

4

3

2

1

-CTGTTGTAAATGTTG

ACATCTGCG-CCCGC

TCTGCCACTTTCCCTT

-----

...

...

...

...

ACCATAGTGAACACTG

TCTGTATTGATGCCGC

ATGGTAATGCAATCGA

-----

...

...

...

...

GTGCATGTAAAGCCCA

---TATGCTTATGCTT

---CATATTTGGACTC

---CATTTTGGGCTT

...

...

...

...

GAGGATGTAAATCCA-

TGCATAGAATCCCTAA

TGTCTTGAAGGTCTGT

TGCATAGAGGGCATCT

0

20

40

60