

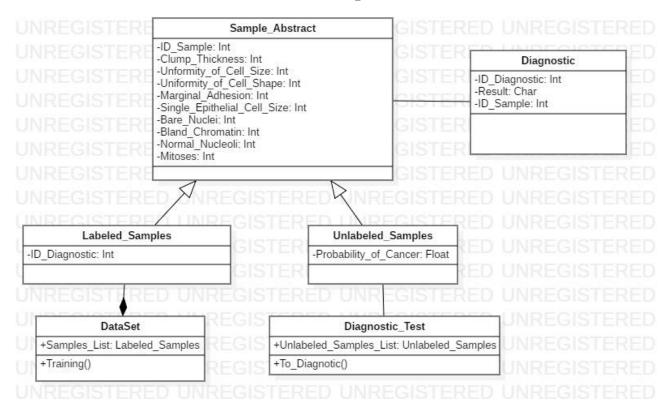
Nome: Murilo Guidetti Andrietta

Nome: Naomi Takemoto

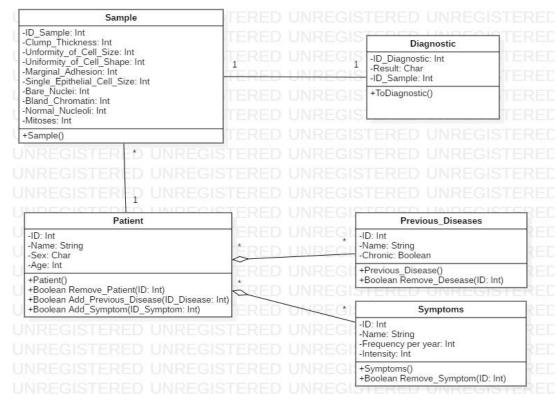
RA:147472

RA:184849

Modelo Conceitual Etapa 1



Modelo conceitual da etapa 2



Número de amostras Malígnas - 239/683 (35%)

Número de Amostras Benignas - 444/683 (65%)

Número de amostras malígnas que apresentam anomalias no tamanho e forma das células - 98/239 (41%)

Número de amostras malígnas que apresentam anomalias no núcleo - 70/239 (30%)

Número de amostras benignas que possuem baixo valor de anomalia na forma e tamanho da célula - 424/444 (95%)

Número de amostras que possuem baixo valor de anomalia no núcleo - 415/683 (61%)

Número de amostras malígnas que possuem média de todos os atributos maiores que 5 - 126/239 (52%)

Modelo Relacional: SQL

Detalhes - Consultas interessantes

Número de amostras malígnas

```
In [6]: DROP TABLE IF EXISTS AmostrasMalignas;
        CREATE VIEW AmostrasMalignas AS
        SELECT COUNT(*) Malignos
        FROM Sample s
        WHERE s.Id Diagnostic = 4;
        SELECT * FROM AmostrasMalignas;
```

Out[6]: 239

Número de Amostras Benígnas

```
In [7]: DROP TABLE IF EXISTS AmostrasBenignas;
        CREATE VIEW AmostrasBenignas AS
        SELECT COUNT(*) Benignos
        FROM Sample s
        WHERE s.Id Diagnostic = 2;
        SELECT * FROM AmostrasBenignas;
```

Out[7]: 444

Detalhes - Consultas interessantes

Número de amostras malígnas que apresentam anormalias no tamanho e forma das células.

```
In [8]: SELECT COUNT(*) M
FROM Sample, AmostrasMalignas
WHERE (Uniformity_of_Cell_Size >= 7) AND (Uniformity_of_Cell_Shape >= 7) AND (Sample.Id_Diagnos
tic = 4);
Out[8]: 98
```

Número de amostras malígnas que apresentam anormalias no núcleo.

```
In [9]: SELECT COUNT(*) M
FROM Sample, AmostrasMalignas
WHERE (Normal_Nucleoli >= 7) AND (Bare_Nuclei >= 7) AND (Sample.Id_Diagnostic = 4);
Out[9]: 70
```

Número de amostras benígnas que possuem baixo valor de anomalia na forma e tamanho da célula.

```
In [10]: SELECT COUNT(*) M
FROM Sample, AmostrasMalignas
WHERE (Uniformity_of_Cell_Size <= 3) AND (Uniformity_of_Cell_Shape <= 3) AND (Sample.Id_Diagnos
tic = 2);</pre>
Out[10]: 424
```

Detalhes - Consultas interessantes

Número de amostras que possuem baixo valor de anomalia no núcleo.

```
In [11]: SELECT COUNT(*) M
FROM Sample, AmostrasMalignas
WHERE (Normal_Nucleoli <= 3) AND (Bare_Nuclei <= 3) AND (Sample.Id_Diagnostic = 2);
Out[11]: 415</pre>
```

Número de amostras malígnas que possuem média de todos os atributos maiores que 5.

Out[12]: 126

Modelo Grafos: Cypher

Consultas: Algumas Estatísticas

Média dos atributos das amostras malígnas

```
match (s:Sample)-[h:Has]-(n)
match (s)-[h]-(d:Diagnostic)
where d.code = 4
return avg(n.code)
```

Média dos atributos das amostras benígnas

```
match (s:Sample)-[h:Has]-(n)
match (s)-[h]-(d:Diagnostic)
where d.code = 2
return avg(n.code)
```

4.0

Consultas: Algumas Estatísticas

Busca por atributos redundantes

```
match (m_a:Marginal_Adhesion)
match(m:Bare_Nuclei)
match(s1:Sample)
where (s1)-[:Has]->(m_a) and (s1)-[:Has]->(m_a) and m.code = m_a.code
return count(s1)
```

Modelo Lógico Adaptado para Cypher

- O modelo lógico consiste na descrição de nós e arestas
- Exemplos:
 - No: Sample(name, <u>code</u>)
 - Aresta: Sample -> Clump_Thickness

Neste modelo cada amostra (Sample) possui 11 atributos.

Essa relação é representada pelas arestas entre a amostra e o atributo.

Possível representação gráfica do modelo lógico

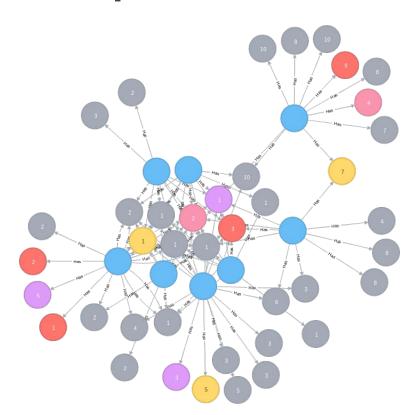




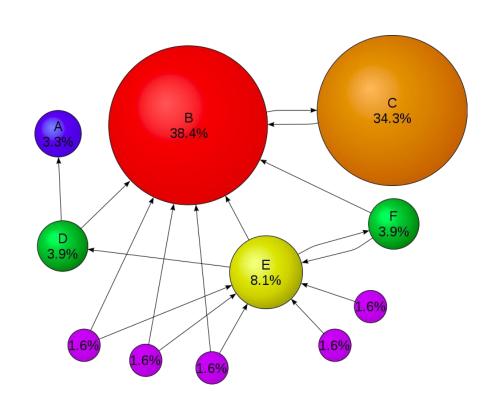




Para evitar repetição de nós



- Verifica, dentre outros fatores, quais são os nós com mais links, este algoritmo é comum em rank de páginas por sites de pesquisa.
- Usado pelo Google para posicionar os websites pesquisados.
 - A métrica PageRank de uma página representa a probabilidade de uma pessoa chegar a essa página, clicando aleatoriamente em hiperligações



```
//Algoritmo Page Rank
CALL algo.pageRank.stream('Page', 'LINKS', {iterations:20, dampingFactor:0.85})
YIELD nodeId, score

RETURN algo.getNodeById(nodeId).name AS page,algo.getNodeById(nodeId).code AS code ,score
ORDER BY score DESC
```

page	code	score
"Mitoses"	1	6.721027
"Diagnostic"	2	5.242027
"Normal_Nucleoli"	1	5.145552
"Bare_Nuclei"	1	4.7444455
"Marginal_Adhesion"	1	4.6988769999999995
"Single_Epithelial_Cell_Size"	2	4.495302000000001
"Uniformity_of_Cell_Size"	1	4.407276
"Uniformity_of_Cell_Shape"	1	4.0917390000000005
"Diagnostic"	4	3.093788
"Bland_Chromatin"	2	2.034263
"Bland_Chromatin"	3	1.9970075

Consultas: Closeness Centrality

- A centralidade de proximidade de um nó mede sua distância média (distância inversa) a todos os outros nós.
- Uma alta pontuação de proximidade têm as menores distâncias para todos os outros nós

Consultas: Closeness Centrality

```
//The Closeness Centrality algorithm
CALL algo.closeness.stream('Node', 'LINK')
YIELD nodeId, centrality

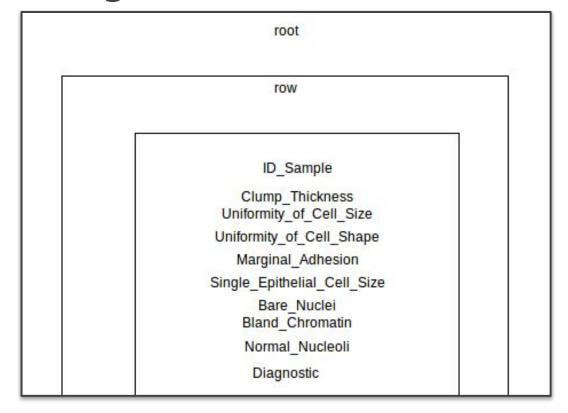
RETURN algo.getNodeById(nodeId).name AS name, algo.getNodeById(nodeId).code AS code, centrality
ORDER BY centrality DESC
LIMIT 20;
```

Consultas: Closeness Centrality

name	code	centrality
"Mitoses"	1	0.6923076923076923
"Normal_Nucleoli"	1	0.5555555555556
"Diagnostic"	2	0.5546995377503852
"Bare_Nuclei"	1	0.5263157894736842
"Marginal_Adhesion"	1	0.5247813411078717
"Single_Epithelial_Cell_Size"	2	0.5084745762711864
"Uniformity_of_Cell_Size"	1	0.5006954102920723
"Sample"	1299596	0.482897384305835
"Sample"	1171710	0.482897384305835
"Sample"	1198641	0.482897384305835
"Sample"	695091	0.4822505023442733
"Sample"	1168736	0.4816053511705686

Modelo Hierárquico: XML

Modelo Lógico XML



· Número de amostras benígnas

```
count(//row[Diagnostic=2])
```

Número de amostas malígnas com anomalias na uniformidade das células

```
count(//row[Uniformity_of_Cell_Size >= 7][Uniformity_of_Cell_Shape >= 7][Diagnostic=4]
```

Número de amostras malígnas com Normal Nucleloli maior que 7

```
count(//row[Normal_Nucleoli >= 7][Bare_Nuclei >= 7][Diagnostic=4])
```

· Número de amostras benígnas que possuem gray de uniformidade do formato da célula menor ou igual a 3

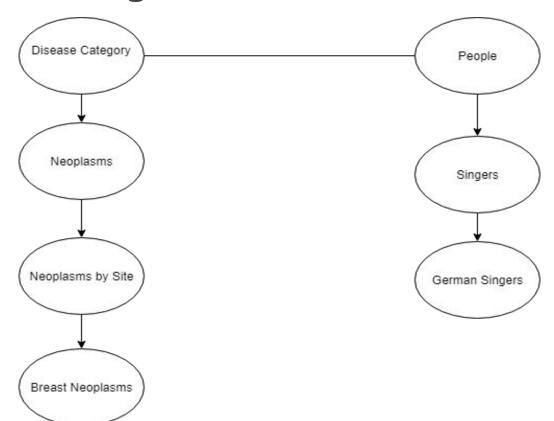
```
count(//row[Uniformity_of_Cell_Size <= 3][Uniformity_of_Cell_Shape <= 3][Diagnostic = 2])</pre>
```

Número de amostras benígnas com Normal Nucleoli e Bare Nuclei menores que 3

```
count(//row[Normal_Nucleoli <= 3][Bare_Nuclei <= 3][Diagnostic = 2])</pre>
```

Modelo Grafos: RDF/SPARQL

Modelo Lógico RDF/SPARQL



Conceitos Relacionados à Câncer de Mama - MESH

```
SELECT *
FROM <http://id.nlm.nih.gov/mesh>
WHERE {
?s ?p mesh:D001943
}
```

s	p
http://id.nlm.nih.gov/mesh/C112748	http://id.nlm.nih.gov/mesh/vocab#indexerConsiderAlso
http://id.nlm.nih.gov/mesh/C586693	http://id.nlm.nih.gov/mesh/vocab#indexerConsiderAlso
http://id.nlm.nih.gov/mesh/C482680	http://id.nlm.nih.gov/mesh/vocab#indexerConsiderAlso
http://id.nlm.nih.gov/mesh/C485206	http://id.nlm.nih.gov/mesh/vocab#indexerConsiderAlso
http://id.nlm.nih.gov/mesh/C485207	http://id.nlm.nih.gov/mesh/vocab#indexerConsiderAlso
http://id.nlm.nih.gov/mesh/C485776	http://id.nlm.nih.gov/mesh/vocab#indexerConsiderAlso
http://id.nlm.nih.gov/mesh/C580973	http://id.nlm.nih.gov/mesh/vocab#indexerConsiderAlso
http://id.nlm.nih.gov/mesh/C583729	http://id.nlm.nih.gov/mesh/vocab#indexerConsiderAlso
http://id.nlm.nih.gov/mesh/C059917	http://id.nlm.nih.gov/mesh/vocab#indexerConsiderAlso
http://id.nlm.nih.gov/mesh/C407785	http://id.nlm.nih.gov/mesh/vocab#indexerConsiderAlso

Principais institutos/organizações relacionados ao tema de câncer de mama

```
select ?search
where{
    ?search dct:subject dbc:Breast_cancer
}
```

person

http://dbpedia.org/resource/Clinical_Breast_Cancer

http://dbpedia.org/resource/Komen_Brinker_Award_for_Scientific_Distinction

http://dbpedia.org/resource/Male_breast_cancer

http://dbpedia.org/resource/Breast_cancer_management

http://dbpedia.org/resource/Breast_Cancer_Research_and_Treatment

http://dbpedia.org/resource/Abortion-breast_cancer_hypothesis

http://dbpedia.org/resource/Metastatic_breast_cancer

http://dbpedia.org/resource/Nottingham_Prognostic_Index

http://dbpedia.org/resource/Paget's_disease_of_the_breast

Pessoas que sobreviveram à doênça

```
select ?search
where{
    ?search dct:subject dbc:Breast_cancer_survivors .
}
```

search

http://dbpedia.org/resource/Hildegard Knef

http://dbpedia.org/resource/Olivia_Newton-John

http://dbpedia.org/resource/Sandra Day O'Connor

http://dbpedia.org/resource/Soong_Mei-ling

http://dbpedia.org/resource/Cheryl_Crane

http://dbpedia.org/resource/Drew_Gilpin_Faust

http://dbpedia.org/resource/Janet_Napolitano



Cantoras Alemãs que sobreviveram ao câncer de mama

```
select ?search
where{
    ?search dct:subject dbc:Breast_cancer_survivors .#search for survivors
    ?search dct:subject dbc:German_female_singers #among the survivors, who was a female German Singer
}
```

search

http://dbpedia.org/resource/Hildegard_Knef

```
Total: 1, Shown: 1
```

3

Pessoas que morreram de câncer de mama

```
select ?person
where{
    ?person dbo:deathCause dbr:Breast_cancer
}
```

person

http://dbpedia.org/resource/Ingrid_Bergman

http://dbpedia.org/resource/Bibi_Besch

http://dbpedia.org/resource/Jeanne Bates

http://dbpedia.org/resource/Roxie_Roker

http://dbpedia.org/resource/Laura_Ziskin

http://dbpedia.org/resource/Marcia_Strassman

http://dbpedia.org/resource/Norma Crane

Topico relacionado ao câncer de mama que foi causa de morte de alguma pessoa

Esta consulta retorna dois resultados, o primeiro é o tópico (Male Breast Cancer), que foi responsável pela morte de uma pessoa. Esta por sua vez era um assassino serial.

search	person
http://dbpedia.org/resource/Male_breast_cancer	http://dbpedia.org/resource/Joseph_Christopher

Total: 1, Shown: 1

4

Consultas Cypher

Sandbox

neo4j

GitHub



Referências

Repositório gitHub:

https://github.com/ntak1/404NotFound

Page Rank:

https://pt.wikipedia.org/wiki/PageRank