

BSM

Blockchain School
for Management

Tema 2 - Estructuras de Datos y Tipos

Módulo II - Programación en R

Nicolás Forteza

2022-11-07

R se puede usar como una calculadora.

```
4 + 3
```

```
[1] 7
```

Cualquier operación aritmética, R la puede realizar:

- Suma: +
- Resta: -
- Multiplicación: *
- División: /
- Elevar: ^ ó **

No olvidemos otras operaciones matemáticas, como `log`, `exp`, `sin`, `cos`, `tan`, `sqrt`... (éstas son funciones).

```
log(7)
```

```
[1] 1.94591
```

Pero en realidad, ¿qué hay por debajo?

```
class(7)
```

```
[1] "numeric"
```

La función `class()` devuelve el tipo de *clase* o *objeto* de R que estamos evaluando. Sabemos que 7 es un número, pero para R, 7 es una *clase* de tipo "numeric".

Un objeto de R es una estructura de datos* (pizza) que tiene atributos (queso, tomate, masa) y métodos (cocinar, preparar, etc).

Cualquier entidad en R es un objeto.

Para este curso, no es relevante saber sobre objetos, pero sí tener presente qué son.

R tiene dos tipos de objetos numéricos: "double" y "integer"

- "double": números decimales.
- "integer" números enteros.

```
typeof(7L)
```

```
[1] "integer"
```

La L indica que es un número large y lo convierte en "integer". En la práctica, no distinguimos entre estos tipos, y simplemente tipamos tal que así:

```
7; typeof(7)
```

```
[1] 7
```

```
[1] "double"
```

Para ver qué atributos tiene un objeto, simplemente hacemos:

```
attributes(7)
```

NULL

NULL = nulo, nada.

En muchos lenguajes de programación, como R, tenemos representaciones matemáticas de indeterminaciones, tales como:

```
paste("Esto es un número infinito positivo:", 1 / 0)
```

```
[1] "Esto es un número infinito positivo: Inf"
```

Y “not a number”, o *NaN*:

```
paste("Esto no es un número!:", Inf / Inf)
```

```
[1] "Esto no es un número!: NaN"
```

Los NaN aparecerán siempre en muchos datasets, pues representan la *no existencia* de un valor para una variable y observación.

El operador `<-` o `=` sirve para guardar variables

Una variable guarda en la memoria de la sesión el objeto con el cual evalúas el operador.

```
a <- 7
```

En R, podemos interactuar entre diferentes variables (siempre y cuando los objetos que éstas contengan, sean compatibles entre sí para su uso).

```
b <- a - 3  
print(b)
```

```
[1] 4
```

Ya veremos que no todo se puede usar para realizar operaciones, pero con objetos numéricos sí que se puede realizar todo (casi).

```
c <- b + 3L  
print(c)
```

```
[1] 7
```

```
typeof(c)
```

```
[1] "double"
```

Tenemos, además, funciones que nos pueden ayudar a verificar el tipo de número:

```
is.double(c) # es de tipo double?
```

```
[1] TRUE
```

```
is.numeric(c)  # más de lo mismo
```

```
[1] TRUE
```

```
is.integer(c)  # es integer?
```

```
[1] FALSE
```

Reflexión: ¿qué puede ser lo que devuelven estas funciones?

- Calcula la raíz cuadrada de tu año de nacimiento y guarda el resultado en una variable.
- Multiplica el resultado por el número π (en R, el comando `pi` devuelve dicho número).

En R, tenemos objetos *booleanos*, que indican simplemente **Verdadero** o **Falso**.

```
print(TRUE); print(FALSE); print(T); print(F)
```

```
[1] TRUE
```

```
[1] FALSE
```

```
[1] TRUE
```

```
[1] FALSE
```

Además, tenemos una serie de operadores con los que comparar objetos, y que junto con los objetos *booleanos*, podemos empezar a crear programas con algo de complejidad. A continuación se listan los principales operadores lógicos:

```
< # menor que  
<= # menor o igual que  
> # mayor que  
>= # mayor o igual que  
== # igual que  
!= # no igual que  
!x # no x  
x|y # x O y  
x&y # x Y y
```

Usando los operadores lógicos y *booleanos* podemos comparar objetos:

```
7 > 4
```

```
[1] TRUE
```

```
7 != 7
```

```
[1] FALSE
```

También tenemos funciones que evalúan el output de evaluar operaciones lógicas:

```
isTRUE(7 == 7); isFALSE(7 == 7)
```

```
[1] TRUE
```

```
[1] FALSE
```


En R, podemos crear secuencias de números con la función `seq`:

```
# del 1 al 13, cada 4  
seq(1, 13, by=4)
```

```
[1] 1 5 9 13
```

```
# 5 números repartidos uniformemente entre el 0 y el 100  
seq(0, 100, length.out=5)
```

```
[1] 0 25 50 75 100
```

- Crear una secuencia de números entre el 0 y el 1, con una longitud de 10, y aplicar la función `exp` al resultado.
- Guardar el resultado en una variable llamada `v`.
- Inspeccionar la variable `v` el visor de archivos y variables en RStudio. ¿Qué vemos?

Un vector en R es una estructura de datos que contiene otros objetos de R. Para crear un vector, utilizamos la función `c()`.

```
vectorTest <- c(2, 4, 6, 8)
```

Con el resultado del ejercicio anterior, hemos creado un vector. De hecho, la función `seq()` devuelve un vector de objetos tipo número!.

Una forma más fácil de crear vectores es:

```
vectorTest2 <- c(30:35)
```

Lo anterior es lo mismo que ejecutar:

```
seq(30, 35, 1)
```

Podemos también añadir elementos al final o al principio de la creación del vector:

```
vectorTest3 <- c(vectorTest, vectorTest2)  
print(vectorTest3)
```

```
[1]  2  4  6  8 30 31 32 33 34 35
```

Por defecto, los vectores no se ordenan de forma automática.

Podemos calcular diversas características de los vectores, tales como la longitud, el máximo, el mínimo, el rango ... y podemos realizar operaciones también, tales como la suma y el producto.

```
sum(vectorTest)
```

```
[1] 20
```

```
range(vectorTest)
```

```
[1] 2 8
```

```
length(vectorTest)
```

```
[1] 4
```

¿Qué devuelve la función `range()`?

Claramente podemos también realizar operaciones con vectores, como ya hiimos en el ejercicio anterior.

```
(vectorTest ** 2) + 1
```

```
[1]  5 17 37 65
```

```
(vectorTest / 10)
```

```
[1] 0.2 0.4 0.6 0.8
```

Con la función `sort` podemos ordenar vectores. O también con la función `order`

```
# decreasing indica si lo queremos decreciente o no.  
sort(vectorTest, decreasing = T)
```

```
[1] 8 6 4 2
```

La función `order` toma más parámetros.

Reflexión: ¿Qué otros parámetros toma?

También podemos crear vectores con objetos de tipo *booleanos*.

```
vectorTest + 2 < 5
```

```
[1] TRUE FALSE FALSE FALSE
```

Primero se computan las operaciones (en este caso la suma), y después se realiza la operación lógica de comparación.

Otras operaciones:

```
is.infinite(vectorTest)
```

```
[1] FALSE FALSE FALSE FALSE
```

Vectores con objetos de tipo caracter

Hasta ahora no hemos visto este tipo de objetos, pero las cadenas de caracter son otro tipo de dato.

```
class("Hola!")
```

```
[1] "character"
```

Vectores con objetos de tipo caracter

No vamos a ver más sobre caracteres hasta pasados unos temas. Simplemente remarcar que si creamos un vector en el que mezclamos objetos de diferentes tipos, R fusiona la clase de los objetos a uno mismo.

```
# fijaros cómo 5 es un número  
# y "manzana" una cadena de caracteres  
c(5, "manzana")
```

```
[1] "5"      "manzana"
```

R devuelve "5" y "manzana", pasando el primer elemento de dicho vector a ser una cadena de caracter en vez de un número.

Lo mismo pasa si incluimos *booleanos*.

```
c(vectorTest, vectorTest < 5)
```

```
[1] 2 4 6 8 1 1 0 0
```

En R, el 1 significa TRUE y el 0 FALSE.

¿Cómo podemos hacer acceder a una parte del vector? ¿Y a un elemento en concreto?

Para coger el primer elemento:

```
vectorTest[1]
```

```
[1] 2
```

Para coger el segundo elemento:

```
vectorTest[2]
```

```
[1] 4
```

Para coger del primer al tercer elemento:

```
vectorTest[1:3]
```

```
[1] 2 4 6
```

Para coger desde el primero hasta el último, cada dos elementos:

```
vectorTest[seq(1, length(vectorTest), 2)]
```

```
[1] 2 6
```

La función `length` devuelve la longitud de un vector. Lo utilizaremos mucho.

```
length(vectorTest)
```

```
[1] 4
```

Usando *booleanos* y operadores lógicos, podremos filtrar los elementos según la lógica que indiquemos:

```
# todos los elementos cuyo valor es mayor a 5  
vectorTest[vectorTest > 5]
```

```
[1] 6 8
```

- Filtrar el vector `v` del anterior ejercicio. Sólo queremos los elementos cuyo valor es menor o igual que 2.
- Guardar el resultado en otra variable llamada `v1`
- Coger el último elemento de `v1` e imprimirlo en consola. No se permite hacer `v1[7]`.

- Crear un nuevo vector cuyos valores sean el doble que $v1$. Guardarlo como $v2$.
- Crear un nuevo vector denominado $v3$ que incluya a los vectores $v1$ y $v2$.
- Crear un nuevo vector $v4$ cuyos valores sean igual a $v3$ menos la media de $v3$
- Calcular el logaritmo de $v4$ y filtrar dicho resultado para quedarnos con valores que sean positivos y distintos de NaN. Guardarlo en $v5$.
- Si la suma de $v5$ es 0.8525288 ... ¡buen trabajo!

Podemos usar el filtrado para cambiar los valores de los elementos que hemos seleccionado con el filtro.

```
a <- rep(c(1, Inf), 4)
a[is.infinite(a)] <- 2
```

Una lista es un objeto que contiene una colección de componentes **ordenados**. No tienen por qué ser del mismo tipo, al contrario que como en los vectores.

```
coche1 <- list(modelo='Mustang', fabricante='Ford',  
               modelos.cilindros=c(4, 6, 8))
```

Para acceder a un componente, simplemente hacemos:

```
coche1$modelo
```

```
[1] "Mustang"
```

El operador \$ accede al componente por su nombre

Aquí el orden importan más aún! Podemos acceder mediante indexación:

```
coche1[1]
```

```
$modelo
```

```
[1] "Mustang"
```

```
coche1[[1]]
```

```
[1] "Mustang"
```

Ojo! No devuelven lo mismo.

Acceder mediante indexación solamente con 1 corchete, devuelve una lista. Accediendo con 2 corchetes, devuelve el *nth* elemento.

Podemos acceder con vectores a la indexación de 1 sólo corchete.

```
coche1[c(1, 2)]
```

```
$modelo
```

```
[1] "Mustang"
```

```
$fabricante
```

```
[1] "Ford"
```

Una matriz es un vector que cuenta con un atributo llamado `dim` que indica el número de filas y columnas de la matriz. Es decir, es bidimensional. Todos los elementos de una matriz deben de ser del mismo tipo.

```
x <- c(1:20)
matrix(x,nrow = 4)
```

	[,1]	[,2]	[,3]	[,4]	[,5]
[1,]	1	5	9	13	17
[2,]	2	6	10	14	18
[3,]	3	7	11	15	19
[4,]	4	8	12	16	20

Podemos indicar el número de filas en la creación de la matriz.

Podemos indicar el número de columnas también:

```
matrix(x, ncol = 4)
```

	[,1]	[,2]	[,3]	[,4]
[1,]	1	6	11	16
[2,]	2	7	12	17
[3,]	3	8	13	18
[4,]	4	9	14	19
[5,]	5	10	15	20

Podemos indicar ambos:

```
matrix(x, ncol = 6, nrow=4)
```

	[,1]	[,2]	[,3]	[,4]	[,5]	[,6]
[1,]	1	5	9	13	17	1
[2,]	2	6	10	14	18	2
[3,]	3	7	11	15	19	3
[4,]	4	8	12	16	20	4

R siempre va a crear una matriz de nrow por ncol.

```
m <- matrix(x,ncol = 6, nrow=4)  
nrow(m)
```

```
[1] 4
```

```
ncol(m)
```

```
[1] 6
```

```
dim(m)
```

```
[1] 4 6
```

Con el argumento `byrow` la matriz se crea en otra dirección.

```
matrix(x, ncol=6, nrow=4, byrow = T)
```

	[,1]	[,2]	[,3]	[,4]	[,5]	[,6]
[1,]	1	2	3	4	5	6
[2,]	7	8	9	10	11	12
[3,]	13	14	15	16	17	18
[4,]	19	20	1	2	3	4

Como siempre, podemos saber si una variable es una matriz con la función apropiada:

```
is.matrix(m)
```

```
[1] TRUE
```

Para acceder a los elementos, seguimos esta sintaxis:

```
# fila 1, columna 4  
m[1, 4]
```

```
[1] 13
```

```
# filas de la 1 a la 3, columna 3  
m[1:3, 3]
```

```
[1] 9 10 11
```

Podemos seleccionar elementos de una matriz con otra matriz.

```
sel <- rbind(c(1, 2), c(3, 4), c(3, 5))  
m[sel]
```

```
[1]  5 15 19
```

`rbind` concatena vectores como si fueran filas. `cbind` como si fueran columnas.

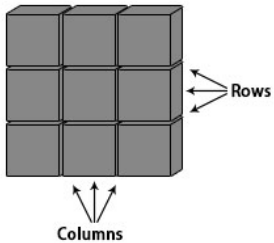
Un array es prácticamente lo mismo que una matriz, pero puede ser **tridimensional** (pensad en un cubo).

```
a <- array(data=c(1: 27), dim = c(3, 3, 3))
```

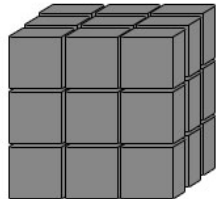
Vector



Matrix



Array



Podemos acceder de la misma manera que a las matrices, pero tenemos que ser conscientes de que tenemos una dimensión más.

```
# primera fila de cada capa del cubo  
a[1,,]
```

	[,1]	[,2]	[,3]
[1,]	1	10	19
[2,]	4	13	22
[3,]	7	16	25

```
# segunda fila, columnas 1 a la 3, de todas las capas  
a[2, 1:3, ]
```

	[,1]	[,2]	[,3]
[1,]	2	11	20
[2,]	5	14	23
[3,]	8	17	26


```
# filas de 1 a la 2, columnas de la 2 a la 3,  
# la tercera capa del cubo  
a[1:2, 2:3, 3]
```

	[,1]	[,2]
[1,]	22	25
[2,]	23	26