

Raportowanie: spektrometr gamma

Praca z oprogramowaniem

- Otworzyć plik z wybranym widmem.
- Z paska menu przejść do **kalibracji**:
`Calibrate > Load`
 - Zaznaczyć **Energy**, odznaczyć **Efficiency**.
 - * Wybrać plik z rozszerzeniem ***.energy**, kliknąć dwukrotnie.
- Z paska menu przejść do **kalibracji**:
`Calibrate > Load`
 - Zaznaczyć **Efficiency**.
 - Wybrać plik z rozszerzeniem ***.efficiency**, kliknąć dwukrotnie.
- Z paska menu przejść do analizy:
`Analyze > Execute Sequence > ECR_lab...`
 - W oknie wypełnić obowiązkowe pola:
 - * Nazwę próbki oraz ID w formacie: 3 pierwsze litery jeziora (bez polskich znaków)
 - * Rok poboru rdzenia.
 - * Numer rdzenia.
 - * Kolejny nr próbki, z rozwinięciem poprzedzonym odpowiednią liczbą zer.
`JJJ_18-2_01`
 - * Masę próbki¹.
 - Zatwierdzić OK.
- Na widmie powinny pojawić się symbole izotopów.
Raport automatycznie zapisuje się na dysku.
- Zamknąć widmo.

¹Separator dziesiętny to kropka.

Nie zapisywać zmian.

- Przejść do kolejnej próbki i powtórzyć powyższe kroki.
- Przejść do lokalizacji *C:\GENIE2K\CAMFILES\REPFILES* i odnaleźć plik z widmem.
- Utworzyć nowy katalog dla kolejnego rdzenia osadów i przenieść tam dokumenty.
- Wykonać kopię zapasową plików z wykorzystaniem programu *DSynchronize*.

Rejestr zmian

01.12.2022, MZ – wersja inicjalna Quarto. Rozwinięcie treści.

Wojciech Tylmann, Karolina Molisak, Maurycy Żarczyński 2022-12-08