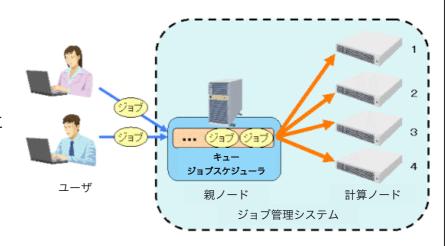
# 生物情報解析システム SunGridEngine 利用方法

# 大型計算機を有効に使うには

複数の人間が同じ計算機群を使いたい… どの計算機/CPUが空いてるか? 平等に使うには?

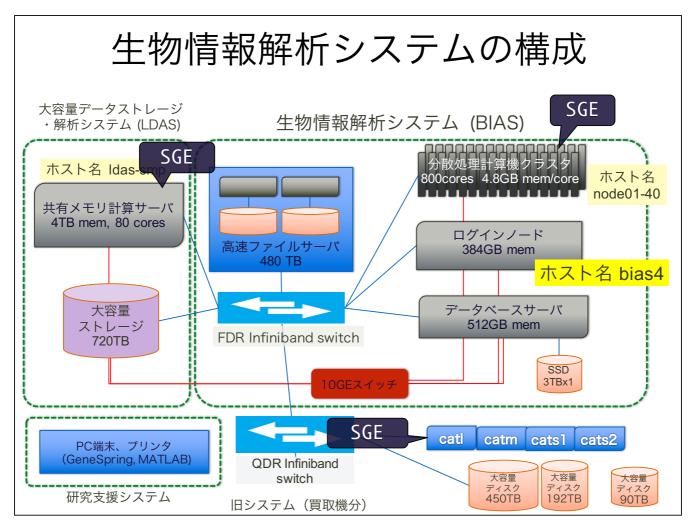
- ・ユーザのジョブを
  - 実行された順番に
  - 空いている計算機に 割り振ってくれる



・ジョブ管理システム

# ジョブ管理システム

- ・親ノードが、複数ある計算機から資源の割り当てを自動で行い、 効率を上げる
- ユーザは親ノードにジョブを投げるだけ(親ノードの名前すら知らなくてもよい)
- 生物情報解析システム上でのデータ解析は基本ジョブ管理システムを使うこと
  - bias4.nibb.ac.jp はパワーがないので、皆がbias4上で解析を 行うとすぐ倒れます
- SunGridEngine (SGE)



# 作業ディレクトリ

bias4.nibb.ac.jp上での ~/6\_sge

```
$ cd ~/6_sge
$ ls
```

# ジョブ管理システム:SGEの利用

- ・ 実行したいコマンドをシェルスクリプト内に記述し、**qsub**コマンド (後述)を用いてジョブ管理システムに実行させる
- ・ シェルスクリプト ex.sh の中身を確認

#### \$ less ex.sh

#!/bin/sh
#\$ -cwd
#\$ -q small

bowtie2 -x ecoli\_genome -U ecoli.1.fastq -S ecoli.1.sam

# qsub実行!

- ・ シェルスクリプトをジョブ管理システム(SGE)に投入:qsub
  - \$ qsub scriptfile
- ・ex.sh をqsubコマンドで実行

#### \$ qsub ex.sh

Your job 814953 ("ex.sh") has been submitted

- ・ 投入されたジョブはログインノードから分散処理計算機クラスタ内の ノードに送られて実行される
- ・ 標準出力と標準エラー出力のログがホームディレクトリにファイルと して作られる
- ・投入したジョブの状況を見るには qstat コマンドを使う

\$ qstat

# qsub (bowtie2) 結果の確認

\$ 1s 結果ファイルの確認

\$ ls ex.sh.\*

標準出力・標準エラー出力ファイル

ex.sh.e814953 ex.sh.o814953

**\$ less ex.sh.e814953** 標準エラー出力ファイルの中身を確認

330118 reads; of these:

330118 (100.00%) were unpaired; of these:

3364 (1.02%) aligned 0 times

229054 (69.39%) aligned exactly 1 time

97700 (29.60%) aligned >1 times

98.98% overall alignment rate

### SGEの主なコマンド

qsub script_file	script_file ジョブを投入			
qstat	自分のジョブの状態を表示			
qstat -u '*'	全ユーザのジョブ状態を表示			
qdel job-ID	job-ID のジョブを削除			

```
$ qstat
job-ID prior name user state submit/start at queue slots ja-task-ID
814953 0.00000 ex.sh hiroyo r 01/08/2015 14:14:54 small@node04 1
814954 0.00000 job.sh hiroyo qw 01/08/2015 14:14:54 small@node05 1
814955 0.00000 job.sh hiroyo qw 01/08/2015 14:14:54 small@node05 1

$ qdel 814953
hiroyo has deleted job 814953
```

# qsub のオプション

qsub には様々なオプションがあり、シェルスクリプト内で「#\$」に続けて書いておくことで機能を加えることができる

#### \$ less ex.sh

```
#!/bin/sh
#$ -q small smallキューを指定
#$ -cwd qsubしたディレクトリに移動してジョブを実行
bowtie2 -x ecoli_genome -U ecoli.1.fastq -S ecoli.1.sam
```

・-cwd を指定しているので、ファイルのパスを付けていない

# qsub のオプション

オプション	説明				
#\$ -o filename	標準出力の結果を指定したファイルに保存				
#\$ -e filename	標準エラー出力の結果を指定したファイルに保存				
#\$ -q queue_name	キューを指定してジョブを実行				
#\$ -cwd	qsubした時のディレクトリに移動してジョブを実行				
# <b>\$ -v</b> 環境変数=値	環境変数をジョブに渡す				
#\$ -N job_name	ジョブ名を指定する				
#\$ -s shell_name	ジョブスクリプトを指定したシェルで実行				
#\$ -a MMDDhhmm	ジョブの開始日時を指定				
# <b>\$ -1</b> resource_name 值	ジョブが使うリソース量を指定する				
<b>#\$ -pe</b> <i>PE_name</i> プロセス数	並列ジョブを実行する場合の環境と並列数の指定				
#\$ -t 開始番号-終了番号	アレイジョブを実行				

# キュー(ジョブの待ち行列)構成

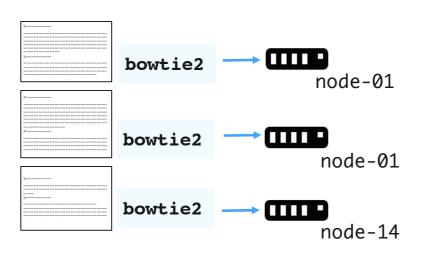
	分散並列処理型			共有メモリ型			
	分散処理計算機クラスタ			共有メモリ型計算サーバ			cat群
キュー名	small	medium	large	smps	smpm	smpl	cat
ジョブの特徴	短時間・ 並列多	中規模	長時間	中メモリ	大メモリ	最大メモリ	denovoアセ ンブリ用
利用ノード	node01-40	node01-40	node01-40	ldas-smp	ldas-smp	ldas-smp	catl, catm cat1, cat2
最大実行時間 /job	6時間	72時間	no limit	no limit	no limit	no limit	no limit
最大ジョブ数 /キュー	580	200	20	8	4	1	112
最大使用メモリ /ジョブ	4GB	4GB	4GB	500GB	1TB	4TB	512GB/1TB/ 96GB/96GB
利用できるPE	smp, mpi128, mpi256, make	smp, mpi128, mpi256, make	smp, mpi128, make	smp	smp	smp	smp, make

- ・キューを指定しない場合、デフォルトでは「small」で実行される
- ・ユーザあたりジョブ同時実行数は最大 400

### for文を使って並列化



node-01~node40 分散処理計算機クラスタ



・ 1台で順次実行していては時間がかかる計算も、分割して複数台、 複数CPUに仕事をさせれば数倍の速度で終わる

### for文を使って並列化:実際の例

#### \$ less ex2.sh

#!/bin/sh

・ qsub に渡すシェルスクリプト

# for文を使って並列化:例2

#### \$ less ex3.sh

#!/bin/sh
for i in 1 2 3
do
 qsub ex2.sh \${i}
done

- ・ qsubを実行するためのシェルスクリプト
- ・ for文を使って以下のコマンドを順番に qsubしている

ex2.sh 1

ex2.sh 2

ex2.sh 3

- 実行
- \$ ./ex3.sh

# for文を使って並列化:例3

- ・投入したジョブを確認
- ・3つのbowtie2が異なるマシンで実行されている

#### \$ qstat

```
7769444 0.50500 ex3.sh hiroyo r 02/16/2016 10:19:38 small@node26 1 7769445 0.50500 ex3.sh hiroyo r 02/16/2016 10:19:38 small@node11 1 7769446 0.50500 ex3.sh hiroyo r 02/16/2016 10:19:38 small@node19 1
```