Tugas Mata Kuliah Manajemen dan Analisis Data dengan R

Final Exam

Dibuat untuk memenuhi Tugas Mata Kuliah Manajemen dan Analisis Data dengan R

Oleh:

Nurul Hidayah Chairunnisa

NPM: 131520220001

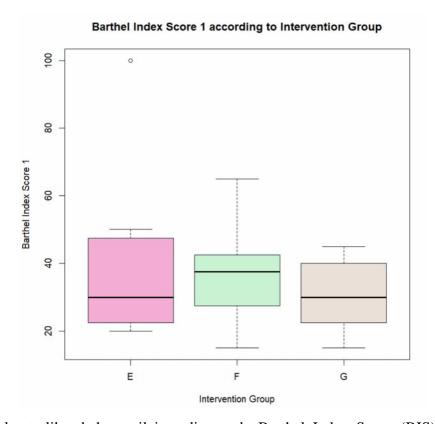


Program Studi Magister Epidemiologi Fakultas Kedokteran Universitas Padjadjaran 2023 Menganalisis perbedaan dari Functional Ability pada pekan pertama (Bart1) berdasarkan grup intervensi (Group) dengan visualisasi boxplot. Membuat grafik boxplot dan menginterpretasi dan menyimpulkan hasilnya.

Jawab:

boxplot(stroke\$Bart1~stroke\$Group,xlab = "Intervention Group", ylab = "Barthel Index Score 1", col = c("#F4AED6","#C9F3D3", "#EBE1D9"), main = "Barthel Index Score 1 according to Intervention Group")

Hasil:



Pada boxplot terlihat bahwa nilai median pada Barthel Index Score (BIS) di minggu pertama memiliki nilai lebih tinggi pada Grup F yaitu grup yang mendapatkan lengan program yang sudah diterapkan sebelumnya. Nilai minimum BIS pada grup E (grup yang mendapatkan intervensi program) lebih tinggi dibandingkan dengan grup F dan grup G (grup yang tidak mendapatkan intervensi). Nilai maksimum BIS tertinggi adalah pada grup F. Pada grup E terdapat outlier yang memiliki nilai BIS 100 pada minggu pertama, dan tidak didapatkan outlier pada grup lainnya. Kesimpulannya, grup dengan lengan program yang sudah ada sebelumnya memiliki nilai median tertinggi pada BIS minggu pertama, namun nilai secara keseluruhan lebih bervariasi karena range minimum dan maksimum yang lebih besar dibanding dengan kedua grup lainnya.

2. Mencek normalitas data dari Functional Ability pekan pertama (Bart1) dengan uji statistik yang sesuai dan menginterpretasikannya.

Jawab:

shapiro.test(stroke\$Bart1)

Hasil:

Shapiro-Wilk normality test

```
data: stroke$Bart1
W = 0.82449, p-value = 0.0007617
```

Uji normalitas data Shapiro-Wilk sebaiknya digunakan pada data yang memiliki ukuran sampel yang kecil (<50 sampel). Pada uji Shapiro-Wilk, hipotesis null-nya adalah "distribusi sampel adalah normal". Pada uji normalitas yang telah dilakukan, didapatkan bahwa hasil p-value <0,05 yang berarti hipotesis null ditolak, sehingga disimpulkan bahwa distribusi sampel data tersebut tidak normal.

3. Menghitung perubahan Functional Ability dari pekan pertama (Bart1) pekan terakhir (Bart8) dan membuatnya menjadi variable baru (Bart_diff).

Jawab:

```
stroke_wide <- stroke_wide %>%
mutate(Bart_diff=Week8-Week1) %>%
as.data.frame()
```

Hasil:

Week1	Week2	Week3	Week4	Week5	Week6	Week7	Week8	Bart_diff
45	45	45	45	80	80	80	90	45
20	25	25	25	30	35	30	50	30
50	50	55	70	70	75	90	90	40
25	25	35	40	60	60	70	80	55
100	100	100	100	100	100	100	100	0
20	20	30	50	50	60	85	95	75
30	35	35	40	50	60	75	85	55
30	35	45	50	55	65	65	70	40
40	55	60	70	80	85	90	90	50
65	65	70	70	80	80	80	80	15
30	30	40	45	65	85	85	85	55
25	35	35	35	40	45	45	45	20

Variabel baru (Bart_diff) telah berhasil ditambahkan pada dataset stroke_wide.

4. Mencek normalitas data dari perubahan Functional Ability (Bart_diff) dari pekan pertama (Bart1) sampai pekan terakhir (Bart8) dengan uji statistik yang sesuai dan menginterpretasikannya.

Jawab:

shapiro.test(stroke_wide\$Bart_diff)

Hasil:

Shapiro-Wilk normality test

```
data: stroke_wide$Bart_diff
W = 0.92817, p-value = 0.08875
```

Setelah dilakukan perhitungan perubahan Functional Ability (Bart_diff) dan kembali melakukan pengecekan dengan uji normalitas Shapiro-Wilk, didapatkan bahwa p-value >0,05. Sehingga hipotesis null diterima, yang berarti distribusi sampel pada data tersebut normal.

5. Mencek kesamaan variance dari perubahan Functional Ability (Bart_diff) antara grup intervensi (Group) dengan uji statistic yang sesuai dan menginterpretasikannya.

Jawab:

bartlett.test(Bart_diff ~ Group, stroke_wide)

Hasil:

```
Bartlett test of homogeneity of variances

data: Bart_diff by Group

Bartlett's K-squared = 0.39433, df = 2, p-value = 0.8211
```

Bartlett test digunakan untuk melihat apakah terdapat perbedaan pada varians atau homogenitas varians. Pada Bartlett test, hipotesis null-nya adalah "varians dari seluruh populasi adalah sama". Dari hasil tes yang sudah dilakukan, didapatkan bahwa nilai p-value >0,05 sehingga hipotesis null diterima. Hal ini berarti varians yang ada pada data tersebut adalah sama atau homogen.

6. Memplot mean dan 95% Confidence Interval dari nilai perubahan Functional Ability (Bart_diff) berdasarkan grup intervensi (Group) dalam 1 grafik.

Jawab:

a. Menghitung mean, lower CI dan upper CI

```
dt <- stroke_wide %>%
  dplyr::group_by(Group) %>%
  dplyr::summarise(
  mean = mean(Bart_diff),
  lci = t.test(Bart_diff, conf.level = 0.95)$conf.int[1],
  uci = t.test(Bart_diff, conf.level = 0.95)$conf.int[2])
```

•	Group [‡]	mean [‡]	lci [‡]	uci [‡]
1	E	42.500	24.21098	60.78902
2	F	27.500	12.67893	42.32107
3	G	26.875	8.32342	45.42658

b. Membuat plot

```
pl1 <- ggplot(data=dt)

pl1 <- pl1 + geom_line(aes(x = Group, y = mean), group = 1)

pl1 <- pl1 + geom_point(aes(x=Group, y=mean), color = "red")

pl1 <- pl1 + geom_errorbar(aes(x=Group, ymin=lci, ymax=uci), width = 0.4, color = "red", size = 1)

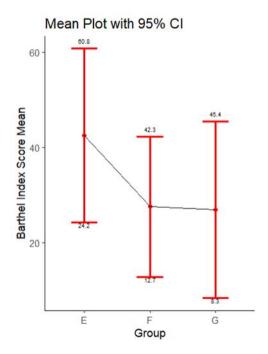
pl1 <- pl1 + geom_text(aes(x=Group, y=lci, label = round(lci,1)), size=2, vjust=1)

pl1 <- pl1 + geom_text(aes(x=Group, y=uci, label = round(uci,1)), size=2, vjust=-1)

pl1 <- pl1 + theme_classic()

pl1 <- pl1 + labs(title = "Mean Plot with 95% CI")

pl1 <- pl1 + labs(x = "Group", y = "Barthel Index Score Mean")
```



7. Melakukan uji anova untuk membandingkan rata-rata (mean) nilai perubahan Functional Ability (Bart_diff) antara 3 grup intervensi (Group) dan menginterpretasikannya.

Jawab:

Hasil:

Pada uji ANOVA, hipotesis null-nya adalah "rata-rata (mean) pada semua populasi adalah sama". Dari uji ANOVA yang telah dilakukan, terlihar bahwa p-value >0,05 yang artinya hipotesis null diterima. Sehingga disimpulkan bahwa rata-rata nilai perubahan Functional Ability pada 3 grup intervensi adalah sama.

8. Melakukan analisis model linear regresi dengan Functional Ability (Bartlet) sebagai outcome (y) dan explanatory variables meliputi: waktu(time/week), grup intervensi (group), dan interaksi waktu dan grup intervensi.

Jawab:

```
mlr1 <- lm(Ability ~ Time + Group + Time*Group, data = stroke_long)
summary(mlr1)</pre>
```

```
Hasil:
```

```
Call:
lm(formula = Ability ~ Time + Group + Time * Group, data = stroke_long)
Residuals:
   Min
            10 Median
                             3Q
                                    Max
-47.812 -13.560 -5.305 13.337 63.854
Coefficients:
           Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
                                5.165 6.16e-07 ***
(Intercept) 29.82143
                     5.77401
            6.32440
                       1.14342
                                5.531 1.07e-07 ***
Time
GroupF
            3.34821
                       8.16569
                                0.410
                                         0.6823
GroupG
           -0.02232
                       8.16569 -0.003
                                          0.9978
                       1.61705 -1.233
1.61705 -1.661
Time:GroupF -1.99405
                                         0.2191
Time:GroupG -2.68601
                                         0.0984 .
Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
Residual standard error: 20.96 on 186 degrees of freedom
Multiple R-squared: 0.2612, Adjusted R-squared: 0.2413
F-statistic: 13.15 on 5 and 186 DF, p-value: 5.695e-11
```

9. Melakukan ulang Langkah no 8 tanpa variable interaksi di dalam model.

Jawab:

```
mlr2 <- lm(Ability ~ Time + Group, data = stroke_long)
summary(mlr2)</pre>
```

Hasil:

```
lm(formula = Ability ~ Time + Group, data = stroke_long)
Residuals:
   Min
            10 Median
                            3Q
-49.332 -13.907 -4.532 15.043 58.394
Coefficients:
           Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
                        3.9712 9.277 < 2e-16 ***
(Intercept)
           36.8415
             4.7644
                        0.6619
                                7.198 1.42e-11 ***
Time
                        3.7147
                                -1.514 0.13164
GroupF
            -5.6250
                        3.7147 -3.260 0.00132 **
GroupG
           -12.1094
Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
Residual standard error: 21.01 on 188 degrees of freedom
Multiple R-squared: 0.2494,
                              Adjusted R-squared: 0.2374
F-statistic: 20.82 on 3 and 188 DF, p-value: 1.084e-11
```

10. Menghitung AIC model no 8 dan 9, serta menginterpretasikan perbandingan nilai AIC nya. Jawab:

```
models <- list(mlr1, mlr2)
mod.names <- c('ability.time.group.timegroup', 'ability.time.group')
aictab(cand.set = models, modnames = mod.names)</pre>
```

Hasil:

```
Model selection based on AICc:

K AICc Delta_AICc AICcWt Cum.Wt LL ability.time.group 5 1720.50 0.00 0.65 0.65 -855.09 ability.time.group.timegroup 7 1721.74 1.24 0.35 1.00 -853.56
```

Nilai AIC pada kedua grup terlihat pada kolom AICc. Huruf "c" kecil adalah indikasi bahwa AIC sudah dikalkulasi dari AIC yang dikoreksi pada jumlah sampel kecil. Model yang memiliki nilai AIC terendah selalu ditulis pertama. Pada hasil terlihat bahwa nilai AIC pada model "mlr2" lebih kecil dibandingkan dengan model "mlr1" yang terjadi pada saat interaksi antara time dan group dihilangkan. Sehingga dapat dikatakan bahwa model "mlr2" lebih 'fit' (best fitting model).

11. Model no 8 dan 9, manakah yang terbaik? Pilih salah satu kemudian interpretasikan hasil dari analisisnya dari model yang dipilih (hubungan antara variable explanatory dengan outcome)

Jawab:

Model yang lebih baik adalah model nomor 9 (mlr2) karena nilai AIC yang lebih kecil jika dibandingkan dengan model nomor 8 (mlr1). Sehingga dapat disimpulkan bahwa dengan tidak mengikutsertakan variabel interaksi antara Time dengan Group dapat membuat model tersebut lebih baik jika dibandingkan dengan model yang mengikutsertakan variabel interaksi.

12. Melakukan analisis mixed model (random intercept) menggunakan package nlme. Functional Ability (Bartlet) sebagai outcome (y) dan explanatory variables meliputi: waktu (time/week), grup intervensi (group), dan Random intercept.

```
Jawab:
```

Hasil:

```
Linear mixed-effects model fit by REML
  Data: stroke_long
 1467.559 1486.978 -727.7796
Random effects:
Formula: ~1 | Subject
        (Intercept) Residual
            20.1068 8.960882
Fixed effects: Ability ~ as.numeric(Time) + as.factor(Group)
                       Value Std.Error DF
                                              t-value p-value
                  36.84152 7.307749 167 5.041432 0.0000
(Intercept)
                   4.76438 0.282241 167 16.880541 0.0000
as.numeric(Time)
as.factor(Group)F -5.62500 10.177433 21 -0.552693 0.5863 as.factor(Group)G -12.10937 10.177433 21 -1.189826 0.2474
Correlation:
                   (Intr) as.(T) a.(G)F
as.numeric(Time)
                  -0.174
as.factor(Group)F -0.696 0.000
as.factor(Group)G -0.696 0.000 0.500
Standardized Within-Group Residuals:
                                               03
                                 Med
                                                           Max
                     01
-2.17717122 -0.62871793 0.02125076 0.65225196 3.00241837
Number of Observations: 192
Number of Groups: 24
```

- 13. Melakukan ulang analisis dengan Functional Ability (Bartlet) sebagai outcome (y) dan explanatory variables meliputi: waktu (time/week), grup intervensi (group) dengan General Estimating Equation (GEE) dengan correlation structure:
 - a. Exchangeable
 - b. Auto regressive
 - c. Unstructure

Jawab:

a. Exchangeable

```
gee1 <- geeglm(Ability~as.numeric(Time) + as.factor(Group) ,family=gaussian,
data=stroke_long, id=as.factor(Subject), wave=as.numeric(Time),
corst="exchangeable")
summary(gee1)</pre>
```

```
Call:
geeglm(formula = Ability ~ as.numeric(Time) + as.factor(Group),
    family = gaussian, data = stroke_long, id = as.factor(Subject),
    waves = as.numeric(Time), corstr = "exchangeable")
 Coefficients:
                 Estimate Std.err
                                    Wald Pr(>|W|)
                            8.0038 21.188 4.16e-06 ***
                  36.8415
(Intercept)
as.numeric(Time)
                   4.7644
                            0.6281 57.539 3.31e-14 ***
as.factor(Group)F -5.6250
                           9.5194 0.349
                                            0.555
as.factor(Group)G -12.1094
                           9.5198 1.618
                                            0.203
Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
Correlation structure = exchangeable
Estimated Scale Parameters:
            Estimate Std.err
(Intercept)
              432.4
                     98.59
  Link = identity
Estimated Correlation Parameters:
      Estimate Std.err
alpha 0.8154 0.04643
Number of clusters:
                   24 Maximum cluster size: 8
b. Auto regressive
   gee2 <- geeglm(Ability~as.numeric(Time) + as.factor(Group),family=gaussian,
        data=stroke_long,id=as.factor(Subject),wave=as.numeric(Time),corst="ar1")
   summary(gee2)
call:
geeglm(formula = Ability ~ as.numeric(Time) + as.factor(Group),
     family = gaussian, data = stroke_long, id = as.factor(Subject),
    waves = as.numeric(Time), corstr = "ar1")
 Coefficients:
                   Estimate Std.err Wald Pr(>|W|)
                             7.690 26.73 2.3e-07 ***
                     39.757
(Intercept)
                               0.603 58.63 1.9e-14 ***
as.numeric(Time)
                      4.617
as.factor(Group)F
                    -9.420
                               8.863 1.13
                                               0.288
as.factor(Group)G -15.963 8.895 3.22
                                               0.073 .
Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' '1
Correlation structure = ar1
Estimated Scale Parameters:
             Estimate Std.err
(Intercept)
                  436
                          98.6
  Link = identity
Estimated Correlation Parameters:
       Estimate Std.err
alpha
          0.926 0.0202
Number of clusters: 24 Maximum cluster size: 8
```

c. Unstructured

```
gee3 <- geeglm(Ability~as.numeric(Time) + as.factor(Group), family=gaussian,
data=stroke_long, id=as.factor(Subject), wave=as.numeric(Time),
corst="unstructured")
summary(gee3)</pre>
```

```
call:
geeglm(formula = Ability ~ as.numeric(Time) + as.factor(Group),
    family = gaussian, data = stroke_long, id = as.factor(Subject),
    waves = as.numeric(Time), corstr = "unstructured")
Coefficients:
                 Estimate Std.err Wald Pr(>|W|)
                                           0.014 *
(Intercept)
                   29.6563 12.0844 6.02
as.numeric(Time)
                   6.9784 2.9800 5.48
                                           0.019 *
as.factor(Group)F 20.2541 13.9030 2.12
                                           0.145
as.factor(Group)G -0.0862 10.8339 0.00
                                           0.994
Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' '1
Correlation structure = unstructured
Estimated Scale Parameters:
            Estimate Std.err
(Intercept)
 Link = identity
```

```
Estimated Correlation Parameters:
         Estimate Std.err
alpha.1:2
            0.585 0.2823
alpha.1:3
            0.599 0.2293
alpha.1:4
           0.616 0.1758
alpha.1:5
            0.632 0.1185
            0.612 0.0844
alpha.1:6
alpha.1:7
            0.629 0.1293
alpha.1:8
            0.659
                   0.2505
            0.684 0.2280
alpha.2:3
alpha.2:4
            0.710 0.1822
alpha.2:5
            0.734 0.1169
alpha.2:6
            0.734 0.0689
alpha.2:7
            0.766 0.0926
alpha.2:8
            0.807
                   0.2099
alpha.3:4
            0.810 0.1521
alpha. 3:5
            0.832
                   0.0843
alpha.3:6
            0.841 0.0442
alpha.3:7
            0.880 0.1026
alpha. 3:8
            0.928
                   0.2284
alpha.4:5
            0.904 0.0627
alpha.4:6
            0.924 0.0563
alpha.4:7
            0.993
                   0.1294
alpha.4:8
            1.052 0.2534
alpha.5:6
            1.036 0.0871
alpha.5:7
            1.105
                   0.1659
alpha.5:8
           1.185 0.2797
alpha.6:7
            1.199 0.2093
alpha.6:8
            1.293 0.3184
alpha.7:8
            1.464 0.3799
Number of clusters: 24 Maximum cluster size: 8
```

14. Mengingat GEE tidak dapat mengeluarkan AIC, dengan menggunakan statement gls, menghitung AIC dari model GLS dengan ketiga struktur korelasi di atas (Exchangeable, Auto regressive, dan Unstructure).

Jawab:

```
a. Exchangeable
    exch <- corCompSymm(form = ~ 1 | Subject)</pre>
    gls1 \leftarrow gls(Ability\sim as.numeric(Time) + as.factor(Group),
            data=stroke_long,
            correlation=exch)
    summary(gls1)
     Generalized least squares fit by REML
       Model: Ability ~ as.numeric(Time) + as.factor(Group)
       Data: stroke_long
        AIC BIC logLik
       1468 1487
    Correlation Structure: Compound symmetry
     Formula: ~1 | Subject
      Parameter estimate(s):
      Rho
     0.834
    Coefficients:
                       Value Std.Error t-value p-value
    (Intercept) 36.8 7.31 5.04 0.000 as.numeric(Time) 4.8 0.28 16.88 0.000 as.factor(Group)F -5.6 10.18 -0.55 0.581 as.factor(Group)G -12.1 10.18 -1.19 0.236
     Correlation:
                        (Intr) as.(T) a.(G)F
     as.numeric(Time) -0.174
     as.factor(Group)F -0.696 0.000
     as.factor(Group)G -0.696 0.000 0.500
     Standardized residuals:
                               Q3
        Min Q1 Med
                                       Max
     -2.241 -0.632 -0.206 0.683 2.653
     Residual standard error: 22
     Degrees of freedom: 192 total; 188 residual
b. Auto regressive
    ar1 < -corAR1(form = \sim 1 \mid Subject)
    gls2 \leftarrow gls(Ability\sim as.numeric(Time) + as.factor(Group),
            data=stroke_long,
            correlation=ar1)
    summary(gls2)
```

```
Generalized least squares fit by REML
  Model: Ability ~ as.numeric(Time) + as.factor(Group)
  Data: stroke_long
  AIC BIC logLik
1325 1344 -656
Correlation Structure: AR(1)
 Formula: ~1 | Subject
 Parameter estimate(s):
 Phi
0.95
Coefficients:
                      Value Std.Error t-value p-value
(Intercept) 40.0 7.36 5.43 0.000 as.numeric(Time) 4.6 0.49 9.41 0.000 as.factor(Group)F -9.8 9.93 -0.98 0.328 as.factor(Group)G -16.3 9.93 -1.64 0.102
 Correlation:
                      (Intr) as. (T) a. (G)F
as.numeric(Time) -0.300
as.factor(Group)F -0.675 0.000
as.factor(Group)G -0.675 0.000 0.500
Standardized residuals:
Min Q1 Med Q3 Max
-2.183 -0.615 -0.152 0.725 2.567
Residual standard error: 21.6
Degrees of freedom: 192 total; 188 residual
```

c. Unstructured

```
Generalized least squares fit by REML
 Model: Ability ~ as.numeric(Time) + as.factor(Group)
 Data: stroke_long
  AIC BIC logLik
 1343 1450
             -638
Correlation Structure: General
Formula: ~1 | Subject
Parameter estimate(s):
Correlation:
                   4 5 6
2 0.943
3 0.894 0.935
4 0.829 0.883 0.954
5 0.733 0.812 0.882 0.906
6 0.615 0.727 0.805 0.844 0.967
7 0.454 0.590 0.672 0.760 0.884 0.943
8 0.299 0.455 0.542 0.644 0.812 0.885 0.966
Coefficients:
                 Value Std.Error t-value p-value
                        5.97
(Intercept)
                  45.7
                                  7.64 0.0000
as.numeric(Time)
                  4.5
                            0.71
                                   6.30 0.0000
as.factor(Group)F -21.9
as.factor(Group)G -28.5
                                  -3.07 0.0024
                            7.12
                            7.12
                                  -4.00 0.0001
Correlation:
                 (Intr) as.(T) a.(G)F
as.numeric(Time) -0.539
as.factor(Group)F -0.595 0.000
as.factor(Group)G -0.595 0.000 0.500
Standardized residuals:
                  Med
                            Q3
           Q1
-2.1997 -0.5842 0.0218 0.8751 2.5747
Residual standard error: 21.3
Degrees of freedom: 192 total; 188 residual
```

15. Membuat tabel untuk Membandingkan AIC dari model dengan korelasi struktur Exchangeable, Auto regressive, dan Unstructure, dengan AIC linear regresi model (Model dari instruksi no 9). Interpretasikan dan simpulkan.

Jawab:

$$aic = AIC(mlr3, gls1, gls2, gls3)$$

Hasil:

^	df [‡]	AIC ÷
mlr3	5	1720
gls1	6	1468
gls2	6	1325
gls3	33	1343

Berdasarkan hasil pada tabel, nilai AIC yang paling kecil adalah nilai pada "gls2" yaitu model GLS dari struktur korelasi auto regressive. Sehingga dapat disimpulkan bahwa model dari struktur korelasi tersebut lebih 'fit' jika dibandingkan dengan model yang lain.