TRIS

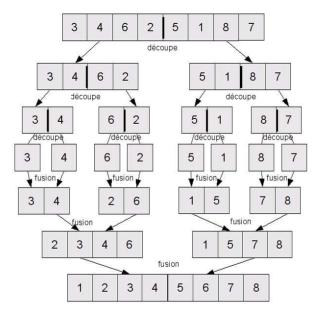


FIGURE VIII.1 – Exemple de tri : le tri fusion ou «Merge Sort».

Sommaire

			
1	1 Introduction		2
	1.1	Pourquoi trier les données	2
	1.2	Première approche : recherche d'un entier dans une liste - intérêt des tris	2
2	Quelques algorithmes de tris		3
	2.1	Les tris par comparaison	3
		a - Tri par sélection	3
		b - Tri par insertion version impérative	4
		c - Tri par insertion en version récursive	5
		d - Tri bulle	5
	2.2	Les tris dichotomiques	6
		a - Tri fusion («Merge Sort»)	6
		b - Tri rapide ou «Quick Sort»	7

1 Introduction

1.1 Pourquoi trier les données

L'avènement du traitement informatisé des données a conduit à manipuler des masses d'informations de plus en plus volumineuses : analyse de cohortes statistiques à l'échelle d'un pays, décodage du génôme, acquisition d'échantillons de données sur des phénomènes temporellement ou spatialement très étendus comme en astronomie par exemple etc....

Par exemple le génôme humain est composé d'environ 3,3 milliards de paires de bases azotées, qui codent l'information d'environ 60000 gènes. L'organisation correcte des données acquises selon des critères pertinents est alors un enjeu crucial afin que la recherche d'une information précise dans un tel volume de données puisse se faire dans des délais raisonnables. Ainsi, l'un des premiers traitements que subissent les données est le **tri**, mise en forme préalable à toute recherche selon critère.

Ce chapitre vise à présenter quelques algorithmes classiques de tris que nous appliquerons à des tableaux d'entiers sans perte de généralités. Nous comparerons en particulier leurs complexités temporelles respectives, car leurs performances varient de manière très significative.

1.2 Première approche : recherche d'un entier dans une liste - intérêt des tris

Considérons une liste $L[0], L[1], \ldots, L[n-1]$ de n entiers et x un entier donné. Une méthode de recherche de l'indice de la première occurence de x dans L consiste à parcourir tous les éléments de la liste afin de les comparer à x. Cet algorithme simple est le plus naturel et donne en Python :

```
Listing VIII.1 -
```

La complexité moyenne de cet algorithme est en $\mathcal{O}(n)$, et il n'est pas possible de faire mieux sans traitement préalable de la liste.

Supposons maintenant que la liste soit préalablement triée. La recherche de la première occurrence de l'élément x peut se faire par l'algorithme de dichotomie :

```
Listing VIII.2 -
```

On montre que la complexité de cet algorithme est en $\mathcal{O}(\ln_2 n)$; le progrès de la recherche est donc significatif une fois le tri effectué.

REMARQUE - (1.2) - 1:

- En outre, cet algorithme trouve la valeur x dans la liste, mais non nécessairement sa première occurrence.
- Le temps de traitement des données doit naturellement intégrer le temps imparti au tri qui peut s'avérer plus ou moins long suivant l'algorithme adopté; cependant celui-ci est effectué une fois pour toutes, alors que les requêtes de recherche seront à priori très nombreuses. Le gain est donc assuré.

2 Quelques algorithmes de tris

<u>Préambule</u>: la complexité de chaque algorithme sera évaluée par le calcul; on ajoutera également une évaluation «de terrain» en mesurant le temps de tri d'une même liste par chaque algorithme.

La liste d'entiers aléatoires (avec répétition possible) à trier sera générée par le code suivant :

```
Listing VIII.3 -
```

2.1 Les tris par comparaison

a - Tri par sélection

• Principe

- ightharpoonup On balaie la liste $L[0], \ldots, L[n-1]$ afin de répérer le plus petit élément.
- ▶ Un fois trouvé, on permute sa position avec celle du premier élément de la liste.
- \blacktriangleright On reprend cette démarche avec la liste $L[1],\ldots,L[n-1]$ et ainsi de suite.

• Implémentation

Le plus simple est l'emploi de boucles inconditionnelles :

Listing VIII.4 -

• Complexité

Exercice n°1: Evaluer la complexité asymptotique de cet algorithme (complexité "en gros").

b - Tri par insertion version impérative

Principe

Ce tri est celui adopté lorsque l'on classe un paquet de copies initialement non trié. La première copie est laissé au dessus puis la seconde est comparée à la première afin d'être laissée en place ou bien être placée au dessus de la première.

- \blacktriangleright On examine l'élément L[1] que l'on compare à L[0] et on l'insère en première position si L[1] < L[0].
- ▶ On réitère l'opération en insérant l'élément L[2] dans la liste L[0:2] et ainsi de suite i.e. L[i] dans la liste L[0:i]

Ce schéma d'algorithme est illustré "sommairement" dans l'exemple ci-dessous dans lequel on trie une liste de 5 entiers :

```
12
                   4
    24
         11
                   4
    12
         24
         24
11
    12
              29
                   4
4
    11
         12
              24
                   29
```

• Implémentation

Le code python pour la version itérative de cet algorithme est

Listing VIII.5 -

Complexité

La boucle for exécute de toute façon n-1 itérations pour le compteur i, puis la boucle conditionnelle while exécute :

 $\blacktriangleright \ j=i$ itérations dans le pire des cas, soit une complexité de :

$$C_{pire} = \sum_{i=1}^{n-1} \sum_{j=1}^{n-1} 1 = (n-1) + (n-2) + \dots + 1 = (n-1) \times \frac{n}{2} \longrightarrow \frac{n^2}{2}$$

 $\blacktriangleright \ j=0$ itération dans le meilleur des cas, donc :

$$C_{meilleur} = \sum_{i=1}^{n-1} 1 = (n-1) \longrightarrow \mathbf{n}$$

Exercice n°2: Faire tourner à la main l'algorithme de tri par insertion sur la liste suivante : L = [13, 4, 3, 45, 22, 63, 26]

c - Tri par insertion en version récursive

On peut implémenter cet algorithme en version récursive en scindant le fonctionnement en deux étapes :

 \bullet Fonction récursive d'insertion à la bonne place de l'élément d'indice i dans la partie gauche de la liste

```
Listing VIII.6 -
```

• Fonction de tri

```
Listing VIII.7 -
```

d - Tri bulle

• Principe

Le tri bulle consiste à examiner tous les éléments consécutifs d'un tableau et de les permuter si nécessaire. Le principe algorithmique est le suivant :

- \blacktriangleright on examine les éléments L[0] et L[1]; on les permute si nécessaire.
- \blacktriangleright on examine les éléments L[1] et L[2]; on les permute si nécessaire.
- \blacktriangleright on itère jusqu'à L[i-1] et L[i]
- ▶ à la fin du premier parcours de liste, l'élément le plus grand se trouve en fin de liste.
- ▶ on itère ce processus pour la liste privée du dernier élément.

• <u>IMPLÉMENTATION</u>:

Listing VIII.8 – Tri bulle itératif

• Complexité :

Sans suprise, la complexité est quadratique puisqu'il s'agit de deux boucles imbriquées :

$$C = \mathcal{O}(n^2)$$

Exercice n°3: Proposer une implémentation récursive de cet algorithme.

2.2 Les tris dichotomiques

a - Tri fusion («Merge Sort»)

Ce tri fait partie de la catégorie des tris rapides type diviser pour régner.

• Principe :

- ▶ la liste initiale à trier est coupée en deux sous-listes que l'on trie récursivement
- ▶ les deux sous-listes triées sont ensuite fusionnées en faisant appel à une fonction auxiliaire fusion.
- ▶ l'algorithme de fusion consiste à comparer les éléments de tête des deux sous-listes et à sélectionner le plus petit d'entre-eux afin de l'ajouter à une liste auxilaire. Dès qu'une liste est épuisée, on concatène la liste auxilaire avec les éléments restants de la liste non épuisée.

• <u>IMPLÉMENTATION</u>:

```
Listing VIII.9 -
```

```
def fusion (L1,L2):
      auxil=[]
      i = 0
      j=0
      while i<len(L1) and j<len(L2): #tant qu'aucune liste n'est épuisé on poursuit
          if L1[i]<L2[j]:
              auxil.append(L1[i])
              i=i+1
          else:
              auxil.append(L2[j])
              j=j+1
      #maintenant, une des deux listes est forcément vide et on ajoute les éléments de
      l'autre liste à auxil
      if i=len(L1): #on teste si la liste L1 est épuisé
14
          auxil+=L2[j:]
15
      else:
          auxil+=L1[i:]
16
      return auxil
```

On écrit ensuite la fonction permettant de trier les sous-listes récursivement

Listing VIII.10 -

• Complexité :

Choisissons pour simplifier une liste initiale dont le nombre d'éléments est une puissance de 2, soit $N=2^p$.

Appelons T(N) le nombre de comparaisons effectuées par la fonction $\operatorname{Tri_fusion}$ et F(N) le nombre de comparaisons effectuées par fusion pour trier un tableau de longueur totale N. On a la récurrence suivante :

$$T(N) = T(N/2) + T(N/2) + F(N) = 2T(N/2) + F(N)$$

puisque les deux appels récursifs se font sur deux listes de même dimension.

► Meilleur des cas :

Dans le meilleur des cas, fusion n'examine que les éléments d'une seule des deux sous listes et donc F(N) = N/2.

Finalement:

$$T(N) = 2T(N/2) + N/2$$

$$T(2^p) = 2T(2^{p-1}) + 2^{p-1}$$

soit en divisant par 2^p :

$$\frac{T(2^p)}{2^p} = \frac{T(2^{p-1})}{2^{p-1}} + \frac{1}{2}$$

En posant $u_p = \frac{T(2^p)}{2^p}$, on peut définir la suite $u_p = u_{p-1} + \frac{1}{2}$, suite arithmétique de raison $\frac{1}{2}$. Le terme général de cette suite est :

$$u_p = \underbrace{u_0}_{=1} + \frac{p}{2}$$

soit:

$$T(2^p) \simeq \frac{p}{2} \times 2^p$$

et comme $N=2^p$ on a finalement : $T(N)\simeq \frac{p}{2}N=\frac{N}{2}\times \log_2 N$ Ainsi la complexité dans le meilleur des cas est $\boxed{C(N)=\mathcal{O}(N\log N)}$

 \mathbf{NB} : si N n'est pas une puissance de deux, le raisonnement reste le même mais par encadrement de N $(2^p < N < 2^{p+1})$.

▶ Pire des cas :

Cette fois, tous les éléments des deux listes sont examinés, soit : F(N) = N - 1.

La démarche est identique et le résultat également!

b - Tri rapide ou «Quick Sort»

Le tri rapide s'appuie comme le tri fusion sur une méthode de type diviser pour régner. La liste à trier est encore une fois scindée en deux sous-listes ; la liste "d'en bas" contenant des éléments plus petits que ceux de la liste "d'en haut". L'élément p situé à **l'indice de séparation** des deux sous-listes est choisi arbitrairement et est appelé **pivot**. Les éléments plus petits que p sont placés dans la sous-liste "d'en bas" et les éléments plus grand dans celle "du haut".

• Principe

- ▶ On choisit au hasard dans la liste un élément **pivot** p.
- ▶ On compare les éléments des deux sous listes au pivot p afin de les classer dans la bonne sous-liste.
- ▶ On itère le processus en réalisant récursivement le tri de chaque sous-liste

• Implémentation :

Pour simplifier la procédure, nous choisirons le pivot en tête de la sous-liste à trier, soit la position gauche (indicée g plus bas).

On écrit d'abord la procédure d'échange permettant la permutation de deux éléments L[i] et L[j] de la liste :

```
Listing VIII.11 -
```

```
def echange (L, i, j):
L[i], L[j]=L[j], L[i]
```

On écrit ensuite la fonction de partition permettant d'organiser la sous-liste comprise entre les indices g et d par rapport au pivot :

```
Listing VIII.12 -
```

```
def partition (L,g,d):
assert g < d \# on v \'erifie que les indices sont bien organisés

.....
```

On prend comme pivot l'élément à gauche de la sous liste L:

```
1 .... pivot=L[g]
3 ....
```

On parcourt ensuite la liste par une boucle inconditionnelle afin de placer les éléments par rapport au pivot (appel à echange(L,i,j) si nécessaire):

Listing VIII.14 – parcours de la liste

```
m=g #on initialise un indice courant à l'indice de gauche de la liste
for i in range(g+1,d):
    if L[i]<pivot:
        m=m+1 #on incrémente l'indice courant de la position à laquelle il faudra
    replacer le pivot
        echange(L,i,m) #on permute les éléments d'indice i et m

if m!=g: # si le pivot a bougé, on va devoir le remettre à sa place m connue
    echange(L,g,m)

return m # on renvoie finalement la position du pivot
```

A titre d'exemple, faisons tourner ce code manuellement sur la liste L ci-dessous. On notera m l'indice courant du pivot, i l'indice de la boucle avec le point noir (\bullet) indiquant sa position dans la liste en traitement :

 \mathbf{NB} : chaque ligne du tableau ci-dessous indique la situation de la liste une fois l'itération de rang i effectuée.

$$L = [7^g_m, 6, 3, 8, 4, 1, 9^d]$$

- Fin boucle -

- Puis replacement du pivot à sa position définitive :

$$1^{g} \mid 6 \mid 3 \mid 4 \mid 7_{m} \mid 8 \mid 9^{d} \mid$$

On finit par la partie récursive du tri qui consiste à trier la liste \mathtt{L} contenue entre les indices g et d:

Listing VIII.15 -

```
def Tri_rapide_rec(L,g,d):
    if g>=d-1: #teste si la liste contient un seul élément dans ce cas ne rien faire
    return

m=partition(L,g,d) #on coupe la liste en deux, on l'organise, et on renvoie la position m définitive du pivot

#on procède ensuite au tri récursif des sous-listes à partir de cette césure de liste

Tri_rapide_rec(L,g,m)

Tri_rapide_rec(L,m+1,d)
```

L'appel au tri pour une liste L doit se faire en appelant la totalité de la liste :

```
Tri_rapide_rec(L,0,len(L))
```

• Complexité :

La fonction partition réalise la comparaison avec le pivot des éléments de g+1 à d exclu (donc d-1); ce qui correspond donc à d-g-1 comparaisons. Si N est le nombre d'éléments dans la liste, alors partition fait N-1 comparaisons lors de son premier appel. Puis les 2 appels récursifs dont la complexité va dépendre du "cas" :

▶ Pire des cas :

le pire des cas correspond à un pivot qui reste toujours en position extrême tout le temps donc l'une des souslistes est vide et l'autre comporte N-1 éléments. On a alors pour les appels récursifs N-1 comparaisons donc :

$$T(N) = N - 1 + T(N - 1)$$

soit en définissant la suite récurrente $u_{N+1} = u_N + N$

dont la somme des termes donne : $C(N) = \sum_{i=0}^{N} u_N = N \frac{1+N}{2} \longrightarrow C(N) \sim \mathcal{O}(N^2)$

► <u>Meilleur des cas :</u>

Le meilleur des cas correspond à un pivot exactement au milieu de la liste à chaque récurrence. Dans ces conditions les appels récursifs trient chacun N/2 éléments :

$$T(N) = N - 1 + 2T(N/2)$$

Cette récurrence est la même que celle développée plus haut pour le tri fusion. Elle conduit à une complexité en :

$$C(N) = \mathcal{O}(N \log N)$$