## جلسهی دوه — ورودی و خروجی در پوسته

در این مِلسه بـا مدیریت ورودی و غرومی در پوستـه و استفاده از لوله برای ترکیـب دستورها آشنـا میشوید.

دستـورهای زیر را آزمایش کنیـد و بررسـی کنید چِگونـه میتوان فرومی دستـورها را در فایــل ریفت.

```
$ echo "Message 1" >mesg.txt > بنوشتن غرومي يک دستور به يک فايل با > cat mesg.txt $ seq 7 >mesg.txt $ cat mesg.txt $ date >>mesg.txt $ اضافه کردن غرومي به انتهای فايل با > echo "Message 2" >>mesg.txt $ cat mesg.txt $ cat mesg.txt
```

ا ورودی دستورها را نیز میتوان از فایل غواند.

```
      $ sort
      (مرتبسازی فطهای وارد شده توسط کاربر (D^ را فشار دهید)

      $ sort <mesg.txt</td>
      مرتبسازی فطهای وارد شده توسط کاربر (D^ را فشار دهید)

      $ sort <mesg.txt</td>
      مواندن ورودی از فایل و نوشتن فرومی به فایل دیگر
```

س میتوان غرومی یک دستور را به عنوان ورودی به دستور دیگری فرستاد. در پوسته این کار با لوله (Pipe) انماه میشود.

```
$ seq 7 | wc (wc ربا دستور با دستور با
```

برای امِرای بقیمی گاهها، فایل test.txt را در این گاه بسازید. ۴

```
$ echo "Test file" >test.txt نوشتن تعدادی فط به یک فایل
$ echo "Line two" >>test.txt
$ echo "Line three" >>test.txt
$ echo "Line four" >>test.txt
$ echo "Test file" >>test.txt
$ cat test.txt
$ cat test.txt
```

در بسیاری از دستورها، میتوان فایل ورودی را به چند شکل مشخص کرد.

```
$ grep "two" <test.txt | grep "two" cat test.txt | grep "two" cat test.txt | grep "two" استفاده از دستور از دستورها به عنوان پارامتر $ grep "two" test.txt المان ورودی برخی از دستورها به عنوان پارامتر
```

بررسی کنید دستورهای زیر چه عملی انجاه میدهند. برای توضیع در مورد هر دستـور یا اطلاع
 از یارامترهای آن میتوانید به صفحهی راهنمای آن مراجعه نمایید.

```
      $ uniq <test.txt</td>
      روا معمولا y نحراری پشت سر هم uniq جرا معمولا sort استفاده می شود؟

      $ sort <test.txt | uniq</td>
      به sort sort alpha uniq uniq uniq you uniq you uniq where the KM <test.txt</td>

      $ tr ie KM <test.txt</td>
      $ sed "s/Line/Test/g" <test.txt</td>

      $ sed "s/Line/Test/g" <test.txt</td>
      $ sed "/Line/d" <test.txt</td>

      $ sed "/Line/d" <test.txt</td>
      $ fmt <test.txt</td>

      $ fmt <test.txt</td>
      $ nl <test.txt</td>

      $ hexdump <test.txt</td>
      $ hexdump <test.txt</td>
```

۲ توضیع دهید در هریک از فطهای زیر، چرا دستورها با هم ترکیب شدهاند و چه کاری انجام
 میدهند.

```
$ seq 20 | shuf | head -n1
$ grep "Line" test.txt | wc -l
$ cat test.txt | sort | uniq | wc -l
```

با دستورهای زیر فایل oslab1.sh را دریافت و اجرا کنید تا شاخهی oslab1 ایجاد شود.

```
$ wget http://nit.rudi.ir/oslab1.sh
$ sh oslab1.sh
```

و بررسی کنید یارامترهای داده شده چه تغییری در رفتار دستور grep ایجاد میکنند.

```
$ grep -r "follow" oslab1/ (Recursive) مستجو به صورت بازگشتی (Recursive) مستجو به صورت بازگشتی (Recursive) عدف نام فایل (Recursive) مدف نام فایل ($ grep -r -h "follow" oslab1/ فشان دادن فهرست فایل ($ grep -r -l "follow" oslab1/ فیل (* ورست فایل ها) دادن فهرست فایل ها) (* ورست فایل ها) دادن فهرست فایل ها) دادن دادن ورست فایل ها) دادن دادن فهرست فایل ها) دادن دادن فهرست فایل ها) دادن دادن فهرست فایل ها
```

۱۰ با ترکیب دستورهای grep و find میتوان مستمو را ممدود کرد. دستور زیر چه عبارتی را در چه غارتی را در چه فایلهایی مستمو میکند و چرا درست کار میکند؟

```
$ grep "malloc" 'find oslab1/ -name '*.c''
```

- ا شافهی ecomp/ را ایماد کنید. فهرست فایلهایی که شامل عبارت recomp هستند را در فایل هایی که شامل عبارت recomp/ دنویسد.
  - ۱۱ فایل oslab1/doc/log.txt را در فایل oslab1/doc/log.txt بنویسید.
- ا در فایل امدی فطهای مـتمایز شامـل include در فایلهای با پـسوند  $^{(4)}$  در فایل  $^{(4)}$   $^{(4)}$   $^{(5)}$  بنویسید و تعداد آنها را مماسبه کنید.