lambda \phi(\mathbf{x}_{i}, \mathbf{h}_{i})$$

$$\text{ord } \phi(\mathbf{x}_{i}, \mathbf{h}_{i}) = \left\|\frac{\partial f}{\partial \mathbf{x}}\right\|_{E}^{2}$$
(6.40)

■ CAE는 공간을 축소contraction하는 효과 → SAE + DAE 효과



6.7.2 적층 오토인코더

- 오토인코더는 얕은 신경망
 - 은닉층이 하나뿐임 → 표현력에 한계
 - 여러 층으로 쌓으면 용량이 커짐
- 적층 오토인코더stacked autoencoder
 - 층별 예비학습layerwise pretraining을 이용하여 [그림 6-29]처럼 깊은 신경망을 만듦

$x - f_1 - h_1 - g_1 - x$	층별 예비학습 1	
$(\mathbf{x})-f_1-\mathbf{h_1}-f_2-\mathbf{h_2}-g_2-\mathbf{h_1}$	층별 예비학습 2	비지도
$(\mathbf{x})-f_1-(\mathbf{h_1})-f_2-(\mathbf{h_2})-f_3-(\mathbf{h_3})-g_3-(\mathbf{h_2})$	층별 예비학습 3	<u> 1</u> 한 대
(\mathbf{x}) — f_1 — $(\mathbf{h_1})$ — f_2 — $(\mathbf{h_2})$ — f_3 — $(\mathbf{h_3})$ — f_4 — (\mathbf{h}) — f_5 — (\mathbf{o})	MLP 학습	<u>⊁</u> ⊞
$x - f_1 - h_1 - f_2 - h_2 - f_3 - h_3 - f_4 - h - f_5 - o$	미세 조정	□ } -

그림 6-29 적층 오토인코더의 학습 과정



6.7.2 적층 오토인코더

- 적층 오토인코더를 지도 학습 (분류)에 활용하는 경우의 학습 과정
 - 1. 층별 예비학습을 필요한 만큼 수행한다. (※만 가지고 비지도 학습) // [그림6-29]는 1-3번 수행
 - 2. 마지막 층의 출력을 입력으로 하여, MLP를 학습한다. (※와 ※를 가지고 지도 학습)// [그림6-29]는 h₃가 마지막 층의 출력임
 - 3. 신경망 전체를 한꺼번에 추가로 학습한다. // 미세 조정 단계

- 층별 예비학습의 변천사
 - 깊은 구조의 MLP 학습이 번번이 실패하던 상황에서 2006년에 힌튼 교수가 층별 예비학습 아이디어를 제안하고, 성공적인 성능을 입증
 - 딥러닝의 가능성을 확인, 현재 딥러닝이 기계 학습을 주도
 - 여러 가지 기술 향상으로 현재는 층별 예비학습을 별로 사용하지 않음



6.8 매니폴드 학습

- 6.8.1 매니폴드란?
- 6.8.2 IsoMap
- 6.8.3 LLE
- 6.8.4 t-SNE
- 6.8.5 귀납적 학습 모델과 전이유추 학습 모델

- 오토인코더는 데이터 구조를 간접적으로 표현
- 반면 매니폴드 학습은 데이터의 비선형 구조를 직접적으로 반영

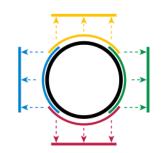


6.8.1 매니폴드란?

- 매니폴드manifold (많은; 여러가지의)
 - 매니폴드는 고차원 공간에 내재한 저차원 공간
 - [그림 6-30]에서 도로가 매니폴드에 해당
 - 자동차 위치를 데이터로 간주하면,

$$\mathbf{x} = ($$
위도, 경도, 고도 $)^{\mathrm{T}}$

- 이 3차원(고차원) 공간 데이터를 x = $(기준점에서의 거리)^{T}$ 라는 1차원(저차원) 공간,즉 매니폴드로 표현할 수 있음
- 보통 매니폴드는 비선형 공간이지만 지역적으로 살피면 선형 구조



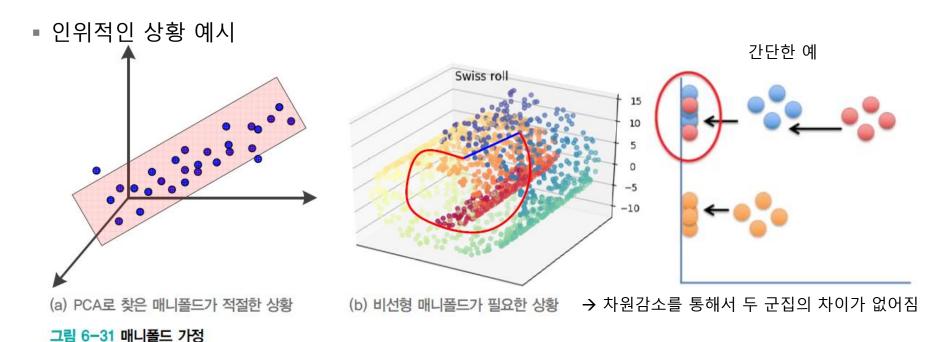




6.8.1 매니폴드란?

■ 매니폴드 가정

"real-world data presented in high-dimensional spaces are expected to concentrate in the vicinity of a manifold M of much lower dimensionality d_M , embedded in high-dimensional input space R^d . 고차원 공간에 주어진 실제 세계의 데이터는 고차원 입력 공간 R^d 에 내재한 훨씬 저차원인 d_M 차원 매니폴드의 인근에 집중되어 있다."



■ 매니폴드를 어떻게 찾고, 어떻게 표현할 것인가?



6.8.2 IsoMap

- IsoMap 알고리즘
 - 최근접 이웃 그래프 구축
 - 첫째, 각 점은 k-최근접 이웃을 구하여 거리를 n*n 행렬 **M**에 채움
 - 둘째, 빈 곳은 최단 경로의shortest path 길이로 채움
 - M 의 고유 벡터를 계산하고, 큰 순서대로 d_{low} 개의 고유 벡터를 선택
 - 이들 고유 벡터가 새로운 저차원 공간 형성
 - i번째 샘플의 k번째 좌표는 $\sqrt{\lambda_k}v_k^i$ 로 변환(v_k^i 는 λ_k 에 해당하는 고유 벡터의 i번째 요소)
 - 예) 2차원으로 변환하는 경우, $\mathbb{X}=\{\mathbf{x}_1,\mathbf{x}_2,\cdots,\mathbf{x}_n\}$ 의 \mathbf{x}_i 는 $\left(\sqrt{\lambda_1}v_1^i,\sqrt{\lambda_2}v_2^i\right)^{\mathrm{T}}$ 로 변환됨
- M의 크기가 방대한 문제점



6.8.3 LLE(locally linear embedding)

- LLE 알고리즘
 - 거리 행렬 M 대신에 식 (6.42)의 함수 ϵ 을 최소로 하는 가중치 행렬 \mathbf{W} 를 사용함

$$\epsilon(\mathbf{W}) = \sum_{i=1}^{n} \left\| \mathbf{x}_i - \sum_{\mathbf{x}_j \in \{\mathbf{x}_i \supseteq i \bowtie j\}} w_{ij} \mathbf{x}_j \right\|_2^2$$

$$(6.42)$$

• \mathbf{x}_i 를 k-최근접 이웃의 선형 결합 $\sum_{\mathbf{x}_j \in \left\{\mathbf{x}_i \circlearrowleft \mid 0 \mid \mathcal{S}\right\}} w_{ij} \mathbf{x}_j$ 로 근사화하는 셈 ([그림 6-32 왼쪽])

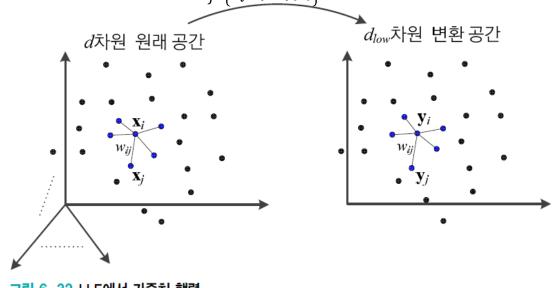


그림 6-32 LLE에서 가중치 행렬



6.8.3 LLE

- 저차원 공간에서는,
 - 변환된 저차원 공간의 점을 $\mathbb{X}'=\{oldsymbol{y}_1,oldsymbol{y}_2,\cdots,oldsymbol{y}_n\}$ 이라면

식 (6.43)을 최소화하는 ※'를 찾아야 함

$$\phi(\mathbf{X}') = \sum_{i=1}^{n} \left\| \mathbf{y}_i - \sum_{\mathbf{y}_j \in \{\mathbf{y}_i \, \text{old} \, \text{old} \}} w_{ij} \mathbf{y}_j \right\|_2^2$$

$$(6.43)$$

■ 고차원 원래 공간에서의 식 (6.42)와 저차원 변환 공간에서 식 (6.43)을 비슷하게 유지함으로써 원래 데이터 ※와 변환된 데이터 ※'가 비슷한 구조를 가짐



■ 현재 t-SNE는 매니폴드 공간 변환 기법 중에서 가장 뛰어남

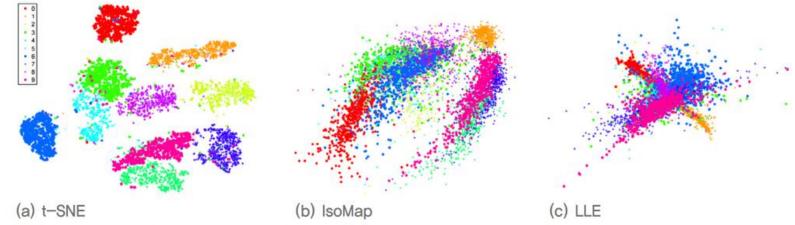


그림 6-33 MNIST를 이용한 매니폴드 학습 기법의 성능 비교

- 원래 공간에서 유사도 측정
 - \mathbf{x}_i 와 \mathbf{x}_j 의 유사도를 식 (6.45)의 확률로 측정

$$p_{j|i} = \frac{\exp\left(\frac{-\|\mathbf{x}_{i} - \mathbf{x}_{j}\|_{2}^{2}}{2\sigma_{i}^{2}}\right)}{\sum_{k \neq i} \exp\left(\frac{-\|\mathbf{x}_{i} - \mathbf{x}_{k}\|_{2}^{2}}{2\sigma_{i}^{2}}\right)}$$
(6.44)

$$p_{ij} = p_{ji} = \frac{p_{j|i} + p_{i|j}}{2n} \tag{6.45}$$

- 변환된 공간에서의 유사도는 학생-t 분포student-t distribution로 측정
 - \mathbf{y}_i 와 \mathbf{y}_i 는 변환된 공간에서의 점

$$q_{ij} = \frac{\left(1 + \|\mathbf{y}_i - \mathbf{y}_j\|_2^2\right)^{-1}}{\sum_{k \neq j} (1 + \|\mathbf{y}_i - \mathbf{y}_k\|_2^2)^{-1}}$$
(6.46)

- 원래 데이터와 변환된 데이터의 구조가 비슷해야 하므로,
 - 확률 분포 P와 O가 비슷할수록 좋음
 - 비슷한 정도를 측정하기 위해 식 (6.47)의 KL 다이버전스를 사용

$$J(X') = KL(P \parallel Q) = \sum_{i=1}^{n} \sum_{j=1}^{n} p_{ij} \log \left(\frac{p_{ij}}{q_{ij}}\right)$$
(6.47)



■ 학습 알고리즘

- 목적함수 J를 최소로 하는, 즉 P와 Q의 KL 다이버전스를 최소로 하는 X'를 찾는 문제
- 경사 하강법을 이용(식 (6.48))

$$\frac{\partial J}{\partial \mathbf{y}_i} = 4 \sum_{j=1}^n (p_{ij} - q_{ij}) (\mathbf{y}_i - \mathbf{y}_j) (1 + \|\mathbf{y}_i - \mathbf{y}_j\|_2^2)^{-1}$$
(6.48)

알고리즘 6-5 t-SNE

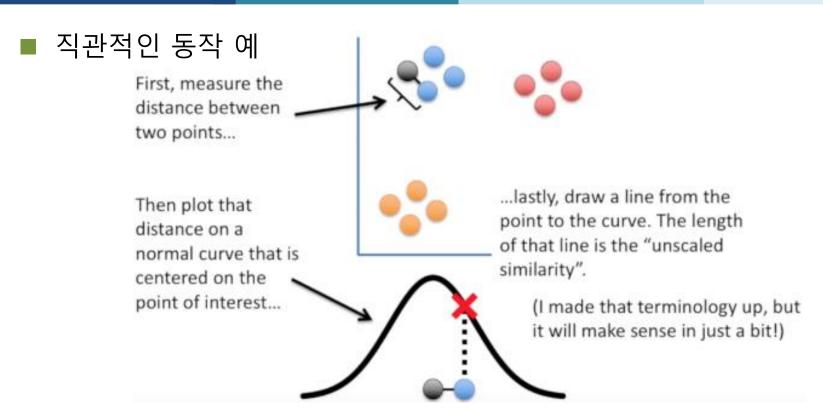
```
입력: \mathbb{X} = \{\mathbf{x}_1, \mathbf{x}_2, \cdots, \mathbf{x}_n\}, 반복 횟수 T, 학습률 \rho, 모멘텀 계수 \alpha
```

출력:
$$\mathbb{X}' = \{\mathbf{y}_1, \mathbf{y}_2, \cdots, \mathbf{y}_n\}$$

- 1 X의 모든 샘플 쌍에 대해 식 (6.45)로 p_{ij} 를 계산한다.
- 2 $N(0, 10^{-4}I)$ 가우시안 분포로부터 초기해 $\mathbb{X}'^{(0)} = \{\mathbf{y}_1^{(0)}, \mathbf{y}_2^{(0)}, \cdots, \mathbf{y}_n^{(0)}\}$ 을 샘플링한다.
- 3 for (t=1 to T)

6

- 4 식 (6.46)으로 $\mathbb{X}'^{(t-1)}$ 의 모든 쌍에 대해 q_{ij} 를 계산한다.
- for (i=1 to n)
 - 식 (6.48)로 그레이디언트 $\frac{\partial J}{\partial \mathbf{v}_i}$ 를 계산한다.
- 7 if (t>1) $\mathbf{y}_i^{(t)} = \mathbf{y}_i^{(t-1)} + \eta \frac{\partial J}{\partial \mathbf{y}_i} + \alpha (\mathbf{y}_i^{(t-1)} \mathbf{y}_i^{(t-2)})$ // 학습률과 모멘텀 적용
- 8 else $\mathbf{y}_i^{(t)} = \mathbf{y}_i^{(t-1)} + \eta \frac{\partial J}{\partial \mathbf{y}_i}$

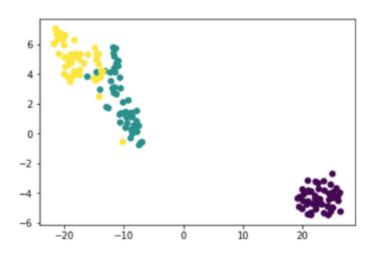


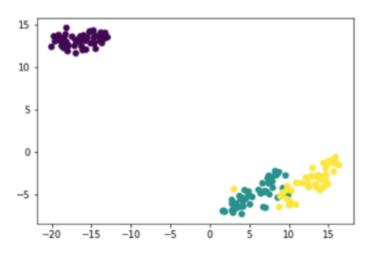
- 1. 임의의 점 선택 (검정 점)
- 2. 선택된 검정 점으로부터 다른 점들까지의 거리 측정
- 3. t 분포의 검정 점을 중심 (기준)에 있다고 할 때, 다른 점들은 상대적인 거리에 의해 값 선택이 값을 유사도 (친밀도)로 하고, 가까운 값끼리 군집



■ 단점

- 낮은 차원으로 잘 변환하는 장점이 있지만
- 수행할 때마다 축의 위치가 변화하는 특성 때문에 모양이 매번 변화함
- 따라서 데이터의 고유 특성을 시각화하는 분석에는 적합하지만 학습 특징으로 부적합함







6.8.5 귀납적 학습 모델과 전이유추 학습 모델

- 전이유추transductive 학습 모델
 - 관찰된 훈련 사례에서 시험 사례로 추론됨
 - 훈련집합 이외의 새로운 샘플을 처리할 능력이 없는 모델
 - IsoMap, LLE, t-SNE는 모두 트랜스덕티브 모델
 - 데이터 가시화라는 목적에 관한 한 PCA나 오토인코더와 같은 귀납적 모델보다 성능이 뛰어남

"If you possess a restricted amount of information for solving some problem, try to solve the problem directly and never solve a more general problem as an intermediate problem. 어떤 문제를 풀 때 데이터가 제한되어 있으면, 그 문제를 직접 풀어야 한다. 중간 문제로서 좀 더 일반적인 문제를 풀 필요가 전혀 없다."

- 귀납적induction 모델
 - 관찰된 훈련 사례에서 일반적 규칙에 이르기 까지 추론한 다음 시험 사례 적용
 - 훈련집합 이외의 새로운 샘플을 처리할 능력이 있는 모델
 - IsoMap, LLE, t-SNE를 제외한 지금까지 공부한 모든 모델
- 주어진 문제에 따라 둘 중 적절한 것을 선택하는 지혜 필요

