# Apprentissage non supervisé Chapitre 2 : Méthodes par partitionnement

Master "Machine Learning for Data Science", Paris V

Allou Samé allou.same@ifsttar.fr

2017/2018

#### Plan

- Algorithme des centres mobiles (k-means)
  - Descriptif de l'algorithme
  - Critère optimisé
  - Liens avec la méthode de Ward
- Version séquentielle des k-means (online k-means)
- 3 Parallélisation de l'algorithme des k-means
- 4 Méthode des k-médoïdes et algorithme PAM
- 5 Algorithme Fuzzy k-means
- 6 Méthode des nuées dynamiques

## **Données**

#### n individus décrits par p variables

		var 1	 $var\ j$	 $\mathop{\rm var}\nolimits p$
$\mathbf{X} = $	indiv $\mathbf{x}_1$	$x_{11}$	 $x_{1j}$	 $x_{1p}$
	indiv $\mathbf{x}_i$	$x_{i1}$	 $x_{ij}$	 $x_{ip}$
,	indiv $\mathbf{x}_n$	$x_{n1}$	 $x_{nj}$	 $x_{np}$

## Algorithme des centres mobiles ou k-means

#### **Objectif**

Partitionner l'ensemble E en K classes. On suppose ici que l'ensemble E est muni de la distance euclidienne.

#### **Algorithme**

- **Initialisation**: tirage au hasard de K points de E qui forment les centres initiaux des K classes
- **Tant que les classes ne sont pas stabilisées** (où que le critère d'inertie intra-classe ne décroît plus de manière significative)
  - (a) Construction d'une partition en affectant chaque point de E à la classe dont il est le plus près du centre de gravité
  - (b) Calcul des centres de gravité de la partition qui vient d'être calculée; ceux-ci deviennent les nouveaux centres

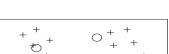
# Exemple (1/2)

n=10 points de  $\mathbb{R}^2$  à partitionner en K=2 classes

# Exemple (2/2)



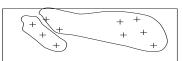
Etape 1 : choix de 2 points au hasard



Etape 3 : calcul des centres de gravite



Etape 5 : calcul des centres de gravite



Etape 2 : affectation de chaque point au centre le plus proche



Etape 4 : affectation de chaque point au centre le plus proche



au centre le plus proche

# Critère optimisé par l'algorithme des centres mobiles

#### Inertie intra-classe

L'algorithme des centres mobiles permet de trouver la partition  $P = (P_1, \dots, P_K)$  de E qui minimise le critère d'inertie intra-classe

$$I_W(P) = \frac{1}{n} \sum_{k=1}^K \sum_{\mathbf{x}_i \in P_k} \| \mathbf{x}_i - \mathbf{g}_k \|^2$$

avec

$$\mathbf{g}_k = \frac{1}{n_k} \sum_{\mathbf{x}_i \in P_k} \mathbf{x}_i$$
 (centre de gravité de la classe $P_k$ )

 $n_k$  = nombre d'éléments de la classe $P_k$ 

# Critère optimisé par l'algorithme des centres mobiles

#### Formulations équivalentes

La minimisation par rapport à P de l'inertie intra-classe revient à la minimisation par rapport à la partition  $P = (P_1, \dots, P_K)$  et aux centres des classes  $\mu = (\mu_1, \dots, \mu_K)$  du critère

$$C(P, \boldsymbol{\mu}) = \sum_{k=1}^{K} \sum_{\mathbf{x} \in P} \| \mathbf{x}_i - \boldsymbol{\mu}_k \|^2$$

qui peut également s'écrire

$$C(\mathbf{z}, \boldsymbol{\mu}) = \sum_{k=1}^{K} \sum_{i=1}^{n} z_{ik} \parallel \mathbf{x}_i - \boldsymbol{\mu}_k \parallel^2$$

où  $\mathbf{z}=(z_{ik})$  est la matrice binaire de classification  $\Big(z_{ik}\in\{0;1\}\Big)$ 

# Convergence de l'algorithme des centres mobiles

L'algorithme des centres mobiles construit une séquence de centres et de partitions :

$$\mu^{(0)} \to P^{(1)} \to \mu^{(1)} \to P^{(2)} \to \mu^{(2)} \dots \to \mu^{(c)} \to P^{(c+1)} \to \mu^{(c+1)} \dots$$

#### **Proposition 1**

Chaque étape de l'algorithme améliore le critère C:

$$C(P^{(c+1)}, \boldsymbol{\mu}^{(c)}) \leq C(P^{(c)}, \boldsymbol{\mu}^{(c)})$$
 (calcul de la partition)  $C(P^{(c+1)}, \boldsymbol{\mu}^{(c+1)}) \leq C(P^{(c+1)}, \boldsymbol{\mu}^{(c)})$  (calcul des centres)

#### Corollaire 1

La suite numérique  $\left(C(P^{(c)}, \boldsymbol{\mu}^{(c)})\right)$  est stationnaire.

#### **Proposition 2**

La suite  $(P^{(c)}, \boldsymbol{\mu}^{(c)})$  est stationnaire.

## Remarques

- L'algorithme des centres mobiles conduit à une suite décroissante du critère d'inertie intra-classes; la partition obtenue dépend de l'initialisation; on obtient donc un minimum local de l'inertie intra-classe.
- Compte tenu de la dépendance à l'initialisation, plusieurs exécutions à partir d'initialisations différentes sont recommandées (ex. initialiser les centres en tirant au hasard les centres parmi les données).
- Le critère optimisé est associé à un nombre de classes fixé par l'utilisateur; ce critère ne peut pas être minimisé par rapport au nombre de classes, sinon la partition en n classes où chaque classe est un singleton serait la meilleure

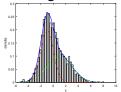
### Remarques

- Le nombre de classes souhaité doit être spécifié au démarrage de l'algorithme, contrairement à la CAH.
- Choix de K: problème difficile

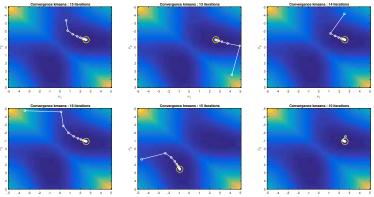
  Une solution consiste à exécuter l'algorithme pour  $K=1,\ldots,K_{max}$  puis à choisir le nombre de classes à partir duquel le critère ne décroît plus de manière significative (on parle de méthode du coude (elbow)).
- Il est possible d'utiliser des distances autres que la distance euclidienne (par exemple la distance  $L_1$  sera moins sensible aux outliers).
- En pratique l'algorithme converge assez rapidement (dans certains cas 10 itérations suffisent).

## Illustration du problème des minima locaux

Données : deux classes gaussiennes très mélangées







#### Liens avec la méthode de Ward

- L'algorithme des k-means possède des connection avec la méthode de Ward dans le sens où toutes les deux méthodes optimisent à leur manière l'inertie intra-classe.
- Plusieurs techniques ont été proposées pour combiner les deux algorithmes :
  - $\blacksquare$  exécuter l'algorithme des K-means avec un nombre de classes d'environ 10% de n
  - appliquer la méthode de Ward aux centres des classes obtenues et déterminer le nombre de classes adéquat
  - exécuter l'algorithme des K-means en partant du nombre de classes et des moyennes de classes obtenues à l'étape précédente

# Version séquentielle des k-means (online k-means)

Méthode permettant de classifier les données de manière séquentielle

- utile lorsque les données ne sont pas toutes disponibles en même temps
- utile pour traiter rapidement des flux de données

#### **Algorithme**

- Choix aléatoire de K centres  $\mu_1, \ldots, \mu_K$
- lacktriangle Dès qu'un nouveau point  $\mathbf{x}_i$  est disponible :
  - calculer le centre le plus proche de  $\mathbf{x}_i$  soit  $\boldsymbol{\mu}_k$  ce centre et  $n_k$  l'effectif de sa classe associée
  - $\blacksquare$  mettre à jour le centre  $\mu_k$  et l'effectif  $n_k$

$$\mu_k \leftarrow \mu_k + \frac{1}{n_k + 1} (\mathbf{x}_i - \mu_k)$$
  
 $n_k \leftarrow n_k + 1$ 

## k-means séquentiel ou online k-means

L'algorithme online k-means est un algorithme dit de gradient stochastique dont la forme canonique est

$$\boldsymbol{\mu}_k^{(i+1)} = \boldsymbol{\mu}_k^{(i)} + \varepsilon_i (\mathbf{x}_{i+1} - \boldsymbol{\mu}_k^{(i)})$$

avec

$$\sum_{i=1}^{\infty} \varepsilon_i = \infty \quad \sum_{i=1}^{\infty} \varepsilon_i^2 < \infty$$

La convergence de cet algorithme est assurée quand le nombre de données n devient très grand  $(i \to \infty)$ 

## Mise en œuvre des k-means sous R

```
# Lancer des k-means pour K=2 classes
KM <- kmeans(data, 2)

# Résultats
summary (KM)

# Centres des classes
KM$centers

# Classe de chaque objet</pre>
```

# Inertie intra-classe
KM\$tot.withinss

KM\$cluster

# Parallélisation de l'algorithme des k-means

#### **Motivations**

- Traitement de données volumineuses (big-data)
- L'algorithme des k-means nécessite de calculer, à chaque itération,  $n \times K$  distances entre les données  $\mathbf{x}_i$  et les centres  $\boldsymbol{\mu}_k$ 
  - Les distances à calculer sont indépendantes les unes des autres; leur calcul peut donc être effectué en parallèle

#### **Approche MapReduce**

- Modèle de programmation initié par Google et basé sur la parallélisation de calculs sur plusieurs machines
- Adaptation de l'algorithme des k-means :
  - Découpage des données en blocs
  - Map: exécution, en parallèle sur les blocs, de l'étape de partitionnement
  - Reduce: calcul des centres à partir des partitions locales obtenues dans l'étape précédente

# Parallélisation de l'algorithme des k-means

#### k-means MapReduce

- Découpage de l'ensemble E en B blocs  $(E_1, \ldots, E_b, \ldots, E_B)$
- 2 *Initialisation*: tirage au hasard de K points de E qui forment les centres initiaux des K classes
- 3 Tant que les classes ne sont pas stabilisées
- (a) Map: pour chaque bloc  $E_b$ , construction d'une partition  $(E_{1b},\ldots,E_{kb},\ldots,E_{Kb})$  en affectant chaque point de  $E_b$  à la classe dont il est le plus près du centre de gravité

$$S_{kb} = \sum_{\mathbf{x}_i \in E_{kb}} \mathbf{x}_i \quad \forall k, b$$
  
 $N_{kb} = card(E_{kb}) \quad \forall k, b$ 

(b) Reduce: calcul des centres de gravité

$$\boldsymbol{\mu}_k = \frac{\sum_{b=1}^B S_{kb}}{\sum_{b=1}^B N_{kb}} \qquad \forall k = 1, \dots, K$$

# Méthode des k-médoïdes

#### **Principe**

- Appliquer l'algorithme des k-means en remplaçant les centres de gravité par des médoïdes
- $\blacksquare$  Le médoïde  $\mathbf{x}_{i_k}$  de la classe  $P_k$  est l'élément le plus central de la classe, défini par

$$\mathbf{x}_{i_k} = rg \min_{\mathbf{x}_i \in P_k} \sum_{\mathbf{x}_i \in P_k} \parallel \mathbf{x}_i - \mathbf{x}_j \parallel$$

Remarque : la norme  $\parallel \mathbf{x}_i - \mathbf{x}_j \parallel$  peut être remplacée par une dissimilarité  $d(\mathbf{x}_i, \mathbf{x}_j)$ 

## Critère optimisé

$$C(P, \widetilde{\mathbf{x}}) = \sum_{i=1}^{K} \sum_{j=1}^{K} \|\mathbf{x}_{i} - \mathbf{x}_{i_{k}}\|,$$

où  $\widetilde{\mathbf{x}}=(\mathbf{x}_{i_1},\ldots,\mathbf{x}_{i_K})$  est l'ensemble des médoïdes des classes.

## Méthode des k-médoïdes

#### Algorithme partitioning around medoids (PAM)

- **Initialisation** : tirage aléatoire de K points de E qui forment les médoïdes initiaux
- Tant que les classes ne sont pas stabilisées
  - (a) Calcul de la partition : affectation de chaque point non médoïde de E à la classe dont il est le plus proche du médoïde
  - (b) Mise à jour des médoïdes pour chaque classe
    - (1) tirage aléatoire d'un point non médoïde
    - (2) permutation de ce point avec le médoïde le plus proche si cela fait décroître le critère C

## Méthode des k-médoïdes

#### Remarques sur la méthode des k-médoïdes

- lacktriangle Méthode similaire à celle des k-means : k-médoïdes remplacés par k-moyennes
- Méthode plus robuste en présence d'outliers (critère s'appuyant sur une somme de distances au lieu d'une somme de carrés de distances)
- Inconvénient : temps de calcul pouvant être élevés si le nombre d'observations est grand
- Variantes permettant de réduite le temps de calcul
  - CLARA (Clustering LARge Applications)
  - CLARANS (Clustering LARge applications upon RANdomized Search)

# Mise en œuvre de l'algorithme PAM sous R

```
library(cluster)
data(iris)
quant = iris[,1:4]
species = as.numeric(iris[,5])
# Lancer PAM pour K=2 classes
quant.pam <- pam(quant,2)
# Résultats
summary (quant.pam)
# Médoïdes des classes
quant.pam$medoids
```

# Classes

quant.pam\$clustering

# Fuzzy k-means (version "floue" des k-means)

#### Rappel sur la notion de classification floue

Les degrés d'appartenance binaires sont remplacés par des degrés d'appartenance flous

$$\mathbf{z} = \begin{pmatrix} 0 & 1 & 0 \\ 1 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & 1 \\ 0 & 1 & 0 \\ 0 & 0 & 1 \end{pmatrix} \qquad \qquad \mathbf{c} = \begin{pmatrix} 0.3 & 0.6 & 0.1 \\ 0.8 & 0.1 & 0.1 \\ 0 & 0 & 1 \\ 0.4 & 0.5 & 0.1 \\ 0.2 & 0.1 & 0.7 \end{pmatrix}$$

$$\mathbf{z}_{ik} \in \{0; 1\} \text{ et } \sum_{k=1}^{K} z_{ik} = 1 \qquad \qquad \mathbf{c}_{ik} \in [0; 1] \text{ et } \sum_{k=1}^{K} c_{ik} = 1$$

#### Critère

L'algorithme fuzzy k-means détermine une partition floue  ${f c}$  qui minimise le critère :

$$C(\mathbf{c}) = \sum_{k=1}^K \sum_{i=1}^n c_{ik}^\alpha \parallel \mathbf{x}_i - \mathbf{g}_k \parallel^2 \quad \text{ avec} \quad \mathbf{g}_k = \frac{1}{\sum_{i=1}^n c_{ik}^\alpha} \sum_{i=1}^n c_{ik}^\alpha \mathbf{x}_i$$

où  $\alpha>1$  est un coefficient qui règle le degré de flou

## Fuzzy k-means (version "floue" des k-means)

#### **Algorithme**

- lacktriangle Initialiser la matrice de partition floue  ${f c}$
- 2 Itérer les étapes suivantes jusqu'à la convergence :
  - Calcul des centres :

$$\forall k \quad \mathbf{g}_k = \frac{1}{\sum_{i=1}^n c_{ik}^{\alpha}} \sum_{i=1}^n c_{ik}^{\alpha} \mathbf{x}_i$$

Calcul de la partition floue :

$$\forall i, k \quad c_{ik} = \frac{\frac{1}{\|\mathbf{x}_i - \mathbf{g}_k\|^{\frac{2}{\alpha - 1}}}}{\sum_{\ell=1}^{K} \left(\frac{1}{\|\mathbf{x}_i - \mathbf{g}_\ell\|^{\frac{2}{\alpha - 1}}}\right)}$$

## Mise en œuvre de Fuzzy k-means sous R

```
library(cluster)
x = rbind(cbind(rnorm(10,0,0.5),rnorm(10,0,0.5)),
          cbind(rnorm(3,3.2,0.5),rnorm(3,3.2,0.5)),
          cbind(rnorm(15,5,0.5),rnorm(15,5,0.5)))
clust_flou = fanny(x, 2, memb.exp=2)
clust_flou
plot(x,col=clust_flou$clustering)
# Degrés d'appartenance des données aux classes
```

matplot(clust\_flou\$membership,type="l",lty=1)

# Méthode des nuées dynamiques (généralisation des k-means)

#### **Principe**

On remplace les centres  $\mu_k$  qui étaient des points de  $\mathbb{R}^p$  dans l'algorithme des k-means par d'autres formes de représentants de classes appelées aussi noyaux. Ces noyaux peuvent être de natures variées selon le problème à résoudre.

### Critère optimisé

Si l'on note  $\mathcal L$  l'ensemble des noyaux et  $D: E \times \mathcal L \to \mathbb R^+$  une mesure de ressemblance, l'objectif est alors de trouver la partition P qui minimise

$$C(P, L) = \sum_{k=1}^{K} \sum_{\mathbf{x} \in P_k} D(\mathbf{x}_i, \lambda_k)$$

où  $L = (\lambda_1, \dots, \lambda_K)$  est un ensemble de K noyaux, avec  $\lambda_k \in \mathcal{L}$ .

## Méthode des nuées dynamiques

Comme pour les centres mobiles, on utilise un algorithme d'optimisation alternée qui définit la suite :

$$L^{(0)} \to P^{(1)} \to L^{(1)} \to P^{(2)} \to L^{(2)} \dots \to L^{(n)} \to P^{(n+1)} \to L^{(n+1)} \dots$$

#### **Algorithme**

- 1 Calcul de la partition  $P^{(n+1)}$  qui minimise  $C(P,L^{(n)})$  par rapport à P
- 2 Calcul des noyaux  $L^{(n+1)}$  qui minimisent  $C(P^{(n+1)},L)$  par rapport à L

La première étape est identique à celle de l'algorithme k-means L'existence de cet algorithme ne dépendra que de celle de la seconde étape.

# Méthode des nuées dynamiques

#### Exemple de noyau

$$D(\mathbf{x}_i, (\underline{\boldsymbol{\mu}_k, M_k})) = (\mathbf{x}_i - \boldsymbol{\mu}_k)^T M_k (\mathbf{x}_i - \boldsymbol{\mu}_k) - \log(|M_k|)$$

où  $M_k$  est une matrice symétrique définie positive et  $|M_k|$  est son déterminant.

Ce noyau, associé aux distances quadratiques sur  $\mathbb{R}^p$ , permet de prendre en compte différentes configurations de classes

Si on impose  $M_k = I$ , on retrouve l'algorithme des k-means.