

MRI-REG\_MOAKS\_BMLnum\_wholejoint

High

Feature value

Low

eMT.ThCtAB.aMe

b\_score

ccMF.ThCtAB.aMe

MT.VCtAB

Tibia\_OA\_Vector

cMF.S.T2.Sd

cLF.ThCtAB.aSD

MF\_TAB

LT.D.T2.Max

LFTC.ThCtAB.aMav

-0.10 -0.05 0.00 0.05 0.10 0.15

SHAP value (impact on model output)

