Penerapan Machine Learning terhadap Klasifikasi Kanker Payudara pada Pasien

Fayza Apriliza¹, Dzakiyyah Al Kaazhim¹, and Naufal Mufid F²

¹Program Studi Sistem Informasi, Fakultas Informatika Institut Teknologi Telkom Purwokerto

Abstract— Machine learning adalah bagian dari Artificial Intelligence (AI) yang membuat sistem memiliki kemampuan belajar secara otomatis dan meningkatkan kemampuannya berdasarkan pengalaman tanpa diprogram secara eksplisit. Kanker payudara identik dengan sebuah keganasan yang dapat berakibat pada kematian. Penyakit ini merupakan masalah kesehatan baik di negara maju maupun negara berkembang. Keterlambatan dalam mendeteksi gejala kanker payudara menyebabkan risiko kematian menjadi jauh lebih tinggi. Oleh Karena itu, pada paper dan percobaan ini dilakukan proses klasifikasi jenis sel kanker pada pasien pengidap kanker pavudara. Dewasa ini perkembangan teknologi semakin pesat dan hal tersebut mempengaruhi banyak bidang tidak terkecuali bidang kesehatan atau bidang medis. Dengan perkembangan teknologi tadi proses pengambilan keputusan dapat dipermudah dengan melakukan automasi. Salah satu contohnya adalah pengimplementasian program untuk menentukan atau mengklasifikasi jenis sel kanker payudara menggunakan beberapa algoritma klasifikasi. Ada banyak algoritma pada metode klasifikasi, namun algoritma yang digunakan untuk proses klasifikasi jenis sel kanker payudara pada penelitian ini adalah algoritma terbaik berdasarkan perbandingan beberapa algoritma, seperti Support Vector Classifier (SVC), K-Nearest Nerighbor (KNN), Logistic Regression, Random Forest, Decision Tree, dan Gradient Boosting Classifier. Hasil yang diperoleh algoritma terbaik adalah Random Forest dengan accuracy score sebesar 0.953216 dan F1-Score sebesar 0.936508.

I. PENDAHULUAN

Machine learning adalah bagian dari Artificial Intelligence (AI) yang membuat sistem memiliki kemampuan belajar secara otomatis dan meningkatkan kemampuannya berdasarkan pengalaman tanpa diprogram secara eksplisit. Fokus machine learning terdapat pada pengembangan program komputer yang dapat mengakses data dan belajar dari data tersebut. Hingga saat ini terdapat beberapa algoritma Machine Learning yang dapat digunakan dan dikembangkan untuk berbagai tujuan.

Kanker payudara disebut juga carcinoma mamae merupakan suatu jenis kanker yang dapat menyerang siapa saja baik kaum wanita maupun pria. Kanker payudara ini tumbuh dalam kelenjar susu, jaringan lemak, maupun pada jaringan ikat payudara. Kanker payudara ini diidentikkan dengan sebuah keganasan yang dapat berakibat pada kematian. Oleh karena itu, kanker payudara ini masih menjadi hal yang menakutkan khususnya pada kaum wanita.

Berdasarkan WHO, kanker payudara adalah kanker yang paling sering terjadi pada wanita, berdampak pada 2,1 juta wanita setiap tahunnya, dan menyebabkan jumlah terbesar kematian akibat kanker payudara [1]. Penyakit ini juga

merupakan masalah kesehatan baik di negara maju maupun negara berkembang. Menurut Departemen Kesehatan, angka penderita di Indonesia sendiri ada sebesar 876.665 orang [2]. Penyakit ini ada di peringkat kedua setelah kanker rahim dikarenakan rata-rata penderitanya adalah 10 dari 100 ribu perempuan [3]. Keterlambatan dalam mendeteksi gejala kanker payudara menyebabkan banyak penderita baru mengetahui kondisinya setelah memasuki stadium yang tinggi (rata-rata pada stadium III dan IV). Pada kondisi ini, risiko kematian menjadi jauh lebih tinggi.

Oleh Karena itu, pada paper dan percobaan ini dilakukan proses klasifikasi jenis sel kanker menggunakan beberapa algoritma klasifikasi. Ada banyak algoritma pada metode klasifikasi, namun yang digunakan untuk proses klasifikasi jenis sel kanker payudara pada penelitian ini adalah Support Vector Classifier (SVC), K-Nearest Nerighbor (KNN), Logistic Regression, Random Forest, Decision Tree, dan Gradient Boosting Classifier.

Penulisan ini bertujuan untuk mengetahui apa saja yang mempengaruhi diagnosis jenis sel kanker, khususnya pada kanker payudara dan bagaimana hasil akurasi dari model yang telah dibuat. Hasil diagnosis dapat menghasilkan suatu klasifikasi penentuan jenis sel kanker payudara bersifat ganas atau jinak.

II. LANDASAN TEORI

A. Kanker Payudara

Kanker payudara adalah pertumbuhan sel yang abnormal pada jaringan payudara seseorang. Payudara wanita terdiri dari lobulus (kelenjar susu), duktus (saluran susu), lemak dan jaringan ikat, pembuluh darah dan *limfe*. Sebagian besar kanker payudara bermula pada sel-sel yang melapisi duktus (kanker duktal), beberapa bermula di lobulus (kanker lobular), serta sebagian kecil bermula di jaringan lain [4]. Ada dua jenis kanker payudara yaitu kanker payudara benign (jinak) dan kanker payudara malignant (ganas).

B. Machine Learning

Salah satu bagian dari Artificial Intelligent (AI) yang berfokus pada pengembangan sistem yang mampu belajar sendiri tanpa harus diprogram berulang kali adalah Machine Learning. Machine Learning merupakan pemrograman komputer untuk mencapai kriteria/performa tertentu dengan menggunakan sekumpulan data training atau pengalaman di masa lalu [5]. Penelitian terkini mengungkapkan bahwa machine learning terbagi menjadi tiga kategori: Supervised Learning, Unsupervised Learning, Reinforcement Learning (Somvanshi & Chavan, 2016) [6].

²Program Studi Informatika, Fakultas Teknologi Industri Institut Teknologi Nasional Bandung

C. Klasifikasi

Klasifikasi merupakan salah satu ilmu yang terdapat pada machine learning dan merupakan algoritma supervised learning karena memiliki label/target. Terdapat banyak metode yang ada dalam klasifikasi supervised learning, diantaranya adalah Regresi Logistik, K-nearest Neighboor, Super Vector Machine, Naive Bayes, Decision Tree, dan Random Forest[7].

D. Random Forest

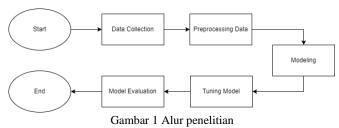
Random Forest adalah algoritma turunan dari pohon keputusan yang membagi dataset menjadi beberapa bagian dan menggunakan algoritma pohon keputusan pada setiap subset. Random Forest dapat mengatasi overfitting data [8]. Random Forest merupakan salah satu algoritma supervised learning yang dalam prosesnya dilakukan pemecahan data secara random ke dalam decision tree dan menggabungkan tree dengan training pada data yang dimiliki [9]. Algoritma ini berupa kombinasi dari beberapa tree predictors atau bisa disebut decision trees dimana setiap tree bergantung pada nilai random vector yang dijadikan sampel secara bebas dan merata pada semua tree dalam forest tersebut. Hasil prediksi dari Random Forest didapatkan melalui hasil terbanyak dari setiap individual decision tree (voting untuk klasifikasi dan rata-rata untuk regresi). Untuk RF yang terdiri dari N trees dirumuskan sebagai berikut:

$$l(y) = argmax \left(\sum_{n=1}^{N} I_{hn}(y) = c \right)$$
 (1)

Dimana I adalah fungsi indikator dan hn adalah tree ke-n dari RF.

III. METODOLOGI

Penelitian ini memiliki beberapa tahapan yang ditunjukan pada Gambar 1.



Penjelasan detail dari masing-masing tahapan sebagai berikut:

1. Data Collection

Pada tahapan ini dilakukan pencarian *dataset* yang akan digunakan. *Dataset* yang digunakan pada *project* ini adalah Breast Cancer Wisconsin (Diagnostic) Dataset yang diunduh melalui link:

https://www.kaggle.com/datasets/uciml/breast-cancer-wisconsin-data. Project ini akan memprediksi apakah kanker payudara yang diderita seorang pasien termasuk

ganas atau tidak. Gambar 3 menunjukan gambaran *dataset* yang digunakan.

| | id | diagnosis | radius_mean | texture_mean | perimeter_mean | area_mean | smoothness_mean | compactness_mean | concavity_mean | concave points_mean | ••• | tex |
|---|----------|-----------|-------------|--------------|----------------|-----------|-----------------|------------------|----------------|------------------------|-----|-----|
| (| 842302 | M | 17.99 | 10.38 | 122.80 | 1001.0 | 0.11840 | 0.27760 | 0.3001 | 0.14710 | | П |
| 1 | 842517 | M | 20.57 | 17.77 | 132.90 | 1326.0 | 0.08474 | 0.07864 | 0.0869 | 0.07017 | | |
| 2 | 84300903 | M | 19.69 | 21.25 | 130.00 | 1203.0 | 0.10960 | 0.15990 | 0.1974 | 0.12790 | | |
| 3 | 84348301 | M | 11.42 | 20.38 | 77.58 | 386.1 | 0.14250 | 0.28390 | 0.2414 | 0.10520 | | |
| 4 | 84358402 | M | 20.29 | 14.34 | 135.10 | 1297.0 | 0.10030 | 0.13280 | 0.1980 | 0.10430 | | |

Gambar 2 Dataset

Dataset yang digunakan memiliki jumlah data sebanyak 569 data dengan jumlah pasien kanker payudara benign sebanyak 357 data dan jumlah data pasien kanker payudara *malignant* sebanyak 212. Variabel respon atau target data (Y) dalam percobaan adalah kolom diagnosis yang terdiri dari dua kategori yaitu benign dan malignant. Sedangkan variabel predictor (X) pada percobaan adalah semua kolom dari dataset kecuali yaitu radius mean, diagnosis, texture mean, perimeter_mean, area_mean, smoothness_mean, compactness mean, concavity mean, concave points mean, symmetry_mean, fractal_dimension_mean, radius_se, texture_se, perimeter se, area se, smoothness se, compactness se, concavity se, concave points se, symmetry se, fractal dimension se, radius worst, texture worst, perimeter worst. area worst. smoothness worst. concave compactness worst, concavity worst, points_worst, symmetry_worst, dan fractal dimension worst. Berikut informasi terkait dataset:

- a. Dataset terdiri atas numerical data dan categorical data. Categorical data hanya terdapat di kolom diagnosis yang mana kolom tersebut akan menjadi data target project ini. Nantinya, perlu mengubah categorical data tersebut menjadi numerical dengan label encoding.
- Adanya kolom yang tidak diperlukan untuk proses modeling, yakni kolom id yang berisi nomor identitas pasien dan kolom Unnamed: 32
- c. Tidak terdapat *missing value* selain dikolom Unnamed: 32 sehingga kita tidak memerlukan proses *handling missing value*
- d. Range data yang berbeda-beda sehingga memerlukan proses rescale data dengan normalization atau standardization
- e. Jumlah *feature* yang sangat banyak, yaitu sebanyak 33 *features*.

2. Pre-processing Data

Pada tahap *pre-processing data* dilakukan beberapa tahapan sebagai berikut.

- a. Melakukan *drop column* yang tidak diperlukan untuk proses *modeling* (kolom yang tidak digunakan adalah kolom id dan kolom Unnamed: 32).
- b. Label encoding.
- Melakukan pengecekan missing value untuk memastikan.
- d. Melakukan pemisahan data feature dan data target.

- e. Melakukan *rescale data* dengan menggunakan *standardization*.
- f. Melakukan feature selection.

3. Modeling

- a. Melakukan pemisahan *data test* dan *data train* dengan perbandingan 3:7.
- b. Melakukan persiapan model algoritma, seperti Support Vector Machine Classifier, K-Neighbors Classifier, Logistic Regression Random Forest Classifier, Decision Tree Classifier, dan Gradient Boosting Classifier.
- c. Melakukan evaluasi semua model

4. Tuning Model

Dari beberapa algoritma yang telah dibandingkan, dipilih model dengan *accuracy* dan *F1-Score* terbaik untuk dilakukan *tuning hyperparameter*. Pada proses ini dilakukan dua uji coba, yakni *tuning* menggunakan *RandomizedSearchCV* dan *GridSearchCV*.

5. Evaluation

Pada tahapan dilakukan evaluasi terhadap model yang dibangun dengan menggunakan *accuracy* dan *F1-Score*. Akurasi adalah perbandingan antara true prediksi baik positif maupun negatif terhadap keseluruhan data. Sedangkan, *F1-Score* adalah perbandingan presisi dan perolehan rata-rata tertimbang.

$$F1\,Score \ = \ \frac{2 \times Precision \times Recall}{Precision + Recall}$$

$$Accuracy \ = \ \frac{TP + FN}{TP + TN + FP + FN} \ \times \ 100\%$$

Gambar 3 F1 score dan Accuracy

IV. ANALISIS DAN PEMBAHASAN

A. Data Collection

Dataset yang digunakan yaitu terkait dengan data diagnosis Kanker Payudara Wisconsin. Dataset tersebut bersumber dari kaggle, dimana dataset tersebut memiliki 569 data di dalam 33 kolom.

| <class 'pandas.core.frame.dataframe'=""></class> | | | | | | | |
|--|---------------------------|--------------|----------|--|--|--|--|
| RangeIndex: 569 entries, 0 to 568 | | | | | | | |
| Data columns (total 33 columns): | | | | | | | |
| # | Column | Non-Null Cou | nt Dtype | | | | |
| | | | | | | | |
| 0 | id | 569 non-null | int64 | | | | |
| 1 | diagnosis | 569 non-null | | | | | |
| 2 | radius_mean | 569 non-null | float64 | | | | |
| 3 | texture_mean | 569 non-null | float64 | | | | |
| 4 | perimeter_mean | 569 non-null | float64 | | | | |
| 5 | area_mean | 569 non-null | | | | | |
| 6 | smoothness_mean | 569 non-null | float64 | | | | |
| 7 | compactness_mean | 569 non-null | | | | | |
| 8 | concavity_mean | 569 non-null | float64 | | | | |
| 9 | concave points_mean | 569 non-null | | | | | |
| 10 | symmetry_mean | 569 non-null | float64 | | | | |
| 11 | fractal_dimension_mean | 569 non-null | float64 | | | | |
| 12 | radius_se | 569 non-null | float64 | | | | |
| 13 | texture_se | 569 non-null | float64 | | | | |
| 14 | perimeter_se | 569 non-null | | | | | |
| 15 | area_se | 569 non-null | | | | | |
| 16 | smoothness_se | 569 non-null | | | | | |
| 17 | compactness_se | 569 non-null | float64 | | | | |
| 18 | concavity_se | 569 non-null | | | | | |
| 19 | concave points_se | 569 non-null | float64 | | | | |
| 20 | symmetry_se | 569 non-null | float64 | | | | |
| 21 | fractal_dimension_se | 569 non-null | float64 | | | | |
| 22 | radius_worst | 569 non-null | | | | | |
| 23 | texture_worst | 569 non-null | float64 | | | | |
| 24 | perimeter_worst | 569 non-null | | | | | |
| 25 | area_worst | 569 non-null | float64 | | | | |
| 26 | smoothness_worst | 569 non-null | | | | | |
| 27 | compactness_worst | 569 non-null | | | | | |
| 28 | concavity_worst | 569 non-null | | | | | |
| 29 | concave points_worst | 569 non-null | | | | | |
| 30 | symmetry_worst | 569 non-null | | | | | |
| 31 | fractal_dimension_worst | 569 non-null | | | | | |
| 32 Unnamed: 32 0 non-null float64 | | | | | | | |
| | es: float64(31), int64(1) | , object(1) | | | | | |
| memory usage: 146.8+ KB | | | | | | | |

Gambar 4 Kolom pada dataset

B. Pre-processing Data

Pre-processing adalah tahapan dimana data atau dataset dipersiapkan untuk diolah lebih lanjut. Pada tahapan ini data yang tidak diinginkan akan dieliminasi dan data yang akan digunakan akan ditingkatkan kualitasnya dengan beberapa proses sebagai berikut.

a. Melakukan *drop column* yang tidak diperlukan untuk proses *modeling* (kolom yang tidak digunakan adalah kolom id dan kolom Unnamed: 32).



Gambar 5 Drop column

b. Label encoding.

Ketika *Label encoding* digunakan untuk mengubah nilai kategorikal menjadi nilai numerik pada beberapa kolom. Hasil *label encoder* sebagai berikut.



Gambar 6 Hasil label encoder

c. Melakukan pengecekan *missing value* untuk memastikan.

Ketika dataset tidak memiliki missing value, maka tidak perlu me-replace dengan nilai median atau mean. Hasil pengecekan missing value sebagai berikut.

| diagnosis | 0 |
|-------------------------|---|
| radius_mean | 0 |
| texture_mean | 0 |
| perimeter_mean | 0 |
| area_mean | 0 |
| smoothness_mean | 0 |
| compactness_mean | 0 |
| concavity_mean | 0 |
| concave points_mean | 0 |
| symmetry_mean | 0 |
| fractal_dimension_mean | 0 |
| radius_se | 0 |
| texture_se | 0 |
| perimeter_se | 0 |
| area_se | 0 |
| smoothness_se | 0 |
| compactness_se | 0 |
| concavity_se | 0 |
| concave points_se | 0 |
| symmetry_se | 0 |
| fractal_dimension_se | 0 |
| radius_worst | 0 |
| texture_worst | 0 |
| perimeter_worst | 0 |
| area_worst | 0 |
| smoothness_worst | 0 |
| compactness_worst | 0 |
| concavity_worst | 0 |
| concave points_worst | 0 |
| symmetry_worst | 0 |
| fractal_dimension_worst | 0 |
| dtype: int64 | |

Gambar 7 Pengecekan missing value

- d. Melakukan pemisahan data feature dan data target. Pada kasus ini yang menjadi data target ialah diagnosis sedangkan yang menjadi data features adalah kolom lain selain diagnosis.
- e. Melakukan rescale data dengan menggunakan standardization.
 - Selanjutnya, dilakukan *rescale data* dengan menggunakan standarisasi. Hasil standarisasi sebagai berikut.



Gambar 8 Hasil standarisasi

f. Melakukan feature selection.

Berdasarkan feature selection tersebut didapatkan bahwa concave points_worst, perimeter_worst, concave points_mean, radius_worst, perimeter_mean, area_worst, radius_mean, area_mean, concavity_mean, concavity_worst, compactness_mean, compactness_worst, radius_se, perimeter_se, dan area_se merupakan lima belas feature atau atribut yang sangat mempengaruhi diagnosis.

C. Modeling

Kasus Diagnosis Kanker Payudara Wisconsin ini termasuk ke kategori klasifikasi sehingga model yang digunakan adalah model algoritma klasifikasi. Beberapa model algoritma klasifikasi digunakan dan model dilatih dengan parameter default. Hasil *accuracy score* dan F1-Score dari setiap model ditunjukan pada Gambar 9.

| | Model | Accuracy Score | F1 Score |
|---|------------------------|----------------|----------|
| 0 | Random Forest | 0.953216 | 0.936508 |
| 1 | Logistic Regression | 0.941520 | 0.918033 |
| 2 | Decision Tree | 0.912281 | 0.883721 |
| 3 | K-Neighbors | 0.953216 | 0.934426 |
| 4 | Support Vector Machine | 0.941520 | 0.918033 |
| 5 | Gradient Boosting | 0.941520 | 0.921875 |

Gambar 9 Hasil accuracy score dan f1 score

Berdasarkan hasil tersebut, *random forest* merupakan model dengan F1-Score paling tinggi sehingga model tersebut yang digunakan. Untuk mendapatkan tingkat error yang lebih minimum dilakukan *tuning hyperparameter* dengan menggunakan *randomized search* dan *GridSearch*.

D. Tuning Model

Dari beberapa algoritma yang telah dibandingkan, dipilih model dengan accuracy dan F1-Score terbaik untuk dilakukan tuning hyperparameter. Pada proses ini dilakukan dua uji coba, yakni tuning menggunakan RandomizedSearchCV dan GridSearchCV. Berikut merupakan hasil tuning hyperparameter menggunakan RandomizedSearchCV.

| | precision | recall | f1-score | support |
|--------------|-----------|--------|----------|---------|
| 0 | 0.95 | 0.97 | 0.96 | 107 |
| 1 | 0.95 | 0.92 | 0.94 | 64 |
| accuracy | | | 0.95 | 171 |
| macro avg | 0.95 | 0.95 | 0.95 | 171 |
| weighted avg | 0.95 | 0.95 | 0.95 | 171 |

Gambar 10 Hasil *tuning parameter* menggunakan *RandomizeSearchCv*

Berikut merupakan hasil tuning hyperparameter menggunakan GridSearch.

| | precision | recall | f1-score | support |
|--------------|-----------|--------|----------|---------|
| 0 | 0.95 | 0.97 | 0.96 | 107 |
| 1 | 0.95 | 0.92 | 0.94 | 64 |
| accuracy | | | 0.95 | 171 |
| macro avg | 0.95 | 0.95 | 0.95 | 171 |
| weighted avg | 0.95 | 0.95 | 0.95 | 171 |

Gambar 11 Hasil tuning parameter menggunakan GridSearch

E. Evaluation

Pada tahapan dilakukan evaluasi terhadap model yang dibangun dengan menggunakan accuracy dan F1-Score. Akurasi adalah perbandingan antara true prediksi baik positif maupun negatif terhadap keseluruhan data. Sedangkan, F1-

Score adalah perbandingan presisi dan perolehan rata-rata tertimbang.

Setelah model random forest dilakukan tuning hyperparameter menggunakan randomized search dan GridSearch, model dilatih dan diuji kembali yang mana didapatkan accuracy score sebesar 0.95 dan F1-Score 0,96.

V. KESIMPULAN

Hal-hal yang mempengaruhi diagnosis kanker bisa berbeda-beda antar jenis kanker. Pada diagnosis kanker payudara sangat dipengaruhi oleh concave points_worst, perimeter_worst, concave points_mean, radius_worst, perimeter_mean, area_worst, radius_mean, area_mean, concavity_mean, concavity_worst, compactness_mean, compactness_worst, radius_se, perimeter_se, dan area_se.

Pada penelitian dilakukan percobaan perbandingan beberapa algoritma pada dataset. Berdasarkan percobaan tersebut didapatkan bahwa metode atau model Random Forest memiliki accuracy score dan F1-Score tertinggi dibandingkan metode algoritma lainnya.

REFERENCES

- [1] Kusumawaty, J. et al. (2021) 'Efektivitas Edukasi SADARI (Pemeriksaan Payudara Sendiri) Untuk Deteksi Dini Kanker Payudara', ABDIMAS: Jurnal Pengabdian Masyarakat, 4(1), pp. 496–501. doi: 10.35568/abdimas.v4i1.1177.
- [2] Kusminarto. Deteksi Sangat Dini Kanker Payudara, Jawaban untuk Menghindar. Departemen Kesehatan. 2006, [internet], Tersedia dalam:https://www.litbang.depkes.go.id/aktual/kliping/payudara190906.htm
- [3] Anon. (2005) Kanker Payudara Stadium Dini dapat Diobati. 2005. [internet]Tersedia dalam:https://situs.kesrepro.info/aging/agu/2005/ag01.htm
- [4] Ellis, E.O., Schnitt, S.J., S.-Garau, X., Bussolati, G., Tavassaoli, F.A., Eusebi, V. Pathology and Genetic of Tumours of The Breast and Female Genital Organs / WHO Classification of Tumours. Washington: IARC Press; 2003. P.10, 34-6.
- [5] Chazar, C. and Erawan, B. (2020) 'Machine Learning Diagnosis Kanker Payudara Menggunakan Algoritma Support Vector Machine', INFORMASI (Jurnal Informatika dan Sistem Informasi), 12(1), pp. 67–80. doi: 10.37424/informasi.v12i1.48.J. Wang, "Fundamentals of erbium-doped fiber amplifiers arrays (Periodical style—Submitted for publication)," IEEE J. Quantum Electron., submitted for publication.
- [6] Roihan, A., Sunarya, P. A. and Rafika, A. S. (2020) 'Pemanfaatan Machine Learning dalam Berbagai Bidang: Review paper', *IJCIT* (*Indonesian Journal on Computer and Information Technology*), 5(1), pp. 75–82. doi: 10.31294/ijcit.v5i1.7951.
- [7] Pamungkas, F. S., Prasetya, B. D. and Kharisudin, I. (2020) 'Perbandingan Metode Klasifikasi Supervised Learning pada Data Bank Customers Menggunakan Python', *PRISMA, Prosiding Seminar Nasional Matematika*, 3, pp. 692–697. Available at: https://journal.unnes.ac.id/sju/index.php/prisma/article/view/37875.
- [8] Ferdyandi, M., Setiawan, N. Y. and Bachtiar, F. A. (2022) 'Prediksi Potensi Penjualan Makanan Beku berdasarkan Ulasan Pengguna Shopee menggunakan Metode Decision Tree Algoritma C4 . 5 dan Random Forest (Studi Kasus Dapur Lilis)', 6(2), pp. 588–596.
- [9] Wandani, A. (2021) 'Sentimen Analisis Pengguna Twitter pada Event Flash Sale Menggunakan Algoritma K-NN, Random Forest, dan Naive Bayes', *Jurnal Sains Komputer & Informatika (J-SAKTI*, 5(2), pp. 651–665.