# Realizando import de bibliotecas

```
In [ ]: # Imports and styling
        import numpy as np
        import pandas as pd
        import seaborn as sns
        import matplotlib.pyplot as plt
        from sklearn.preprocessing import normalize
        from sklearn.tree import plot_tree
        from sklearn.tree import DecisionTreeClassifier
        from sklearn.model_selection import train_test_split
        from sklearn.model_selection import GridSearchCV
        from sklearn.model_selection import KFold
        from sklearn.metrics import confusion matrix
        from sklearn.metrics import ConfusionMatrixDisplay
        from sklearn.metrics import accuracy_score
        from sklearn.experimental import enable_iterative_imputer
        from sklearn.impute import IterativeImputer
        plt.style.use('default')
```

## Trabalhando o dataset

Para este projeto estaremos utilizando uma base de dados presente no Kaggle denominada "Titanic - Machine Learning From Disaster". Trata-se de um dataset famoso utilizado principalmente para pessoas dando os primeiros passos dentro do mundo de Machine Learning. Vamos primeiro visualizar o dataset para saber que tipos de dados estamos tratando.

Out[ ]:		Passengerld	Survived	Pclass	Name	Sex	Age	SibSp	Parch	Ticket	Fare
-	0	1	0	3	Braund, Mr. Owen Harris	male	22.0	1	0	A/5 21171	7.2500
	1	2	1	1	Cumings, Mrs. John Bradley (Florence Briggs Th	female	38.0	1	0	PC 17599	71.2833
	2	3	1	3	Heikkinen, Miss. Laina	female	26.0	0	0	STON/O2. 3101282	7.9250
	3	4	1	1	Futrelle, Mrs. Jacques Heath (Lily May Peel)	female	35.0	1	0	113803	53.1000
	4	5	0	3	Allen, Mr. William Henry	male	35.0	0	0	373450	8.0500

Ao todo temos 12 colunas, das quais 10 são parâmetros que podem ou não serem utilizados para a previsão, que são:

- Pclass → Classe do ticket do passageiro
- Name → Nome do passageiro
- Sex → Gênero declarado
- Age → Idade
- SibSp → Número de irmãos + cônjuges no Titanic
- Parch → Número de parentes + filhos no Titanic
- Ticket → Número do ticket
- Fare → Preço do ticket
- Cabin → Cabine no Titanic
- Embarket → Local em que embarcou (C = Cherbourg, Q = Queenstown, S = Southampton)

As outras duas restantes são as seguintes:

- PassengerId → Número de identificação único para cada passageiro
- Survived → Se o passageiro sobreviveu ou não (0 = Não, 1 = Sim)

O objetivo é prever a partir das características de um passageiro se o mesmo sobreviveu ou não.

# Removendo colunas e realizando mapeamento de colunas com strings

As colunas de "Passengerld", "Name", "Ticket" não são úteis para previsão, sendo únicas a cada passageiro e não fornecendo informações do ponto de vista de realizar previsões, sendo por essas razões excluídas.

```
In [ ]: # Remove unusuable string parameters, plus cabin has many NaN values
    df_train = df_train.drop(["PassengerId", "Name", "Ticket"], axis=1)
    df_test = df_test.drop(["PassengerId", "Name", "Ticket"], axis=1)
```

## Verificando por NaN

Como queremos apenas as entradas válidas, checamos por valores NaN.

```
In [ ]: | df_train.isna().sum()
Out[]: Survived
       Pclass
       Sex
                    0
       Age
                 177
                  0
       SibSp
       Parch
       Fare
                   0
       Cabin
                  687
       Embarked
       dtype: int64
In [ ]: df_test.isna().sum()
Out[ ]: Pclass
       Sex
                    0
       Age
                   86
       SibSp
                    0
       Parch
                   0
       Fare
                   1
       Cabin
                  327
       Embarked
       dtype: int64
```

É possível observar casos de NaN nas colunas de "Age" e "Cabin" em ambos datasets, com alguns casos mais isolados. Devido a quantidade extremamente grande de casos NaN para a coluna "Cabin" e o fato de não vermos essa coluna como relevante para realização da previsão, optamos então por removê-la. Trabalharemos a coluna "Age" com mais detalhes.

```
In []: # Remove unusuable string parameters, plus cabin has many NaN values
    df_train = df_train.drop(["Cabin"], axis=1)
    df_test = df_test.drop(["Cabin"], axis=1)

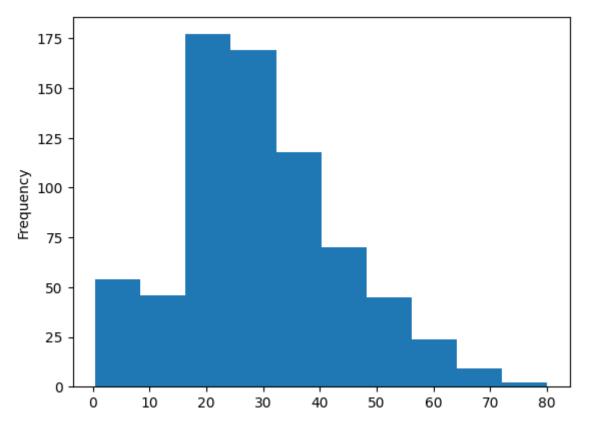
# Map strings to numeric values
    df_train["Sex"] = df_train["Sex"].map({"male": 0, "female": 1})
    df_train["Embarked"] = df_train["Embarked"].map({"C": 0, "Q": 1, "S": 2})
    df_test["Sex"] = df_test["Sex"].map({"male": 0, "female": 1})
    df_test["Embarked"] = df_test["Embarked"].map({"C": 0, "Q": 1, "S": 2})
```

Por fim, realizamos o mapeamento das strings das colunas de "Sex" e "Embarked" para valores inteiros, de forma a preparar as mesmas para uso pelo modelo.

## Idade

Ao contrário da coluna de cabines, optamos por tentar manter a coluna de idade e preencher os valores NaN. Excluir as linhas que possuem NaN acarretaria uma perda de dados muito grande, e por outro lado acreditamos que idade pode representar um fator relevante na previsão do modelo, visto ser relevante na prioridade que a pessoa pode receber e nas próprias características físicas e emocionais que a pessoa pode possuir, representando características que podem ser importantes para determinar a sobrevivência de uma pessoa ou não e, por consequência, sendo ruim a exclusão da coluna. Vamos visualizar a distribuição como está presente atualmente:

```
In [ ]: df_train["Age"].plot(kind='hist')
Out[ ]: <AxesSubplot:ylabel='Frequency'>
```



Como esperado, temos uma concentração maior de jovens adultos, com uma quantidade considerável de crianças e alguns idosos em menor quantidade.

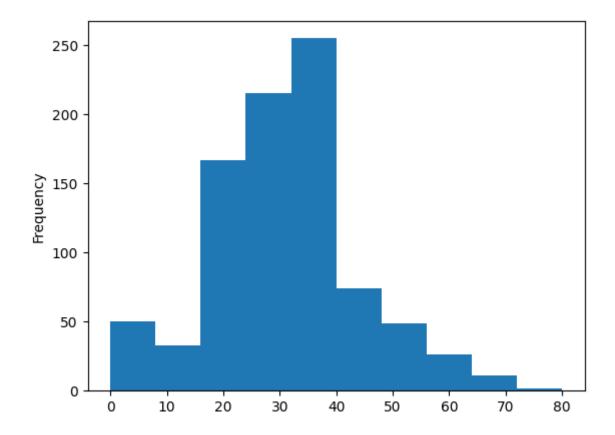
Preenchendo NaN's para reduzir perda de dados

Para os casos exceção visualizados anteriormente, usamos da média para colocar o valor. No caso de idade, utilizamos do IterativeImputer(), que procura prever e preencher os valores restantes. Das informações presentes, acreditamos que as características mais relacionadas com idade estão presentes em "SibSp" e "Parch". Essa suspeita é comprovada futuramente pela matriz de correlação, que pode ser visualizada logo abaixo. Além disso, durante a análise visualizamos a presença de valores negativos na idade, que foram por sua vez removidos.

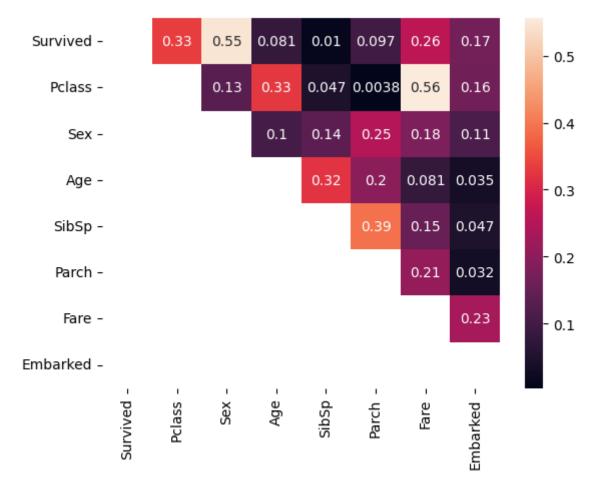
```
In [ ]: # Fill in missing fare value
        df test["Fare"] = df test["Fare"].replace(np.NaN, df test["Fare"].mean())
        # Fill in missing age values considering SibSp and Parch
        age_cols = ["SibSp", "Parch", "Age"]
        impute = IterativeImputer()
        X_age = df_train[age_cols]
        df_age = pd.DataFrame(np.round(impute.fit_transform(X_age)), columns=age_
        df_train["Age"] = df_age["Age"]
        X_age = df_test[age_cols]
        df_age = pd.DataFrame(np.round(impute.fit_transform(X_age)), columns=age_
        df_test["Age"] = df_age["Age"]
        # Remove rows with negative ages
        df_train["Age"] = df_train[df_train["Age"] >= 0]["Age"]
        # Remove rows with empty embarked values from the training data
        df_train = df_train.dropna().reset_index(drop=True)
        df_train.head()
```

Out[ ]:		Survived	Pclass	Sex	Age	SibSp	Parch	Fare	Embarked
	0	0	3	0	22.0	1	0	7.2500	2.0
	1	1	1	1	38.0	1	0	71.2833	0.0
	2	1	3	1	26.0	0	0	7.9250	2.0
	3	1	1	1	35.0	1	0	53.1000	2.0
	4	0	3	0	35.0	0	0	8.0500	2.0

```
In [ ]: df_train["Age"].plot(kind='hist')
Out[ ]: <AxesSubplot:ylabel='Frequency'>
```



O preenchimento gera uma quantidade ainda maior de pessoas na faixa de 20 para 40 anos, o que é esperado no contexto. Experimentamos nos modelos utilizar desses valores ou optar pela simples remoção do mesmo para comparar se tal tratamento mostrou resultados ou não. Vamos visualizar a relação entre as variáveis após os tratamentos utilizados.



Out[]: Age 0.080560 SibSp 0.010423 Parch 0.097486

Name: Survived, dtype: float64

Apesar das mudanças, vemos que "Age", "SibSp" e "Parch" seguem com baixa relação com se um indivíduo sobreviveu ou não. Acreditamos que isso pode ser também relacionado com o fato das idades divergirem muito em valores mesmo com pouca mudança de características. Por essa razão, dividimos as idades de acordo com faixas etárias para melhor encaixar essas características.

- 0 9 anos → Crianças
- 10 15 anos → Adolescentes
- 16 24 anos → Jovens
- 25 59 anos → Adultos
- 60 80 anos → Idosos

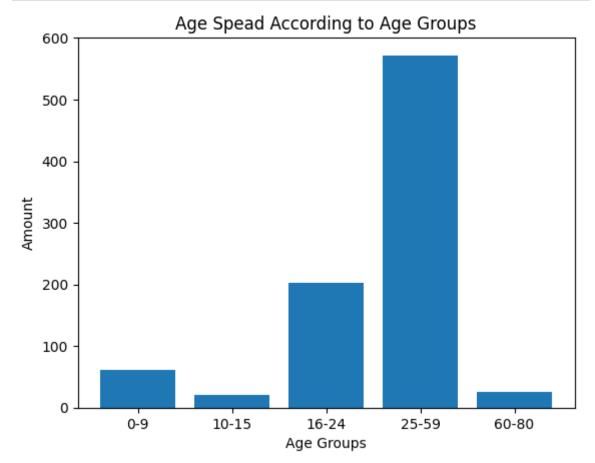
```
In []: bins = [-0.1, 9, 15, 24, 59, 80]
    group_names = [0, 1, 2, 3, 4]

"""
    child - 0 to 9 years
    teen - 10 to 15 years
    young - 16 to 24 years
    adult - 25 to 59 years
    elder - 60 to 80 years
"""

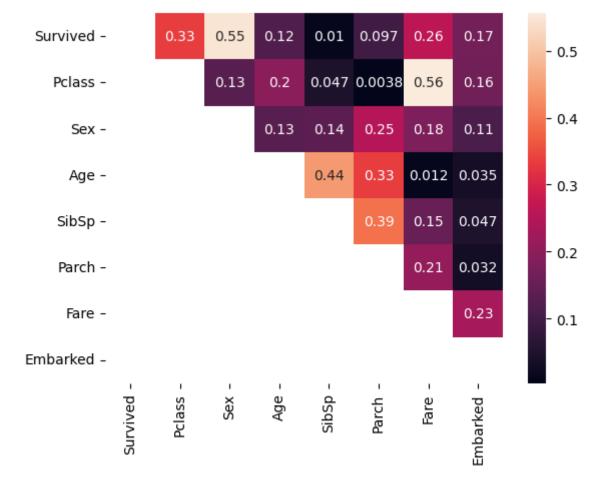
df_train["Age"] = pd.to_numeric(pd.cut(df_train["Age"], bins, labels=group))
```

```
In []: labels = df_train["Age"].unique()
    values = df_train["Age"].value_counts().sort_index()

plt.bar(["0-9", "10-15", "16-24", "25-59", "60-80"], values)
    plt.title("Age Spead According to Age Groups")
    plt.xlabel("Age Groups")
    plt.ylabel("Amount")
    plt.show()
```



Conforme esperado, a quantidade de pessoas presentes na categoria de adultos é, por larga margem, a maior. Tal característica reflete o que intuitivamente seria esperado, e por essa razão optamos por manter dessa forma.



Out[]: SibSp 0.010423 Parch 0.097486

Name: Survived, dtype: float64

Na matriz de correlação vemos um aumento suficiente para passar a coluna idade do limiar, sendo então o suficiente para valer a tentativa de utilização. Novamente, descobriremos se tal gasto no tratamento realmente vai possuir resultados significativos. Por fim, "SibSp" e "Parch" seguem pouco relevantes e, por essa razão, são removidos.

Com todas as remoções de parâmetros feitas, fizemos a normalização dos dados.

```
In []: # SibSp, Parch and Age have low correlation with the output parameter, so
    df_train = df_train.drop(["SibSp", "Parch"], axis=1)
    df_test = df_test.drop(["SibSp", "Parch"], axis=1)

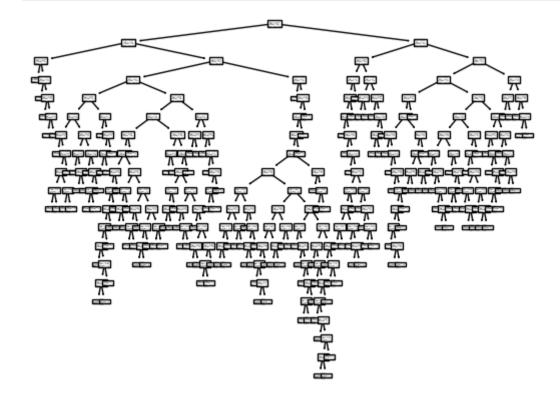
In []: # Normalize data
    survived_train = df_train["Survived"]

    scaled_df_train = pd.DataFrame(normalize(df_train, axis=0), columns=df_tr
    scaled_df_test = pd.DataFrame(normalize(df_test, axis=0), columns=df_test
    df_train = scaled_df_train
    df_test = scaled_df_test
    df_train["Survived"] = survived_train
In []: X_train = df_train.drop(["Survived"], axis=1)
    y_train = df_train["Survived"]
```

#### Processo de treino

#### Treinando um modelo default

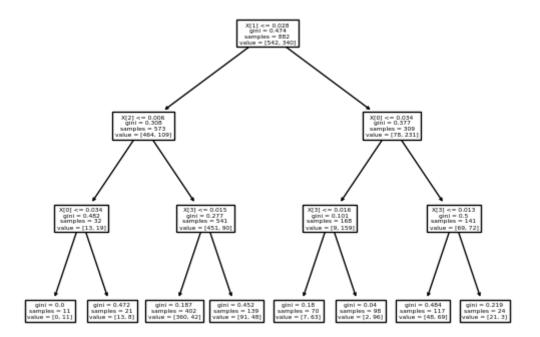
Inicialmente, treinamos um modelo utilizando a função completamente "default", ou seja, com os parâmetros pré-definidos já da função.



# Treinando um modelo simples

O valor de score nos leva a acreditar em uma possibilidade já de um processo de overfitting. Por essa razão, treinamos também um modelo mais simplificado com mudança de apenas um parâmetro.

max\_depth → Representa a profundidade máxima da árvore



## Variando parâmetros

Para experimentar com os possíveis parâmetros oferecidos pela função, utilizamos da "GridSearchCV" para treinar o modelo com algumas variações de parâmetros, das quais mostramos as 5 melhores combinações. Os parâmetros em questão são, além do "max\_depth" já explicado previamente:

- criterion → Função para definir a qualidade de uma divisão em certo nó
- max\_feature → Número de características consideradas para determinar a divisão em um certo nó
- max\_leaf\_nodes → Cresce uma árvore com a quantidade passada no parâmetro utilizando best-first

```
In [ ]: parameters = {'criterion':('gini', 'entropy'), 'max_depth':[2,3,4,5], 'ma
         dt2 = DecisionTreeClassifier()
         clf = GridSearchCV(dt2, parameters, return_train_score=True)
         clf.fit(X_train, y_train)
         results = pd.DataFrame(clf.cv_results_)
         results.nsmallest(5, "rank_test_score")
             mean_fit_time std_fit_time mean_score_time std_score_time param_criterion param_ma
Out[]:
                 0.001529
                             0.000137
                                             0.001123
         59
                                                            0.000187
                                                                            entropy
         30
                 0.001553
                             0.000329
                                             0.001110
                                                            0.000287
                                                                               gini
         53
                 0.001700
                             0.000332
                                             0.001262
                                                            0.000440
                                                                            entropy
                                             0.001125
                 0.001504
         49
                             0.000092
                                                            0.000274
                                                                            entropy
         31
                 0.002108
                             0.000829
                                             0.001510
                                                            0.000846
                                                                               gini
```

5 rows × 24 columns

#### Utilizando KFold

```
In [ ]: cv = KFold(n_splits=10)
        accuracies = list()
        max_attributes = len(list(df_test))
        depth_range = range(1, max_attributes + 1)
        for depth in depth_range:
            fold_accuracy = []
            tree_model = DecisionTreeClassifier(max_depth=depth)
            for train_fold, valid_fold in cv.split(df_train):
                f_train = df_train.loc[train_fold]
                f_valid = df_train.loc[valid_fold]
                model = tree_model.fit(X_train, y_train)
                valid_acc = model.score(f_valid.drop(["Survived"], axis=1), f_val
                fold_accuracy.append(valid_acc)
            avg = sum(fold_accuracy) / len(fold_accuracy)
            accuracies.append(avg)
        df = pd.DataFrame({"Max Depth": depth_range, "Average Accuracy": accuraci
        df = df[["Max Depth", "Average Accuracy"]]
        print(df.to_string(index=False))
```

```
Max Depth Average Accuracy
1 0.787921
2 0.794791
3 0.820838
4 0.835598
5 0.848072
```

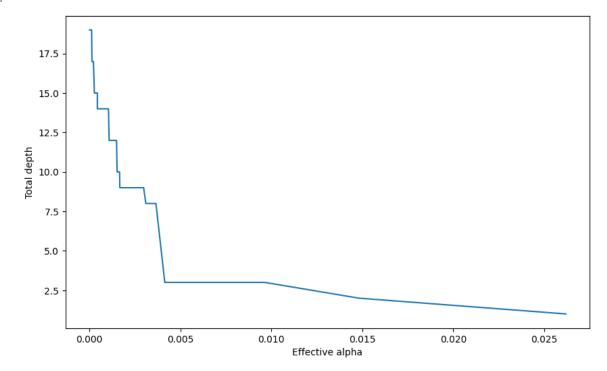
# **Cost Complexity Pruning**

O nosso objetivo é obter estimativas confiáveis de erro a partir do conjunto de treinamento, separando uma parte dele para validação e tentando otimizar o erro nela.

```
In [ ]:
        X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(X_train, y_train, test
In [ ]: | clf = DecisionTreeClassifier()
         path = clf.cost_complexity_pruning_path(X_train, y_train)
In [ ]: ccp_alphas, impurities = path.ccp_alphas, path.impurities
         plt.figure(figsize=(10, 6))
         plt.plot(ccp_alphas, impurities)
         plt.xlabel("Effective alpha")
         plt.ylabel("Total impurity of leaves")
         Text(0, 0.5, 'Total impurity of leaves')
           0.45
           0.40
         Total impurity of leaves
           0.35
           0.30
           0.25
           0.20
           0.15
           0.10
                 0.00
                          0.02
                                    0.04
                                             0.06
                                                      0.08
                                                                0.10
                                                                         0.12
                                                                                   0.14
                                               Effective alpha
In [ ]: clfs = []
         for ccp_alpha in ccp_alphas:
             clf = DecisionTreeClassifier(random_state=0, ccp_alpha=ccp_alpha)
              clf.fit(X_train, y_train)
              clfs.append(clf)
```

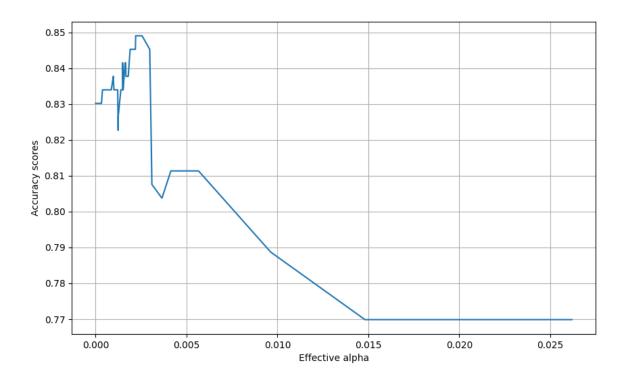
```
In [ ]: tree_depths = [clf.tree_.max_depth for clf in clfs]
    plt.figure(figsize=(10, 6))
    plt.plot(ccp_alphas[:-1], tree_depths[:-1])
    plt.xlabel("Effective alpha")
    plt.ylabel("Total depth")
```

Out[ ]: Text(0, 0.5, 'Total depth')



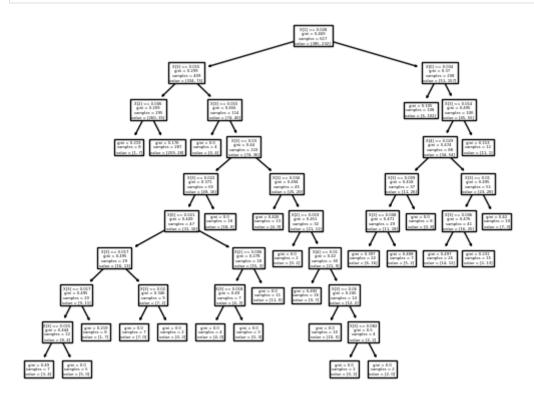
```
In [ ]: acc_scores = [accuracy_score(y_test, clf.predict(X_test)) for clf in clfs
    tree_depths = [clf.tree_.max_depth for clf in clfs]
    plt.figure(figsize=(10, 6))
    plt.grid()
    plt.plot(ccp_alphas[:-1], acc_scores[:-1])
    plt.xlabel("Effective alpha")
    plt.ylabel("Accuracy scores")
```

Out[ ]: Text(0, 0.5, 'Accuracy scores')



A árvore para o valor de ccp\_alpha que traz uma melhor acurácia no nosso conjunto de treinamento é:

```
In [ ]: plot_tree(clfs[56])
   plt.show()
```



Visualizando os resultados no Kaggle

Previamente ao tratamento mais avançado de dados, fizemos submissões no Kaggle, variando max\_depth, max\_features e max\_leaf\_nodes. Nesse ponto do projeto, ainda não tinhamos feito tratamento em Age, e, por conta da sua baixa correlação com a variável de saída, não o estávamos considerando.

Entretanto, todas essas submissões se manteram na casa de 77%. De fato, alcancamos a pontuação de 77.99% em múltiplas submissões, mas essa foi a pontuação máxima obtida.

Após inferir os dados de Age que estavam faltando e agrupá-los em faixas etárias, fizemos mais uma série de submissões. Novamente, ficamos na faixa de 77% de acerto.

Considerando a normalização de dados e os parâmetros padrões da DecisionTreeClassifier, fizemos 3 submissões no Kaggle variando a profundidade máxima no intervalo [3, 5]:

- 3: 0.73684
- 4: 0.74641
- 5: 0.73684

Para as submissões utilizando Cost Complexity Pruning, definimos apenas o critério (gini ou entropy) e o ccp\_alpha. Encontramos os melhores resultados com gini e ccp\_alpha=0.03, obtendo uma pontuação de 76.315%. Com ccp\_alpha=0.024, que traz o melhor resultado na partição de teste extraída do conjunto de treinamento, a pontuação é de 73.684%.