

MRI-REG_KIDA_BD_wholejoint

High

Feature value

Low

b_score

cMF.S.R2

eMT.ThCtAB.aMe

cMT.ThCtAB.aMiv

MT.ThCtAB.aMav

pMT.ThCtAB.aMe

cLF.VCtAB

LT.ThCtAB.aCV

MT.ThCtAB.aCV

LT.ThCtAB.aMe

-0.100 -0.075 -0.050 -0.025 0.000 0.025 0.050 0.075

SHAP value (impact on model output)

