# تقریب توابع ریاضی به کمک الگوریتم ژنتیک

# پروژه درس هوش مصنوعی

گردآورنده: میرنیما قاسمیان

استاد درس: دکتر آرش عبدی

هدف پروژه: ارزیابی میزان تسلط به مفاهیم پایه الگوریتم های تکاملی (در اینجا برنامه نویسی ژنتیک)

#### پیاده سازی:

ابتدا تعدادی ورودی را در نظر گرفته و خروجی آنها را با جایگذاری در تابع اصلی به دست می آوریم. سپس

عملگر هایی که در این پیاده سازی مورد استفاده قرار می گیرند را معرفی میکنیم مانند :

عملگر های دو عملوندی: "^","+","+","+"," عملگرهای تک عملوندی: "cos"،"sin"

به صورت کلی سعی داریم با آموزش تعدادی از نقاط، تابع اولیه را مجدد به دست آوریم و پیش بینی کنیم ضابطه ی اولیه چه بوده است!

• به عنوان نخستین گام باید جمعیت اولیه(population) را تولید کنیم.

جمعیت تولید شده شامل n تا کروموزوم میباشد که تعداد n به عنوان ورودی Population Constructor داده می شود.

هر کروموزوم تخمینی از حالت اولیه مسئله می باشد(در واقع هرکدام یک درخت اولیه برای پیشبرد مسئله میباشد) که در ادامه به هر کروموزوم یک مقدار شایستگی تخصیص می دهیم (fitness)

```
101 class Population:
102
103
        def __init__(self, size, depth, max_depth, num_selected, functions, terminals):
104
105
            self.size = size
106
            self.num_selected = num_selected
            self.max_depth = max_depth
107
108
            self.list = self.create population(self.size, functions, terminals, depth)
109
       def create_population(self, number, functions, terminals, depth):
110
111
            population_list = []
112
            for i in range(number):
                if random.random() < 0.5:
113
114
                    population_list.append(Chromosome(terminals, functions, depth, 'full'))
115
                    population_list.append(Chromosome(terminals, functions, depth, 'grow'))
116
117
            return population_list
118
```

```
121 class Chromosome:
122
123
        def __init__(self, terminals, functions, depth, method='full'):
124
125
            self.gen = []
126
            self.depth = depth
127
            self.func_set = functions
128
            self.terminal_set = terminals
129
            self.fitness = None
130
            if method == 'grow':
131
                self.grow()
            elif method == 'full':
132
                self.full()
133
134
135
        def grow(self, level = 0):
136
            if level == self.depth:
                self.gen.append(random.choice(self.terminal_set))
137
138
            else:
                if random.random() > 0.3:
139
                    val = random.choice(self.func_set[2] + self.func_set[1])
140
                    if val in self.func_set[2]:
141
                        self.gen.append(val)
                        self.grow(level + 1)
143
                        self.grow(level + 1)
144
145
                        self.gen.append(val)
146
147
                        self.grow(level + 1)
148
                else:
                    val = random.choice(self.terminal set)
149
150
                    self.gen.append(val)
2522
152
         def full(self, level = 0):
153
154
             if level == self.depth:
155
                 self.gen.append(random.choice(self.terminal set))
156
             else:
157
                 val = random.choice(self.func_set[1] + self.func_set[2])
                 if val in self.func set[2]:
                      self.gen.append(random.choice(self.func_set[2]))
159
                      self.full(level + 1)
160
161
                     self.full(level + 1)
162
163
                     self.gen.append(random.choice(self.func_set[1]))
164
                     self.full(level + 1)
165
```

هر کدام از کروموزوم ها نمایی از genotype بوده که پیمایش preorder traversal از درخت آزمایشی میباشد! بعد از ساخت جمعیت اولیه بخش اصلی الگوریتم در کلاس Algorithm پیاده سازی شده است که مسئول آموزش نقاط(train)، ترکیب کروموزوم ها(crossover)، عمل جهش(Mutate) و ساخت نسل جدید بر اساس شایستگی می باشد.

ابتدا توسط تابع calculate\_fitness شایستگی هر کدام از کروموزوم ها را تعیین کرده و عددی به آن نسبت می دهیم.

```
207
        def calculate fitness(self, inputs, outputs):
208
            for i in range(len(inputs)):
209
210
211
                    diff += (self.eval(inputs[i])[0] - outputs[i][0])**2
212
                except RuntimeWarning:
213
                    self.gen = []
214
                    if random.random() > 0.5:
215
                        self.grow()
216
217
                        self.full()
218
                    self.calculate_fitness(inputs, outputs)
219
220
            if len(inputs) == 0:
221
                return 1e9
222
            self.fitness = diff/(len(inputs))
            return self.fitness
```

برای تعیین مقدار fitness همانگونه که در تصویر بالا مشخص است از الگوریتم
 (Mean Squared Error (MSE) استفاده می کنیم که همان میانگین مربعات
 تفاضل مقدار تخمین زده شده از مقدار اصلی میباشد.

$$MSE = \frac{1}{N} \sum_{i=1}^{N} (Y_i - \hat{Y}_i)^2$$

با توجه به این تعریف روند الگوریتم باید بگونه ای باشد که به مرور زمان به مقدار fitness کمتری برای کروموزوم های تخمین زده شده برسیم.

روند آموزش نقاط به تعداد متغیر iterations انجام می شود که در ابتدای برنامه مقدار آن را مشخص میکنیم. در هر iterate با استفاده از تابع selection دو مورد از کروموزوم ها با بهترین شایستگی را به صورت تصادفی انتخاب میکنیم.

```
31 def selection(population, num_sel):
32
33    sample = random.sample(population.list, num_sel)
34    best = sample[0]
35    for i in range(1, len(sample)):
36        if population.list[i].fitness < best.fitness:
37        best = population.list[i]
38
39    return best</pre>
```

برای دقت بیشتر الگوریتم در این مرحله بهتر است از تابع roulette\_selection
 استفاده کنیم تا کروموزوم های با شایستگی بیشتر و متنوع تری به دست آورده و در نتیجه عملیات crossover موفق تری داشته باشیم!!

```
82 def roulette_selecion(population):
      fitness = [chrom.fitness for chrom in population.list]
84
    order = [x for x in range(len(fitness))]
85
    order = sorted(order, key=lambda x: fitness[x])
     fs = [fitness[order[i]] for i in range(len(fitness))]
87
    sum_fs = sum(fs)
    max_fs = max(fs)
89
90
    min_fs = min(fs)
     p = random.random()*sum_fs
92
     t = max_fs + min_fs
93
    choosen = order[0]
     for i in range(len(fitness)):
95
          p -= (t - fitness[order[i]])
          if p < 0:
97
              choosen = order[i]
     return population.list[choosen]
```

```
41 def cross_over(mother, father, max_depth):
42
      #combine 2 chromosome into new childs
      child = Chromosome(mother.terminal_set, mother.func_set, mother.depth, None)
43
      start_m = np.random.randint(len(mother.gen))
45
      start_f = np.random.randint(len(father.gen))
46
      end m = traversal(start m, mother)
47
      end f = traversal(start f, father)
48
      child.gen = mother.gen[:start_m] + father.gen[start_f : end_f] + mother.gen[end_m :]
49
      if child.get depth() > max depth and random.random() > 0.2:
          child = Chromosome(mother.terminal set, mother.func set, mother.depth)
51
      return child
```

```
9 def traversal(poz, chromosome):
10
11    if chromosome.gen[poz] in chromosome.terminal_set:
12         return poz + 1
13    elif chromosome.gen[poz] in chromosome.func_set[1]:
14         return traversal(poz + 1, chromosome)
15    else:
16         new_poz = traversal(poz + 1, chromosome)
17         return traversal(new_poz, chromosome)
```

```
19 def mutate(chromosome):
20
21
       poz = np.random.randint(len(chromosome.gen))
22
       if chromosome.gen[poz] in chromosome.func_set[1] + chromosome.func_set[2]:
23
           if chromosome.gen[poz] in chromosome.func set[1]:
24
               chromosome.gen[poz] = random.choice(chromosome.func_set[1])
25
           else:
               chromosome.gen[poz] = random.choice(chromosome.func_set[2])
26
27
      else:
           chromosome.gen[poz] = random.choice(chromosome.terminal_set)
28
      return chromosome
```

کاملا به صورت تصادفی بخشی از کروموزوم های پدر و مادر را انتخاب کرده و آن را با یکدیگر جایگزین میکنیم تا نسل جدید ایجاد شود. در تابع mutate یکی از ایندکس های کروموزوم را تغییر می دهیم.

در گام آخر بعد از تعداد train هایی که اول برنامه مشخص کرده بودیم، باید بهترین کروموزوم به دست آمده (از نظر تابع شایستگی) را نمایش دهیم.
 در نمودار نهایی خط قرمز تابع پیش بینی شده و خط آبی تابع اولیه می باشد.

```
279
   280 VAR_MAX_SIZE = 1
   281 MAX_DEPTH = 20
   282 Terminals = ['x'+str(i) for i in range(VAR_MAX_SIZE)]
   283 Functions = {1: ['sin','cos'], 2:['-', '+', '*', '/','^']}
                                                                  Original
   285 # original Function to be predicted:
   286 def f(x):
                                                                  function
  287
          return x**2
  289 # retrieve 1000 inputs and outputs of original function
   290 X = [[x] for x in np.arange(0, 10, 0.01)]
   291 y = [[f(x[0])] \text{ for } x \text{ in } X]
                                         Population list size
  292
  293 start_time = time.time()
   294 pop = Population(4000, 6, MAX_DEPTH, 20, Functions, Terminals)
   295 algorithm = Algorithm(pop, 4000, X, y, feedback=100)
   296 Optimal = algorithm.train()
                                                                   Number of train iterations
   297 preorder_res = Optimal.gen;
   298 print("preorder traverse of predicted function: " + preorder_res+"\n");
   299 y_pred = [[Optimal.evaluate_arg(x)] for x in X]
   300
   301 print("--- %s ExecutionSeconds ---" % (time.time() - start_time))
   302 plt.plot(X, y_pred, color='r', dashes=[7, 2], label='Predicted')
   303 plt.plot(X, y, color='b', dashes=[7, 3], label='Expected')
   304 plt.show()
```

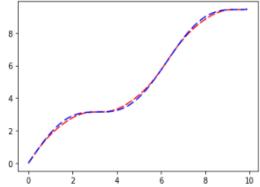
**خروجی:** به عنوان خروجی مقدار شایستگی هر کروموزوم به همراه پیمایش pre-order درخت آن آورده شده و روی نمودار نیز تابع پیش بینی شده با رنگ قرمز نمایش داده شده است. رنگ آبی تابع اولیه(اصلی) می باشد. در آخرین خط نیز زمان اجرای الگوریتم بر حسب ثانیه آورده شده.

## در تصاویر زیر چند مثال مختلف بررسی شده و تابع اولیه هر تصویر کنار آن ذکر شده است:

#### $F(x) = x^2$ 'x0'] rrealcted function: [ - , xw , 'x0'] Fitness: 0.0 Predicted function: ['\*', 'x0', 'x0'] Fitness: 0.0 ['\*', 'x0', 'x0'] 100 40 20 --- 313.2851884365082 seconds ---

#### F(x) = Sin(x) + x

```
Predicted function: ['+', 'sin', 'sin', 'x0', 'x0']
Fitness: 0.007499217967913741
Predicted function: ['+', 'sin', 'sin', 'x0', 'x0']
Fitness: 0.007499217967913741
Predicted function: ['+', 'sin', 'sin', 'x0', 'x0']
Fitness: 0.007499217967913741
Predicted function: ['+', 'sin', 'sin', 'x0', 'x0']
Fitness: 0.007499217967913741
Predicted function: ['+', 'sin', 'sin', 'x0', 'x0']
Fitness: 0.007499217967913741
Predicted function: ['+', 'sin', 'sin', 'x0', 'x0']
Fitness: 0.007499217967913741
Predicted function: ['+', 'sin', 'sin', 'x0', 'x0']
Fitness: 0.007499217967913741
Predicted function: ['+', 'sin', 'sin', 'x0', 'x0']
Fitness: 0.007499217967913741
Predicted function: ['+', 'sin', 'sin', 'x0', 'x0']
Fitness: 0.007499217967913741
preorder traverse of predicted function:
['+', 'sin', 'sin', 'x0', 'x0']
--- 3.237107753753662 ExecutionSeconds ---
```



#### F(x) = Sin(x) \* Cos(x)

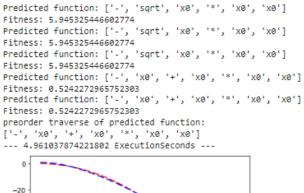
```
ritness: 0.04633914536/8308/5
Predicted function: ['sin', 'sin', '*', 'sin', '+', 'x0', 'x0', '^', 'sin', 'x0', '-', 'x0', 'x0']
    Fitness: 0.046339145367830875
Predicted function: ['sin', 'sin', '*', 'sin', '+', 'x0', 'x0', '^', 'sin', 'x0', '-', 'x0', 'x0']
    Fitness: 0.046339145367830875
    Predicted function: ['sin', 'sin', '*', 'sin', '+', 'x0', 'x0', '^', 'sin', 'x0', '-', 'x0', 'x0']
    Fitness: 0.046339145367830875
    Predicted function: ['sin', 'sin', '*', 'sin', '+', 'x0', 'x0', '^', 'sin', 'x0', '-', 'x0']
    Fitness: 0.046339145367830875
    Predicted function: ['sin', 'sin', '*', 'sin', '+', 'x0', 'x0', '^', 'sin', 'x0', '-', 'x0', 'x0']
    Fitness: 0.046339145367830875
    Predicted function: ['sin', 'sin', '*', 'sin', '+', 'x0', 'x0', '^', 'sin', 'x0', '-', 'x0']
    Fitness: 0.046339145367830875
    Predicted function: ['sin', 'sin', '*', 'sin', '+', 'x0', 'x0', '^', 'sin', 'x0', '-', 'x0']
    Fitness: 0.046339145367830875
    Predicted function: ['sin', 'sin', '*', 'sin', '+', 'x0', 'x0', 'x0', 'sin', 'x0', 'x0']
    Fitness: 0.046339145367830875
    Predicted function: ['sin', 'sin', '*', 'sin', '+', 'x0', 'x0', 'x0', 'sin', 'x0', '-', 'x0', 'x0']
    Fitness: 0.046339145367830875
    Predicted function: ['sin', 'sin', '*', 'sin', '+', 'x0', 'x0', '^', 'sin', 'x0', '-', 'x0', 'x0']
    Fitness: 0.046339145367830875
     \label{eq:predicted function: ['sin', 'sin', '*', 'sin', '+', 'x0', 'x0', '^', 'sin', 'x0', '-', 'x0', 'x0'] 
    Fitness: 0.046339145367830875
    Predicted function: ['sin', 'sin', '*', 'sin', '+', 'x0', 'x0', '^', 'sin', 'x0', '-', 'x0']
    Fitness: 0.046339145367830875
    preorder traverse of predicted function:
    ['sin', 'sin', '*', 'sin', '+', 'x0', 'x0', '^', 'sin', 'x0', '-', 'x0', 'x0']
    --- 13.922616004943848 ExecutionSeconds ---
      0.8
      0.6
      0.4
      0.2
      0.0
     -0.2
     -0.4
     -0.6
                                                             Fitness: 5.945325446602774
     -0.8
                                                  10
```

-40

-60 -80

-100

 $F(x) = Cos(x) - (x^2)$ 



در مثال های قبل فقط عملگر های ابتدایی برای تخمین استفاده شده بود، در تصویر بعدی In, tan, abs,sqrt نیز اضافه شده اند.

-200

-400

-600

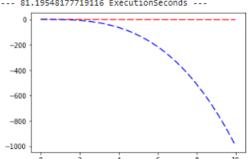
-800

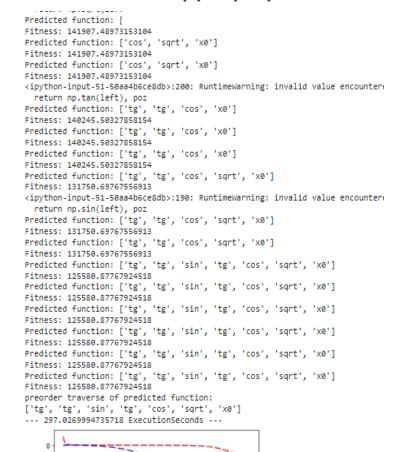
-1000

#### $F(x) = -(x^3)$

#### $F(x) = -(x^3)$

```
Predicted function: ['cos', 'sqrt', 'x0']
Fitness: 141907.48973153104
Predicted function: ['cos', 'sqrt', 'x0']
Fitness: 141907.48973153104
Predicted function: ['tg', 'cos', 'sqrt', 'x0']
Fitness: 141697.67145162972
Predicted function: ['tg',
                           'cos', 'sqrt', 'x0']
Fitness: 141697.67145162972
Predicted function: ['tg', 'cos', 'sqrt', 'x0']
Fitness: 141697.67145162972
Predicted function: ['tg', 'cos', 'sqrt', 'x0']
Fitness: 141697.67145162972
Predicted function: ['tg',
                           'cos', 'sqrt', 'x0']
Fitness: 141697.67145162972
Predicted function: ['tg',
                           'cos', 'sart', 'x0'l
Fitness: 141697.67145162972
                           'cos', 'sqrt', 'x0']
Predicted function: ['tg',
Fitness: 141697.67145162972
Predicted function: ['tg', 'cos', 'sqrt', 'x0']
Fitness: 141697.67145162972
preorder traverse of predicted function:
['tg', 'cos', 'sqrt', 'x0']
--- 81.19548177719116 ExecutionSeconds ---
```





نکته قابل توجه در اشکال خروجی اینست که توابع پیش بینی شده کاملا وابسته به تعداد مجموعه ی جمعیت اولیه و تعداد دفعات train می باشد و در صورت افزایش این مقادیر توابع رفته رفته به واقعیت نزدیک تر میشوند و شایستگی بهتری پیدا می کنند.

به عنوان مثال در شکل سمت راست تعداد train های نقاط اولیه 2 برابر شده و اعضای جمعیت اولیه نیز بیشتر شدند تا در نتیجه به جواب بهتری با fitness کمتر برسیم.

### جمع بندی:

بنابراین به کمک الگوریتم ژنتیک در کنار عملیاتی مانند (MSE, roulette selection...) توانستیم با داشتن اطلاعاتی از تابع اولیه، تابعی نظیر آن را تخمین بزنیم و ارزش گذاری کنیم.