Ανάλυση γενετικής ποικιλότητας και γονιδιακής ροής καστανεώνα και απομονωμένου φυσικού πληθυσμού καστανιάς στη νήσο Λέσβο με ουδέτερους και μη μοριακούς δείκτες

Νικόλαος Τουρβάς Οκτώβριος 2018

### Εισαγωγή

Γιατί πρέπει να μελετηθεί η γεν. ποικ - διαφ

Σημασία γενετικής ποικ Long term see introduction (Pollegioni et al., 2011) Selection may erode genetic diversity, which is a crucial factor for the success of breeding programs.

Γεωργία νε δασοπονία φυσικοί πληθυσμοί και Γανό σελ 19 (Γανόπουλος, 2013) τι γίνεται με τους καστανεώνες, δες Πετρόπουλος. (Πετρόπουλος, 2016) βοήθεια σε προγρ βελτίωσης: Γανό σελ 22 Σημαντικό είδος γιατί...

Καρπός ξύλο γενετική βελτίωση σε χώρες - όπως Μαλλιαρού για οξυά

# Θεωρητικό πλαίσιο

Refugia - Gene flow - Long term (Petit et al., 2003, 2005) Founder effect από ανθρω

Δυο λόγια για τη διεθνή βιβλιογραφία. Υπάρχει ή δεν υπάρχει ποικιλότητα; "Γενικα' έχει βρεθεί ότι ... [...] Συγκεκριμένα στην Ελλάδα...

# Ερευνητικά ερωτήματα

- γενετικός χαρακτηρισμός καστανεώνα και κατ' επέκταση της ποικιλίας και φυσικού πληθυσμού
- μελέτη γονιδιακής ροής μεταξύ των δύο πληθυσμών

# Μεθοδολογία

### Συλλογή φυτικού υλικού & Εκχύλιση DNA

Γενετικό υλικό παρέχεται από το Ινστιτούτο Γενετικής Βελτίωσης CTAB

# Αλυσιδωτή αντίδραση πολυμεράσης & Γενοτύπηση

3 SSR and 5 EST-SSR citation??? is it this citation? (Marinoni et al., 2003) θα χρησιμοποιήσουμε SSR γιατί είναι κατάλληλοι για τη μελέτη πρόσφατων μικροεξελικτικών διαδικασιών (Wang, 2010) Πώς θα γίνουν οι ομάδες multiplex -> diveRsity ABI3730xl σκοράρισμα -> GeneMapper

Πίνακας 1: Group Rows

	mpg	cyl	disp	hp	drat	wt
Mazda RX4	21.0	6	160.0	110	3.90	2.620
Mazda RX4 Wag	21.0	6	160.0	110	3.90	2.875
Datsun 710	22.8	4	108.0	93	3.85	2.320
Group 1						
Hornet 4 Drive	21.4	6	258.0	110	3.08	3.215
Hornet Sportabout	18.7	8	360.0	175	3.15	3.440
Valiant	18.1	6	225.0	105	2.76	3.460
Duster 360	14.3	8	360.0	245	3.21	3.570
Group 2						
Merc 240D	24.4	4	146.7	62	3.69	3.190
Merc 230	22.8	4	140.8	95	3.92	3.150
Merc 280	19.2	6	167.6	123	3.92	3.440

#### Βασικές παράμετροι γενετικής ποικιλότητας

MAΛΛΟΝ ΠΡΕΠΕΙ ΝΑ ΦΤΙΑΞΩ ΠΙΝΑΚΑ ΜΕ ΛΟΓΙΣΜΙΚΑ ΚΑΙ ΤΙ ΘΑ KANOYN R (R Core Team, 2018) adegenet (Jombart, 2008) poppr (Kamvar et al., 2014) hierfstat (Goudet, 2005) genepop (Rousset, 2008) pegas ape fangorn

αριθμός διαφορετικών γενοτύπων (multilocus genotypes) Allelic richness - indicator να σημειωθεί ML\_Null-Freq LGP Fst outliers -> BAYESCAN outflank

NeEstimator -> BOTTLENECK

R Notebook - R markdown

#### διαφοροποίηση

Nei's Ds, Cav-Sf για φυλογενετικά  $F_{ST}$ ,  $G_{ST}$ ,  $D_{est}$  PCA, CA AMOVA φυλογενετική ape STRUCTURE DAPC

#### Γενετική τοπίου

γονιδιακή ροη - Nm=1/4FSt και MIGRATE IBD - mantel test - adegenet, ape Genetic boundaries γενετικά φράγματα φραγμοί- Monmonier's algorithm sPCA Geneland DIYABC ??? GeneClass2 ???

# Αναμενόμενα αποτελέσματα

Τι θα μάθουμε από αυτή τη μελέτη... χαρακτηρισμός ποικιλίας Λέσβου gene flow

### Χρηματοδότηση / Χρονοδιάγραμμα

(Villani et al., 1991)

## Βιβλιογραφία

Goudet, J., 2005. Hierfstat, a package for r to compute and test hierarchical F-statistics. Molecular Ecology Notes 5, 184–186. https://doi.org/10.1111/j.1471-8286.2004.00828.x

Jombart, T., 2008. Adegenet: A R package for the multivariate analysis of genetic markers. Bioinformatics 24, 1403–1405. https://doi.org/10.1093/bioinformatics/btn129

Kamvar, Z.N., Tabima, J.F., Grünwald, N.J., 2014. Poppr: An R package for genetic analysis of populations with clonal, partially clonal, and/or sexual reproduction. PeerJ 2, e281. https://doi.org/10.7717/peerj.281

Marinoni, D., Akkak, A., Bounous, G., Edwards, K.J., Botta, R., 2003. Development and characterization of microsatellite markers in Castanea sativa (Mill.). Molecular Breeding 11, 127–136. https://doi.org/10.1023/A:1022456013692

Petit, R.J., Aguinagalde, I., De Beaulieu, J.L., Bittkau, C., Brewer, S., Cheddadi, R., Ennos, R., Fineschi, S., Grivet, D., Lascoux, M., Mohanty, A., Müller-Starck, G., Demesure-Musch, B., Palmé, A., Martín, J.P., Rendell, S., Vendramin, G.G., 2003. Glacial refugia: Hotspots but not melting pots of genetic diversity. Science 300, 1563–1565. https://doi.org/10.1126/science.1083264

Petit, R.J., Duminil, J., Fineschi, S., Hampe, A., Salvini, D., Vendramin, G.G., 2005. Comparative organization of chloroplast, mitochondrial and nuclear diversity in plant populations. Molecular Ecology 14, 689–701. https://doi.org/10.1111/j.1365-294X.2004.02410.x

Pollegioni, P., Woeste, K., Olimpieri, I., Marandola, D., Cannata, F., Emilia Malvolti, M., 2011. Long-term human impacts on genetic structure of Italian walnut inferred by SSR markers. Tree Genetics & Genomes 7, 707–723. https://doi.org/10.1007/s11295-011-0368-4

R Core Team, 2018. R: A Language and Environment for Statistical Computing.

Rousset, F., 2008. Genepop'007: A complete re-implementation of the genepop software for Windows and Linux. Molecular Ecology Resources 8, 103–106. https://doi.org/10.1111/j.1471-8286. 2007.01931.x

Villani, F., Pigliucci, M., Benedettelli, S., Cherubini, M., 1991. Genetic differentiation among Turkish chestnut (*Castanea Sativa* Mill.) Populations. Heredity 66, 131–136. https://doi.org/10.1038/hdy. 1991.16

Wang, I.J., 2010. Recognizing the temporal distinctions between landscape genetics and phylogeography. Molecular Ecology 19, 2605–2608. https://doi.org/10.1111/j.1365-294X.2010.04715.x

Γανόπουλος, Ι., 2013. Διερεύνηση γενετικής ποικιλότητας, ταυτοποίηση και εφαρμογή λειτουργικών δεικτών στην κερασιά (*Prunus Avium* L.) (Διδακτορική Διατριβή). Αριστοτέλειο Πανεπιστήμιο Θεσσαλονίκης.

Πετρόπουλος, Σ., 2016. Γενετική ποικιλότητα συμπατρικών πληθυσμών καστανιας (*Castanea Sativa* Mill.) και των καρποφάγων εντόμων αυτής (Μεταπτυχιακή Διατριβή). Αριστοτέλειο Πανεπιστήμιο Θεσσαλονίκης, Θεσσαλονίκη.