# **Curso Avanzado - Ejercicios**

v.05.23

# Introducción

A lo largo de esta sesión se realizarán ejercicios prácticos que permitirán adquirir conocimientos enfocados a usos más específicos en el Cluster Leftraru-Guacolda.

# Metodología

La clase se dividirá en varios grupos de trabajo y en cada uno de los grupos habrá un coordinador.

Para cada uno de los ejercicios:

- 1. El profesor plantea el ejercicio y resuelve posibles dudas de los alumnos.
- 2. Se divide la clase en grupos por un tiempo prefijado. Este tiempo inicialmente será de 5 minutos. El profesor avisará si el tiempo para resolver un ejercicio concreto es distinto al señalado
- 3. Dentro de cada uno de los grupos, el coordinador compartirá pantalla y entre todos resolverán el ejercicio de manera colaborativa. El profesor o algún asistente ingresará a los grupos de trabajo para apoyar y aclarar dudas.
- 4. Al finalizar el tiempo para la ejecución del ejercicio se regresará a la sala principal.
- 5. Uno de los grupos será seleccionado para que su coordinador comparta su pantalla y presente la resolución del ejercicio.
- 6. Los participantes pueden intervenir para ayudar en la solución del problema, como también para aclarar dudas que surjan.
  - NOTA: no hace falta anotar los comandos y respuestas de los ejercicios, tan solo tener clara la respuesta para poder presentarla.

# ¿Cómo conectarse al Cluster Leftraru-Guacolda?

Los ejercicios se deben ejecutar en el Custer Leftraru-Guacolda.

Para esto debe conectarse mediante protocolo *SSH* al Cluster con el nombre de usuario y contraseña entregado para este curso, o con su usuario y contraseña personal si ya tiene cuenta.

Desde una *Terminal* utilice el comando:

```
ssh $USERNAME@leftraru.nlhpc.cl
```

Se le solicitará su contraseña para autenticar su identidad y posteriormente podrá ver un mensaje similar a:

```
* MMMMMMMMMMMMMMy/-..`
* MMMMMMMMMMMMMMMy:--:-
  GUACOL DA

        MMMMMMMMMMMMMMMMMMy+`
        -/o-ss+ooos-/o/

        MMMMMMMMMMMMMMMMMM
        .....oso+/.....

        MMMMMMMMMMMMMMMMMMM
        ...../+so/+s/..../+/o:

                                    . OmMMMMMMMMMMM.
:::::dMMMMMMMMMMMMMM
                            hmmmunoosss+mmmmmmmmm

`/sNMmMy/osssoNmmmmmmmm

.:`+yNMMN+sssssyMmmmmmm

./+:.+ohM+ssssooNmmmmmmm
:+++/--o/sso+:-oMMMMMMMM
                      `--:osos+::-
                                 ./++++/-.-.:MMMMMMMM
M*KID*MMMMMMm+ssss/NMMNo---.
`/ Guacolda/
MMMMMMMMMMV/+oo/-sMMMMMMo
                       -:/:/+//:/+s
MMMd:yMMMMMN mMMMd`mMMMMMN. mMMMMi mMMh: ``.-:-..sMMMMmo-`.`sMMM
MMM- /mMMMMh -MMMMs `NMMMMMMMs -MMMMd /MMMMd//MMMMMo /MMMd: :yNy`hMMM
MMd /y.`oNMMo sMMMH: +MMMMMMMMH: yMMMMM+ +MMMMN`
                                `mMMdo..sNMMo -dMMMNdNMMMM
                          hMMMMy .+-`-odMMMMs -NMMMMMMMMNoy
NMMMM+ .ohNMMMMMMN` hMMMMMMd+.+N
MM: dMNs`.hM: mMMMN` dMMMMMMMm
Md -MMMMm: o`.MMMMy -MMMMMMMMM :dddmmm NMMMM+
M+ OMMMMMM0 :MMMM: ONdys++/sM- SMMMMMN mMMMM+ /MMMMMMMMMN. yMMMmy+.-sNMM
M/ yMMMMMMdohMMM- `::/osssmM/.dMMMMM/:mMMMMy -MMMMMMMd:`..-+ymMMMM
   Laboratorio Nacional de Computacion de Alto Rendimiento (NLHPC)
Centro de Modelamiento Matematico (CMM)
Universidad de Chile
```

Si necesita más información para conectarse exitosamente, puede consultar al presentador del curso o visitar nuestro Tutorial de acceso a Leftraru vía SSH.

# Ejemplo de Script básico

Los siguientes ejercicios requerirán que los usuarios puedan lanzar tareas al Gestor de Tareas, y que los usuarios puedan crear sus propios *scripts*.

El presente ejemplo, es un script básico para tomar a modo de referencia, el cual podrán copiar de ser necesario para ejecutar de manera exitosa los ejercicios que se verán durante la presentación.

### Script

Cuando se quiera editar un script, se puede utilizar un editor como **VIM**, **Nano** o su preferido.

El contenido del script debe ser similar como el siguiente ejemplo:

```
#!/bin/bash
#SBATCH -J ejemplo
#SBATCH -p slims
#SBATCH -n 1
#SBATCH -c 1
#SBATCH -o archivo_%j.out
#SBATCH -e archivo_%j.err
#SBATCH --mail-user=foo@example.com
#SBATCH --mail-type=ALL
sleep 10
```

# Ejecución de Script

Una vez que haya editado su script, deberá lanzarlo, reemplazando *test.sh* por el nombre de su propio script:

```
# sbatch test.sh
```

Una vez enviado a la cola de ejecución, se obtendrá un mensaje similar a:

```
Submitted batch job 24232120
```

A continuación se presentan los ejercicios que se realizarán durante la presentación.

# **Ejercicio 1**

- 1. Descarga el siguiente código OpenMP: <u>pi\_omp.c</u> en tu directorio de trabajo.
- 2. Compile el código con el comando icc pi\_omp.c -o pi\_omp -qopenmp
- 3. Crea un script de ejecución para lanzarlo con sbatch, con las siguientes consideraciones:
  - La partición a lanzar es slims.
  - Ejecute 1 proceso.
  - Esta tarea debe tener 20 cpu asignadas.
  - Cada CPU requiere 2300MB de memoria RAM.
  - El binario a ejecutar es pi\_openmp.
- 4. Ejecuta el script en el gestor de tareas y observa el archivo de salida.
- 5. Repite el ejercicio variando el número de cpu asignadas ¿qué diferencia es posible ver?

# Objetivo

- Compilar el código OpenMP.
- Ejecutarlo mediante Slurm.
- Variar parámetros en la tarea Slurm para verificar y comparar el comportamiento.

# Solución

#### Punto 1

Podemos descargar el código fuente vía web, y desde consola podemos ejecutar:

```
curl -o pi_omp.c
https://raw.githubusercontent.com/nlhpc-training/Curso-Avanzado/master/sou
rce/pi_omp.c
```

#### Punto 2

Para compilar el código descargado, ejecutaremos:

```
icc pi_omp.c -o pi_omp -qopenmp
```

El archivo binario para ejecutar es **pi\_omp**.

#### Punto 3

Este es el script de Slurm que utilizaremos:

```
#!/bin/bash
##------SLURM Parameters - NLHPC -----
#SBATCH -J ejercicio1
#SBATCH -p slims
#SBATCH -n 1
#SBATCH -c 20
#SBATCH --mem-per-cpu=2300
#SBATCH --mail-user=foo@bar.com
#SBATCH --mail-type=ALL
#SBATCH -e ejercicio1_%j.out
#SBATCH -e ejercicio1_%j.err
./pi_omp
```

Una vez editado nuestro script, lo guardaremos con el nombre **job\_script.sh** y lo ejecutaremos con:

```
sbatch job_script.sh
```

Si verificamos la salida en el archivo **ejercicio1\_23903272.out** o equivalente, obtendremos un mensaje similar a:

```
Hay 20 hilos en ejecución
```

#### Punto 5

Si editamos nuestro script y modificamos el parámetro **-c 10** obtendremos un resultado similar a:

```
Hay 10 hilos en ejecución
```

Se puede observar que el tiempo se duplica al disminuir a la mitad el número de recursos.

Y si editamos nuestro script y modificamos el parámetro **-c 5** obtendremos un resultado similar a:

```
Hay 5 hilos en ejecución
```

Pi es aproximadamente 3.1415926535898193, el error cometido es 0.00000000000000262 Tiempo de ejecución: 5.535774 segundos

Se puede observar que el tiempo se vuelve a duplicar al disminuir a la mitad el número de recursos.

- 1. Descarga el siguiente código MPI: pi mpi.c en tu directorio de trabajo.
- 2. Compile mediante el comando mpiicc pi\_mpi.c -o pi\_mpi
- 3. Crea un script de ejecución para lanzarlo con sbatch, con las siguientes consideraciones:
  - La partición a lanzar es slims.
  - Ejecuta 20 procesos.
  - Deben entrar 10 procesos por cada nodo.
  - Supón que cada CPU requiere 2300MB de memoria RAM.
  - El binario a ejecutar es pi\_mpi.
- 4. Ejecuta el script en el gestor de tareas y observa el archivo de salida.
- 5. Cambia el número de procesos ¿qué diferencias puedes notar?

### Objetivo

- Compilar el código MPI.
- Ejecutarlo mediante Slurm.
- Variar parámetros en la tarea Slurm para verificar y comparar el comportamiento.

### Solución

### Punto 1

Podemos descargar el código desde la Web o desde la línea de comando con:

```
curl -o pi_mpi.c
https://raw.githubusercontent.com/nlhpc-training/Curso-Avanzado/mast
er/source/pi_mpi.c
```

### Punto 2

Para la compilación utilizaremos el comando:

```
mpiicc pi mpi.c -o pi mpi
```

Esto dejará un archivo ejecutable llamado **pi\_mpi**.

### Punto 3

El script para ejecutar el binario mediante el gestor de tareas queda de la siguiente manera:

```
#!/bin/bash
##-----SLURM Parameters - NLHPC ------
#SBATCH -J ejercicio2
#SBATCH -p slims
```

```
#SBATCH -n 20

#SBATCH --ntasks-per-node=10

#SBATCH --mem-per-cpu=2300

#SBATCH --mail-user=foo@bar.com

#SBATCH --mail-type=ALL

#SBATCH -o ejercicio2_%j.out

#SBATCH -e ejercicio2_%j.err

srun pi_mpi
```

Una vez editado, guardaremos nuestro script con el nombre **ejercicio2.sh**, y lo ejecutaremos con:

```
sbatch ejercicio2.sh
```

Y en el archivo de salida obtendremos un mensaje similar a:

```
Hay 20 procesos en ejecución
```

Pi es aproximadamente 3.1415926535897980, el error cometido es 0.0000000000000049

Tiempo de ejecución: 2.734245 segundos

### Punto 5

Si editamos nuestro archivo **ejercicio2.sh**, y cambiamos el número de procesos (parámetro **-n**), veremos variaciones en el tiempo de ejecución, el valor de Pi y el valor del error cometido.

Por ejemplo, con 10 procesos (**-n 10**) obtenemos:

```
Hay 10 procesos en ejecución
```

Pi es aproximadamente 3.1415926535898278, el error cometido es 0.0000000000000346

Tiempo de ejecución: 5.433985 segundos

- 1. Descarga el siguiente código MPI\_OpenMP híbrido: <a href="hello hybrid.c">hello hybrid.c</a> en tu directorio de trabajo.
- 2. Compila utilizando el comando mpiico hello\_hybrid.c -o hello\_hybrid -qopenmp
- 3. Crea un script de ejecución para lanzarlo con sbatch, con las siguientes consideraciones:
  - La partición a lanzar es slims.
  - Ejecuta 2 procesos.
  - Cada proceso debe de tener 20 CPU asignadas.
  - o Cada CPU requerirá 2300MB de memoria RAM.
  - El binario a ejecutar es hello\_hybrid
- 4. Ejecuta el script en el gestor de tareas y observa el archivo de salida.

# Objetivo

- Compilar el código híbrido (mpi/openmp)
- Lanzarlo mediante Slurm
- Identificar cómo se ejecuta entre distintos hilos y distintos nodos.

#### Solución

#### Punto 1

Descargamos el código desde la Web o desde la consola con el comando:

#### wget

```
https://raw.githubusercontent.com/nlhpc-training/Curso-Avanzado/master/source/hello_hybrid.c
```

### Punto 2

Para compilar el código ejecutaremos el siguiente código:

```
mpiicc hello hybrid.c -o hello hybrid -qopenmp
```

El binario que podremos ejecutar se llama **hello\_hybrid**.

### Punto 3

```
Utilizaremos el siguiente script con el gestor de tareas:
#!/bin/bash
##-----SLURM Parameters - NLHPC ------
#SBATCH -J ejercicio3
#SBATCH -p slims
#SBATCH -n 2
#SBATCH -c 20
```

```
#SBATCH --mem-per-cpu=2300
#SBATCH --mail-user=foo@bar.com
#SBATCH --mail-type=ALL
#SBATCH -o ejercicio3_%j.out
#SBATCH -e ejercicio3_%j.err
srun hello hybrid
```

Grabamos nuestro archivo con el nombre **ejercicio4.sh** y ejecutaremos nuestra tarea con el comando:

```
sbatch ejercicio4.sh
```

Si verificamos el archivo de salida, veremos un resultado similar a:

```
Hello from thread 6 out of 20 from process 0 out of 2 on cn007 Hello from thread 11 out of 20 from process 0 out of 2 on cn007 Hello from thread 5 out of 20 from process 0 out of 2 on cn007 Hello from thread 18 out of 20 from process 0 out of 2 on cn007 ...

Hello from thread 13 out of 20 from process 1 out of 2 on cn016 Hello from thread 9 out of 20 from process 1 out of 2 on cn016 Hello from thread 5 out of 20 from process 1 out of 2 on cn016 Hello from thread 12 out of 20 from process 1 out of 2 on cn016
```

- 1. Descarga el siguiente código: <u>average.pv</u> en tu directorio de trabajo.
- 2. Crea un script de ejecución para lanzarlo con sbatch, con las siguientes consideraciones:
  - La partición a lanzar es slims.
  - Ejecuta un proceso.
  - Este proceso debe tener asignados 2 CPU.
  - o Cada CPU requiere 2300MB de memoria RAM.
  - Utiliza una versión reciente de Python.
  - La dimensión del arreglo es de 100 y deben entrar de a 10 simultáneos
- 3. ¿Qué has obtenido al ejecutar la tarea?

# Objetivo

- Descargar script de Python
- Ejecutarlo mediante el gestor Slurm
  - Utilizar *Arreglos* de tareas
- Identificación de archivos de salidas en otras carpetas

#### Solución

# Punto 1

Descargamos el código desde la Web o con el siguiente comando:

```
wget
https://raw.githubusercontent.com/ialab-puc/cluster/master/doc/samples/array/avera
ge.py
```

#### Punto 2

Hemos descargado un código Python por lo que utilizaremos el siguiente script para ejecutarlo mediante el gestor de tareas:

```
#!/bin/bash
##------SLURM Parameters - NLHPC ------
#SBATCH -J ejercicio4
#SBATCH -p slims
#SBATCH -n 1
#SBATCH -c 2
#SBATCH --mem-per-cpu=2300
#SBATCH --mail-user=foo@bar.com
#SBATCH --mail-type=ALL
#SBATCH --array=1-100%10
#SBATCH -o out/ejercicio4_%A_%a.out
#SBATCH -e out/ejercicio4_%A_%a.err
```

```
ml Python/3.8.2
python average.py $SLURM_ARRAY_TASK_ID
```

Antes de ejecutar la tarea crearemos la carpeta **out** indicada en los parámetros **-o** y **-e** donde serán almacenados los archivos de salida.

mkdir out

#### Punto 3

Ejecutamos nuestro script con:

```
sbatch ejercicio4.sh
```

Y una vez finalizado, podemos ver en la carpeta **out** varios archivos de salida asociado al arreglo de tareas ejecutadas.

```
cd out
```

```
ls -1
```

```
-rw-r--r-- 1 foo users 0 abr 22 12:51 ejercicio4_23903375_1.err
-rw-r--r-- 1 foo users 9 abr 22 12:51 ejercicio4_23903375_1.out
-rw-r--r-- 1 foo users 0 abr 22 12:51 ejercicio4_23903375_2.err
-rw-r--r-- 1 foo users 9 abr 22 12:51 ejercicio4_23903375_2.out
-rw-r--r-- 1 foo users 0 abr 22 12:51 ejercicio4_23903375_3.err
-rw-r--r-- 1 foo users 9 abr 22 12:51 ejercicio4_23903375_3.out
-rw-r--r-- 1 foo users 0 abr 22 12:51 ejercicio4_23903375_4.err
-rw-r--r-- 1 foo users 9 abr 22 12:51 ejercicio4_23903375_4.out
-rw-r--r-- 1 foo users 9 abr 22 12:51 ejercicio4_23903375_5.err
-rw-r--r-- 1 foo users 9 abr 22 12:51 ejercicio4_23903375_5.err
```

Y el contenido de los archivos de salida será similar a:

```
cat *.out
50003.35
50069.46
50166.41
50055.29
50059.69
50016.59
49969.48
```

- 1. Descarga los siguientes archivos en tu directorio de trabajo: <u>mulBy2.cu</u> y <u>Makefile</u>
- 2. Teniendo en cuenta que es un código en Cuda y que tenemos un Makefile, mediante el comando make compila el código en tu directorio de trabajo
- 3. Crea un script de ejecución para lanzarlo con sbatch, con las siguientes consideraciones:
  - La partición a lanzar es gpus.
  - Ejecuta 1 proceso.
  - o Cada proceso debe de tener 1 CPU.
  - o Cada CPU requiere 2300MB de memoria RAM.
  - El binario a ejecutar es mulBy2
- 4. ¿Qué obtienes al ejecutar el script?

# Objetivo

- Compilar utilizando las librerías compatibles con CUDA
- Generar un script que permita ejecutarlo en el cluster en la partición GPUS
- Verificar el resultado obtenido

### Solución

#### Punto 1

Descargamos los archivos desde la Web o con los siguientes comandos:

```
wget
https://raw.githubusercontent.com/nlhpc-training/Curso-Avanzado/master/source/mulB
y2.cu
wget
https://raw.githubusercontent.com/nlhpc-training/Curso-Avanzado/master/source/Make
file
```

#### Punto 2

Al ser este un archivo **CUDA** para compilarlo necesitaremos ejecutar lo siguiente en la carpeta contenedora de los archivos descargados en el punto anterior:

```
ml fosscuda make
```

Esto cargará las librerías necesarias y generará el binario llamado **mulBy2**. Este binario es el que deberemos ejecutar mediante SLURM.

Ejecutaremos nuestro binario en la partición gpus:

```
#!/bin/bash
##-----SLURM Parameters - NLHPC -----
#SBATCH -J ejercicio5
#SBATCH -p gpus
#SBATCH -n 1
#SBATCH --gres=gpu:1
#SBATCH -c 1
#SBATCH --mem-per-cpu=2300
#SBATCH --mail-user=foo@bar.com
#SBATCH --mail-type=ALL
#SBATCH -o ejercicio5_%j.out
#SBATCH -e ejercicio5_%j.err
ml purge
ml fosscuda/2019b
./mulBy2
Y para ejecutarlo lo lanzaremos con:
sbatch ejercicio5.sh
Punto 4
```

El resultado obtenido corresponde a múltiplos del número 2.

### **Enlaces de Interés**

Puedes leer más información en la Wiki del NLHPC como también utilizar nuestro Generador Scripts - NLHPC para facilitarte con la edición de los *scripts de Slurm* y sus distintos parámetros.