RESPUBLIKA ILMIY ANJUMANI 16 - may 2024 yil

GENETIKA, GENOMIKA VA BIOTEXNOLOGIYANING ZAMONAVIY MUAMMOLARI



CURRENT ISSUES IN
GENETICS, GENOMICS AND BIOTECHNOLOGY

REPUBLICAN SCIENTIFIC CONFERENCE 16 May 2024

O'ZBEKISTON RESPUBLIKASI FANLAR AKADEMIYASI GENOMIKA VA BIOINFORMATIKA MARKAZI

GENETIKA, GENOMIKA VA BIOTEXNOLOGIYANING ZAMONAVIY MUAMMOLARI

RESPUBLIKA ILMIY ANJUMANINING TEZISLAR TOʻPLAMI

16 may 2024 yil

АКАДЕМИЯ НАУК РЕСПУБЛИКИ УЗБЕКИСТАН ЦЕНТР ГЕНОМИКИ И БИОИНФОРМАТИКИ

СБОРНИК ТЕЗИСОВ РЕСПУБЛИКАНСКОЙ НАУЧНОЙ КОНФЕРЕНЦИИ

СОВРЕМЕННЫЕ ПРОБЛЕМЫ ГЕНЕТИКИ, ГЕНОМИКИ И БИОТЕХНОЛОГИИ

16 мая 2024 года

Toshkent – 2024 yil



Tashkiliy qo'mita:

Buriyev Z.T. - tashkiliy qoʻmita raisi.

Ayubov M.S. - tashkiliy qoʻmita a'zosi

Shermatov Sh.E. - tashkiliy qoʻmita a'zosi

Imamxodjaeva A.S. - tashkiliy qoʻmita a'zosi

Kamburova V.S. - tashkiliy qoʻmita a'zosi

Ubaydullaeva X.A. – tashkiliy qoʻmita a'zosi

Makamov A.X. - tashkiliy qoʻmita a'zosi

Norbekov J.K. - tashkiliy qoʻmita a'zosi

Salaxutdinov I.B. - tashkiliy qoʻmita a'zosi

Radjapov F.S. - tashkiliy qoʻmita a'zosi

Avezmatov T.K. - tashkiliy qoʻmita a'zosi

Yusupov A.N. - tashkiliy qoʻmita a'zosi

Muxammadaliyev R.I. - tashkiliy qoʻmita a'zosi

Tahririyat jamoasi:

Ayubov M.S. Rais. Ilmiy ishlar boʻyicha direktor oʻrinbosari, PhD.

Kamburova V.S. Laboratoriya mudiri, b.f.d.

Salaxutdinov I.B. Laboratoriya mudiri, b.f.n.

Shermatov Sh.E. Ilmiy kotib, b.f.n.

Imamxodjaeva A.S. Laboratoriya mudiri, b.f.n.

Ubaydullaeva X.A. Laboratoriya mudiri, b.f.d.

Makamov A.X. Laboratoriya mudiri, PhD.

Xusenov N.N. Boʻlim mudiri, PhD.

Norbekov J.K. Laboratoriya mudiri, PhD.

Usmonov D.E. Laboratoriya mudiri, PhD.

Radjapov F.S. Kichik ilmiy xodim, PhD.

Muxammadaliyev R.I. Tayanch doktorant

Toʻplam Markaz Ilmiy kengashining qarori bilan nashrga tasdiqlangan (2024 yil 16-apreldagi 4-son bayonnoma).

O'zR FA Genomika va bioinformatika markazi. 2024 yil.

Qadrli hamkasblar,

"Genetika, genomika va biotexnologiyaning zamonaviy muammolari" anjumanining tezislar toʻplamini sizga katta mamnuniyat bilan taqdim etamiz. Tahririyat hay'ati a'zolari sifatida ilm-fanning ushbu asosiy yoʻnalishlari boʻyicha olimlarni birlashtirgan platformani taqdim etish biz uchun sharafdir.

Ma'lumki, genetika, genomika va biotexnologiya innovatsiyalar va kashfiyotlar boshida turadi. Bizning anjumanimiz tadqiqotchilar, olimlar va amaliyotchilarga fikr va bilimlar bilan almashish, shu bilan birga kelajak avlod uchun yoʻnalishni belgilash uchun joy boʻlib xizmat qiladi.

Taqdim etilgan tezislar ilgʻor tadqiqot natijalaridan tortib amaliy qoʻllashgacha boʻlgan keng doiradagi mavzularni ifodalaydi. Har bir tezis izlanuvchining tadqiqot yangiliklarini va tinimsiz ilmiy yuksaklikka intilishni oʻzida mujassam etgan.

Akademik nutqning tashuvchisi sifatida biz barcha mualliflarga bebaho hissalari uchun chuqur minnatdorchiligimizni bildiramiz. Sizning bilim chegaralarini olgʻa siljitishga boʻlgan sadoqatingiz barchamizni ilhomlantiradi va tub oʻzgarishlarga poydevor qoʻyadi.

Shuningdek, o'z jamoaviy sa'y harakatlari bilan ushbu anjumanni tashkil etishini ta'minlagan tashkiliy qo'mita, taqrizchilar va ishtirokchilarga o'z minnatdorchiligimizni bildiramiz.

Toʻplam hamkorlik, innovatsiyalar va mazmunli muloqot uchun muhim manba boʻlib xizmat qilsin. Ilm-fanni rivojlantirish va fanlarimizning kelajagini shakllantirishga sodiqligingiz uchun tashakkur.

Hurmat bilan,

Tahririyat jamoasi



tamaki va issiqxona oq chivinlaridan himoya qilishdir. Kasallangan oʻsimlikni ildizlari bilan qazib olib tashlash va yoqish kerak. Zararlanmagan oʻsimliklarni esa mis elementi aralashgan preparatlar bilan ishlash kerak. Lekin, hozirgi vaqtda bunday usullar ushbu virusning tez tarqalishi tufayli samarasiz deb hisoblanadi. Zamonaviy texnologiyalar asosida preparatlarning yangi avlodini olinishi shu kabi virusli kasalliklarga boʻlgan kurash samarasini keskin oshiradi.

Yuqorida keltirilgan ma'lumotlardan kelib chiqib tadqiqotlarimizda pomidor oʻsimligiga zarar yetkazuvchi pomidorning sariq jingalak bargi virusini (*TYLCV*) virusini genomlarini bioinformatik taxlil qilish yordamida oʻsimliklarga zarar keltirishda faol ishtirok etuvchi genlarini aniqlash va shu genlar asosida virus faoliyatini toʻxtatuvchi vektor konstruksiyalar olishni maqsad qilib qoʻyildi. Hozirda gen bazalarida mavjud *TYLCV* genomlarini bioinformatik taxlil qilish ishlari olib borilmoqda.

O'ZBEKISTONDA MTHFR C677T VA A1298C POLIMORFIZMINING HOMILA TUSHISHI BILAN KORRELYATSIYASINI O'RGANISH

Raxmatullayev A.I.¹, Mirakbarova Z.M.^{1,2}, Esonova G.U.¹, Abdunabiev A.A.¹, Sodiqova M.O.¹, Atamuratova G.G.², Meylikov X.Y.², Abduraximov²A.A.^{1,2}, Abdullayev A.A.¹

¹Oliy ta'lim, fan va innovatsiyalar vazirligi huzuridagi Ilg'or texnologiyalar markazi O'zbekiston, Toshkent, Olmazor tumani, Universitet ko'chasi, 3A e-mail: info@cat-science.uz

²OʻzMU huzuridagi Biofizika va Biokimyo instituti Oʻzbekiston, Toshkent, Olmazor tumani, Talabalar koʻchasi, 174 e-mail: ibb-nuu@mail.ru

Dunyoda homiladorlarning 15 % qismida homila tushishi kuzatilib, 4,2 % gacha boʻlgan homiladorlarda 2 va undan koʻp marotaba homila tushishi sodir boʻladi. Homila tushishiga bir qancha omillar: ayolning yoshi, yurak-qon tomir kasalliklari, qandli diabet, xronik kasalliklar, zararli odatlar, genetik omillar, infeksiya va boshqa tashqi muhit omillari ta'sir koʻrsatadi. Hozirgi kunda homila tushishi bilan



assotsialangan 50 dan ortiq SNP markerlari aniqlangan. Metilenhidrofolat reduktaza (MTHFR) foliy kislota siklining asosiy fermenti boʻlib, folatni 5-metiltetrahidrofolatga aylantiradi. Foliy kislotasi homiladorlikning dastlabki bosqichlarida embrionning nerv nayi shakllanishida muhim rol oʻynaydi. MTHFR C677T (Ala222Val) (rs1801133) hamda MTHFR A1298C (Glu429Ala) (rs1801131) polimorfizmlari Metilenhidrofolat reduktaza fermenti faolligining pasayishiga olib keladi. Bu esa foliy kislotasining yetarli oʻzlashtirilmasligiga sabab boʻladi. Homiladorlikning dastlabki bosqichlarida foliy kislotasining yetishmasligi embrionning orqa miya nerv nayi shakllanishining buzulishiga va anensefaliyaga sabab boʻladi. 50 % holatlarda ushbu bosqichda foliy kislota yetishmasligi erta homila tushishiga sabab boʻladi.

Material va metodlar. 79 nafar homila tushishi kuzatilgan ayollardan va 111 nafar homila tushishi kuzatilmagan nazorat guruh ayollardan periferik venoz qon namunalari olindi. Olingan qon namunalaridan Fenol:xloroform:izoamil spirti metodi yordamida genom DNK ajratildi. Aratilgan DNK namunalari 30-60 ng/μl miqdorda normallashtirildi. Infinium Global Screening Array (Illumina) texnologiyasidan foydalanilgan holda genotiplandi.

Olingan natijalar. MTHFR C677T (rs1801133) polimorfizmida G va A allellarining uchrash chastotasi homila tushishi kuzatilgan ayollarda mos ravishda 73,42 % va 26,58 % ni, nazorat guruhida esa mos holatda 74,77 % va 25,23 % ni tashkil etdi. GG gomozigota genotipning homila tushishi kuzatilgan ayollar va nazorat guruhida uchrash chastotasi mos ravishda 54,43 % va 54,05 %, GA genotip mos holatda 37,97 % va 41,45 %, AA gomozigota genotip esa mutanosib ravishda 7,6 % va 4,5 % (p-qiymat=0,5969). MTHFR A1298C (rs1801131) polimorfizmida nazorat guruhi va homila tushishi boʻlgan ayollarda TT genotipning uchrash chastotasi mos ravishda 51,9 % va 45,95 % ni, TG geterozigota genotip 34,17 % va 41,45 %, GG genotip esa 13,93 % va 12,6 % ni tashkil etdi (p-qiymat=0,5969). T va G allelarining uchrash chastotasi homila tushishi kuzatilgan ayollarda 68,98 % va 31,02 %, nazorat guruhida



esa mos ravishda 66,67 % va 33,33 % ekanligi aniqlandi. Yuqoridagi ma'lumotlardan kelib chiqib homila tushishi bilan MTHFR C677T va A1298C polimorfizmlarning korrelyatsiyasi aniqlanmadi.

KSILAN O-ASETILTRANSFERAZA 1 SINTEZINI OʻZGARTIRISH ORQALI OLINGAN SOYA LINIYALARINING MORFO-BIOLOGIK OʻZGARISHLARINI BAHOLASH NATIJALARI

Yusupov A.N., Ayubov M.S., Mamajonov B.O., Obidov N.Sh., Murodov A.A., Bashirxonov Z.X., Kamalova L.X.

OʻzR FA Genomika va bioinformatika markazi Oʻzbekiston, Toshkent viloyati, Qibray tumani, Universitet koʻchasi, 2

Qishloq xoʻjaligi ekinlari orasida qurgʻoqchilikka eng sezgiri soya hisoblanadi. Suv yetishmasligi stressi tufayli soya hosilining pasayishi uning genotipi, rivojlanish bosqichi, hamda stressining davomiyligi va ogʻirlik darajasiga bogʻliq. Soyada oʻsishning dastlabki bosqichlari, urugʻlarni unib chiqishidan to gullashgacha boʻlgan davrda qurgʻoqchilik stressining ta'siri reproduktiv bosqichga qaraganda kamroq seziladi. Quyida, CRISPR/Cas9 tizimi yordamida ksilan o-asetiltransferaza 1 (XOAT 1) sintezini oʻzgartirish orqali olingan soyaning mutant liniyalari va bir qator mahalliy va xorijiy soya navlarining Oʻzbekiston iqlim sharoitida morfo-fiziologik koʻrsatkichlarini oʻrganish va aniqlash uchun tajriba oʻtkazildi.

Ush bu tajriba 2022-2023 yillar ekin mavsumida Toshkent viloyati Qibray tumanida joylashgan Genomika va bioinformatika markazining dala tajriba maydonida oʻtkazildi. Bu hudud moʻtadil iqlimga ega. Yillik oʻrtacha yogʻin miqdori 12-26 mm boʻlib, uning koʻp qismi kech kuzdan erta bahorgacha tushadi. Sinov maydonchasidagi tuproq turi och tusli boʻz tuproq. Ushbu tajriba alohida ajratilgan ikkita maydonda amalga oshirildi. Tajribada Andijon don va don-dukkakli ekinlar ilmiy tekshirish institutidan va Oʻzbekiston oʻsimliklar genetik resurslari ilmiy-tadqiqot institutidan olingan 5 ta soya navlari ("Oʻzbekslaya-2", "Zamin", "Gavhar", "Toʻmaris", va "Vilana)" va ksilan o-asetiltransferaza 1 sintezi oʻzgartirilgan liniyalardan foydalanildi.



Ausanbayeva Sh.R., Usmanov D.E. va boshq. Kartoshka (Solnium tuberosum) stphyb genining haroratga javob reaksiyasi78
Sharifjonov A.A., Usmanov D.E. va boshq. <i>Far1-related sequence (frs)</i> genlar oilasi vakillarining oʻsimlik rivojlanishiga ta'siri80
Sultonova F.A., Usmanov D.E. va boshq. Pomidor (Solanum lycopersicum) oʻsimligining tylcv virusiga chidamliligini oshirish
Raxmatullayev A.I., Mirakbarova Z.M. va boshq. Oʻzbekistonda mthfr c677t va a1298c polimorfizmining homila tushishi bilan korrelyatsiyasini oʻrganish82
Yusupov A.N., Ayubov M.S. va boshq. Ksilan o-asetiltransferaza 1 sintezini oʻzgartirish orqali olingan soya liniyalarining morfo-biologik oʻzgarishlarini baholash natijalari
Xalquziyeva M.A., Kamolova S.N. va boshq. Molekulyar biologiyaning hozirgi kundagi ahamiyati86
Хусенов Н.Н., Норбеков Ж.К. ва бошқ. Ғўзанинг фузариоз вилт касаллигига чидамли номзод генларни биоинформатик тахлили
Камбурова В.С., Маматкулова Ш.Х. va boshq. Определение острой токсичности и LD ₅₀ RNAi линий хлопчатника
Ziyodov O.T., Usmanov D.E. va boshq. Gʻoʻza (<i>G.hirsutum</i> 1.) turida abiotik stress omillarga chidamlilikni oshirish90
Yusupov H.N., Mirzaxmedov M.X. va boshq. Goʻzada fitoxrom a (<i>phya</i>) genini zamonaviy biotexnologik yoʻllar bilan tahrirlash91
Абдурахимов А.А. Биоинформатический анализ взаимодействия цитоскелета с мембранными ферментами: влияние на активность Na ⁺ /K ⁺ -ATФ _{азы} и ацетилхолинэстеразы в мембранных препаратах эритроцитов крыс, лишенных спектрин-актиновой сети, с использованием python
Авезов Н.Ш., Қодирова Д.А. ва бошқ. Кўкрак бези саратонида рг маркери ва тр53 ген rs17884159 полиморфизмини боғлиқлик ахамияти95
Бобохужаев Ш.У., Абдукаримов Ш.С. ва бошқ. Ғўзанинг хромосомаси-алмашган cs-b04_uz линияси билан маҳаллий навларни ssr-маркерлар асосида молекуляр- генетик ўрганиш