Pathway	Gene ranks			NES	pval	padj
HALLMARK_INFLAMMATORY_RESPONSE	It ii ii		1 1	1.73	$3.4 \cdot 10^{-2}$	4.6·10 ⁻¹
HALLMARK_TNFA_SIGNALING_VIA_NFKB	II 11 11 11 11	l I	ı	1.68	4.4.10 ⁻²	4.6·10 ⁻¹
HALLMARK_DNA_REPAIR	I			1.30	6.0-10 ⁻²	4.7·10 ⁻¹
MARK_INTERFERON_GAMMA_RESPONSE	lт		1	1.43	1.0·10 ⁻¹	6.2·10 ⁻¹
HALLMARK_ALLOGRAFT_REJECTION	Li		1	1.41	1.2·10 ⁻¹	6.2·10 ⁻¹
HALLMARK_FATTY_ACID_METABOLISM	1			1.23	1.7·10 ⁻¹	7.0·10 ⁻¹
LLMARK_ESTROGEN_RESPONSE_EARLY	1			1.21	2.1·10 ⁻¹	7.0·10 ⁻¹
HALLMARK_MYC_TARGETS_V2	1			1.21	2.1·10 ⁻¹	7.0·10 ⁻¹
HALLMARK_ANDROGEN_RESPONSE	1 1	I		1.15	2.9·10 ⁻¹	7.0·10 ⁻¹
IALLMARK_ESTROGEN_RESPONSE_LATE	I			1.10	$3.7 \cdot 10^{-1}$	$7.4 \cdot 10^{-1}$
LLMARK_OXIDATIVE_PHOSPHORYLATION			1	-0.90	6.6·10 ⁻¹	7.9·10 ⁻¹
HALLMARK_MYC_TARGETS_V1			1	-0.90	6.6·10 ⁻¹	7.9·10 ⁻¹
HALLMARK_PI3K_AKT_MTOR_SIGNALING			ı	-0.93	6.1·10 ⁻¹	7.9·10 ⁻¹
HALLMARK_MTORC1_SIGNALING			1	-0.93	6.1·10 ⁻¹	7.9·10 ⁻¹
HALLMARK_HEME_METABOLISM		ı		-0.91	5.9·10 ⁻¹	7.9·10 ⁻¹
HALLMARK_COAGULATION		1	1	-0.93	5.8·10 ⁻¹	7.9·10 ⁻¹
_REACTIVE_OXYGEN_SPECIES_PATHWAY				-1.15	2.9·10 ⁻¹	7.0·10 ⁻¹
HALLMARK_PEROXISOME				-1.19	2.5·10 ⁻¹	7.0·10 ⁻¹
HALLMARK_BILE_ACID_METABOLISM				-1.19	2.5·10 ⁻¹	7.0·10 ⁻¹
HALLMARK_IL2_STAT5_SIGNALING				-1.58	3.2·10 ⁻²	4.6·10 ⁻¹
	0 25	50	75	100		