

Все команды указаны последовательно в скрипте в папке Src.

https://github.com/nickkartashev/hse21_H3K9me3_ZDNA_human/blob/main/Images/Hist_DeepZ.pdf - Гистограмма длин пиков для вторичной структуры днк

https://github.com/nickkartashev/hse21_H3K9me3_ZDNA_human/blob/main/Images/chip_seeker.DeepZ.plotAnnoPie.png - PieChart для вторичной структуры днк

https://github.com/nickkartashev/hse21_H3K9me3_ZDNA_human/blob/main/Images/Hist_ENCFF296PQE.pdf - Гистограмма длин пиков для одного из исходных .bed файлов

https://github.com/nickkartashev/hse21_H3K9me3_ZDNA_human/blob/main/Images/Hist_ENCFF296PQE_filtered.pdf - Гистограмма длин пиков для одного из отфильтрованных .bed файлов

https://github.com/nickkartashev/hse21_H3K9me3_ZDNA_human/blob/main/Images/Hist_ENCFF724VHG.pdf - Гистограмма длин пиков для второго из исходных .bed файлов

https://github.com/nickkartashev/hse21_H3K9me3_ZDNA_human/blob/main/Images/Hist_ENCFF724VHG_filtered.pdf - Гистограмма длин пиков для второго отфильтрованного .bed файла

https://github.com/nickkartashev/hse21_H3K9me3_ZDNA_human/blob/main/Images/chip_seeker.ENCFF296PQE.filtered.plotAnnoPie.png - PieChart для первого отфильтрованного .bed файла

https://github.com/nickkartashev/hse21_H3K9me3_ZDNA_human/blob/main/Images/chip_seeker.ENCFF724VHG.filtered.plotAnnoPie.png - PieChart для второго отфильтрованного .bed файла

https://github.com/nickkartashev/hse21_H3K9me3_ZDNA_human/blob/main/Images/Hist_intersection.pdf - Распределение длин пиков пересечений

https://github.com/nickkartashev/hse21_H3K9me3_ZDNA_human/blob/main/Images/chip_seeker.H3K9me3_H9.intersect_with_DeepZ.plotAnnoPie.png - PieChart пересечения

ENCFF296PQE - 40403 пиков до / 39880 пиков после фильтрации

ENCFF724VHG - 51357 пиков до / 51342 пиков после фильтрации

Порог на длину - 5000.

DeepZ - 19394 пиков

Пересечений - 511 пиков

Сессия - http://genome.ucsc.edu/s/nickkartashev/my_session, правильные координаты там выбраны

Наиболее значимые категории:

- 1) regulation of transcription by RNA polymerase II
- 2) regulation of transcription, DNA-templated
- 3) regulation of nucleic acid-templated transcription