## **Laboratorio 2**

Bienvenidos de nuevo al segundo laboratorio de Deep Learning y Sistemas inteligentes. Espero que este laboratorio sirva para consolidar sus conocimientos del tema de Redes Neuronales Convolucionales.

Este laboratorio consta de dos partes. En la primera trabajaremos una Red Neuronal Convolucional paso-apaso. En la segunda fase, usaremos PyTorch para crear una nueva Red Neuronal Convolucional, con la finalidad de que no solo sepan que existe cierta función sino también entender qué hace en un poco más de detalle.

Para este laboratorio estaremos usando una herramienta para Jupyter Notebooks que facilitará la calificación, no solo asegurándo que ustedes tengan una nota pronto sino también mostrandoles su nota final al terminar el laboratorio.

Espero que esta vez si se muestren los *marks*. De nuevo me discupo si algo no sale bien, seguiremos mejorando conforme vayamos iterando. Siempre pido su comprensión y colaboración si algo no funciona como debería.

Al igual que en el laboratorio pasado, estaremos usando la librería de Dr John Williamson et al de la University of Glasgow, además de ciertas piezas de código de Dr Bjorn Jensen de su curso de Introduction to Data Science and System de la University of Glasgow para la visualización de sus calificaciones.

### Autores del laboratorio:

- Nelson García 22434
- Joaquín Puente 22296

## Link del repositorio:

https://github.com/nel-eleven11/Lab2\_DL

```
In [311]:
 Una vez instalada la librería por favor, recuerden volverla a comentar.
!pip install -U --force-reinstall --no-cache https://github.com/johnhw/jhwutils/zipball/
master
!pip install scikit-image
Collecting https://github.com/johnhw/jhwutils/zipball/master
  Downloading https://github.com/johnhw/jhwutils/zipball/master
     - 119.1 kB 345.1 kB/s 0:00:00
  Installing build dependencies ... done
  Getting requirements to build wheel ... done
  Preparing metadata (pyproject.toml) ... done
Building wheels for collected packages: jhwutils
  Building wheel for jhwutils (pyproject.toml) ... done
  Created wheel for jhwutils: filename=jhwutils-1.3-py3-none-any.whl size=41911 sha256=6e
b3f12d77ff50b56e491e77fcc331a12ad68886e2790bc117f6b903e409380e
  Stored in directory: /tmp/pip-ephem-wheel-cache-5qg3f29j/wheels/c9/d0/2e/946a586bab0de8
4a4ee2b053e8d50eb28d56d8556f3ebefa84
Successfully built jhwutils
Installing collected packages: jhwutils
  Attempting uninstall: jhwutils
    Found existing installation: jhwutils 1.3
    Uninstalling jhwutils-1.3:
      Successfully uninstalled jhwutils-1.3
Successfully installed jhwutils-1.3
Requirement already satisfied: scikit-image in ./.venv/lib/python3.13/site-packages (0.25
Requirement already satisfied: numpy>=1.24 in ./.venv/lib/python3.13/site-packages (from
scikit-image) (2.3.2)
Requirement already satisfied: scipy>=1.11.4 in ./.venv/lib/python3.13/site-packages (fro
m scikit-image) (1.16.0)
```

```
Requirement already satisfied: networkx>=3.0 in ./.venv/lib/python3.13/site-packages (from scikit-image) (3.5)

Requirement already satisfied: pillow>=10.1 in ./.venv/lib/python3.13/site-packages (from scikit-image) (11.3.0)

Requirement already satisfied: imageio!=2.35.0,>=2.33 in ./.venv/lib/python3.13/site-packages (from scikit-image) (2.37.0)

Requirement already satisfied: tifffile>=2022.8.12 in ./.venv/lib/python3.13/site-package s (from scikit-image) (2025.6.11)

Requirement already satisfied: packaging>=21 in ./.venv/lib/python3.13/site-packages (from scikit-image) (25.0)

Requirement already satisfied: lazy-loader>=0.4 in ./.venv/lib/python3.13/site-packages (from scikit-image) (0.4)
```

```
import numpy as np
import copy
import matplotlib.pyplot as plt
import scipy
from PIL import Image
import os
#from IPython import display
#from base64 import b64decode
# Other imports
from unittest.mock import patch
from uuid import getnode as get mac
from jhwutils.checkarr import array hash, check hash, check scalar, check string
import jhwutils.image audio as ia
import jhwutils.tick as tick
###
tick.reset marks()
%matplotlib inline
```

```
In [313]:
```

```
# Seeds
seed_ = 2023
np.random.seed(seed_)
```

### In [314]:

```
# Hidden cell for utils needed when grading (you can/should not edit this)
# Celda escondida para utlidades necesarias, por favor NO edite esta celda
```

### Información del estudiante en dos variables

- carne\_1: un string con su carne (e.g. "12281"), debe ser de al menos 5 caracteres.
- firma\_mecanografiada\_1: un string con su nombre (e.g. "Albero Suriano") que se usará para la declaracion que este trabajo es propio (es decir, no hay plagio)
- carne\_2: un string con su carne (e.g. "12281"), debe ser de al menos 5 caracteres.
- firma\_mecanografiada\_2: un string con su nombre (e.g. "Albero Suriano") que se usará para la declaracion que este trabajo es propio (es decir, no hay plagio)

```
In [315]:
```

```
carne_1 = "22434"
firma_mecanografiada_1 = "Nelson Garcia"
carne_2 = "22296"
firma_mecanografiada_2 = "Joaquin Puente"
# YOUR CODE HERE
```

```
In [316]:
```

# Debasis moder van des checkmarks vandes [A marks] que indican que su información hásis

```
with tick.marks(0):
    assert(len(carne_1)>=5 and len(carne_2)>=5)
with tick.marks(0):
    assert(len(firma_mecanografiada_1)>0 and len(firma_mecanografiada_2)>0)
```

```
√ [0 marks]
```

## √ [0 marks]

#### **Dataset a Utilizar**

Para este laboratorio seguriemos usando el dataset de Kaggle llamado <u>Cats and Dogs image classification</u>. Por favor, descarguenlo y ponganlo en una carpeta/folder de su computadora local.

## Parte 1 - Construyendo una Red Neuronal Convolucional

**Créditos:** La primera parte de este laboratorio está tomado y basado en uno de los laboratorios dados dentro del curso de "Convolutional Neural Networks" de Andrew Ng

Muchos framework en la actualidad hacen que las operaciones de convolución sean fáciles de usar, pero no muchos entienden realmente este concepto, que es uno de los más interesantes de entender en Deep Learning. Una capa convolucional transforma el volumen de un input a un volumen de un output que es de un tamaño diferente.

En esta sección, ustedes implementaran una capa convolucional paso a paso. Primero empezaremos por hacer unas funciones de padding con ceros y luego otra para computar la convolución.

Algo muy importante a **notar** es que para cada función *forward*, hay una equivalente en *backward*. Por ello, en cada paso de su modulo de forward, deberán guardar algunos datos que se usarán durante el cálculo de gradientes en el backpropagation

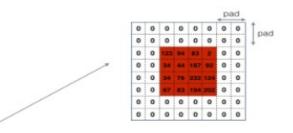
### **Ejercicio 1**

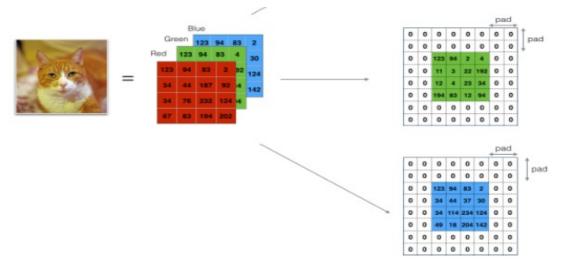
Ahora construiremos una función que se encargue de hacer *padding*, que como vimos en la clase es hacer un tipo de marco sobre la imagen. Este "marco" suele ser de diferentes tipos que lo que debe buscarse es que no tengan significacia dentro de la imagen, usualmente es cero, pero puede ser otro valor que no afecte en los cálculos.

Para este laboratorio, usaremos cero, y en este caso se le suele llamar *zero-padding* el cual agrega ceros alrededor del borde de la imagen.

Algo interesante a notar, es que este borde se agrega sobre cada uno de los canales de color de la imagen. Es decir, en una imagen RGB se agregará sobre la matriz de rojos, otro sobre la matriz de verdes y otro más sobre la matriz de azules.

Como se puede ver en la siguiente imagen.





Crédito de imagen al autor, imagen tomada del curso "Convolutional Neural Networks" de Andrew Ng

Recordemos que el agregar padding nos permite:

- Usar una capa convolucional sin necesariamente reducir el alto y ancho de los volumenes de entrada. Esto
  es importante para cuando se crean modelos/redes profundas, dado que de esta manera evitamos reducir
  demasiado la entrada mientras se avanza en profunidad.
- Ayuda a obtener más información de los bordes de la imagen. Sin el padding, muy pocos valores serán afectados en la siguiente capa por los pixeles de las orillas

#### Ahora sí, el ejercicio como tal:

Implemente la siguiente función, la cual agregará el padding de ceros a todas las imagenes de un grupo (batch) de tamaño X. Para eso se usará *np.pad*.

Nota: Si se quiere agregar padding a un array "a" de tamaño (5,5,5,5,5) con un padding de tamaño diferente para cada dimensión, es decir, pad=1 para la segunda dimensión, pad=3 para la cuarta dimensión, y pad=0 para el resto, esto se puede hacer de la siguiente manera

```
a = np.pad(a, ((0,0), (1,1), (0,0), (3,3), (0,0)), mode='constant', constant_values =
(0,0))
```

```
In [317]:
```

```
def zero pad(X, pad):
   Agrega padding de ceros a todas las imagenes en el dataset X. El padding es aplicado
al alto y ancho de una imagen,
   como se mostró en la figura anterior.
   X: Array (m, n H, n W, n C) representando el batch de imagens
   pad: int, cantidad de padding
   Returns:
   X_pad: Imagen con padding agregado, (m, n_H + 2*pad, n_W + 2*pad, n C)
   X pad = np.pad(X,
       ((0, 0),
       (pad, pad),
       (pad, pad),
        (0, 0)),
      mode='constant',
       constant values=0)
   return X pad
```

## In [318]:

```
np.random.seed(seed)
```

```
x = np.random.randn(4, 3, 3, 2)
x_pad = zero_pad(x, 2)

print ("x.shape =\n", x.shape)
print ("x_pad.shape =\n", x_pad.shape)
print ("x[1,1] =\n", x[1,1])
print ("x_pad[1,1] =\n", x_pad[1,1])

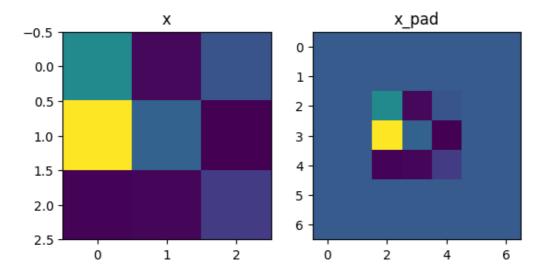
# Mostrar imagen

fig, axarr = plt.subplots(1, 2)
axarr[0].set_title('x')
axarr[0].imshow(x[0,:,:,0])
axarr[1].set_title('x_pad')
axarr[1].imshow(x_pad[0,:,:,0])

with tick.marks(5):
    assert(check_hash(x_pad, ((4, 7, 7, 2), -1274.231087426035)))
```

```
x.shape =
 (4, 3, 3, 2)
x_pad.shape =
 (4, 7, 7, 2)
x[1,1] =
 [[ 0.64212494 -0.18117553]
 [ 0.77174916  0.74152348]
 [ 1.32476273  0.43928671]]
x pad[1,1] =
 [[0. 0.]
 [0. 0.]
 [0. 0.]
 [0.0.]
 [0. 0.]
 [0. 0.]
 [0. 0.]]
```

# √ [5 marks]



### **Ejercicio 2**

Ahora, es momento de implementar un solo paso de la convolución, en esta ustedes aplicaran un filtro/kernel a una sola posición del input. Esta será usada para construir una unidad convolucional, la cual:

- Tomará una matriz (volumen) de input
- Aplicará un filtro a cada posición del input
- Sacará otra matriz (volumen) que será usualmente de diferente tamaño

7	2	3	3	8							
4	5	3	8	4		1	0	-1		6	
3	3	2	8	4	*	1	0	-1	=		
2	8	7	2	7		1	0	-1			
5	4	4	5	4		2x0-	+5x0-	+3x1+ +3x0+ 1+2x-1		,	

Crédito de la imagen al autor. Tomada de <a href="https://medium.datadriveninvestor.com/convolutional-neural-networks-3b241a5da51e">https://medium.datadriveninvestor.com/convolutional-neural-networks-3b241a5da51e</a>

En la anterior imagen, estamos viendo un filtro de 3x3 con un stride de 1 (recuerden que stride es la cantidad que se mueve la ventana). Además, lo que usualmente se hace con esta operación es una **multiplicación element-wise** (en clase les dije que era un producto punto, pero realmente es esta operación), para luego sumar la matriz y agregar un bias. Ahora, primero implementaran un solo paso de la convolución en el cual deberán aplicar un filtro a una sola posición y obtendrán un flotante como salida.

Ejercicio: Implemente la función conv\_single\_step()

Probablemente necesite esta función

Considre que la variable "b" será pasada como un numpy.array. Se se agrega un escalar (flotante o entero) a un np.array, el resultado será otro np.array. En el caso especial de cuando un np.array contiene un solo valor, se puede convertir a un flotante

```
In [319]:
```

```
def conv_single_step(a_slice_prev, W, b):
    """
    Aplica un filtro definido en el parámetro W a un solo paso de
    slice (a_slice_prev) de la salida de activación de una capa previa

Arguments:
    a_slice_prev: Slice shape (f, f, n_C_prev)
    W: Pesos contenidos en la ventana. Shape (f, f, n_C_prev)
    b: Bias contenidos en la ventana. Shape (1, 1, 1)

Returns:
    Z: Un escalar, resultado de convolving la ventana (W, b)
    """

# Multiplicación element-wise entre el slice y el filtro:
    s = np.multiply(a_slice_prev, W)
    # Sumar todos los valores y agregar el bias como escalar:
    Z = np.sum(s) + float(b)

return Z
```

```
In [320]:
```

```
np.random.seed(seed_)
```

```
a_slice_prev = np.random.randn(4, 3, 3)
W = np.random.randn(4, 3, 3)
b = np.random.randn(1, 1, 1)
Z = conv_single_step(a_slice_prev, W, b)
print("Z =", Z)
with tick.marks(5):
    assert check_scalar(Z, '0x92594c5b')
```

Z = 17.154767154043057

/tmp/ipykernel\_94939/2096209966.py:18: DeprecationWarning: Conversion of an array with nd im > 0 to a scalar is deprecated, and will error in future. Ensure you extract a single e lement from your array before performing this operation. (Deprecated NumPy 1.25.) Z = np.sum(s) + float(b)

```
√ [5 marks]
```

### **Ejercicio 3**

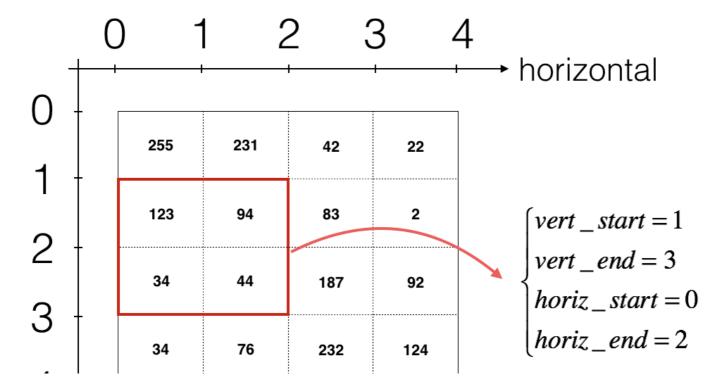
Ahora pasaremos a construir el paso de forward. En este, se tomará muchos filtros y los convolucionaran con los inputs. Cada "convolución" les dará como resultado una matriz 2D, las cuales se "stackearan" en una salida que será entonces de 3D.

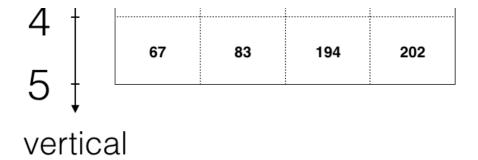
**Ejercicio**: Implemente la función dada para convolucionar los filtros "W" con el input dado "A\_prev". Esta función toma los siguientes inputs:

- A\_prev, la salida de las activaciones de la capa previa (para un batch de m inputs)
- W, pesos. Cada uno tendra un tamaño de fxf
- b, bias, donde cada filtro tiene su propio bias (uno solo)
- hparameters, hiperparámetros como stride y padding

Considere lo siguiente: a. Para seleccionar una ventana (slice) de 2x2 en la esquina superior izquierda de una matriz a\_prev, deberian hacer algo como a\_slice\_prev = a\_prev[0:2, 0:2, :] Noten como esto da una salida 3D, debido a que tiene alto, ancho (de 2) y profundo (de 3 por los canales RGB). Esto le puede ser de utilidad cuando defina a\_slide\_prev en la función, usando los índices de start/end.

b. Oara definir a\_slice necesitará primero definir las esquinas vert\_start, vert\_end, horiz\_start, horiz\_end. La imagen abajo puede resultar útil para entender como cada esquina puede ser definida usando h,w,f y s en el código.





Crédito de imagen al autor, imagen tomada del curso "Convolutional Neural Networks" de Andrew Ng

Entonces, considere las siguientes formulas para saber la forma de la salida de una operación de convolución:

```
egin{aligned} n_H \ &= \lfloor rac{n_{Hprev} - f + 2 	imes pad}{stride} \ ig 
floor + 1 \ &n_W \ &= \lfloor rac{n_{Wprev} - f + 2 	imes pad}{stride} \ ig 
floor + 1 \end{aligned}
```

 $n_C$ 

= número de filtros usados en la convolución

#### **Hints:**

- Probablemente querán usar "slicing" (foo[0:2,:, 1:5]) para las variables a prev pad, W, b
- Para decidir como obtener vert\_start, vert\_end, horiz\_start, horiz\_end, recuerde que estos son índices de la capa previa
- Asegúrese de que a\_slice\_prev tiene alto, ancho y profunidad
- Recuerdo que a\_prev\_pad es un subconjunto de A\_prev\_pad

### In [321]:

```
def conv forward(A prev, W, b, hparameters):
    Implementa la parte de forward propagation para una convolución
   Arguments:
   A prev: salida de activación de la capa anterior,
           shape (m, n_H_prev, n_W_prev, n_C_prev)
   W:
           pesos, shape (f, f, n_C_prev, n_C)
           biases, shape (1, 1, 1, n C)
   b:
   hparameters: dict con "stride" y "pad"
   Returns:
          salida de la convolución, shape (m, n H, n W, n C)
    cache: valores necesarios para el backprop
    # 1) Recuperar dimensiones de A prev
   m, n_H_prev, n_W_prev, n_C_prev = A_prev.shape
    # 2) Recuperar dimensiones de W
   f, f, n_C_prev, n C = W.shape
```

```
# 3) Recuperar hyperparámetros
stride = hparameters['stride']
pad = hparameters['pad']
# 4) Calcular dimensiones de la salida
n H = int((n H prev - f + 2 * pad) / stride) + 1
n W = int((n W prev - f + 2 * pad) / stride) + 1
# 5) Inicializar Z con ceros
Z = np.zeros((m, n H, n W, n C))
# 6) Aplicar padding a A prev
A prev pad = zero pad(A prev, pad)
# 7) Loop sobre cada ejemplo del batch
for i in range(m):
    a prev pad = A prev pad[i] # (n H prev+2p, n W prev+2p, n C prev)
    # 8) Loop sobre la dimensión vertical de la salida
    for h in range(n_H):
        vert_start = h * stride
        vert end = vert start + f
        # 9) Loop sobre la dimensión horizontal de la salida
        for w in range(n W):
            horiz start = w * stride
            horiz end = horiz start + f
            # 10) Loop sobre cada canal de salida / filtro
            for c in range(n C):
                # 10.1) Extraer slice de la entrada
                a slice prev = a prev pad[
                   vert start: vert end,
                   horiz start:horiz end,
                ]  # shape = (f, f, n_C_prev)
                # 10.2) Seleccionar los pesos y bias del filtro c-ésimo
                weights = W[:, :, c] # shape = (f, f, n_C_prev)
                biases = b[:, :, :, c]
                                            # shape = (1, 1, 1)
                # 10.3) Aplicar un paso de convolución
                Z[i, h, w, c] = conv single step(a slice prev,
                                                weights,
                                                biases)
# 11) Asegurar forma de la salida
assert Z.shape == (m, n H, n W, n C)
# 12) Guardar en cache para backprop
cache = (A prev, W, b, hparameters)
return Z, cache
```

### In [322]:

/tmp/ipykernel\_94939/2096209966.py:18: DeprecationWarning: Conversion of an array with nd im > 0 to a scalar is deprecated, and will error in future. Ensure you extract a single e lement from your array before performing this operation. (Deprecated NumPy 1.25.) Z = np.sum(s) + float(b)

# √ [5 marks]

## √ [5 marks]

# √ [5 marks]

También deberíamos agregar una función de activación a la salida de la forma, que teniendo al salida Z

```
Z[i, h, w, c] = \dots
```

Deberiamos aplicar la activación de forma que:

```
A[i, h, w, c] = activation(Z[i, h, w, c])
```

Pero esto no lo haremos acá

### **Ejercicio 4**

Ahora lo que necesitamos es realizar la parte de "Pooling", la cual reducirá el alto y ancho del input. Este ayudará a reducir la complejidad computacional, así como también ayudará a detectar features más invariantes en su posición del input. Recuerden que hay dos tipos más comunes de pooling.

- Max-pooling: Mueve una ventana de (fxf) sobre un input y guarda el valor máximo de cada ventana en su salida
- Average-pooling: Mueve una ventana de (fxf) sobre un input y guarda el valor promedio de cada ventana en su salida

Estas capas de pooling no tienen parámetros para la parte de backpropagation al entrenar. Pero, estas tienen hiperparámetros como el tamaño de la ventana (f). Este especifica el alto y ancho de la ventana.

Crédito de imagen al autor, imagen tomada de <a href="https://www.researchgate.net/figure/lllustration-of-Max-Pooling-and-Average-Pooling-Figure-2-above-shows-an-example-of-max fig2 333593451">https://www.researchgate.net/figure/lllustration-of-Max-Pooling-and-Average-Pooling-Figure-2-above-shows-an-example-of-max fig2 333593451</a>

Ejercicio: Implemente la función del paso forwarding de la capa de la capa de pooling.

Considere que como no hay padding, las formulas para los tamaños del output son:

```
n_{Hprev} - f
\lfloor \frac{}{stride} \rfloor
+1
n_W
 n_{Wprev} - f
\lfloor \frac{}{stride} \rfloor
+1
n_C
=n_{C_{prev}}
In [323]:
def pool forward(A prev, hparameters, mode="max"):
    Implementa el forward de una capa de pooling (max o average).
    Arguments:
    A prev -- input de la capa anterior, shape (m, n_H_prev, n_W_prev, n_C_prev)
    hparameters -- diccionario con:
                          -- tamaño de la ventana (alto y ancho)
                   stride -- paso de la ventana
    mode -- "max" o "average"
    Returns:
    A -- salida de la capa de pooling, shape (m, n_H, n_W, n_C)
    cache -- tupla (A_prev, hparameters) para el backprop
    # Obtener dimensiones de A prev
    m, n_H_prev, n_W_prev, n_C_prev = A_prev.shape
    # Obtener hiperparámetros
    f = hparameters["f"]
    stride = hparameters["stride"]
    # Calcular dimensiones de la salida
    n C = n C prev
    # Inicializar la salida
    A = np.zeros((m, n_H, n_W, n_C))
    # Loop sobre cada ejemplo
    for i in range(m):
        # Loop sobre la dimensión vertical
        for h in range(n H):
            vert start = h * stride
            vert end = vert start + f
             # Loop sobre la dimensión horizontal
            for w in range(n W):
                horiz_start = w * stride
                horiz end = horiz start + f
                 # Loop sobre cada canal
                for c in range(n C):
                     # Extraer el slice de tamaño fxf del canal c-ésimo
                    a prev slice = A prev[i,
                                           vert start: vert end,
                                           horiz start:horiz end,
                                           c]
                     # Aplicar pooling según el modo
                    if mode == "max":
                         A[i, h, w, c] = np.max(a prev slice)
                    elif mode == "average":
                         A[i, h, w, c] = np.mean(a prev slice)
```

=

#### In [324]:

```
np.random.seed(seed )
A_prev = np.random.randn(2, 5, 5, 3)
hparameters = {"stride" : 1, "f": 3}
A, cache = pool forward(A prev, hparameters)
with tick.marks(5):
   assert check_hash(A, ((2, 3, 3, 3), 2132.191781663462))
print("mode = max")
print("A.shape = " + str(A.shape))
print("A = \n", A)
print()
A, cache = pool forward(A prev, hparameters, mode = "average")
with tick.marks(5):
   assert check hash(A, ((2, 3, 3), -14.942132313028413))
print("mode = average")
print("A.shape = " + str(A.shape))
print("A = \n", A)
```

# √ [5 marks]

```
mode = max
A.shape = (2, 3, 3, 3)
 [[[[2.65440726 2.09732919 0.89256196]
   [2.65440726 2.09732919 0.89256196]
   [2.65440726 1.44060519 0.77174916]]
  [[1.5964877 2.39887598 0.89256196]
   [1.5964877 2.39887598 0.89256196]
   [1.5964877 2.39887598 0.77174916]]
  [[1.5964877 2.39887598 1.23583026]
   [1.5964877 2.39887598 1.36481958]
   [1.5964877 2.39887598 1.36481958]]]
 [[[1.84392163 2.43182155 1.29498747]
   [1.84392163 1.84444871 1.29498747]
   [0.6411132 1.84444871 1.16961103]]
  [[1.05650003 1.83680466 1.29498747]
   [1.05650003 0.9194503 1.29498747]
   [1.60523445 0.9194503 1.16961103]]
  [[1.06265456 1.83680466 0.68596995]
   [1.84881089 0.9194503 0.91014646]
   [1.84881089 1.42664748 1.06769765]]]]
```

# √ [5 marks]

```
mode = average
A.shape = (2, 3, 3, 3)
```

```
[[[[-0.03144582  0.21101766 -0.4691968 ]
 [-0.19309428 0.11749016 -0.32066469]
 [ 0.03682201  0.07413032  -0.36460992]]
[-0.58916194 \quad 0.45332745 \quad -0.92209295]
 [ 0.33096648 -0.05773358 -0.55515521]]
[[-0.19306801 \quad 0.61727733 \quad -0.75579122]
 [0.34757347 0.47452468 - 0.55854075]
 [ 0.52805193 -0.10908417 -0.5041339 ]]]
[-0.08325311 0.13111052
                        0.36317349]
 [-0.35974293 -0.13195187
                       0.30872263]]
[-0.36030628 -0.08070726 0.1281678 ]
 [-0.190839 -0.07153563 0.25708761]]
[[ 0.11435948  0.17765852  -0.54259002]
 [ 0.17261558 -0.07438603 -0.32846615]
 [ 0.14368759  0.21413355  0.1648492 ]]]]
```

¡Muy bien terminamos la parte del paso forward!

### **Ejercicio 5**

Antes de empezar con el ejercicio 5, debemos clarificar unas cuantas cosas.

Por ello, es momento de pasar a hacer el paso de backward propagation. En la mayoría de frameworks/librerías de la actualidad, solo deben implementarse el paso forward, y estas librerías se encargan de hacer el paso de backward. El backward puede ser complicado para una CNN.

Durante la semana pasada implementamos el backpropagation de una Fully Connected para calcular las derivadas con respecto de un costo. De similar manera, en CNN se debe calcular la derivada con respecto del costo para actualizar parámetros. Las ecuaciones de backpropagation no son triviales, por ello trataremos de entenderlas mejor acá

#### Calculando dA

Esta es la formula para calcular  $\,dA\,$  con respecto de costo para un filtro dado  $\,W_c\,$  y un ejemplo de entrenamiento dado

$$dA + = \sum_{h=0}^{n_H} \sum_{w=0}^{n_W} W_c \times dZ_{hw}$$
 (1)

Donde  $W_c$  es un filtro y  $dZ_{hw}$  es un escalar correspondiente a la gradiente del costo con respecto de la salida de la capa convolucional Z en la h-th fila y la w-th columna (correspondiente al producto punto tomado de la i-th stride en la izquierda y el j-th stride inferior). Noten que cada vez que multiplicamos el mismo filtro  $W_c$  por una dZ difrente cuando se actualiza dA. Esto lo hacemos principalmente cuando calculamos el paso forward, cada filtro es multiplicado (punto) y sumado por un differente a\_slice. Entonces cuando calculamos el backpropagation para dA, estamos agregando todas las gradientes de a\_slices.

En código, dentro del ciclo-for apropiado, esta formula se transforma en:

```
da_prev_pad[vert_start:vert_end, horiz_start:horiz_end, :] += W[:,:,:,c] * dZ[i, h, w,
c]
```

#### Calculando dW

Esta es la formula para calcular  $dW_c$  ( $dW_c$  es la derivada de un solo filtro) con respecto de la perdida

$$dW_c + = \sum_{h=0}^{n_H} \sum_{w=0}^{n_W} a_{slice} \times dZ_{hw}$$
 (2)

Donde a (slice) corresponde al slice que se usó para generar la activación de \$d7 (ii)

 $. Entonces, \\ estoterminadandos la gradiente de W con respecto de esestice (ventana). Debido a que el mismo$ 

soloagregamos todas las gradientes para obtener

En código, dentro del ciclo-for apropiado, esta formula se transforma en:

```
dW[:,:,:,c] += a\_slice * dZ[i, h, w, c]
```

#### Calculando db

Esta es la formula para calcular  $\,db$  con respecto del costo para un filtro dado  $\,Wc$ 

$$db = \sum_{h} \sum_{w} dZ_{hw} \tag{3}$$

Como hemos previamente visto en una red neuronal básica, db es calculada al sumar dZ. En este caso, solo sumaremos sobre todas las gradientes de la salida conv (Z) con respecto del costo.

En código, dentro del ciclo-for apropiado, esta formula se transforma en:

```
db[:,:,:,c] += dZ[i, h, w, c]
```

Después de este preambulo, ahora pasemos al ejercicio. Deberá implementar la función <code>conv\_backward</code>. Deberá sumar sobre todos los datos de entrenamiento, filtros, altos, y anchos. Luego, deberá calcular las derivadas usando las formulas 1-3, de arriba.

```
In [325]:
```

```
def conv backward(dZ, cache):
    Implementa el backpropagation para una función de convolución
   Arguments:
   dZ: Gradiente de costo, shape (m, n H, n W, n C)
   cache: Tupla (A prev, W, b, hparameters) de conv forward
   Returns:
   dA prev: Gradiente con respecto a la entrada A prev,
            shape (m, n H prev, n W prev, n C prev)
   dW: Gradiente con respecto a W, shape (f, f, n C prev, n C)
   db: Gradiente con respecto a b, shape (1, 1, 1, n C)
    (A prev, W, b, hparameters) = cache
    (m, n_H_prev, n_W_prev, n_C_prev) = A_prev.shape
    (f, f, n_C_prev, n_C) = W.shape
   stride = hparameters["stride"]
   pad = hparameters["pad"]
    (m, n_H, n_W, n_C) = dZ.shape
    # Inicializar gradientes
   dA_prev = np.zeros((m, n_H_prev, n_W_prev, n_C_prev))
       = np.zeros((f, f, n_C_prev, n_C))
           = np.zeros((1, 1, 1, n C))
   db
    # Padding
   A prev pad = zero pad(A prev, pad)
   dA prev pad = zero pad(dA prev, pad)
    # Loop sobre ejemplos
   for i in range(m):
       a_prev_pad = A_prev_pad[i]
       da prev pad = dA prev pad[i]
        # Loop spatial y de canal
       for h in range(n H):
            for w in range(n W):
                for c in range(n C):
                    # Definir límites de slice
```

```
vert_start = h * stride
                vert_end = vert_start + f
                horiz start = w * stride
                horiz_end = horiz_start + f
                # Extraer slice de entrada con padding
                a slice = a prev pad[
                   vert start: vert end,
                   horiz start:horiz end,
                ]
                # Gradiente con respecto a la entrada (dA prev pad)
                da prev pad[
                   vert start: vert end,
                   horiz start:horiz end,
                ] += W[:, :, c] * dZ[i, h, w, c]
                # Gradiente con respecto a W
                dW[:, :, :, c] += a slice * dZ[i, h, w, c]
                # Gradiente con respecto a b
                db[:, :, :, c] += dZ[i, h, w, c]
    # Quitar padding de dA prev pad para obtener dA prev[i]
   if pad != 0:
       dA_prev[i, :, :, :] = da_prev_pad[
           pad:-pad,
           pad:-pad,
       1
   else:
       dA prev[i, :, :, :] = da prev pad
assert dA_prev.shape == (m, n_H_prev, n_W_prev, n_C_prev)
return dA prev, dW, db
```

### In [326]:

```
np.random.seed(seed_)

dA, dW, db = conv_backward(Z, cache_conv)
print("dA_mean =", np.mean(dA))
print("dW_mean =", np.mean(dW))
print("db_mean =", np.mean(db))

with tick.marks(5):
    assert(check_hash(dA, ((10, 7, 7, 5), 5720525.244018247)))

with tick.marks(5):
    assert(check_hash(dW, ((3, 3, 5, 8), -2261214.2801842494)))

with tick.marks(5):
    assert(check_hash(db, ((1, 1, 1, 8), 11211.666220998337)))
```

 $\begin{array}{lll} \text{dA\_mean} &=& 1.7587047105903002 \\ \text{dW\_mean} &=& -30.84696464944313 \\ \text{db\_mean} &=& 163.5455610593757 \end{array}$ 

# √ [5 marks]

# √ [5 marks]

/ [5 markel

### **Ejercicio 6**

Es momento de hacer el paso backward para la capa pooling. Vamos a empezar con la versión max-pooling. Noten que incluso aunque las capas de pooling no tienen parámetros para actualizar en backpropagation, aun se necesita pasar el gradiente en backpropagation por las capas de pooling para calcular los gradientes de las capas que vinieron antes de la capa de pooling

### **Max-pooling paso Backward**

Antes de ir al backpropagation de la capa de pooling, vamos a crear una función de apoyo llamada create mask from window() que hará lo siguiente

$$X = \begin{bmatrix} 1 & 3 \\ 4 & 2 \end{bmatrix} \rightarrow \tag{4}$$

$$M = \begin{bmatrix} 0 & 0 \\ 1 & 0 \end{bmatrix}$$

Como pueden observar, esta función creará una matriz "máscara" que ayudará a llevar tracking de donde está el valor máximo. El valor 1 indica la posición del máximo de una matriz X, las demás posiciones son 0. Veremos más adelante que el paso backward con average-pooling es similar pero con diferente máscara

**Ejercicio:** Implemente la función create mask from window().

#### Hints:

- np.max() puede ser de ayuda.
- Si tienen una matriz X y un escalar x: A = (X==x) devolverá una matriz A del mismo tamaño de X tal que:

```
A[i,j] = True if X[i,j] = x
A[i,j] = False if X[i,j] != x
```

En este caso, no considere casos donde hay varios máximos en una matriz

```
In [327]:
```

```
def create_mask_from_window(x):
    """
    Crea una máscara para el input x, para identificar máximos

Arguments:
    x -- array de forma (f, f)

Returns:
    mask -- array binaria de la misma forma, con 1 en la posición del máximo
    """
    # Crear una máscara que sea True donde x alcance su valor máximo
    mask = (x == np.max(x)).astype(int)
    return mask
```

```
In [328]:
```

```
np.random.seed(seed_)
x = np.random.randn(2,3)
mask = create_mask_from_window(x)
print('x = ', x)
print("mask = ", mask)

with tick.marks(5):
    assert(check_hash(mask, ((2, 3), 2.5393446629166316)))

x = [[ 0.71167353 -0.32448496 -1.00187064]
[ 0.23625079 -0.10215984 -1.14129263]]
```

```
mask = [[1 \ 0 \ 0]]
```

## √ [5 marks]

Es válido preguntarse ¿por qué hacemos un seguimiento de la posición del máximo? Es porque este es el valor de entrada que finalmente influyó en la salida y, por lo tanto, en el costo.

Backprop está calculando gradientes con respecto al costo, por lo que todo lo que influya en el costo final debe tener un gradiente distinto de cero. Entonces, backprop "propagará" el gradiente de regreso a este valor de entrada particular que influyó en el costo.

#### Average-pooling paso Backward

En max-pooling, para cada ventana de entrada, toda la "influencia" en la salida provino de un solo valor de entrada: el máximo. En la agrupación promedio, cada elemento de la ventana de entrada tiene la misma influencia en la salida. Entonces, para implementar backprop, ahora implementaramos una función auxiliar que refleje esto.

$$dZ = 1 \rightarrow dZ$$

$$= \begin{bmatrix} 1/4 & 1/4 \\ 1/4 & 1/4 \end{bmatrix}$$
(5)

Esto implica que cada posición en la matriz contribuye por igual a la salida porque en el pase hacia adelante tomamos un promedio.

**Ejercicio:** Implemente la función para distribuir de igual manera el valor dz en una matriz del mismo tamaño de "shape"

```
In [329]:
```

```
def distribute_value(dz, shape):
    """
    Distribuye el valor dz de manera uniforme en una matriz de la forma dada.

Arguments:
    dz -- escalar a distribuir
    shape -- tupla (n_H, n_W) indicando la forma de la matriz de salida

Returns:
    a -- array de shape (n_H, n_W) con dz repartido uniformemente
    """

# Obtener dimensiones
    n_H, n_W = shape

# Cada elemento recibe la misma porción de dz
    average = dz / (n_H * n_W)

# Crear la matriz con todos los valores iguales a average
    a = np.ones((n_H, n_W)) * average
    return a
```

```
In [330]:
```

0.10204082]

```
a = distribute_value(5, (7,7))
print('valor distribuido =', a)
with tick.marks(5):
    assert check_scalar(a[0][0], '0x23121715')
valor distribuido = [[0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082
```

```
[0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082]
[0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082]
[0.10204082]
[0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082
```

# √ [5 marks]

### **Ejercicio 7**

Ahora tienen todo lo necesario para calcular el backpropagation en una capa de agrupación.

Ejercicio: Implementen la función pool\_backward en ambos modos ("max" y "average"). Una vez más, usarán 4 loops-for (iterando sobre ejemplos de entrenamiento, altura, ancho y canales). Debe usar una instrucción if/elif para ver si el modo es igual a 'máximo' o 'promedio'. Si es igual a 'promedio', debe usar la función distribuir\_valor () que se creo anteriormente para crear una matriz de la misma forma que "a\_slice". De lo contrario, el modo es igual a 'max', y creará una máscara con create\_mask\_from\_window() y la multiplicará por el valor correspondiente de dZ .

```
In [331]:
```

```
def pool backward(dA, cache, mode="max"):
   Implements the backward pass of the pooling layer
   Arguments:
   dA -- gradient of cost w.r.t output of pooling layer, shape same as A
   cache -- tuple (A prev, hparameters)
   mode -- "max" or "average"
   Returns:
   dA prev -- gradient w.r.t input of pooling layer, same shape as A prev
    # Recuperar valores del cache
    (A prev, hparameters) = cache
   f = hparameters["f"]
   stride = hparameters["stride"]
    # Dimensiones de A prev y dA
   m, n_H_prev, n_W_prev, n_C_prev = A_prev.shape
   m, n_H, n_W, n_C = dA.shape
    # Inicializar dA prev
   dA prev = np.zeros like(A prev)
    # Loop sobre los ejemplos
   for i in range(m):
       a prev = A prev[i]
       for h in range(n_H):
           vert start = h * stride
           vert end = vert start + f
            for w in range(n_W):
                horiz start = w * stride
                horiz end = horiz start + f
                for c in range(n C):
                    if mode == "max":
                        # Extraer slice y crear máscara
                        a prev slice = a prev[vert start:vert end,
```

```
horiz_start:horiz_end,
                                           c1
                    mask = create mask from window(a prev slice)
                    # Propagar gradiente sólo al max
                    dA prev[i,
                            vert start: vert end,
                            horiz start:horiz end,
                            c] += mask * dA[i, h, w, c]
                elif mode == "average":
                    # Distribuir el gradiente uniformemente
                    da = dA[i, h, w, c]
                    distributed = distribute value(da, (f, f))
                    dA prev[i,
                            vert start: vert end,
                            horiz start:horiz end,
                            c] += distributed
# Verificar dimensiones
assert dA prev.shape == A prev.shape
return dA_prev
```

#### In [332]:

```
np.random.seed(seed)
A prev = np.random.randn(5, 5, 3, 2)
hparameters = {"stride" : 1, "f": 2}
A, cache = pool forward(A prev, hparameters)
print(A.shape)
dA = np.random.randn(5, 4, 2, 2)
dA prev = pool backward(dA, cache, mode = "max")
print("mode = max")
print('mean of dA = ', np.mean(dA))
print('dA prev[1,1] = ', dA prev[1,1])
print()
with tick.marks(5):
    assert(check hash(dA prev, ((5, 5, 3, 2), 1166.727871556145)))
dA prev = pool backward(dA, cache, mode = "average")
print("mode = average")
print('mean of dA = ', np.mean(dA))
print('dA_prev[1,1] = ', dA_prev[1,1])
with tick.marks(5):
    assert(check hash(dA prev, ((5, 5, 3, 2), 1131.4343089227643)))
(5, 4, 2, 2)
mode = max
mean of dA = 0.10390017715645054
dA_prev[1,1] = [[1.24312631 0.
             -1.05329248]
 [ 0.
 [-1.03592891 0.
```

# √ [5 marks]

# √ [5 marks]

## Ejercicio 8

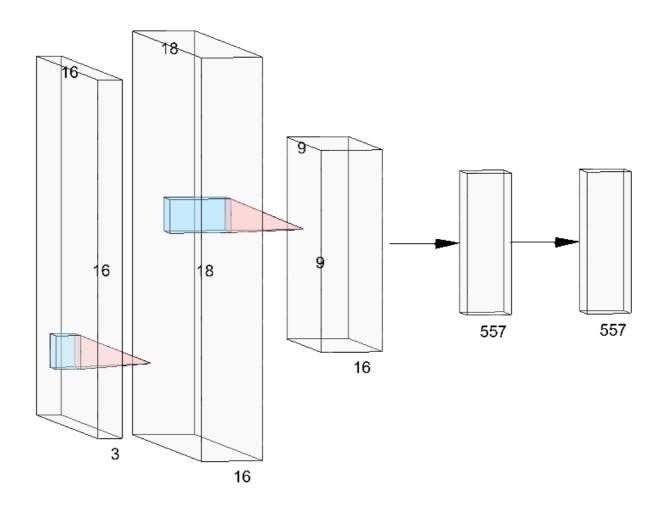
Hemos hecho todas las partes "a mano", es momento entonces de unir todo para intentar predecir nuevamente gatitos y perritos.

Tengan en cuenta que volveremos a usar el mismo método de la última vez pero ahora bajaremos significativamente la resolución de las imagenes para agilizar el proceso de entrenamiento. Esto, logicamente, afectará al resultado final, pero no se preocupen, está bien si les sale una pérdida excesivamente alta y un accuracy demasiado bajo, lo importante de este paso es que entiendan como todo se entrelaza. Además, muchas de las funciones para terminar de enlanzar todo les son dadas, no está de más que las lean y entiendan que sucede, pero ustedes deberán implementar varias también.

Para esta parte esparemos haciendo una arquitectura bastante simple, siendo esta algo como sigue

Input (64x64x3) --> Conv Layer (16 filters, 3x3, stride 1) --> ReLU Activation --> Max Pooling (2x2, stride 2) --> Fully Connected Layer (2 classes) --> Softmax Activation --> Output (Probs para Gato y Perro)

Se podría visualizar de una forma como la que se muestra en la siguiente imagen



(Si en algun momento necesitan crear visualizaciones de arquitecturas de DL pueden usar la pagina https://alexlenail.me/NN-SVG/AlexNet.html)

Ejercicio: Implementen la función simple\_cnn\_model, la cual se encargará de formar el forward pass, luego implemente la función backward\_propagation, que se encargará de hacer el backward propagation y calculo de gradientes. Finalmente, implemente update parameters que deberá actualziar los filtros y biases.

```
In [333]:
```

```
# Por favor cambien esta ruta a la que corresponda en sus maquinas
data_dir = './images'

train_images = []
train_labels = []
test_images = []
```

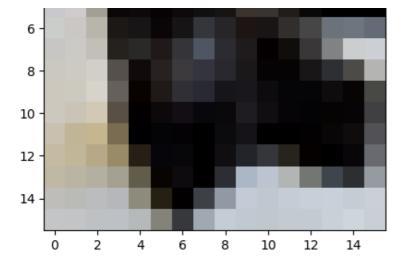
```
test labels = []
def read images(folder path, label, target size, color mode='RGB'):
    for filename in os.listdir(folder path):
       image path = os.path.join(folder path, filename)
        # Use PIL to open the image
       image = Image.open(image path)
        # Convert to a specific color mode (e.g., 'RGB' or 'L' for grayscale)
        image = image.convert(color mode)
        # Resize the image to the target size
        image = image.resize(target size)
        # Convert the image to a numpy array and add it to the appropriate list
       if label == "cats":
            if 'train' in folder path:
                train images.append(np.array(image))
                train labels.append(0) # Assuming 0 represents cats
            else:
                test images.append(np.array(image))
                test labels.append(0) # Assuming 0 represents cats
       elif label == "dogs":
            if 'train' in folder path:
                train images.append(np.array(image))
                train labels.append(1) # Assuming 1 represents dogs
                test images.append(np.array(image))
                test labels.append(1) # Assuming 1 represents dogs
# Call the function for both the 'train' and 'test' folders
train_cats_path = os.path.join(data_dir, 'train', 'cats')
train_dogs_path = os.path.join(data_dir, 'train', 'dogs')
test cats path = os.path.join(data dir, 'test', 'cats')
test dogs path = os.path.join(data dir, 'test', 'dogs')
# Read images
target size = (16, 16)
read_images(train_cats_path, "cats", target_size)
read_images(train_dogs_path, "dogs", target size)
read_images(test_cats_path, "cats", target_size)
read_images(test_dogs_path, "dogs", target size)
# Convert the lists to numpy arrays
train images = np.array(train images)
train labels = np.array(train_labels)
test images = np.array(test images)
test labels = np.array(test labels)
# Reshape the labels
train labels = train labels.reshape((1, len(train labels)))
test labels = test labels.reshape((1, len(test labels)))
```

#### In [334]:

```
# Ejemplo de una imagen
# S1, ahora se ve menos el pobre gatito :(
index = 25
plt.imshow(train_images[index])
print ("y = " + str(train_labels[0][index]) + ", es una imagen de un " + 'gato' if train_labels[0][index] == 0 else 'perro' + "'.")
```

y = 0, es una imagen de un gato





### In [335]:

```
np.random.seed(seed)
def one hot encode(labels, num classes):
    Convierte labels categoricos a vectores
    Arguments:
    labels: Array shape (m,)
    num classes: Número de clases
    Returns:
    one hot: Array, shape (m, num classes)
   m = labels.shape[0]
   one hot = np.zeros((m, num classes))
   one_hot[np.arange(m), labels] = 1
    return one hot
def relu(Z):
   Aplica ReLU como funcion de activación al input
   Arguments:
    Z: Input
    Returns:
    A: Output array, mismo shape de Z
    cache: Contiena a Z para usar en el backprop
   A = np.maximum(0, Z)
   cache = Z
   return A, cache
def relu backward(dA, cache):
    Calcula la derivada del costo con respecto del input de ReLU
   Arguments:
    dA: Gradiente del costo con respecto del output de ReLU
    cache: Z del paso forward
    Returns:
    dZ: Gradiente del costo con respecto del input
    Z = cache
   dZ = np.multiply(dA, Z > 0)
    return dZ
def softmax(Z):
```

```
Aplica softmax al input
    Arguments:
    Z: Input array, shape (m, C), m = \# de ejemplso, C = \# de clases
   Returns:
   A : Salida con softmax
   e Z = np.exp(Z - np.max(Z, axis=1, keepdims=True))
   A = e Z / np.sum(e Z, axis=1, keepdims=True)
   return A
def softmax backward(A):
    Calcula la derivada de softmax
    Arguments:
   A: Salida del softmax
    Returns:
    dA: Gradiente del costo con respecto de la salida del softmax
   dA = A * (1 - A)
   return dA
def initialize parameters(n H, n W, n C):
    Inicializa los parametros de la CNN
   Arguments:
   n H: Alto de las imagenes
    n W: Ancho de las imagenes
   n C: Canales
   Returns:
   parameters: Diccionario con los filtros y biases
   parameters = {}
    # First convolutional layer
   parameters ['W1'] = np.random.randn(3, 3, n C, 16) * 0.01
   parameters['b1'] = np.zeros((1, 1, 1, 16))
    # Second convolutional layer - Not used to much time on training
    #parameters['W2'] = np.random.randn(3, 3, 16, 32) * 0.01
    #parameters['b2'] = np.zeros((1, 1, 1, 32))
    # Fully connected layer
    parameters['W3'] = np.random.randn(1296, 2) * 0.01
    parameters['b3'] = np.zeros((1, 2))
    return parameters
def conv layer forward(A prev, W, b, hparameters conv):
    Forward pass de una capa convolucional
    Arguments:
    A prev: Matriz previa
    W: Filtro
   b: Biases
   hparameters conv: hiperparametros
    Returns:
   A: Nueva matriz de datos
    cache: Cache con la info de ReLU y la convolucional
    Z, cache conv = conv forward(A prev, W, b, hparameters conv)
   A, cache relu = relu(Z)
   cache = (cache conv, cache relu)
```

```
return A, cache
def pool layer forward(A prev, hparameters pool, mode='max'):
    Llama a la función realizada previamente - Ver docstring de pool forward
   A, cache = pool forward(A prev, hparameters pool, mode)
   return A, cache
def fully connected layer forward(A2, A prev flatten, W, b):
   Forward pass de fully connected
   Arguments:
    A2: Matriz previa no aplanada
   A prev flatten: Matriz previa aplanada
    b: Biases
   Returns:
   A: Nueva matriz de datos
    cache: Cache con la info de ReLU y la convolucional
    Z = np.dot(A prev flatten, W) + b
   A = softmax(Z) \# cache fc = softmax(Z)
    cache = (A2, A prev flatten, W, b, Z, A)
   return A, cache
def simple cnn_model(image_array, parameters):
    Implementa un modelo simple de CNN para predecir si una imagen es un perrito o un gat
ito
   Arguments:
    image array -- imágenes, shape (m, n H, n W, n C)
   parameters -- diccionario con W1, b1, W3, b3
   Returns:
   A_last -- probabilidades softmax, shape (m, 2)
    caches -- lista de caches para el backward
   W1, b1 = parameters['W1'], parameters['b1']
   W3, b3 = parameters['W3'], parameters['b3']
    hparameters conv = {"stride": 1, "pad": 2}
   hparameters_pool = {"f": 2, "stride": 2}
    # 1) CONV → ReLU → POOL
    A1, cache0 = conv layer forward(image array, W1, b1, hparameters conv)
   A2, cache1 = pool layer forward(A1, hparameters pool, mode='max')
    # 2) Flatten
   A2 flatten = A2.reshape(A2.shape[0], -1)
    # 3) Fully connected → Softmax
   A_last, cache2 = fully_connected_layer_forward(A2, A2 flatten, W3, b3)
    caches = [cache0, cache1, cache2]
    return A_last, caches
def compute cost(A last, Y):
    Calcula el costo de cross-entroy para las probabilidades predichas
   Arguments:
    A last: Prob predichas, shape (m, 2)
    Y: Labels verdaders, shape (m, 2)
    Returns:
    cost: cross-entropy cost
   m = Y.shape[0]
```

```
cost = -1/m * np.sum(Y * np.log(A_last + 1e-8))
   return cost
def fully connected layer backward(dA last, cache, m):
   Calcula el backward pass de la fully connected
   Arguments:
   dA last: Matriz de valores
   cache: cache util
   m: Cantidad de obs
   Returns:
   dA prev: Derivada de la matriz
   dW: Derivada del costo con respecto del filtro
   db: Derivada del costo con respecto de bias
   A prev unflatten, A prev flatten, W, b, Z, A last = cache
   dZ = dA last * softmax backward(A last)
   dW = np.dot(A_prev_flatten.T, dZ) / m
   db = np.sum(dZ, axis=0, keepdims=True) / m
   dA prev flatten = np.dot(dZ, W.T)
   dA_prev = dA_prev_flatten.reshape(A_prev_flatten.shape)
   return dA prev, dW, db
def pool layer backward(dA, cache, mode='max'):
   Llama al metodo antes definido - Ver docstring de pool backward
   return pool backward(dA, cache, mode)
def conv layer backward(dA, cache):
   Llama al metodo antes definido - Ver docstring de conv backward
   dZ = relu backward(dA, cache[1])
   dA prev, dW, db = conv backward(dZ, cache[0])
   return dA_prev, dW, db
def backward propagation(A last, Y, caches):
   Backward pass de nuestro modelo simple
   Arguments:
   A last -- probabilidades predichas, shape (m,2)
        -- etiquetas one-hot, shape (m,2)
   caches -- lista de caches [cache0, cache1, cache2]
   Returns:
   gradients -- dict con dW1, db1, dW3, db3, y los dA intermedios
   m = Y.shape[0]
   gradients = {}
    # 1) Capa fully-connected backward
       dZ3: (m,2)
   dZ3 = A_last - Y
   dA2_flatten, dW3, db3 = fully_connected_layer_backward(dZ3, caches[2], m)
   gradients['dA2 flatten'] = dA2 flatten
   gradients['dW3'] = dW3
   gradients['db3'] = db3
   # 2) Reconstruir dA2 con la forma de la salida de pooling
   A1, hparameters pool = caches[1]
        = hparameters pool['f']
   stride = hparameters pool['stride']
   m, n_H_prev, n_W_prev, n_C_prev = A1.shape
    # dimensiones de la salida del pool
   n_C = n_C_prev
```

```
\# reshape al tensor (m, n_H, n_W, n_C)
    dA2 = dA2 flatten.reshape((m, n_H, n_W, n_C))
    # 3) Backward pool y conv
    gradients['dA1 pool'] = pool layer backward(dA2, caches[1], mode='max')
    gradients['dA1'], gradients['dW1'], gradients['db1'] = \
       conv layer backward(gradients['dA1 pool'], caches[0])
    return gradients
def update parameters(parameters, gradients, learning rate=0.01):
   Actualiza W1, b1, W3, b3 con descenso de gradiente
    Arguments:
   parameters -- dict con W1, b1, W3, b3
    gradients -- dict con dW1, db1, dW3, db3
    learning rate -- tasa de aprendizaje
   Returns:
   parameters -- diccionario actualizado
   parameters['W1'] -= learning rate * gradients['dW1']
   parameters['b1'] -= learning rate * gradients['db1']
   parameters['W3'] -= learning rate * gradients['dW3']
   parameters['b3'] -= learning rate * gradients['db3']
   return parameters
```

#### In [336]:

```
np.random.seed(seed_)
# Initialize the parameters of the CNN model
parameters = initialize_parameters(n_H=target_size[0], n_W=target_size[1], n_C=3)
# Training loop
# Noten como estamos usando bien poquitas epocas, pero es para que no les tome más de 10
minutos entrenar la mini red
num_epochs = 5
learning_rate = 0.01
```

#### In [337]:

```
np.random.seed(seed_)

# Combine the train_images and test_images into one array
X_train = train_images #np.concatenate((train_images, test_images), axis=0)

# Combine the train_labels and test_labels into one array
Y_train_labels = train_labels #np.concatenate((train_labels, test_labels), axis=0)

# Convert labels to one-hot encoding
num_classes = 2
Y_train = one_hot_encode(Y_train_labels, num_classes)
```

#### In [338]:

```
np.random.seed(seed_)

for epoch in range(num_epochs):
    # Forward propagation
    A_last, caches = simple_cnn_model(X_train, parameters)

# Compute the cost
    cost = compute_cost(A_last, Y_train)

# Backward propagation
    gradients = backward_propagation(A_last, Y_train, caches)

# Update parameters using gradient descent
```

```
parameters = update parameters (parameters, gradients, learning rate)
    # Print the cost every few epochs - Removed not used due high times
    #if epoch % 10 == 0:
    print(f"Epoch {epoch+1}, Cost: {cost}")
print("Training completed.")
/tmp/ipykernel 94939/2096209966.py:18: DeprecationWarning: Conversion of an array with nd
im > 0 to a scalar is deprecated, and will error in future. Ensure you extract a single e
lement from your array before performing this operation. (Deprecated NumPy 1.25.)
  Z = np.sum(s) + float(b)
Epoch 1, Cost: 2370.7655299381468
Epoch 2, Cost: 10260.319168811471
Epoch 3, Cost: 10260.319168811471
Epoch 4, Cost: 10260.319168811471
Epoch 5, Cost: 10260.319168811471
Training completed.
In [339]:
with tick.marks(10):
    assert check scalar(cost, '0xd574bb64')

√ [10 marks]

In [340]:
# Testing the model using the test dataset
def test model(X test, Y test, parameters):
    Testea el modelo CNN usando el dataset
    Arguments:
```

```
X test: Imagenes, shape (m, n H, n W, n C)
    Y test: Labels verdaders para probas las imagenes, shape (m, num classes)
   parameters: Diccionario con filtros y biases de cada capa
    Returns:
    accuracy: Accuracy
    # Forward propagation
   A_last, _ = simple_cnn_model(X_test, parameters)
    # Convert softmax output to predicted class labels (0 for cat, 1 for dog)
   predictions = np.argmax(A last, axis=1)
    # Convert true labels to class labels
    true labels = np.argmax(Y test, axis=1)
    # Calculate accuracy
    accuracy = np.mean(predictions == true labels) * 100
    return accuracy
# Test the model on the test dataset
accuracy = test_model(test_images, one_hot_encode(test_labels, 2), parameters)
print(f"Test Accuracy: {accuracy:.2f}%")
/tmp/ipykernel 94939/2096209966.py:18: DeprecationWarning: Conversion of an array with nd
im > 0 to a scalar is deprecated, and will error in future. Ensure you extract a single e
```

lement from your array before performing this operation. (Deprecated NumPy 1.25.) Z = np.sum(s) + float(b)

Test Accuracy: 0.00%

```
In [341]:
```

```
with tick.marks(10):
```

## √ [10 marks]

Entonces, como podemos ver el modelo creado es **realmente** malo. Pero para fines didácticos cumple con su cometido 📾

NOTA: Conteste como txt, pdf, comentario en la entrega o en este mismo notebook:

- ¿Por qué creen que es el mal rendimiento de este modelo?
- ¿Qué pueden hacer para mejorarlo?
- ¿Cuáles son las razones para que el modelo sea tan lento?

Ahora pasemos a ver como hacer algo mejor para el mismo tipo de tarea usando PyTorch ©

# Parte 2 - Usando PyTorch

Muy bien, hemos entendido ahora de mejor manera todo lo que sucede dentro de una red neuronal convolucional. Pasamos desde definir los pasos de forward, hasta incursionar en cómo realizar los pasos de backpropagation y al final, vimos una forma simple pero academicamente efectiva para entender lo que sucede dentro de una CNN.

Ahora, subamos un nivel y pasemos a ver como PyTorch nos ayuda a crear una CNN básica pero efectiva. Pero antes, es necesario que definamos la unidad básica de PyTorch, esta es conocida como Tensor []

#### **Tensor**

En PyTorch, un tensor es una estructura de datos fundamental que representa matrices multidimensionales o matrices n-dimensionales. Los tensores son similares a las matrices o arrays de NumPy, pero tienen características y funcionalidades adicionales que están optimizadas para tareas de Deep Learning, incluida la diferenciación automática para el cálculo de gradientes durante la retropropagación.

En PyTorch, se puede crear un tensor para representar datos numéricos, como imágenes, sonidos o cualquier otro dato numérico que pueda necesitar. Los tensores se pueden manipular mediante operaciones matemáticas como la suma, la resta y la multiplicación, lo que los hace esenciales para construir y entrenar modelos de Deep Learning.

Los tensores en PyTorch y los arrays de NumPy comparten similitudes y pueden realizar operaciones similares. Sin embargo, los tensores de PyTorch están diseñados específicamente para tareas de Deep Learning y ofrecen algunas funcionalidades adicionales optimizadas para la diferenciación automática durante backpropagation. Aquí hay algunas operaciones comunes que los tensores pueden hacer:

- Operaciones matemáticas: Los tensores admiten operaciones matemáticas estándar, como suma, resta, multiplicación, división y operaciones por elementos, como multiplicación por elementos, división por elementos, etc.
- Reshaping: Los tensores se pueden remodelar para cambiar sus dimensiones, lo que le permite convertir un tensor 1D en un tensor 2D. o viceversa.
- Operaciones de reducción: Los tensores admiten operaciones de reducción como sumar a lo largo de dimensiones específicas, calcular la media, la varianza, el máximo, el mínimo, etc.
- Element-wise Functions: Puede aplicar funciones matemáticas elementales como exponencial, logaritmo, seno, coseno, etc., a los tensores.
- **Broadcasting:** Los tensores admiten la difusión, lo que le permite realizar operaciones en tensores con diferentes formas.
- Indexing y Slicing: Puede acceder a elementos específicos o secciones de un tensor mediante operaciones de indexación y división.
- Concatenación y splitting: Los tensores se pueden concatenar a lo largo de dimensiones específicas y puede dividir un tensor en varios tensores más pequeños.
- Transposición: los tensores se pueden transponer para cambiar el orden de sus dimensiones.
- Aceleración de GPU: Los tensores se pueden mover y operar fácilmente en GPU, lo que permite cálculos más rápidos para modelos de aprendizaje profundo a gran escala.

Además, se diferencian de los arrays de Numpy en:

- **Diferenciación automática**: Una de las diferencias clave es la función de diferenciación automática de PyTorch, que permite que los tensores realicen un seguimiento de las operaciones realizadas en ellos y calculen automáticamente los gradientes durante la retropropagación. Esta característica es crucial para entrenar redes neuronales utilizando algoritmos de optimización basados en gradientes.
- Compatibilidad con GPU: Si bien las matrices NumPy están diseñadas para el cálculo numérico basado en CPU, los tensores PyTorch se pueden mover y operar fácilmente en GPU, lo que permite un cálculo más rápido para modelos de aprendizaje profundo a gran escala.
- **Gráfico computacional dinámico**: PyTorch crea un gráfico computacional (como el que vimos en la primera clase) dinámico, lo que significa que el gráfico se construye sobre la marcha a medida que se realizan las operaciones. Esto permite una mayor flexibilidad en la definición de modelos complejos en comparación con los gráficos de cálculo estáticos utilizados en marcos como TensorFlow.
- Integración de Deep Learning: PyTorch se usa ampliamente en la comunidad de aprendizaje profundo debido a su estrecha integración con marcos de aprendizaje profundo. Muchas bibliotecas de aprendizaje profundo, como torchvision y torchtext, se construyen sobre PyTorch.

Después de todo este texto (sí, yo sé, es mucho texto ①), vamos a empezar ahora a definir nuestra CNN con PyTorch, para luego medir su performance. Empecemos por traer de vuelta parte del código que teníamos la otra vez.

No está de más recordarles en que se recomienda el uso de ambientes virtuales

### In [342]:

```
import torch
import torch.nn as nn
import torch.optim as optim
import torchvision.transforms as transforms
from torch.utils.data import Dataset, DataLoader, random split
from PIL import Image
import torch.utils.data as data
import random
from torchvision.datasets import ImageFolder
# Seed all possible
seed = 2023
random.seed(seed )
np.random.seed(seed)
torch.manual seed(seed)
# If using CUDA, you can set the seed for CUDA devices as well
if torch.cuda.is available():
   torch.cuda.manual seed(seed)
   torch.cuda.manual seed all(seed)
import torch.backends.cudnn as cudnn
cudnn.deterministic = True
cudnn.benchmark = False
```

#### In [343]:

```
class CatsAndDogsDataset(Dataset):
    def __init__(self, data_dir, target_size=(28, 28), color_mode='RGB', train=True, tra
nsform=None):
    self.data_dir = data_dir
    self.target_size = target_size
    self.color_mode = color_mode
    self.classes = ['cats', 'dogs']
    self.train = train
    self.image_paths, self.labels = self.load_image_paths_and_labels()
    self.transform = transform

def __len__(self):
    return_len(self.image_paths)
```

```
_getitem__(self, idx):
   def
       image path = self.image paths[idx]
       image = Image.open(image path)
        image = image.convert(self.color mode)
       image = image.resize(self.target size)
       if self.transform is not None:
            image = self.transform(image)
       label = torch.tensor(self.labels[idx], dtype=torch.long)
       return image, label
   def load image paths and labels(self):
        image paths = []
        labels = []
        for class idx, class name in enumerate(self.classes):
            class path = os.path.join(self.data dir, 'train' if self.train else 'test',
class name)
            for filename in os.listdir(class path):
                image path = os.path.join(class path, filename)
                image_paths.append(image_path)
                labels.append(class idx)
       return image paths, labels
```

### In [344]:

```
# Define the CNN model
class CNNClassifier(nn.Module):
    def init (self, input channels, image size, num classes):
       super(CNNClassifier, self). init ()
        # Formula to calculate the size of the next layers:
        # output size = (input size - kernel size + 2 * padding) / stride + 1
        # For pooling layers, output size = input size / kernel size
        self.conv layers = nn.Sequential(
            # The 16 represents the number of filters used in the first convolutional lay
er.
            # Each filter will generate one feature map, resulting in a total of 16 featu
re maps
            # as the output of this layer.
            # Increasing the number of filters can help the model learn more complex and
abstract features,
            # but it also increases the number of parameters in the model and may require
more computational resources.
            nn.Conv2d(input channels, 16, kernel size=3, stride=1, padding=1),
            nn.ReLU(),
            nn.MaxPool2d(kernel_size=2, stride=2),
            # Output size after the first convolution and pooling
            # output size = (image size - 3 + 2 * 1) / 1 + 1 = (image size - 1) / 1 + 1
= image size / 2
            # Here 16 denotes the number of input channels or feature maps from the previ
ous layer.
            # In this case, the output of the first convolutional layer (with 16 filters)
            # serves as the input to the second convolutional layer
            nn.Conv2d(16, 32, kernel_size=3, stride=1, padding=1),
            nn.ReLU(),
            nn.MaxPool2d(kernel size=2, stride=2),
            # Output size after the second convolution and pooling
            # output size = (image size / 2 - 3 + 2 * 1) / 1 + 1 = (image size / 2 - 1)
/ 1 + 1 = image size / 4
            # Tercera capa convolucional (32 -> 64 filtros)
            nn.Conv2d(32, 64, kernel_size=3, stride=1, padding=1),
            nn.ReLU(),
            nn.MaxPool2d(kernel size=2, stride=2),
            # Output size after the third convolution and pooling
            # output size = (image size / 4 - 3 + 2 * 1) / 1 + 1 = (image size / 4 - 1)
```

```
/ 1 + 1 = image_size / 8
        # Calculate the output size after convolutions and pooling
        # Since we have 3 max pooling layers with kernel size=2 and stride=2
           2^3 = 8
        output size after conv = image size // 8
        self.fc layers = nn.Sequential(
            # The value 64 comes from the number of output channels (or feature maps) of
the last convolutional layer.
            # The output size after conv represents the spatial size (height and width) o
f the feature maps after
            # passing through the convolutional and max-pooling layers.
            # The 128 This is the number of output units (neurons) in the fully connected
layer.
            # It determines the dimensionality of the representation learned by this la
yer.
            # The choice of 128 units is a hyperparameter that can be adjusted based on
the complexity
            # of the task and the available computational resources.
            nn.Linear(64 * output size after conv * output size after conv, 128),
            nn.ReLU(),
            nn.Linear(128, num classes)
    def forward(self, x):
        x = self.conv layers(x)
        # Reshape
        x = x.view(x.size(0), -1)
        x = self.fc layers(x)
        return x
In [345]:
# Set the parameters
input channels = 3 # RGB images have 3 channels
image_size = 64  # Size of the input images (assuming square images)
                   # Number of classes (cat and dog)
num classes = 2
output size = 2
batch \overline{\text{size}} = 32
In [346]:
# Create the CNN model
model = CNNClassifier(input channels, image size, num classes)
In [347]:
# Check if CUDA is available and move the model to the GPU if possible
device = torch.device("cuda" if torch.cuda.is available() else "cpu")
model.to(device)
print("Using device:", device)
Using device: cpu
In [348]:
# Print the model architecture
print(model)
CNNClassifier(
  (conv layers): Sequential(
    (0): Conv2d(3, 16, kernel size=(3, 3), stride=(1, 1), padding=(1, 1))
    (1): ReLU()
    (2): MaxPool2d(kernel size=2, stride=2, padding=0, dilation=1, ceil mode=False)
    (3): Conv2d(16, 32, kernel size=(3, 3), stride=(1, 1), padding=(1, 1))
    (5): MaxPool2d(kernel size=2, stride=2, padding=0, dilation=1, ceil mode=False)
    (6): Conv2d(32, 64, kernel_size=(3, 3), stride=(1, 1), padding=(1, 1))
    (7): ReLU()
    (8): MaxPool2d(kernel size=2, stride=2, padding=0, dilation=1, ceil mode=False)
```

```
(fc layers): Sequential(
    (0): Linear(in features=4096, out features=128, bias=True)
    (2): Linear(in_features=128, out features=2, bias=True)
)
In [349]:
# Define the loss function and optimizer
criterion = nn.CrossEntropyLoss()
optimizer = optim.Adam(model.parameters(), lr=0.001)
In [350]:
# Define data transformations
transform = transforms.Compose([
    transforms.Resize((image size, image size)),
    transforms.ToTensor(),
    transforms.Normalize(mean=[0.5, 0.5, 0.5], std=[0.5, 0.5, 0.5]) # Normalize to range
[-1, 1]
])
train dataset = CatsAndDogsDataset(data dir=data dir, target size=(image size, image size
), train=True, transform=transform)
train loader = DataLoader(train dataset, batch size=batch size, shuffle=True)
test dataset = CatsAndDogsDataset(data dir=data dir, target size=(image size, image size)
, train=False, transform=transform)
test_loader = DataLoader(test_dataset, batch_size=batch_size, shuffle=False)
In [351]:
# Training loop
num epochs = 40
losses = [] # List to store losses per epoch
# Estimated time in training = 5 min
for epoch in range(num epochs):
   model.train()
    total_loss = 0.0
    for images, labels in train loader:
        images, labels = images.to(device), labels.to(device)
        optimizer.zero grad()
        outputs = model(images)
        loss = criterion(outputs, labels)
        loss.backward()
        optimizer.step()
        total loss += loss.item()
    # Calculate the average loss for this epoch
    epoch loss = total loss / len(train loader)
    losses.append(epoch loss)
    print(f"Epoch {epoch + 1}/{num epochs}, Loss: {total loss / len(train loader)}")
Epoch 1/40, Loss: 0.704991532696618
Epoch 2/40, Loss: 0.6787779099411435
Epoch 3/40, Loss: 0.6685901151763068
Epoch 4/40, Loss: 0.6448708474636078
Epoch 5/40, Loss: 0.6146368152565427
Epoch 6/40, Loss: 0.5774455302291446
Epoch 7/40, Loss: 0.5248128092951245
Epoch 8/40, Loss: 0.5524776412381066
Epoch 9/40, Loss: 0.47929327852196163
Epoch 10/40, Loss: 0.4478696286678314
Epoch 11/40, Loss: 0.38710489869117737
Epoch 12/40, Loss: 0.3314488132794698
Epoch 13/40, Loss: 0.24959423558579552
Epoch 14/40, Loss: 0.2096576893495189
Epoch 15/40, Loss: 0.17216864973306656
```

```
Epoch 16/40, Loss: 0.11503520359595616
Epoch 17/40, Loss: 0.07774794225891431
Epoch 18/40, Loss: 0.04055038285959098
Epoch 19/40, Loss: 0.03947179803314308
Epoch 20/40, Loss: 0.015884786456202466
Epoch 21/40, Loss: 0.009532140257457892
Epoch 22/40, Loss: 0.014525320587886704
Epoch 23/40, Loss: 0.02698688597107927
Epoch 24/40, Loss: 0.03338691668533203
Epoch 25/40, Loss: 0.039833049069986574
Epoch 26/40, Loss: 0.023161019819478195
Epoch 27/40, Loss: 0.014136434946623113
Epoch 28/40, Loss: 0.0047144358201573295
Epoch 29/40, Loss: 0.0024663482909090817
Epoch 30/40, Loss: 0.001606284044100903
Epoch 31/40, Loss: 0.001308534219990381
Epoch 32/40, Loss: 0.001067917045373987
Epoch 33/40, Loss: 0.0010496216709725559
Epoch 34/40, Loss: 0.0008506952807591814
Epoch 35/40, Loss: 0.000719307904849605
Epoch 36/40, Loss: 0.0006608929365433545
Epoch 37/40, Loss: 0.0005781590371043421
Epoch 38/40, Loss: 0.0005653874921133845
Epoch 39/40, Loss: 0.0005006201342136288
Epoch 40/40, Loss: 0.00045348903626695066
```

Como pueden observar, ahora somos capaces de usar más epocas y esto es más eficiente (si estan en el device de CUDA). Con un tiempo aproximado de 5 minutos, podemos usar 50 epocas de entrenamiento. Ahora ya podemos considerar entrenar mucho más nuestro modelo para que se vuelva mejor (aunque esto no siempre pase, pero sí podemos entrenarlo con más epocas 

)

```
In [352]:
print(losses[len(losses)-1])

0.00045348903626695066

In [353]:
with tick.marks(5):
    assert 0.7 < losses[0] and 0.71 > losses[0]
with tick.marks(5):
    assert 0.0002 < losses[len(losses)-1] and losses[len(losses)-1] < 0.0003</pre>

    / [5 marks]
```

# Test failed X [0/5] marks

```
AssertionError Traceback (most recent call last)

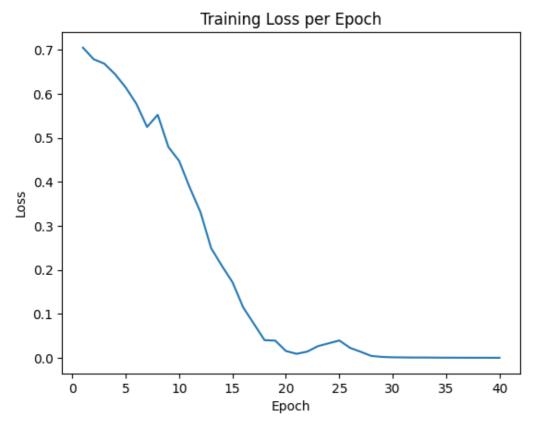
Cell In[353], line 5
2    assert 0.7 < losses[0] and 0.71 > losses[0]
4 with tick.marks(5):
----> 5    assert 0.0002 < losses[len(losses)-1] and losses[len(losses)-1] < 0.0003

AssertionError:

In [354]:

# Plot the losses per epoch
plt.plot(range(1, num_epochs + 1), losses)
```





Como se puede apreciar en la gráfica, vemos como la perdida (loss) va disminuyendo conforme vamos entrenando. Esto hace mucho sentido y resulta poderosísímo, debido a que con este tipo de comportamiento podemos asegurar que nuestro modelo está funcionado al menos con el comportamiento esperado.

Cabe mencionar que algunas veces también se grafica la métrica de desempeño (accuracy, f1, etc) en estos casos para monitorear el overfitting.

```
In [355]:
```

```
# Evaluation
# Note eval(), this is used to remove some techniques that helps with reducing overfittin
g like dropout
model.eval()
correct = 0
total = 0
with torch.no_grad():
    for inputs, labels in test_loader:
        inputs, labels = inputs.to(device), labels.to(device)
        outputs = model(inputs)
        _, predicted = torch.max(outputs.data, 1)
        total += labels.size(0)
        correct += (predicted == labels).sum().item()

accuracy_model = 100 * correct / total
print('Accuracy_on_test_set: {:.2f}%'.format(accuracy_model))
```

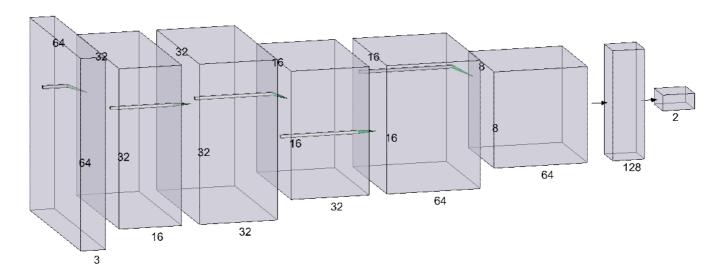
```
Accuracy on test set: 67.86%
```

```
In [ ]:
```

```
with tick.marks(10):
   assert 60 < accuracy_model and 68 > accuracy_model
```

# √ [10 marks]

Algunas otras veces necesitamos validar nuestra arquitectura, para ello es útil poder tener a vista los tamaños de las capas que vamos generando. En este caso hemos hecho una arquitectura como esta:



Pero también una visualización numérica es util. Para ello podemos usar la librería "torchsummary" que la podemos instalar como cualquier otro paquete. Recuerden volver a comentar la linea de abajo una vez hayan instalado la librería.

#### In [ ]:

### # !pip install torchsummary

Collecting torchsummary

Downloading torchsummary-1.5.1-py3-none-any.whl.metadata (296 bytes)

Downloading torchsummary-1.5.1-py3-none-any.whl (2.8 kB)

Installing collected packages: torchsummary

Successfully installed torchsummary-1.5.1

#### In [358]:

#### from torchsummary import summary

# Con esta gráfica podemos observar las dimensiones de cada capa, así como los parámetros que está

# optimizando dentro de la misma

summary(model, (input\_channels, image\_size, image\_size))

Layer (type)	Output Shape	Param #
Conv2d-1 ReLU-2 MaxPool2d-3 Conv2d-4 ReLU-5 MaxPool2d-6 Conv2d-7 ReLU-8 MaxPool2d-9 Linear-10	[-1, 16, 64, 64] [-1, 16, 64, 64] [-1, 16, 32, 32] [-1, 32, 32, 32] [-1, 32, 32, 32] [-1, 32, 16, 16] [-1, 64, 16, 16] [-1, 64, 8, 8] [-1, 128]	448 0 0 4,640 0 0 18,496 0 0 524,416
ReLU-11 Linear-12	[-1, 128] [-1, 2]	258

\_\_\_\_\_\_

Total params: 548,258 Trainable params: 548,258 Non-trainable params: 0

\_\_\_\_\_\_

Input size (MB): 0.05

Forward/backward pass size (MB): 1.97

Params size (MB): 2.09

Estimated Total Size (MB): 4.11

-----

NOTA: Conteste como txt, pdf, comentario en la entrega o en este mismo notebook:

- ¿Qué haría para mejorar el rendimiento del modelo?
- ¿Qué haría para disminuir las posibilidades de overfitting?

## Calificación

Asegúrese de que su notebook corra sin errores (quite o resuelva los raise NotImplementedError()) y luego reinicie el kernel y vuelva a correr todas las celdas para obtener su calificación correcta

```
print()
print("La fraccion de abajo muestra su rendimiento basado en las partes visibles de este
laboratorio")
tick.summarise_marks() #
```

La fraccion de abajo muestra su rendimiento basado en las partes visibles de este laborat orio

# 105 / 110 marks (95.5%)

