

## Raportowanie: spektrometr gamma

### Praca z oprogramowaniem

- Otworzyć plik z wybranym widmem.
- Z paska menu przejść do **kalibracji**:  
`Calibrate > Load`
  - Zaznaczyć **Energy**, odznaczyć **Efficiency**.
    - \* Wybrać plik z rozszerzeniem **\*.energy**, kliknąć dwukrotnie.
- Z paska menu przejść do **kalibracji**:  
`Calibrate > Load`
  - Zaznaczyć **Efficiency**.
  - Wybrać plik z rozszerzeniem **\*.efficiency**, kliknąć dwukrotnie.
- Z paska menu przejść do analizy:  
`Analyze > Execute Sequence > ECR_lab...`
  - W oknie wypełnić obowiązkowe pola:
    - \* Nazwę próbki oraz ID w formacie: 3 pierwsze litery jeziora (bez polskich znaków)
    - \* Rok poboru rdzenia.
    - \* Numer rdzenia.
    - \* Kolejny nr próbki, z rozwinięciem poprzedzonym odpowiednią liczbą zer.  
`JJJ_18-2_01`
    - \* Masę próbki<sup>1</sup>.
  - Zatwierdzić OK.
- Na widmie powinny pojawić się symbole izotopów.  
Raport automatycznie zapisuje się na dysku.
- Zamknąć widmo.

---

<sup>1</sup>Separator dziesiętny to kropka.

### **Nie zapisywać zmian.**

- Przejść do kolejnej próbki i powtórzyć powyższe kroki.
- Przejść do lokalizacji *C:\GENIE2K\CAMFILES\REPFILES* i odnaleźć plik z widmem.
- Utworzyć nowy katalog dla kolejnego rdzenia osadów i przenieść tam dokumenty.
- Wykonać kopię zapasową plików z wykorzystaniem programu *DSynchronize*.

### **Rejestr zmian**

01.12.2022, MZ – wersja inicjalna Quarto. Rozwinięcie treści.

Wojciech Tylmann, Karolina Molisak, Maurycy Żarczyński 2022-12-06