relan	1.00	0.37	0.44	0.37	0.14	0.16	0.31	0.32	0.28	0.26	0.31
SA	0.37	1.00	0.57	0.37	0.14	0.16	0.39	0.40	0.35	0.30	0.38
SAtnelA	0.44	0.57	1.00	0.42	0.12	0.14	0.40	0.43	0.35	0.29	0.38
ABA	0.37	0.37	0.42	1.00	0.11	0.13	0.37	0.40	0.32	0.27	0.34
3.0H10	0.14	0.14	0.12	0.11	1.00	0.61	0.18	0.15	0.24	0.33	0.21
chitooct	0.16	0.16	0.14	0.13	0.61	1.00	0.22	0.18	0.27	0.39	0.24
elf.18	0.31	0.39	0.40	0.37	0.18	0.22	1.00	0.70	0.64	0.50	0.65
R1922	0.32	0.40	0.43	0.40	0.15	0.18	0.70	1.00	0.58	0.42	0.59
41650	0.28	0.35	0.35	0.32	0.24	0.27	0.64	0.58	1.00	0.56	0.64
0 <sup>G5</sup>	0.26	0.30	0.29	0.27	0.33	0.39	0.50	0.42	0.56	1.00	0.54
pepi	0.31	0.38	0.38	0.34	0.21	0.24	0.65	0.59	0.64	0.54	1.00
	nela	SA	SAtmelA	ABA	3-0H10	chitooct	elf.18	<sub>11922</sub>	<sup>41650</sup>	0 <sup>G5</sup>	Pepi