Weka[22] REPTree 源代码分析

作者: Koala++/屈伟

如果你分析完了ID3,还想进一步学习,最好还是先学习REPTree,它没有牵扯到那么多类,两个类完成了全部的工作,看起来比较清楚,J48虽然有很强的可扩展性,但是初看起来还是有些费力,REPTree也是我卖算法时(为了买一台运算能力强一点的计算机,我也不得不赚钱),顺便分析的,但因为我以前介绍过J48了,重复的东西不想再次介绍了,如果有什么不明白的,就把我两篇写的结合起来看吧。

我们再次从buildClassifier开始。

```
Random random = new Random(m Seed);

m zeroR = null;
if (data.numAttributes() == 1) {
    m zeroR = new ZeroR();
    m zeroR.buildClassifier(data);
    return;
}
```

如果就只有一个属性,也就是类别属性,就用 ZeroR 分类器学习,ZeroR 分类器返回训练集中出现最多的类别值,已经讲过了 Weka 开发[15]。

```
// Randomize and stratify
data.randomize(random);
if (data.classAttribute().isNominal()) {
   data.stratify(m NumFolds);
}
```

randomize 就是把 data 中的数据重排一下,如果类别属性是离散值,那么用 stratify 函数,stratify 意思是分层,现在把这个函数列出来:

```
public void stratify(int numFolds) {
   if (classAttribute().isNominal()) {
       // sort by class
       int index = 1;
       while (index < numInstances()) {</pre>
           Instance instance1 = instance(index - 1);
           for (int j = index; j < numInstances(); j++) {</pre>
              Instance instance2 = instance(j);
              if ((instance1.classValue() == instance2.classValue())
                      || (instance1.classIsMissing() && instance2
                                 .classIsMissing())) {
                  swap(index, j);
                  index++;
           }
           index++;
       stratStep(numFolds);
```

上面这两重循环,就是根据类别值进行冒泡。下面有调用了 stratStep 函数:

```
protected void stratStep(int numFolds) {

   FastVector newVec = new FastVector(m Instances.capacity());
   int start = 0, j;
```

```
// create stratified batch
while (newVec.size() < numInstances()) {
    j = start;
    while (j < numInstances()) {
        newVec.addElement(instance(j));
        j = j + numFolds;
    }
    start++;
}
m Instances = newVec;
}</pre>
```

这里我举一个例子说明: j=0 时,numFolds 为 10 时,newVec 加入的 instance 下标就为 0,10,20...。这样的好处就是我们把各种类别的样本类似平均分布了。

```
// Split data into training and pruning set
Instances train = null;
Instances prune = null;
if (!m NoPruning) {
    train = data.trainCV(m NumFolds, 0, random);
    prune = data.testCV(m NumFolds, 0);
} else {
    train = data;
}
```

关于 trainCV 这个就不讲了,就是 crossValidation 的第 0 个训练集作为这次的训练集(train)。 而作为剪枝的数据集 prune 为第 0 个测试集。

```
// Create array of sorted indices and weights
int[][] sortedIndices = new int[train.numAttributes()][0];
double[][] weights = new double[train.numAttributes()][0];
double[] vals = new double[train.numInstances()];
for (int j = 0; j < train.numAttributes(); j++) {</pre>
   if (j != train.classIndex()) {
       weights[j] = new double[train.numInstances()];
       if (train.attribute(j).isNominal()) {
           // Handling nominal attributes. Putting indices of
           // instances with missing values at the end.
           sortedIndices[j] = new int[train.numInstances()];
          int count = 0;
           for (int i = 0; i < train.numInstances(); i++) {</pre>
              Instance inst = train.instance(i);
              if (!inst.isMissing(j)) {
                  sortedIndices[j][count] = i;
                  weights[j][count] = inst.weight();
                  count++;
           }
           for (int i = 0; i < train.numInstances(); i++) {</pre>
              Instance inst = train.instance(i);
              if (inst.isMissing(j)) {
                  sortedIndices[j][count] = i;
                  weights[j][count] = inst.weight();
                  count++;
           }
       } else {
          // Sorted indices are computed for numeric attributes
```

sortedIndices 表示第 j 属性的第 count 个样本下标是多少,weights 表示第 j 个属性第 count 个样本的权重,如果 j 属性是离散值,通过两个 for 循环,在 sortedIndices 和 weights 中在 j 属性上是缺失值的样本就排在了后面。如果是连续值,那么就把全部样本 j 属性值得到,再排序,最后记录权重。

```
// Compute initial class counts
double[] classProbs = new double[train.numClasses()];
double totalWeight = 0, totalSumSquared = 0;
for (int i = 0; i < train.numInstances(); i++) {</pre>
   Instance inst = train.instance(i);
   if (data.classAttribute().isNominal()) {
       classProbs[(int) inst.classValue()] += inst.weight();
       totalWeight += inst.weight();
   } else {
       classProbs[0] += inst.classValue() * inst.weight();
       totalSumSquared += inst.classValue() * inst.classValue()
              * inst.weight();
       totalWeight += inst.weight();
m Tree = new Tree();
double trainVariance = 0;
if (data.classAttribute().isNumeric()) {
   trainVariance = m Tree.singleVariance(classProbs[0],
          totalSumSquared, totalWeight) / totalWeight;
   classProbs[0] /= totalWeight;
```

计算初始化类别概率,如果类别是离散值,classProbs 中记录的是属性类别inst.classValue()的样本权重之和,totalWeight 是全部样本权重和。如果类别是连续值,classProbs[0]中是权重乘以类别值,它还有一个totalSumSquared 是类别值平方乘以权重之和。

m_Tree 是一个 Tree 对象,如果是连续值类别,用 m_Tree 的成员函数来计算 trainVariance 这个带权重的方差,最后 classProbs[0]相当于期望。

```
if (data.classIndex() == 0) {
    helpIndex = 1;
}
if (sortedIndices[helpIndex].length == 0) {
    if (data.classAttribute().isNumeric()) {
        m Distribution = new double[2];
    } else {
        m Distribution = new double[data.numClasses()];
    }
    m ClassProbs = null;
    return;
}
```

m_Info 保存的是数据集的表头结构,m_HoldOutDist 后面会讲到,是用于剪枝的。这面这个有点意思,helpIndex 在类别 index 不是 0 的情况下是 1,否则是 0,因为 sortedIndices 中没有类别列。初始化 m_Distribution,如果是连续值,数组长度是 2,第一个保存方差,后面是样本总权重。离散值不会说,当然是类别值个数。

这个就非常简单了,如果类别是连续值。再说一下,这里 helpIndex 无所谓,只要不是类别 index 就好。totalSum 是类别值与样本权重的乘积和,totalSumSquared 是类别值平方乘样本权重和,totalSumOfWeights 是权重和。这里还是说一下,singleVariance 就是变换后的期望计算公式。

```
// Check if node doesn't contain enough instances, is pure
// or the maximum tree depth is reached
m ClassProbs = new double[classProbs.length];
System.arraycopy(classProbs, 0, m ClassProbs, 0, classProbs.length);
if ((totalWeight < (2 * minNum))</pre>
       II
       // Nominal case
       (data.classAttribute().isNominal() && Utils.eq(
              m ClassProbs[Utils.maxIndex(m ClassProbs)], Utils
                     .sum(m ClassProbs)))
       II
       // Numeric case
       (data.classAttribute().isNumeric() && ((priorVar / totalWeight)
            < minVariance))
       \prod
       // Check tree depth
       ((m MaxDepth >= 0) && (depth >= maxDepth))) {
```

```
// Make leaf
m Attribute = -1;
if (data.classAttribute().isNominal()) {

    // Nominal case
    m Distribution = new double[m ClassProbs.length];
    for (int i = 0; i < m ClassProbs.length; i++) {
        m Distribution[i] = m ClassProbs[i];
    }
    Utils.normalize(m ClassProbs);
} else {

    // Numeric case
    m Distribution = new double[2];
    m Distribution[0] = priorVar;
    m Distribution[1] = totalWeight;
}
return;
}</pre>
```

先看一下不会再分裂的情况,第一种,总样本权重还不到最小分裂样本数的 2 倍(因为至少要分出来两个子结点嘛),第二种,类别是离散值的情况下,如果样本都属于一个类别(以前讲过为什么)。第三种,类别是连续值的情况下,如果方差小于一个最小方差,最小方差是由一个定义的常数与总方差的积。最后一种如果超过了定义的树的深度。

如果是离散值,就将 m_ClassProbs 数组中的内容复制到 m_Distribution 中,再进行规范化,如果是连续值,把方差和总权重保存。

```
// Compute class distributions and value of splitting
// criterion for each attribute
double[] vals = new double[data.numAttributes()];
double[][][] dists = new double[data.numAttributes()][0][0];
double[][] props = new double[data.numAttributes()][0];
double[][] totalSubsetWeights = new double[data.numAttributes()][0];
double[] splits = new double[data.numAttributes()];
if (data.classAttribute().isNominal()) {
   // Nominal case
   for (int i = 0; i < data.numAttributes(); i++) {</pre>
       if (i != data.classIndex()) {
           splits[i] = distribution(props, dists, i,
                  sortedIndices[i], weights[i],
                 totalSubsetWeights, data);
          vals[i] = gain(dists[i], priorVal(dists[i]));
   }
} else {
   // Numeric case
   for (int i = 0; i < data.numAttributes(); i++) {</pre>
       if (i != data.classIndex()) {
           splits[i] = numericDistribution(props, dists, i,
                  sortedIndices[i], weights[i],
                  totalSubsetWeights, data, vals);
```

这里出现了一下 ditribution 函数,也是非常长,但是又很重要,所以我还是先介绍它:

```
double splitPoint = Double.NaN;
Attribute attribute = data.attribute(att);
double[][] dist = null;
int i;

if (attribute.isNominal()) {

    // For nominal attributes
    dist = new double[attribute.numValues()][data.numClasses()];
    for (i = 0; i < sortedIndices.length; i++) {
        Instance inst = data.instance(sortedIndices[i]);
        if (inst.isMissing(att)) {
            break;
        }
        dist[(int) inst.value(att)][(int) inst.classValue()] +=
            weights[i];
    }
}</pre>
```

先讲一下离散值的情况,实现与 j48 包下面的 Distribution 非常相似, dist 第一维是属性值,第二维是类别值,元素值是样本权重累加值。

```
else {
   // For numeric attributes
   double[][] currDist = new double[2][data.numClasses()];
   dist = new double[2][data.numClasses()];
   // Move all instances into second subset
   for (int j = 0; j < sortedIndices.length; j++) {</pre>
       Instance inst = data.instance(sortedIndices[j]);
       if (inst.isMissing(att)) {
          break;
       currDist[1][(int) inst.classValue()] += weights[j];
   double priorVal = priorVal(currDist);
   System.arraycopy(currDist[1], 0, dist[1], 0, dist[1].length);
   // Try all possible split points
   double currSplit = data.instance(sortedIndices[0]).value(att);
   double currVal, bestVal = -Double.MAX VALUE;
   for (i = 0; i < sortedIndices.length; i++) {</pre>
       Instance inst = data.instance(sortedIndices[i]);
       if (inst.isMissing(att)) {
          break;
       if (inst.value(att) > currSplit) {
          currVal = gain(currDist, priorVal);
          if (currVal > bestVal) {
              bestVal = currVal;
              splitPoint = (inst.value(att) + currSplit) / 2.0;
              for (int j = 0; j < currDist.length; j++) {</pre>
                 System.arraycopy(currDist[j], 0, dist[j], 0,
                        dist[j].length);
          }
       currSplit = inst.value(att);
       currDist[0][(int) inst.classValue()] += weights[i];
```

```
currDist[1][(int) inst.classValue()] -= weights[i];
}
```

不想讲了,和 J48 也是一样,先把样本存在后一子结点中 currDist[1],然后依次试属性值,找到一个最好看分裂点。

```
// Compute weights
props[att] = new double[dist.length];
for (int k = 0; k < props[att].length; k++) {
    props[att][k] = Utils.sum(dist[k]);
}
if (!(Utils.sum(props[att]) > 0)) {
    for (int k = 0; k < props[att].length; k++) {
        props[att][k] = 1.0 / (double) props[att].length;
    }
} else {
    Utils.normalize(props[att]);
}</pre>
```

props 中保存的就是第 att 个属性的第 k 个属性值的样本权重之和。如果这个值不太于 0,就给它赋值为 1 除以这个属性的全部可能取值。否则规范化。

i 这里初始是有确定属性值与缺失值的分界下标值,开始一时头晕还没看出来,调试才看出来。如果有缺失值,就用每一个属性值都加上相应的权重来代替。在 att 属性上分裂,那种子结点的权重和为 dist 在 j 这种属性取值上的和。最后把 dist 赋值给 dists[att],返回分裂点。

现在再跳回到 buildTree 函数,接着讲 gain 函数就是计算信息增益,不讲了。numericDistribution 还是这么长,而且也差不多,也就算了吧。

```
// Find best attribute
m Attribute = Utils.maxIndex(vals);
int numAttVals = dists[m Attribute].length;

// Check if there are at least two subsets with
// required minimum number of instances
int count = 0;
for (int i = 0; i < numAttVals; i++) {
   if (totalSubsetWeights[m Attribute][i] >= minNum) {
      count++;
   }
```

```
if (count > 1) {
    break;
}
```

vals 中信息增益值,m_Attribute 就是有最大信息增益值的属性下标,再下来看是否这个属性可以分出两个大于 minNum 样本数的子结点。

```
// Any useful split found?
if ((vals[m Attribute] > 0) && (count > 1)) {
   // Build subtrees
   m SplitPoint = splits[m Attribute];
   m Prop = props[m Attribute];
   int[][][] subsetIndices = new int[numAttVals][data
           .numAttributes()][0];
   double[][][] subsetWeights = new double[numAttVals][data
          .numAttributes()][0];
   splitData(subsetIndices, subsetWeights, m Attribute,
          m SplitPoint, sortedIndices, weights, data);
   m Successors = new Tree[numAttVals];
   for (int i = 0; i < numAttVals; i++) {</pre>
      m Successors[i] = new Tree();
       m Successors[i].buildTree(subsetIndices[i],
              subsetWeights[i], data,
              totalSubsetWeights[m Attribute][i],
              dists[m Attribute][i], header, minNum, minVariance,
              depth + 1, maxDepth);
} else {
   // Make leaf
   m Attribute = -1;
```

如果找到了可以分裂的属性,那我们就可以建立了树了,看起来乱七八糟很复杂的样子,其实如果你把上面讲的搞清楚了,这里和 ID3,J48 没有什么区别。如果不能分裂,就把 m Attribute 置 1,标记一下。

```
// Normalize class counts
if (data.classAttribute().isNominal()) {
    m Distribution = new double[m ClassProbs.length];
    for (int i = 0; i < m ClassProbs.length; i++) {
        m Distribution[i] = m ClassProbs[i];
    }
    Utils.normalize(m ClassProbs);
} else {
    m Distribution = new double[2];
    m Distribution[0] = priorVar;
    m Distribution[1] = totalWeight;
}</pre>
```

这个其实没什么好讲的,只是赋值到 m_Distribution,建树就已经讲完了。但是在buildClassifier 我们还剩下三行,是关于剪枝的,当时在介绍 J48 的时候,就没有讲,因为我不需要用那部分,当时也没怎么看。

```
// Insert pruning data and perform reduced error pruning
if (!m NoPruning) {
   m Tree.insertHoldOutSet(prune);
   m Tree.reducedErrorPrune();
   m_Tree.backfitHoldOutSet(prune);
```

}

如果非不剪枝,那么就是剪枝了,先看第一个被调用的函数:

prune 数据集中的每一个样本作为参数调用 insertHoldOutInstance,它也有点长,把它一部分一部分列出来:

```
// Insert instance into hold-out class distribution
if (inst.classAttribute().isNominal()) {
   // Nominal case
   m HoldOutDist[(int) inst.classValue()] += weight;
   int predictedClass = 0;
   if (m ClassProbs == null) {
      predictedClass = Utils.maxIndex(parent.m ClassProbs);
   } else {
       predictedClass = Utils.maxIndex(m ClassProbs);
   if (predictedClass != (int) inst.classValue()) {
       m HoldOutError += weight;
} else {
   // Numeric case
   m HoldOutDist[0] += weight;
   double diff = 0;
   if (m ClassProbs == null) {
       diff = parent.m ClassProbs[0] - inst.classValue();
   } else {
       diff = m ClassProbs[0] - inst.classValue();
   m HoldOutError += diff * diff * weight;
```

看一下离散的情况,如果是离散类别,看它预测出的类别是否与真实类别相同,如果不同,就把样本权重累加到 m_HoldOutError 上,其中==null 的情况应该是这个叶子结点上曾经分的时候就没样本。在连续类别时,是把预测值与真实值的差的平方乘权重加到 m_holdOutError 上,

m_Attribute 等于-1 时就是叶子结点,前面已经讲过了,如果是缺失值的情况,又是把所有可能算一遍(前两天看论文,有一篇论文提到对缺失值的运行,在 C4.5 中占到了 80%的时间)。如果不是缺失值就递归。这个函数整体的含义就是计算父结点和子结点,为最后看分还是不分好做准备。

好了,看第二个函数:

```
protected double reducedErrorPrune() throws Exception {
    // Is node leaf ?
    if (m Attribute == -1) {
        return m HoldOutError;
    }

    // Prune all sub trees
    double errorTree = 0;
    for (int i = 0; i < m Successors.length; i++) {
        errorTree += m Successors[i].reducedErrorPrune();
    }

    // Replace sub tree with leaf if error doesn't get worse
    if (errorTree >= m HoldOutError) {
        m Attribute = -1;
        m Successors = null;
        return m HoldOutError;
    } else {
        return errorTree;
    }
}
```

如果开始就是叶子结点,太不可思议了,直接返回。接下来,这是一个递归,递归就在做一件事情,如果几个子结点的错误加起来比父结点还高,意思也就是说分裂比不分裂还要差,那么我们就把子结点剪去,也就是剪枝,在这里是剪叶子?剪枝的时候,设置 m_Attribute,然后把子结点置空,返回父结点的错误值。

最后一个函数:

```
}
}
```

backfitHoldOutInstance 不难,但是还有有点长,分开贴出来:

```
// Insert instance into hold-out class distribution
if (inst.classAttribute().isNominal()) {
   // Nominal case
   if (m ClassProbs == null) {
      m ClassProbs = new double[inst.numClasses()];
   System.arraycopy(m Distribution, 0, m ClassProbs, 0, inst
          .numClasses());
   m ClassProbs((int) inst.classValue()) += weight;
   Utils.normalize(m ClassProbs);
} else {
   // Numeric case
   if (m ClassProbs == null) {
      m ClassProbs = new double[1];
   m ClassProbs[0] *= m Distribution[1];
   m ClassProbs[0] += weight * inst.classValue();
   m ClassProbs[0] /= (m Distribution[1] + weight);
```

这个函数主要是把以前用训练集测出来的值,现在把剪枝集的样本信息也加进去。这些 以前也都讲过。

```
// The process is recursive
if (m Attribute != -1) {
   // If node is not a leaf
   if (inst.isMissing(m Attribute)) {
       // Distribute instance
       for (int i = 0; i < m Successors.length; i++) {</pre>
           if (m Prop[i] > 0) {
              m Successors[i].backfitHoldOutInstance(inst, weight
                      * m Prop[i], this);
   } else {
       if (m Info.attribute(m Attribute).isNominal()) {
           // Treat nominal attributes
           m Successors[(int) inst.value(m Attribute)]
                  .backfitHoldOutInstance(inst, weight, this);
       } else {
           // Treat numeric attributes
           if (inst.value(m Attribute) < m SplitPoint) {</pre>
              m Successors[0].backfitHoldOutInstance(inst,
                     weight, this);
           } else {
              m Successors[1].backfitHoldOutInstance(inst,
                     weight, this);
```

}

不想讲了,自己看吧,distributionForInstance 也不讲了,如果是一直看我的东西过来的,到现在还不明白,我也没话说了。