

MRI-REG_KIDA_JSWmean_wholejoint

High

Feature value

Low

LFTC.ThCtAB.aMav

cMF.S.T2.Sd

cLFTC.ThCtAB.aMe

cMF.D.T2.Sd

LT.ThCtAB.aCV

b_score

LT.ThCtAB.aSD

icMF.ThCtAB.aMe

cLF.ThCtAB.aMav

MT.D.T2.Me

-0.10 -0.05 0.00 0.05 0.10

SHAP value (impact on model output)

