

2020 年春季学期 计算学部《机器学习》课程

Lab 4 实验报告

姓名	梅智敏
学号	1183710118
班号	1837101
电子邮件	1044388658@qq.com
手机号码	13385658102

PCA模型实验

一、实验目的

目标

实现一个PCA模型,能够对给定数据进行降维(即找到其中的主成分)

测试

- 1. 首先人工生成一些数据(如三维数据),让它们主要分布在低维空间中,如首先让某个维度的方差远小于其它唯独,然后对这些数据旋转。生成这些数据后,用你的PCA方法进行主成分提取。
- 2. 找一个人脸数据(小点样本量),用你实现PCA方法对该数据降维,找出一些主成分,然后用这些主成分对每一副人脸图像进行重建,比较一些它们与原图像有多大差别(用信噪比衡量)。

二、实验环境

- win10
- python 3.7.4
- pycharm 2020.2

三、数学原理

3.1 PCA的目的

PCA(PrincipalComponentAnalysis)是一种常用的数据分析方法。它通过线性变换将原始数据用一组线性无关的base来表示,可用于**提取数据的主要特征分**量,常用于高维数据的**降维**,以减少资源消耗。

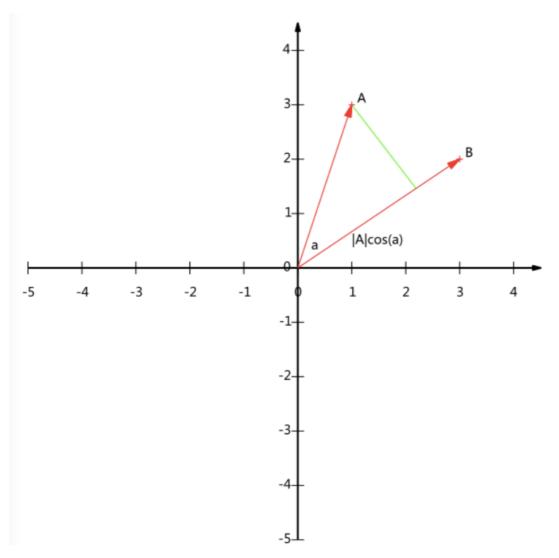
3.2 内积与投影

向量的内积被定义为

$$(a_1, a_2 \dots a_n)^T \cdot (b_1, b_2 \dots b_n)^T = a_1 b_1 + a_2 b_2 + \dots a_n b_n$$

内积运算将两个向量映射为一个实数

它的几何意义在于:相当于一个向量在另一个向量方向上的投影乘以另一个向量的模长



例如,上图中 $A=(a_1,a_2),B=(b_1,b_2)$

则 $A\cdot B=|A|coslpha|B|$,现欲求A向量在B向量方向上的投影(即以该方向上的坐标),即 $|A|coslpha=rac{A\cdot B}{|B|}$,倘若|B|=1,则简化为 $|A|coslpha=A\cdot B$

3.3 基变换

我们想要准确描述一个向量,首先需要一组基;然后给出该向量在各个基base方向上的投影即可。而我们对于基的要求就是线性无关且能"张成"对应的向量空间,通常使用正交基,因为正交基拥有一些良好的性质,但是非正交基也可以。

现在介绍基变换,一般的,**如果我们有M个N维向量,想将其变换为由R个N维向量表示的新空间中,那么首先将R个基按行组成矩阵A,然后将向量按列组成矩阵B,那么两矩阵的乘积AB就是变换结果,其中AB的第m列为A中第m列变换后的结果。**

数学表示为:

$$\left(egin{array}{c} p_1 \ p_2 \ dots \ p_R \end{array}
ight) \left(egin{array}{ccccc} a_1 & a_2 & \cdots & a_M \end{array}
ight) = \left(egin{array}{ccccc} p_1a_1 & p_1a_2 & \cdots & p_1a_M \ p_2a_1 & p_2a_2 & \cdots & p_2a_M \ dots & dots & dots & dots \ p_Ra_1 & p_Ra_2 & \cdots & p_Ra_M \end{array}
ight)$$

其中 p_i 是一个行向量,表示第i个基, a_i 是一个列向量,表示第j个原始数据记录。

特别要注意的是,这里R可以小于N,而R决定了变换后数据的维数。也就是说,**我们可以将N维数据变换到更低维度的空间中去,变换后的维度取决于基的数量。**因此这种矩阵相乘的表示也可以表示降维变换。

3.4 最大可分性

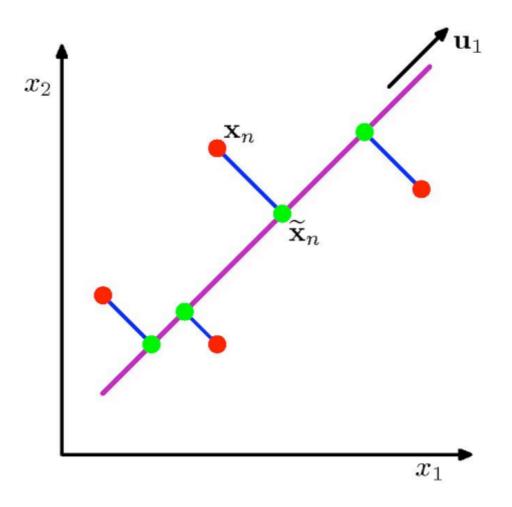
前面我们已经介绍了内积与投影的关系,以及基变换的知识。那么我们如何才能找到最合适的一组基, 并使用它来降维呢?

前面已经得到结论:

我们可以将N维数据变换到更低维度的空间中去,变换后的维度取决于基的数量。

我们想要获得某个向量在一组基上的坐标,只需分别求出该向量在各个基方向上的投影值即可。

而我们希望降维后的数据所保存的信息尽可能多,即降维后**各个维度数据内**的信息熵越大越好,而信息 熵往往和方差有着正相关关系。同时,我们希望降维后**各个维度数据之间**相互独立,不存在相关关系。



至此,我们得到了降维问题的优化目标:将一组 N 维向量降为 K 维,其目标是选择 K 个单位正交基,使得原始数据变换到这组基上后,各变量两两间协方差为 0,而变量方差则尽可能大(在正交的约束下,取最大的 K 个方差)。

3.5 矩阵对角化

我们现在拥有数据矩阵 $X_{m \times n}$,则 $C_{n \times n} = \frac{1}{m} X X^T$ 就是X的协方差矩阵

根据我们的优化条件,我们需要将**降维后的数据集的的协方差矩阵**对角线外的其他元素化为0,并且在对角线上将元素按从大到小进行排列,再选择最大的前K行即可。

设原始数据集X对应的协方差矩阵为C, P是一组基按行组成的矩阵, 设Y为X做基变换之后的数据矩阵, 则Y = PX, 再设D为Y对应的协方差矩阵, 有

$$D = \frac{1}{m} Y Y^{T}$$

$$= \frac{1}{m} (PX)(PX)^{T}$$

$$= \frac{1}{m} PX X^{T} P^{T}$$

$$= P \left(\frac{1}{m} X X^{T}\right) P^{T}$$

$$= PCP^{T}$$
(1)

故,我们的优化目标转化为:

- 需要寻找P,满足 PCP^T 是个对角矩阵,并且对角元素按大小依次排列,那么P的前的前 K 行就是要寻找的基。
- $\mathbf{H} P$ 的前 K 行组成的矩阵乘以 X 就使得 X从 N 维降到了 K 维。

接下来,我们就去寻找这样的P

原始数据X对应的协方差矩阵C是一个对称矩阵,它在线性代数中有一系列非常好的性质:

- 实对称矩阵不同特征值对应的特征向量必然正交。
- 设特征向量 λ 的重数为 r,则必然存在 r个线性无关的特征向量对应于 λ ,因此可以将这 λ 个特征向量单位正交化(可利用施密特正交化)。

那么根据上面2条性质, 我们可推出定理:

一个 n 行 n列的实对称矩阵一定可以找到 n个单位正交特征向量

将上述定理应用到我们的协方差矩阵C上,得到n个单位正交特征向量 $e_1, e_2 \dots e_n$,我们将其按列排成矩阵:

$$E = (e_1, e_2 \dots e_n)$$

依据线性代数的知识, 我们可以得到:

$$E^T C E = \Lambda = \begin{pmatrix} \lambda_1 & & & \\ & \lambda_2 & & \\ & & \ddots & \\ & & & \lambda_n \end{pmatrix}$$
 (2)

其中 Λ 为对角矩阵, 其对角元素为各特征向量对应的特征值 (可能有重复)。

将(2)式和(1)式进行对比,这样,我们就发现了需要的矩阵 $P=E^T$ 。

- 我们若是想要降到K维,只需要取P的前K行作为K组基即可,也就是C的特征值最大的K个特征 向量(已经单位正交化)。
- Y = PX就是降维之后的数据矩阵

四、实验过程

4.1 自己生成数据测试

• 生成数据

为了便于可视化,我自己产生的数据就是2维及3维高斯分布数据集。

且为了让这些数据集主要分布在低维空间中,只需让某个维度的方差远远小于其他维度即可。

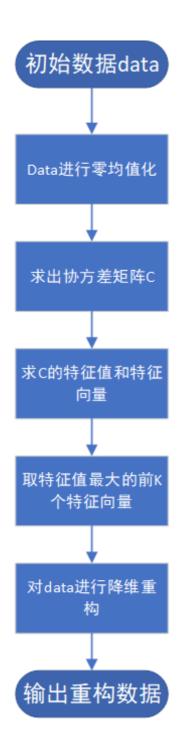
```
if data_dimension is 2:
    mean = [-3, 4]
    # 让某个维度的方差远小于其他维度
    cov = [[1, 0], [0, 0.01]]
elif data_dimension is 3:
    mean = [2, 8, -5]
    cov = [[0.01, 0, 0], [0, 1, 0], [0, 0, 1]]
else:
    assert False

# 产生shape = (D,M)的数据矩阵
data = np.random.multivariate_normal(mean, cov, size=number).T
if data_dimension is 3:
    # 绕z轴旋转数据点
    data = rotate(data, 40 * np.pi / 180, 'z')
```

注意,在产生三位数据时,会额外添加一个绕Z轴旋转的操作

PCA算法

数学原理部分已经在前面叙述过,算法的思路为:



代码如下:

```
def PCA(data, k):
"""

将数据data从D维降到k维
:param data: 数据矩阵(D*N),D表示维度,N表示样本点的个数
:param k: 把数据降到目标维数
:return: 零均值化之后的数据矩阵,特征值矩阵,均值矩阵,重构之后的数据矩阵(仍然 D*N)
"""

dim = data.shape[0]
mean = np.mean(data, axis=1)
c_data = np.zeros(data.shape)
for i in range(dim):
    # 零均值化后得到c_data (D*N)
    c_data[i] = data[i] - mean[i]
# 求出协方差矩阵
COVMat = np.dot(c_data, c_data.T)
# 对协方差矩阵covMat(D*D)求特征值和特征向量
```

```
# eigenVectors的每一列对应一个特征向量
eigenValues, eigenVectors = np.linalg.eig(covMat)
# 特征值排序
eigValIndex = np.argsort(eigenValues)
# 取前k个特征值对应的特征向量 shape = (D*k)
rightEigenVector = eigenVectors[:, eigValIndex[:-(k + 1):-1]]
# 一旦降维维度超过某个值,特征向量矩阵将出现复向量,对其保留实部
rightEigenVector = np.real(rightEigenVector)
# 计算降维后的数据(K*N)
tmp_data = np.dot(rightEigenVector.T, c_data)
# 重构之后的数据
recon_data = np.zeros(data.shape)
for i in range(dim):
    recon_data[i] = np.dot(rightEigenVector[i], tmp_data) + mean[i]
return c_data, rightEigenVector, mean, recon_data
```

• 降维前后对比

二维情况:

绿色的点表示**原始数据**,红色的点表示将数据降维后的**重构数据**,图中直线标明了投影方向,即PCA寻找到的**主成分**。



可见我们将二维数据降到一维后,依然能够大致反应出原先各个数据点的位置分布情况,图中蓝色的直 线标明了**特征值最大的那个特征向量**的方向,也就是我们选择作为投影方向的向量。



E:\Anaconda3\python.exe D:/PyCharmWorkSpace/ML/PCA/main.py 特征值第1大的特征向量:

[0.99995899 -0.00905645]

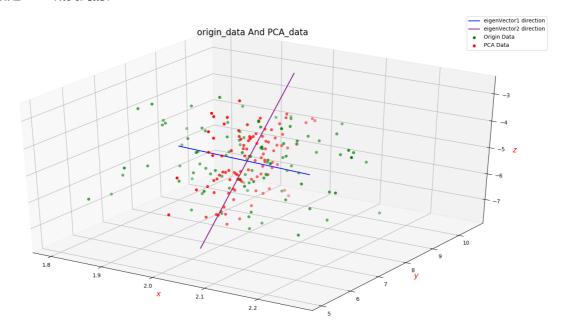
Mean vector:

[-3.05269739 4.00039925]

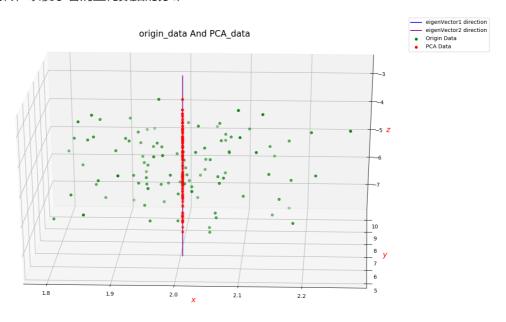
Process finished with exit code 0

通过上图的输出情况,可见利用PCA求出的特征值最大的特征向量与真实值[1,0]极为接近三维情况:

绿色的点表示**原始数据**,红色的点表示**重构数据**,2条直线分别标明了2个特征值最大的特征向量的方向,也就是*PCA***所找到的**。



我们将上图进行旋转,以便于看清重构数据的分布



可见,我们重构的数据就是处于这2个特征向量所span的线性空间中,这也验证了我们的PCA算法的原理。

4.2 图像降维测试

• 人脸信息读取

主要利用cv2模块中的方法来进行图像信息读取,再将png图片中的RBG值转换为灰度值,最后将图像数据拉平即可完成。

注意:为了便于后续利用PCA时计算协方差更加方便,在此处读取图像信息时就对图像进行压缩处理。

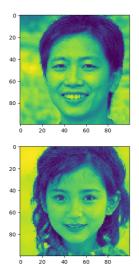
```
for file in file_list:
   path = os.path.join(file_path, file)
   plt.subplot(2, 2, i)
   with open(path) as f:
       # 读取图像
       img = cv2.imread(path)
       # 压缩图像至size大小
       img = cv2.resize(img, size)
       # RBG图转换为灰度图
       img_gray = cv2.cvtColor(img, cv2.COLOR_BGR2GRAY)
       # 展示灰度值图像
       plt.imshow(img_gray)
       h, w = img_gray.shape
       # 对(h,w)的图像数据拉平
       img_col = img_gray.reshape(h * w)
       data.append(img_col)
   i += 1
```

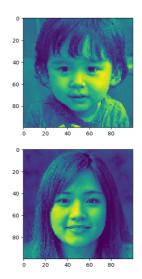
本实验所采用的图片均是1024*1024的png格式



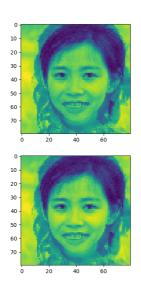
• 降维前后对比

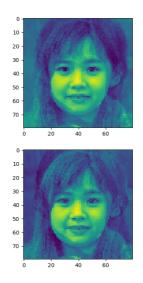
降维前 (已经将RBG值转换为灰度值):



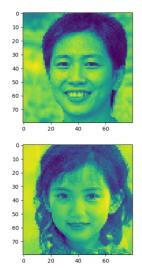


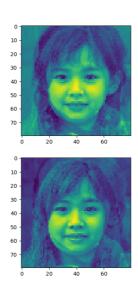
降到1维时,可见各个压缩图片之间很接近:



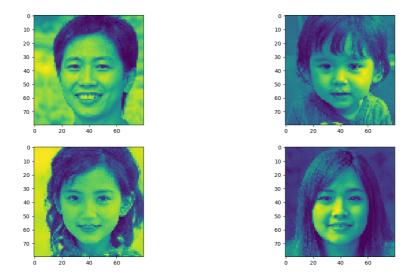


降到2维时,可见能勉强表示出原图像的特征, 但还是有部分图像之间比较接近:





提高到6维时,可见能够较好地表示出原图像地特征:



通过上述图片之间地比较,我们可以发现随着:**保留的维度越高,压缩后的图像与原图越接近,也就是说保留了更多的信息。**

• 信噪比变化

当然,前面只是从定性角度去分析,下面将**从定量角度去分析图像所保留信息的多少和压缩维度之间的 关系。**

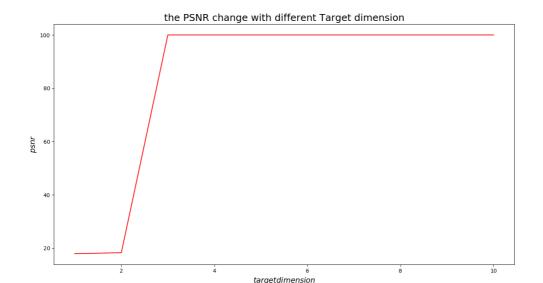
峰值信噪比PSNR经常用作图像压缩等领域中信号重建质量的测量方法,它常简单地通过均方差 (MSE) 进行定义。两个 $m \times n$ 单色图像I和K,如果一个为另外一个的噪声近似,那么它们的的均方差定义为:

$$MSE = rac{1}{mn} \sum_{i=0}^{m-1} \sum_{j=0}^{n-1} \|I(i,j) - K(i,j)\|^2$$

峰值信噪比定义为:

$$PSNR = 10 \cdot \log_{10} \left(rac{MAX_I^2}{MSE}
ight) = 20 \cdot \log_{10} \left(rac{MAX_I}{\sqrt{MSE}}
ight)$$

下面我将展示信噪比随着所降低到地维度变化



可见,随着维度的增大,信噪比同样在增大,说明所保留的信息在增多。

另外,在维度大于4之后,信噪比变化很小,**说明我们的图像数据的前4个主成分提供了绝大多数的信息**,其余的"次要成分"所能提供的信息十分有限,这也证明了PCA的重要性。

五、实验结论

- PCA算法通过寻找协方差矩阵的特征值最大的K个特征向量,以作为新的一组基,将原数据映射到这一组新的基上来完成数据的降维,也就是说PCA算法可以找到前K个主成分。
- PCA算法提高了样本的采样密度,并且由于较小特征值对应的特征向量往往容易受到噪声的影响, PCA算法舍弃了这部分"次要成分",一定程度上起到了降噪的效果。
- PCA降低了是在训练集的基础上提取主成分,舍弃"次要成分"; 但是对于测试集而言,被舍弃的也 许正好是重要的信息,也就是说PCA可能会加剧过拟合
- PCA可以应用到图像的降维压缩等领域,以提高效率,避免"维度灾难"

六、附录 (源代码)

main.py

```
import basicOperation as Bo
import drawImage as dI
import numpy as np

# 自己生成数据的测试
dimension = 3
N = 100
data = Bo.generate_data(dimension, number=N)
c_data, rightEigenVector, mean, recon_data = Bo.PCA(data, dimension - 1)
for i in range(dimension-1):
    print("特征值第"+str(i+1)+"大的特征向量:")
    print(rightEigenVector[:, i])
print("Mean vector:")
print(mean)
dI.originVsPCA(dimension, data, recon_data, mean, rightEigenVector)
```

```
# 图像处理测试
size = (80, 80)
targetDim = 6
data = Bo.read_faces('Image', size=size)
c_data, rightEigenVector, mean, recon_data = Bo.PCA(data, targetDim)
for i in range(targetDim):
    print("特征值第"+str(i+1)+"大的特征向量:")
    print(rightEigenVector[:, i])
print("Mean vector:")
print(mean)
dI.drawFace(recon_data, recon_data.shape[1], size)
# 观测降低到不同维度时的psnr变化
dimRange = np.arange(1, 11, 1)
print(data.shape)
dI.psnrChange(data, dimRange)
```

drawlmage.py

```
import matplotlib.pyplot as plt
import numpy as np
from mpl_toolkits.mplot3d import Axes3D
import basicOperation as Bo
def originVsPCA(dimension, origin_data, recon_data, mean, rightEigenVector):
   """ 将PCA前后的数据进行可视化对比 """
   if dimension == 2:
       fig, ax = plt.subplots()
       ax.scatter(origin_data[0], origin_data[1], facecolor="green",
label="Origin Data")
       ax.scatter(recon_data[0], recon_data[1], facecolor='r', label='PCA
Data')
       x = [mean[0] - 3 * rightEigenVector[0], mean[0] + 3 *
rightEigenVector[0]]
       y = [mean[1] - 3 * rightEigenVector[1], mean[1] + 3 *
rightEigenVector[1]]
       ax.plot(x, y, color='blue', label='eigenVector direction', alpha=0.5)
       ax.set_title('origin_data And PCA_data', fontsize=16)
       ax.set_xlabel('$x$', fontdict={'size': 14, 'color': 'black'})
       ax.set_ylabel('$y$', fontdict={'size': 14, 'color': 'black'})
   elif dimension == 3:
       fig = plt.figure()
       ax = Axes3D(fig)
       ax.scatter(origin_data[0], origin_data[1], origin_data[2],
facecolor='green', label='Origin Data')
       ax.scatter(recon_data[0], recon_data[1], recon_data[2], facecolor='r',
label='PCA Data')
       # 画出2条eigen Vector 方向直线
       x = [mean[0] - 3 * rightEigenVector[0, 0], mean[0] + 3 *
rightEigenVector[0, 0]]
       y = [mean[1] - 3 * rightEigenVector[1, 0], mean[1] + 3 *
rightEigenVector[1, 0]]
```

```
z = [mean[2] - 3 * rightEigenVector[2, 0], mean[2] + 3 *
rightEigenVector[2, 0]]
        ax.plot(x, y, z, color='blue', label='eigenvector1 direction', alpha=1)
        x2 = [mean[0] - 3 * rightEigenVector[0, 1], mean[0] + 3 *
rightEigenVector[0, 1]]
        y2 = [mean[1] - 3 * rightEigenVector[1, 1], mean[1] + 3 *
rightEigenVector[1, 1]]
        z2 = [mean[2] - 3 * rightEigenVector[2, 1], mean[2] + 3 *
rightEigenVector[2, 1]]
        ax.plot(x2, y2, z2, color='purple', label='eigenVector2 direction',
alpha=1
        ax.set_title('origin_data And PCA_data', fontsize=16)
        ax.set_zlabel('$z$', fontdict={'size': 14, 'color': 'red'})
        ax.set_ylabel('$y$', fontdict={'size': 14, 'color': 'red'})
        ax.set_xlabel('$x$', fontdict={'size': 14, 'color': 'red'})
    else:
        assert False
    plt.legend()
    plt.show()
def drawFace(recon_data, N, size):
   画出降维重构之后的图像
   plt.figure(figsize=size)
   for i in range(N):
        plt.subplot(2, 2, i + 1)
        plt.imshow(recon_data[:, i].reshape(size))
    plt.show()
def psnrChange(origin_data, dimRange):
    psnrList = []
    for dim in dimRange:
        c_data, rightEigenVector, mean, recon_data = Bo.PCA(origin_data, dim)
        a = Bo.psnr(origin_data[:, 1], recon_data[:, 1])
        psnrList.append(a)
    fig, ax = plt.subplots()
    ax.plot(dimRange, np.array(psnrList), color='r')
    ax.set_title('the PSNR change with different Target dimension', fontsize=18)
    ax.set_xlabel('$target dimension$', fontdict={'size': 14, 'color': 'black'})
    ax.set_ylabel('$psnr$', fontdict={'size': 14, 'color': 'black'})
    plt.show()
```

basicOperation.py

```
from PIL import Image

import cv2
import numpy as np
import math
import os
```

```
import matplotlib.pyplot as plt
def generate_data(data_dimension, number=100):
          自己生成2维或者3维高斯分布的数据集
          :param data_dimension: 数据的维度
         :param number: 样本点的数目
         :return: D * N 的数据矩阵, D是维度, M是样本数目
         if data_dimension is 2:
                   mean = [-3, 4]
                   # 让某个维度的方差远小于其他维度
                   cov = [[1, 0], [0, 0.01]]
         elif data_dimension is 3:
                  mean = [2, 8, -5]
                   cov = [[0.01, 0, 0], [0, 1, 0], [0, 0, 1]]
         else:
                   assert False
         # 产生shape = (D,M)的数据矩阵
         data = np.random.multivariate_normal(mean, cov, size=number).T
         # if data_dimension is 3:
                       # 绕z轴旋转数据点
                       data = rotate(data, 40 * np.pi / 180, 'z')
         return data
def rotate(X, theta=0, axis='x'):
         :param X: 数据矩阵 X.shape = (D, N)
          :param theta: 旋转的弧度
         :param axis: 旋转轴, 合法值为'x','y'或'z'
         :return:
         if axis == 'x':
                   rotate_matrix = [[1, 0, 0], [0, np.cos(theta), -np.sin(theta)], [0, np.cos(theta), -np.sin(theta), -np.sin(t
np.sin(theta), np.cos(theta)]]
                   return np.dot(rotate_matrix, X)
         elif axis == 'y':
                   rotate_matrix = [[np.cos(theta), 0, np.sin(theta)], [0, 1, 0], [-
np.sin(theta), 0, np.cos(theta)]]
                   return np.dot(rotate_matrix, X)
         elif axis == 'z':
                   rotate_matrix = [[np.cos(theta), -np.sin(theta), 0], [np.sin(theta),
np.cos(theta), 0], [0, 0, 1]]
                   return np.dot(rotate_matrix, X)
         else:
                   assert False
def PCA(data, k):
         将数据data从D维降到k维
         :param data: 数据矩阵(D*N),D表示维度,N表示样本点的个数
          :param k: 把数据降到目标维数
          :return: 零均值化之后的数据矩阵,特征值矩阵,均值矩阵, 重构之后的数据矩阵(仍然 D*N)
```

```
dim = data.shape[0]
   mean = np.mean(data, axis=1)
   c_data = np.zeros(data.shape)
   for i in range(dim):
       # 零均值化后得到c_data (D*N)
       c_data[i] = data[i] - mean[i]
   # 求出协方差矩阵
   covMat = np.dot(c_data, c_data.T)
   # 对协方差矩阵covMat(D*D)求特征值和特征向量
   # eigenVectors的每一列对应一个特征向量
   eigenValues, eigenVectors = np.linalg.eig(covMat)
   # 特征值排序
   eigValIndex = np.argsort(eigenValues)
   # 取前k个特征值对应的特征向量 shape = (D*k)
   rightEigenVector = eigenVectors[:, eigValIndex[:-(k + 1):-1]]
   # 一旦降维维度超过某个值,特征向量矩阵将出现复向量,对其保留实部
   rightEigenVector = np.real(rightEigenVector)
   # 计算降维后的数据(K*N)
   tmp_data = np.dot(rightEigenVector.T, c_data)
   # 重构之后的数据
   recon_data = np.zeros(data.shape)
   for i in range(dim):
       recon_data[i] = np.dot(rightEigenVector[i], tmp_data) + mean[i]
   return c_data, rightEigenVector, mean, recon_data
def read_faces(file_path, size):
   从图像文件中读取人脸数据
   :param file_path: 文件路径
   :param size: 压缩读取的大小
   :return: 人脸数据矩阵 (D*N) D表示维度,N表示样本点数目
   file_list = os.listdir(file_path)
   data = []
   i = 1
   plt.figure(figsize=size)
   for file in file_list:
       path = os.path.join(file_path, file)
       plt.subplot(2, 2, i)
       with open(path) as f:
           # 读取图像
           img = cv2.imread(path)
           # 压缩图像至size大小
           img = cv2.resize(img, size)
           # RBG图转换为灰度图
           img_gray = cv2.cvtColor(img, cv2.COLOR_BGR2GRAY)
           # 展示灰度值图像
           plt.imshow(img_gray)
           h, w = img\_gray.shape
           # 对(h,w)的图像数据拉平
           img_col = img_gray.reshape(h * w)
           data.append(img_col)
       i += 1
   plt.show()
   return np.array(data).T
```

```
def psnr(img1Data, img2Data):
    mse = np.mean((img1Data / 255. - img2Data / 255.) ** 2)
    if mse < 1.0e-10:
        return 100
    PIXEL_MAX = 1
    # 使用的信噪比公式为20 log_10^(MAX/sqrt(MSE))
    return 20 * math.log10(PIXEL_MAX / math.sqrt(mse))</pre>
```