

ГУАП

КАФЕДРА № 43

ОТЧЕТ  
ЗАЩИЩЕН С ОЦЕНКОЙ  
ПРЕПОДАВАТЕЛЬ

д-р техн. наук, профессор  
\_\_\_\_\_  
должность, уч. степень, звание

\_\_\_\_\_  
подпись, дата

Скобцов Ю.А.  
\_\_\_\_\_  
инициалы, фамилия

## ОТЧЕТ О ЛАБОРАТОРНОЙ РАБОТЕ

### **Решение задачи коммивояжера с помощью генетических алгоритмов**

по курсу: Эволюционные методы проектирования программно-информационных систем

РАБОТУ ВЫПОЛНИЛ

СТУДЕНТ ГР. № 4132

\_\_\_\_\_  
подпись, дата

Н.И. Карпов  
\_\_\_\_\_  
инициалы, фамилия

Санкт-Петербург 2024

# СОДЕРЖАНИЕ

1	Индивидуальное задание.....	3
2	Краткие теоретические сведения.....	3
3	Результаты выполнения работы .....	4
3.1	Исследование лучшего решения .....	4
3.3	Исследование решений при разных параметрах.....	5
3.3	Листинг программы .....	7
4	Вывод .....	13

## 1 Индивидуальное задание

Вариант 6:

6	Berlin52.tsp	Представление соседства
---	--------------	-------------------------

## 2 Краткие теоретические сведения

Задача коммивояжера (ЗК) считается классической задачей генетических алгоритмов. Она заключается в следующем: путешественник (или коммивояжер) должен посетить каждый из базового набора городов и вернуться к исходной точке. Имеется стоимость билетов из одного города в другой. Необходимо составить план путешествия, чтобы сумма затраченных средств была минимальной. Поисковое пространство для ЗК-множество из  $N$  городов. Любая комбинация из  $N$  городов, где города не повторяются, является решением. Оптимальное решение – такая комбинация, стоимость которой (сумма из стоимостей переезда между каждым из городов в комбинации) является минимальной.

Кажется естественным, что представление тура – последовательность  $(i_1, i_2, \dots, i_n)$ , где  $(i_1, i_2, \dots, i_n)$  – числа из множества  $(1 \dots n)$ , представляющие определенный город. Двоичное представление городов неэффективно, т.к. требует специального ремонтирующего алгоритма: изменение одиночного бита может повлечь неправильность тура. В настоящее время существует три основных представления пути: соседское, порядковое и путевое. Каждое из этих представлений имеет собственные полностью различные операторы рекомбинации.

В представлении соседства тур является списком из  $n$  городов. Город  $J$  находится на позиции  $I$  только в том случае, если маршрут проходит из города  $I$  в город  $J$ . Например, вектор  $(2\ 4\ 8\ 3\ 9\ 7\ 1\ 5\ 6)$  представляет следующий тур: 1-2-4-3-8-5-9-6-7. Каждый маршрут имеет только одно соседское представление, но некоторые векторы в соседском представлении могут представлять неправильный маршрут. Например, вектор  $(2\ 4\ 8\ 1\ 9\ 3\ 5\ 7\ 6)$  обозначает маршрут 1-2-4-1..., т.е. часть маршрута – замкнутый цикл. Это представление не поддерживает классическую операцию кроссинговера.

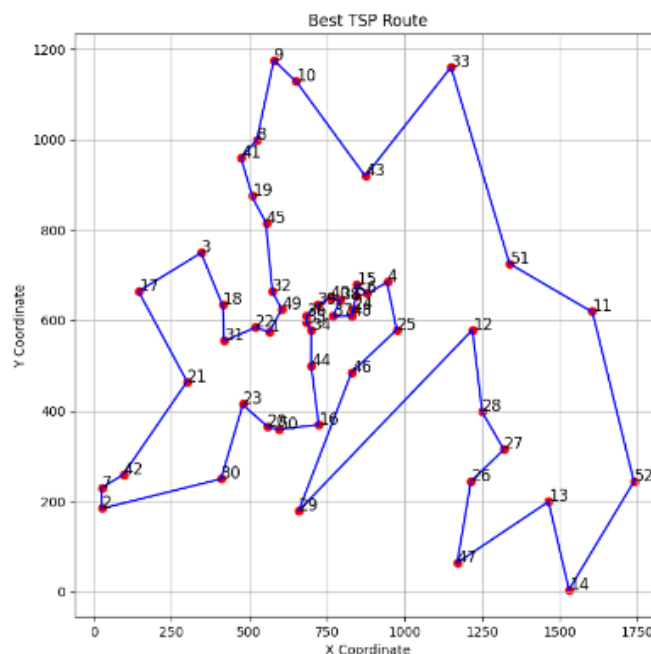
Эвристический кроссинговер (heuristic crossover) строит потомков, выбирая случайный город как стартовую точку для маршрута – потомка.

Потом он сравнивает два соответствующих ребра от каждого из родителей и выбирает более короткое. Затем конечный город выбирается как начальный для выбора следующего более короткого ребра из этого города. Если на каком-то шаге получается замкнутый тур, тур продолжается любым случайным городом, который еще не посещался.

### 3 Результаты выполнения работы

#### 3.1 Исследование лучшего решения

В ходе выполнения программного решения были получены следующие результаты:

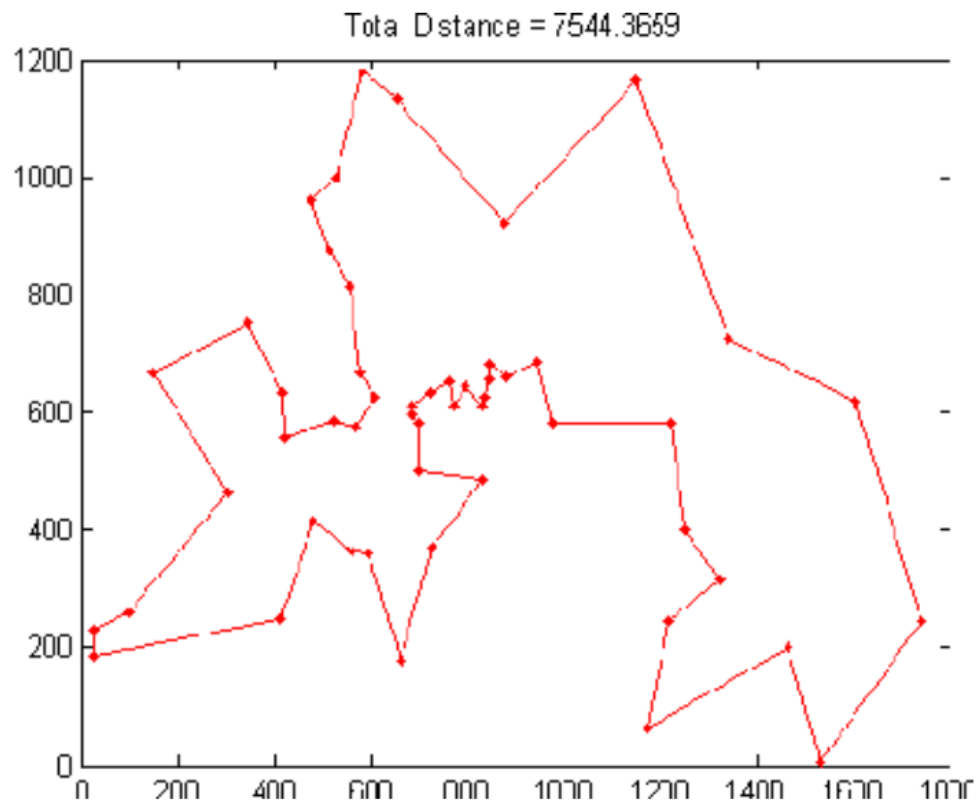


Generation [96/100] Min distance = 8006.301  
Generation [97/100] Min distance = 8005.409  
Generation [98/100] Min distance = 8005.409  
Generation [99/100] Min distance = 8098.698

Required time: 30.60s. Found answer: 8098.697679.

Best solution: 1-22-31-18-3-17-21-42-7-2-30-23-20-50-16-44-34-35-36-39-40-38-37-48-24-5-15-6-4-25-46-29-12-28-27-26-47-13-14-52-11-51-33-43-10-9-8-41-19-45-32-49

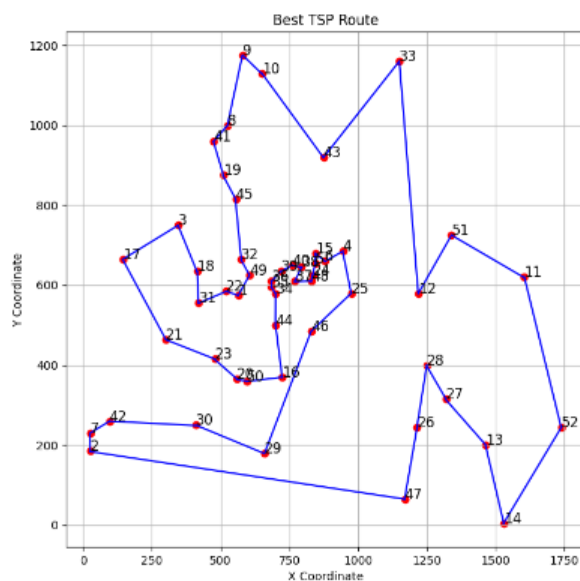
Полученное решение близко к оптимальному решению. Общая дистанция тура составила 8099 метров, в оптимальном решении – 7544 метра:



### 3.3 Исследование решений при разных параметрах

В ходе работы было установлено, что размер популяции положительно влияет на точность, но негативно влияет на скорость вычислений:

Размер популяции 2000:



```

Generation [97/100]      Min distance = 8386.076
Generation [98/100]      Min distance = 8417.739
Generation [99/100]      Min distance = 8226.591

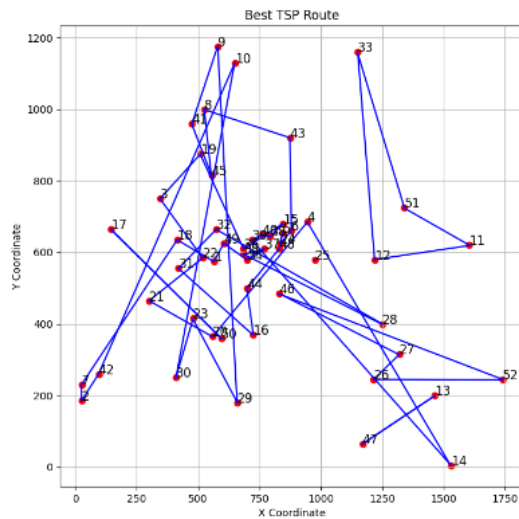
```

```

=====
Required time: 29.55s. Found answer: 8226.590621.

```

Размер популяции 20:



```

Generation [95/100]      Min distance = 12893.312
Generation [96/100]      Min distance = 13399.181
Generation [97/100]      Min distance = 12877.913
Generation [98/100]      Min distance = 12528.745
Generation [99/100]      Min distance = 12398.480

```

```

=====
Required time: 0.16s. Found answer: 12398.480301.

```

Большая вероятность кроссинговера или мутации уменьшает шанс  
попасть в локальный минимум, но ухудшает сходимость:

```

Generation [98/100]      Min distance = 9129.960
Generation [99/100]      Min distance = 9129.960

```

```

=====
Required time: 1.02s. Found answer: 9129.959751.

```

```

Best solution: 1-39-37-5-15-6-4-48-24-25-12-11-52-13-14-47-26-27-28-51-33-43-10-9-41-8-19-45-31-18-3-17-21-23-42-2-7-30-29-16-44-46-20-50-22-32-49-36-40-38-34-35

```

```

([39, 7, 17, 48, 15, 4, 30, 19, 41, 9, 52, 11, 14, 47, 6, 44, 21, 3, 45, 50, 23, 32, 42, 25, 12, 27, 28, 51, 16, 29, 18, 49, 43, 35, 1, 40, 5, 34, 37, 38, 8, 2, 10, 46, 31, 20, 26, 24, 36, 22, 33, 13]) Pc = 0.4, Pm = 0.01

```

```

Generation [96/100]      Min distance = 8278.525
Generation [97/100]      Min distance = 8278.525
Generation [98/100]      Min distance = 8278.525
Generation [99/100]      Min distance = 8278.525

```

```

=====
Required time: 1.52s. Found answer: 8278.525479.

```

```

Best solution: 1-22-44-39-40-24-48-38-37-34-35-36-50-20-23-31-18-3-17-21-42-7-2-30-29-16-46-25-15-5-6-4-12-28-27-47-26-13-14-52-11-51-33-43-10-9-8-41-19-45-32-49

```

```

([22, 30, 17, 12, 6, 4, 2, 41, 8, 9, 51, 28, 14, 52, 5, 46, 21, 3, 45, 23, 42, 44, 31, 48, 15, 13, 47, 27, 16, 29, 18, 49, 43, 35, 36, 50, 34, 37, 40, 24, 19, 7, 10, 39, 32, 25, 26, 38, 1, 20, 33, 11]) Pc = 0.9, Pm = 0.01

```

### 3.3 Листинг программы

```
import genalg

POPULATION_SIZE = 200

CROSSING_OVER_PROBABILITY = 0.9
MUTATION_PROBABILITY = 0.01
MAX_GENERATIONS = 100
FILENAME = "berlin52.tsp"

if __name__ == '__main__':
    genetic_optimizer = genalg.GeneticTSPSolver(FILENAME, MAX_GENERATIONS,
                                                POPULATION_SIZE, CROSSING_OVER_PROBABILITY,
                                                MUTATION_PROBABILITY)

    genetic_optimizer.start()
import matplotlib.pyplot as plt
import numpy as np

from time import time
import random

def count_euclidean_distance(city1, city2):
    """
    Calculates the Euclidean distance between two coordinate points.
    :param city1: first (x, y) coordinates
    :param city2: second (x, y) coordinates
    :return: float number - distance between two points
    """
    return np.linalg.norm(city1 - city2)

def check_nlr_for_cycle(neighbor_list):
    """
    Checks if the is valid neighbor representation list (closed, without
    cycles)
    :param neighbor list: list of neighbors (chromosome)
    :return: True if it is valid, False otherwise
    """
    # return True
    n = len(neighbor_list)
    visited = [False] * n # All visited cities.
    current_city = 0 # Start from city 0.

    for _ in range(n):
        if visited[current_city]:
            # If current city is visited then we got cycle.
            return False
        visited[current_city] = True
        next_city = neighbor_list[current_city] - 1

        # Go to next city.
        current_city = next_city

    # After visiting n cities check if we are in the start city.
    return current_city == 0

def convert_neighbor_list_to_route(neighbor_list, start_city=1):
```

```

"""
Converts a neighbor list representation into an ordered route.
:param neighbor_list: list of neighbors (neighbor list representation)
:param start_city: city to start the route (1-based index)
:return: list of cities in the order of the route
"""
n = len(neighbor_list)
route = [start_city]
current_city = start_city

for _ in range(n - 1):
    next_city = neighbor_list[current_city - 1]
    route.append(next_city)
    current_city = next_city

return route


def format_route(route):
    """
    Formats the given route as a string with cities connected by dashes.
    :param route: list of cities
    :return: string representing the route
    """
    return '-'.join(map(str, route))


class GeneticTSPSolver:
    """
    Solves task of finding maximum of target function (fitness function)
    using genetic algorithm.
    :param tsp_filename: file with tsp initial data
    :param population_size: size of the population
    :param max_generations: number of max available generations. For a sit-
    uation when it is impossible to find a satisfying optimum
    :param crossover_probability: probability of a crossover
    :param mutation_probability: probability of a mutation
    """

    def __init__(self, tsp_filename: str, max_generations: int, popula-
    tion_size: int,
                    crossover_probability: float, mutation_probability:
    float):
        self.crossover_probability = crossover_probability
        self.max_generations = max_generations
        self.population_size = population_size
        self.mutation_probability = mutation_probability
        self.cities = []
        self.dimensions = 0

        # Read from file coordinates, cities and number of cities (dimen-
        sions).
        self.coords = self.read_tsp_file(tsp_filename)

        # Distances matrix.
        self.distances = np.zeros(shape=(self.dimensions, self.dimensions))
        self.calculate_distances()

        self.population = []
        self.total_distances = []

```



```

# Initialize population with random shuffled cities arrays
for i in range(population_size):
    is_invalid_way = True

    while is_invalid_way:
        chromosome = self.cities.copy()
        random.shuffle(chromosome)

        # Check is there random generated way valid.
        is_invalid_way = not check_nlr_for_cycle(chromosome)

    if not is_invalid_way:
        self.population.append(chromosome)
        self.total_distances.append(0.)

    # array = [49, 7, 18, 6, 24, 15, 42, 9, 10, 43, 52, 25, 47, 13, 5,
29, 3, 31, 41, 23, 17, 1, 30, 48, 4, 27, 28,
    #          12, 50, 2, 22, 45, 51, 44, 34, 35, 40, 37, 36, 39, 8,
21, 33, 46, 19, 16, 26, 38, 32, 20, 11, 14]
    #
    # self.population = [array, array, array, array]

def read_tsp_file(self, filename) -> np.array:
    """
    Reads tsp file and save data to self cities, coords and dimensions
    (number of dimensions)
    :param filename: name of the tsp file
    """
    with open(filename, 'r') as file:
        lines = file.readlines()

    start_read_coords = False

    coords = []

    for line in lines:
        line = line.strip()

        if line == "NODE_COORD_SECTION":
            start_read_coords = True
            continue

        if line == "EOF":
            break

        if start_read_coords:
            parts = line.split()
            self.cities.append(int(parts[0]))
            x = float(parts[1])
            y = float(parts[2])
            coords.append((x, y))

    self.dimensions = len(self.cities)
    return np.array(coords)

def calculate_distances(self):
    """Creates Matrix of distances between cities"""
    for i in range(self.dimensions):
        for j in range(self.dimensions):
            self.distances[i][j] =

```

```

count_euclidean_distance(self.coords[i], self.coords[j])

def start(self):
    generation = 1 # generations counter

    start_time = time()

    while generation < self.max_generations:
        # 1. Evaluate current distances.
        self.evaluate()

        new_population = self.population.copy()

        for i in range(0, self.population_size, 2):
            # 2. Reproduction.
            element1 = self.reproduction()
            element2 = self.reproduction()

            # 3. Crossing.
            if random.random() < self.crossover_probability:
                element1 = self.crossover(element1, element2)
                element2 = self.crossover(element2, element1)

            new_population[i] = element1
            new_population[i + 1] = element2

        for i in range(len(new_population)):
            self.population[i] = new_population[i]

        # 4. Mutate.
        self.mutate()

        print(f'Generation [{generation}/{self.max_generations}]\t\t' +
              f'Min distance = {min(self.total_distances):.3f}\t\t')

        generation += 1

    end_time = time()

    print('\n', '=' * 100)

    best_index = self.total_distances.index(min(self.total_distances))
    best_solution = self.population[best_index]
    route = convert_neighbor_list_to_route(best_solution)
    formatted_route = format_route(route)

    print(f'Required time: {end_time - start_time:.2f}s. Found answer:
{min(self.total_distances):4f}.\n',
          f'Best solution: {formatted_route}\n',
          f'({best_solution})',
          f'Pc = {self.crossover_probability}, Pm =
{self.mutation_probability}')

    self.plot_route(best_solution)

def evaluate(self):
    """
    Evaluates current total distances for current population.
    """
    for i in range(len(self.population)):
        current_total_distance = 0.

```

```

        # Count total distance for every chromosome in population.
        for j in range(self.dimensions):
            # Use neighbour representation.
            current_city = self.population[i][j]
            prev_city = j + 1

            distance = self.distances[current_city - 1, prev_city - 1]
            current_total_distance += distance

        self.total_distances[i] = current_total_distance

    def reproduction(self, k=3):
        """
        Tournament based reproduction algorithm.
        """
        selected = random.sample(list(zip(self.population,
self.total_distances)), k)
        return min(selected, key=lambda x: x[1])[0]

    def crossover(self, parent1, parent2):
        """
        Heuristic crossover between two parents.
        :param parent1: first parent (chromosome)
        :param parent2: second parent (chromosome)
        :return: child (chromosome)
        """
        child = [-1] * self.dimensions # Empty child chromosome
        used_cities = set() # Set of cities that have already been added
to the child

        # Start from a random city from parent1
        current_city = random.randint(1, self.dimensions)
        start_city = current_city
        used_cities.add(start_city)

        for i in range(1, self.dimensions+1):
            # Find the next city from parent1 or parent2 based on the
shortest distance
            next_city_p1 = parent1[current_city - 1]
            next_city_p2 = parent2[current_city - 1]

            # Choose the city with the shortest distance
            if next_city_p1 not in used_cities and next_city_p2 not in
used_cities:
                distance_p1 = self.distances[current_city - 1][next_city_p1
- 1]
                distance_p2 = self.distances[current_city - 1][next_city_p2
- 1]

                if distance_p1 < distance_p2:
                    next_city = next_city_p1
                else:
                    next_city = next_city_p2
            elif next_city_p1 in used_cities and next_city_p2 in
used_cities:
                # If no valid next city, choose a random unvisited city
                remaining_cities = list(set(range(1, self.dimensions + 1))
- used_cities)
                if len(remaining_cities) > 0:
                    next_city = random.choice(remaining_cities)

```

```

        else:
            # All cities were visited -> next city = start city
            next_city = start_city
        elif next_city_p2 in used_cities:
            next_city = next_city_p1
        else:
            next_city = next_city_p2

        # Add the chosen city to the child
        child[current_city - 1] = next_city
        used_cities.add(next_city)

        current_city = next_city

    return child

    def select(self):
        """Selects population_size best chromosomes from current_population
        into population."""
        while len(self.population) > self.population_size:
            worse_chromosome_index =
self.total_distances.index(max(self.total_distances))
            self.population.pop(worse_chromosome_index)
            self.total_distances.pop(worse_chromosome_index)

    def mutate(self):
        """
        Inversion mutation: inverts the order of a random subsequence of
        cities in the route.
        """
        for i in range(self.population_size):
            if random.random() < self.mutation_probability:
                # Randomly select two cities to invert the segment between
them
                city1, city2 = sorted(random.sample(range(self.dimensions),
2))

                # Invert the subsequence between city1 and city2
                self.population[i][city1:city2 + 1] = re-
versed(self.population[i][city1:city2 + 1])

    def plot_route(self, best_route):
        """
        Plots the best found TSP route.
        """
        plt.figure(figsize=(8, 8))

        plt.scatter(self.coords[:, 0], self.coords[:, 1], color='red')

        for i in range(len(best_route)):
            plt.plot([self.coords[i, 0]-1, self.coords[best_route[i]-1,
0]],
                    [self.coords[i, 1]-1, self.coords[best_route[i]-1,
1]], 'b')

        for i, city in enumerate(best_route):
            plt.text(self.coords[city - 1][0], self.coords[city - 1][1],
str(city), fontsize=12)

        plt.title('Best TSP Route')
        plt.xlabel('X Coordinate')

```

```
plt.ylabel('Y Coordinate')  
plt.grid(True)  
plt.show()
```

## **4 Вывод**

В ходе работы была создана программа для решения задачи коммивояжера с помощью генетических алгоритмов. Полученные решения близки к оптимальному решению, что демонстрирует эффективность генетических алгоритмов в задачах подобного рода.