

MRI-REG\_MOAKS\_BMLsize\_wholejoint

High

Feature value

Low

MCMFLP\_AREA\_K

b\_score

ccMF.ThCtAB.aMe

Tibia\_OA\_Vector

cMFTC.ThCtAB.aMiv

cMFTC.ThCtAB.aMe

cLT.ThCtAB.aMe

pLT.ThCtAB.aMe

cLFTC.ThCtAB.aMe

cMF.ThCtAB.aCV

-0.15 -0.10 -0.05 0.00 0.05 0.10 0.15

SHAP value (impact on model output)

