

MRI-MOAKS_BMLnum_wholejoint

High

Feature value

Low

MCMFMP_AREA_K

TrFLat_TAB

cLF.ThCcAB.aMe

eMT.ThCtAB.aMe

ccLF.ThCtAB.aMe

cMFTC.ThCtAB.aMe

MT.D.T2.Max

LFTC.D.T2.Me

cMF.ThCtAB.aSD

cLT.ThCtAB.aMiv

-0.10 -0.05 0.00 0.05 0.10 0.15

SHAP value (impact on model output)

