Análises dos dados SIVEP-GRIPE, SINASC e SIM para painel Qualidados

Qualidados

28/fevereiro/2024

Bases, importações e devidos tratamentos.

A seguir, são carregados os pacotes do R (https://www.r-project.org) utilizados para filtragem e tratamento dos dados considerados no dashboard https://observatorioobstetrico.shinyapps.io/oobr_qualidados2/. Os dados do painel foram atualizados no dia 28/fevereiro/2024.

```
#carregar pacotes
loadlibrary <- function(x) {</pre>
  if (!require(x, character.only = TRUE)) {
    install.packages(x, dependencies = T)
    if (!require(x, character.only = TRUE))
      stop("Package not found")
  }
}
packages <-
  c(
    "readr",
    "readxl",
    "janitor",
    "dplyr",
    "forcats",
    "stringr",
    "lubridate",
    "summarytools",
    "magrittr",
    "questionr",
    "knitr",
    "data.table",
    "writexl",
    "modelsummary",
    'coro',
    'getPass','httr'
lapply(packages, loadlibrary)
```

SIVEP-GRIPE

A base de dados SIVEP-Gripe (Sistema de Informação da Vigilância Epidemiológica da Gripe) contém os registros de casos e óbitos de SRAG (Síndrome Respiratória Aguda Grave). A notificação é compulsória para síndrome gripal, caracterizada por pelo menos dois dos seguintes sinais e sintomas: febre, mesmo que referida, calafrios, dor de garganta, dor de cabeça, tosse, coriza, distúrbios olfatórios ou de paladar, além de dispneia/desconforto respiratório, pressão persistente no peito, Saturação de O2 menor que 95% no ar ambiente ou cor azulada dos lábios ou rosto. Indivíduos assintomáticos com confirmação laboratorial por biologia molecular ou exame imunológico para infecção por COVID-19 também são relatados.

Para notificações no Sivep-Gripe, devem ser considerados os casos hospitalizados em hospitais públicos e privados, bem como todas as mortes decorrentes de infecções respiratórias agudas graves, independentemente da hospitalização.

A vigilância da SRAG no Brasil é realizada pelo Ministério da Saúde (MS), por meio da Secretaria de Vigilância em Saúde (SVS), desde a pandemia de Influenza A (H1N1) em 2009. Para obter mais informações, acesse: https://coronavirus.saude.gov.br/definicao-de-caso-e-notificacao.

Extração

Os dados de 2009 a 2019 são extraídos com auxílio da API da Plataforma de Ciência de Dados Aplicada à Saúde (PCDaS) e, em seguida, são tratados com base no fluxo ETL (Extração, Transformação e Carga), os dados para 2020 a 2023 são extraido do próprio Open Datasus. Durante a extração da API, os dados são filtrados utilizando consultas SQL, conforme demonstrado, em que a variável CS_GESTANT assume os seguintes valores: 1-1º Trimestre; 2-2º Trimestre; 3-3º Trimestre; 4-Idade Gestacional Ignorada; 5-Não; 6-Não se aplica; 9-Ignorado.

```
# Dados 2009 - 2019 -----
# Função para converter os resultados das consultas para data.frame
convertRequestToDF <- function(request, column_names = c()){</pre>
  if("RequestError" %in% names(content(request)))
    stop(content(request)$RequestError)
  variables = unlist(content(request)$columns)
  variables = variables[names(variables) == "name"]
  if (!length(column names)){
    column names <- unname(variables)</pre>
  }
  values = content(request,)$rows
  df <- as.data.frame(do.call(rbind,lapply(values,function(r) {</pre>
    row <- r
    row[sapply(row, is.null)] <- NA</pre>
    rbind(unlist(row))
  } )))
  names(df) <- column_names</pre>
  return(df)
query_with_cursor <- generator(function(sql_query, token, nrows){</pre>
  tryCatch({
    json_api <- paste0('{"token": {"token": "',token,'"}, "sql": {"sql":</pre>
                        {"query":"',sql query,'", "fetch size":"',nrows,'" }}}')
    response <- POST(url = "https://bigdata-api.fiocruz.br/sql_query/",</pre>
```

```
body = json_api, encode = "json")
    df <- convertRequestToDF(response)</pre>
    col_names <- colnames(df)</pre>
    vield(df)
    while(TRUE){
      json_api <- paste0('{"token": {"token": "',token,'"}, "sql": {"sql":</pre>
                          {"cursor":"',content(response)$cursor,'" }}}')
      response <- POST(url = "https://bigdata-api.fiocruz.br/sql query/",
                        body = json_api, encode = "json")
      if(length(content(response)$rows)>0){
        yield(convertRequestToDF(response,col_names))
      else return(NULL)
 }, error=function(cond) message(paste0(cond, "\n", content(response))) )
convertColTypeToNum <- function(df, colname){</pre>
  df[,colname] <- as.numeric(as.character(df[,colname]))</pre>
  return(df)
}
anos <- c(2009:2019)
df_total_max3 <- data.frame()</pre>
for(i in anos){
  query <- paste0('SELECT (*)',
                   ' FROM \\"datasus-srags\\" WHERE (',
                   '(CAST(RIGHT(DT_SIN_PRI, 4) AS int) = ',i,') AND ',
                   '(CS_GESTANT = 1 OR CS_GESTANT = 1.0 OR ',
                   'CS_GESTANT = 2 OR CS_GESTANT = 2.0 OR ',
                   'CS_GESTANT = 3 OR CS_GESTANT = 3.0 OR ',
                   'CS_GESTANT = 4 OR CS_GESTANT = 4.0 OR ',
                   'PUERPERA = 1 OR PUERPERA = 1.0))')
  df_total <- data.frame()</pre>
  loop(for (df in query_with_cursor(query, token, nrows=10000)) {
    print(paste0('Número de registros recuperados a cada iteração: ', nrow(df)))
    df_total <- rbind(df_total,df)</pre>
  })
  df_total_max3 <- rbind(df_total,df_total_max3)</pre>
}
write_rds(df_total_max3,file = 'data1/Sivep_2009-2019.rds')
# Dados 2020-2023----
#carregar pacotes
loadlibrary <- function(x) {</pre>
  if (!require(x, character.only = TRUE)) {
    install.packages(x, dependencies = T)
```

```
if (!require(x, character.only = TRUE))
      stop("Package not found")
  }
}
packages <-
  c(
    "readr",
    "readxl",
    "janitor",
    "dplyr",
    "forcats",
    "stringr",
    "lubridate",
    "summarytools",
    "magrittr",
    "questionr",
    "knitr",
    "data.table",
    "writexl",
    "modelsummary",
    'coro',
    'getPass','httr'
  )
lapply(packages, loadlibrary)
ckanr::ckanr_setup("https://opendatasus.saude.gov.br")
arqs <- ckanr::package_search("srag 2020")$results %>%
  purrr::map("resources") %>%
  purrr::map(purrr::keep, ~ .x$mimetype == "text/csv") %>%
  purrr::map_chr(purrr::pluck, 1, "url")
arqs2 <- ckanr::package_search("srag 2021")$results %>%
  purrr::map("resources") %>%
  purrr::map(purrr::keep, ~.x$mimetype == "text/csv") %>%
  purrr::map_chr(purrr::pluck, 2, "url")
arqs3 <- ckanr::package_search("srag 2021")$results %>%
  purrr::map("resources") %>%
  purrr::map(purrr::keep, ~.x$mimetype == "text/csv") %>%
  purrr::map_chr(purrr::pluck, 3, "url")
dados_a <- fread(arqs[1], sep = ";")</pre>
dados_b <- fread(arqs[2], sep = ";")</pre>
dados_c <- fread(arqs2[1], sep = ";")</pre>
dados_d <- fread(arqs3[1], sep= ";")</pre>
dados_a$FATOR_RISC <- dados_a$FATOR_RISC %>% as.character()
dados_b$FATOR_RISC <- dados_b$FATOR_RISC %>% as.character()
dados_c$FATOR_RISC <- dados_c$FATOR_RISC %>% as.character()
dados_d$FATOR_RISC <- dados_d$FATOR_RISC %>% as.character()
```

```
dados_total <- full_join(dados_a, dados_b) %>%
  full_join(dados_c) %>%
  full_join(dados_d)
dados total <- dados total %>%
  filter(
      (CS_GESTANT == 1 | CS_GESTANT == 1.0 | CS_GESTANT == '1' |
         CS_GESTANT == '1.0'
         CS GESTANT == 2 | CS GESTANT == 2.0 | CS GESTANT == '2' |
         CS GESTANT == '2.0'
         CS_GESTANT == 3 | CS_GESTANT == 3.0 | CS_GESTANT == '3' |
         CS_GESTANT == '3.0'
                                                 CS_GESTANT == '4' |
         CS_GESTANT == 4 | CS_GESTANT == 4.0 |
         CS_GESTANT == '4.0' |
         PUERPERA == 1 | PUERPERA == 1.0 | PUERPERA == '1' |
         PUERPERA == '1.0')
  )
write_rds(dados_total,file = 'data1/Sivep_2020-2023.rds')
```

Há atualmente 63276 observações na base de dados e são as variáveis:

names(df)

```
##
     [1] "DT NOTIFIC"
                          "SEM NOT"
                                           "DT SIN PRI"
                                                             "SEM PRI"
##
     [5] "SG_UF_NOT"
                           "ID REGIONA"
                                           "CO REGIONA"
                                                             "ID MUNICIP"
##
     [9] "CO_MUN_NOT"
                           "ID_UNIDADE"
                                            "CO_UNI_NOT"
                                                             "CS_SEXO"
##
    [13] "DT_NASC"
                           "NU_IDADE_N"
                                           "TP_IDADE"
                                                             "COD_IDADE"
##
    [17] "CS_GESTANT"
                          "CS_RACA"
                                           "CS_ESCOL_N"
                                                             "ID_PAIS"
##
    [21] "CO_PAIS"
                           "SG_UF"
                                           "ID_RG_RESI"
                                                             "CO_RG_RESI"
##
    [25] "ID_MN_RESI"
                           "CO_MUN_RES"
                                            "CS_ZONA"
                                                             "SURTO_SG"
##
    [29] "NOSOCOMIAL"
                          "AVE_SUINO"
                                           "FEBRE"
                                                             "TOSSE"
##
    [33] "GARGANTA"
                          "DISPNEIA"
                                           "DESC_RESP"
                                                             "SATURACAO"
    [37] "DIARREIA"
                           "OTIMOV"
##
                                            "OUTRO_SIN"
                                                             "OUTRO_DES"
    [41] "PUERPERA"
                           "FATOR RISC"
                                            "CARDIOPATI"
                                                             "HEMATOLOGI"
##
   [45] "SIND_DOWN"
                          "HEPATICA"
                                           "ASMA"
                                                             "DIABETES"
   [49] "NEUROLOGIC"
                          "PNEUMOPATI"
                                           "IMUNODEPRE"
                                                             "RENAL"
   [53] "OBESIDADE"
                          "OBES_IMC"
                                           "OUT_MORBI"
                                                             "MORB_DESC"
##
    [57] "VACINA"
                           "DT_UT_DOSE"
                                                             "DT_VAC_MAE"
##
                                           "MAE_VAC"
##
    [61] "M_AMAMENTA"
                          "DT_DOSEUNI"
                                           "DT_1_DOSE"
                                                             "DT_2_DOSE"
    [65] "ANTIVIRAL"
                           "TP ANTIVIR"
                                           "OUT ANTIV"
                                                             "DT ANTIVIR"
    [69] "HOSPITAL"
                           "DT INTERNA"
                                           "SG_UF_INTE"
                                                             "ID_RG_INTE"
##
##
    [73] "CO RG INTE"
                          "ID_MN_INTE"
                                           "CO_MU_INTE"
                                                             "UTI"
##
   [77] "DT_ENTUTI"
                          "DT_SAIDUTI"
                                           "SUPORT_VEN"
                                                             "RAIOX_RES"
##
   [81] "RAIOX_OUT"
                           "DT_RAIOX"
                                           "AMOSTRA"
                                                             "DT_COLETA"
    [85] "TP_AMOSTRA"
                           "OUT_AMOST"
                                           "PCR_RESUL"
                                                             "DT_PCR"
##
##
    [89] "POS_PCRFLU"
                           "TP_FLU_PCR"
                                           "PCR_FLUASU"
                                                             "FLUASU_OUT"
   [93] "PCR_FLUBLI"
                          "FLUBLI_OUT"
                                           "POS_PCROUT"
                                                             "PCR_VSR"
   [97] "PCR_PARA1"
                           "PCR_PARA2"
                                           "PCR_PARA3"
                                                             "PCR_PARA4"
## [101] "PCR_ADENO"
                           "PCR_METAP"
                                           "PCR_BOCA"
                                                             "PCR_RINO"
## [105] "PCR_OUTRO"
                          "DS_PCR_OUT"
                                           "CLASSI_FIN"
                                                             "CLASSI_OUT"
## [109] "CRITERIO"
                          "EVOLUCAO"
                                           "DT_EVOLUCA"
                                                             "DT ENCERRA"
                                           "PAIS_VGM"
## [113] "DT DIGITA"
                          "HISTO_VGM"
                                                             "CO_PS_VGM"
## [117] "LO PS VGM"
                           "DT_VGM"
                                            "DT_RT_VGM"
                                                             "PCR_SARS2"
```

```
## [121] "PAC COCBO"
                           "PAC DSCBO"
                                            "OUT ANIM"
                                                             "DOR ABD"
  [125] "FADIGA"
                          "PERD OLFT"
                                           "PERD PALA"
                                                             "TOMO RES"
##
  [129] "TOMO OUT"
                          "DT TOMO"
                                           "TP TES AN"
                                                             "DT RES AN"
  [133] "RES_AN"
                           "POS_AN_FLU"
                                            "TP_FLU_AN"
                                                             "POS_AN_OUT"
##
  [137] "AN_SARS2"
                           "AN VSR"
                                            "AN PARA1"
                                                             "AN PARA2"
  [141] "AN PARA3"
                          "AN ADENO"
                                           "AN OUTRO"
                                                             "DS AN OUT"
##
  [145] "TP AM SOR"
                          "SOR OUT"
                                            "DT CO SOR"
                                                             "TP SOR"
         "OUT SOR"
                           "DT RES"
                                           "RES IGG"
                                                             "RES IGM"
## [149]
##
   [153]
         "RES_IGA"
                           "ESTRANG"
                                            "VACINA_COV"
                                                             "DOSE_1_COV"
                                                             "FAB_COV_2"
   [157]
         "DOSE_2_COV"
                          "DOSE_REF"
                                           "FAB_COV_1"
  [161] "FAB_COVREF"
                          "LOTE_REF"
                                           "LAB_PR_COV"
                                                             "LOTE_1_COV"
                                           "DOSE_2REF"
   [165] "LOTE_2_COV"
                           "FNT_IN_COV"
                                                             "FAB_COVRF2"
   [169] "LOTE_REF2"
                          "TRAT_COV"
                                           "TIPO_TRAT"
                                                             "OUT_TRAT"
##
                                                             "CALAFRIO"
  [173] "DT_TRT_COV"
                          "ARTRALGIA"
                                           "AVE_10_DIA"
## [177] "CONJUNTIV"
                          "CORIZA"
                                            "CO_LAB_IF"
                                                             "CO_LAB_PCR"
   [181]
         "CO_UF_INTE"
                           "CULT_AMOST"
                                            "CULT_OUT"
                                                             "CULT_RES"
                          "DS_IF_OUT"
                                                             "DS_OUTMET"
##
   [185]
         "DOENCA_TRA"
                                           "DS_OAGEETI"
   [189]
         "DS OUTSUB"
                          "DT CULTURA"
                                           "DT HEMAGLU"
                                                             "DT IF"
                                                             "DT_PCR_1"
   [193] "DT_IFI"
                           "DT_OBITO"
                                            "DT_OUTMET"
##
  [197]
         "HEMA ETIOL"
                           "HEMA RES"
                                            "HEMOGLOBI"
                                                             "HEM TIPO H"
## [201] "HEM_TIPO_N"
                          "ID_OCUPA_N"
                                           "IFI"
                                                             "IF_ADENO"
## [205] "IF OUTRO"
                          "IF PARA1"
                                           "IF PARA2"
                                                             "IF PARA3"
                           "IF_VSR"
                                                             "LAB_PCR"
## [209] "IF_RESUL"
                                            "LAB_IF"
                                                             "NU ANO"
## [213]
         "METABOLICA"
                           "MIALGIA"
                                            "MONITORA"
                                                             "PCR ETIOL"
## [217]
         "OUT METODO"
                          "PCR"
                                           "PCR AMOSTR"
  [221] "PCR OUT"
                           "PCR RES"
                                           "PCR TIPO H"
                                                             "PCR TIPO N"
   [225]
         "POS_IF_FLU"
                           "POS_IF_OUT"
                                            "REQUI_GAL"
                                                             "RES_ADNO"
                                                             "RES_OUTRO"
## [229] "RES_FLUA"
                           "RES_FLUASU"
                                            "RES_FLUB"
  [233]
         "RES_PARA1"
                          "RES_PARA2"
                                            "RES_PARA3"
                                                             "RES_VSR"
  [237]
         "SRAG2009FINAL"
                          "SRAG2010FINAL"
                                            "SRAG2011FINAL"
                                                             "SRAG2012FINAL"
## [241]
         "SRAG2013FINAL"
                           "SRAG2014FINAL"
                                            "SRAG2015FINAL"
                                                             "SRAG2017FINAL"
   [245]
         "SRAG2018FINAL"
                          "ST_TIPOFI"
                                            "TABAGISMO"
                                                             "TIPO_PCR"
## [249] "TPAUTOCTO"
                           "TP_FLU_IF"
                                            "watermark"
```

Tratamento

A base de dados do SIVEP-GRIPE utilizada no Painel Qualidados passa por um processo de reorganização, no qual os valores das observações que se enquadram em alguma das regras de indicadores de má qualidade dos dados (Incompletude, Implausibilidade ou Inconsistência) são substituídos. Os indicadores podem ser visualizados na aba de dicionário, na tabela de regras, para cada uma das respectivas bases de dados dentro do Painel. Por exemplo, os dados "NA" (Not Available) são substituídos por "Em Branco". Tanto os dicionários de variáveis quanto o conjunto de regras estão disponíveis no GitHub do Painel, no seguinte endereço: https://github.com/observatorioobstetrico/Qualidados.

```
#BANCO AUXILIAR PARA CORRECAO DOS MUNICIPIOS
aux_muni2 <- abjData::muni %>%
  dplyr::select(uf id,
                muni id,
                muni_nm_clean,
                uf_sigla) %>%
  mutate_at("muni_id", as.character) %>%
  mutate(cod_mun = stringr::str_sub(muni_id, 1, 6))
#CRIANDO CLASSIFICACAO DE GESTANTE E PUERP E CORRIGINDO OS MUNICIPIOS
df_gest <- df %>%
  #CORRECAO MUNICIPIOS
 left_join(aux_muni2, by = c("ID_MUNICIP" = "cod_mun")) %>%
  mutate(SG_UF_NOT = ifelse(is.na(muni_nm_clean),
                             SG_UF_NOT, uf_sigla),
         ID_MUNICIP = ifelse(is.na(muni_nm_clean),
                              ID_MUNICIP, muni_nm_clean)) %>%
  mutate(
    #DATA DO PRIMEIRO SINTOMA
    dt_sint = as.Date(DT_SIN_PRI, format = "%d/%m/%Y"),
    #DATA DO NASCIMENTO
    dt nasc = as.Date(DT NASC, format = "%d/%m/%Y"),
    #ANO, BASEADO NA DATA DO PRIMEIRO SINTOMA
    ANO = lubridate::year(dt_sint),
    #MUNICIPIO
    MUNICIPIO = paste(ID_MUNICIP, "-", SG_UF_NOT)
  ) %>% select(-muni_nm_clean, -uf_sigla)
# CORRECAO DO ERRO QUE A FALTA DE PADRONIZACAO DOS DADOS OCASIONOU
df_gest <- df_gest %>% mutate_if(~ !is.character(.), as.character)
df_gest <- data.frame(lapply(df_gest,</pre>
        function(x) ifelse(x == "1.0", '1',
           ifelse(x == '2.0','2',
                      ifelse(x == '3.0', '3',
                             ifelse(x == '4.0','4',
                                    ifelse(x == '5.0', '5',
                                           ifelse(x == '6.0','6',
                                                   ifelse(x == '7.0', '7',
                                                          ifelse(x == '8.0', '8',
                                           ifelse(x == '9.0', '9', x))))))))))))))))))))))))))))))))))
df gest %>% nrow()#CONFERINDO SE VOLTOU TUDO
sivep2 <- df_gest
# INCOMPLETUDE -----
regras_incom <- fromJSON('data1/incompletude_sivep.json')</pre>
#VARIAVEIS DO DICIONARIO + VARIAVEIS PARA FILTRAGEM
df_gest2 <-</pre>
 df_gest[,c(variaveis_dic,'ANO','MUNICIPIO','SG_UF_NOT','CLASSI_FIN')]
#VARIAVEIS EM QUE O VALOR 9 E O VALOR IGNORADO:
variaveis_ign <- c('CS_SEXO','CS_RACA','CS_ESCOL_N','CS_ZONA','NOSOCOMIAL',</pre>
```

```
'AVE_SUINO', 'FEBRE', 'TOSSE', 'GARGANTA', 'DISPNEIA',
                    'DESC_RESP', 'SATURACAO', 'DIARREIA', 'VOMITO', 'OUTRO_SIN',
                    'FATOR_RISC', 'CARDIOPATI', 'HEMATOLOGI', 'SIND_DOWN',
                    'HEPATICA', 'ASMA', 'DIABETES', 'NEUROLOGIC', 'PNEUMOPATI',
                    'IMUNODEPRE', 'RENAL', 'OBESIDADE', 'OUT_MORBI',
                    'MAE_VAC', 'M_AMAMENTA', 'ANTIVIRAL', 'HOSPITAL', 'UTI',
                    'SUPORT_VEN', 'AMOSTRA', 'POS_PCRFLU', 'POS_PCROUT',
                    'EVOLUCAO', 'DOR_ABD', 'FADIGA', 'PERD_OLFT', 'PERD_PALA',
                    'POS AN FLU', 'POS AN OUT', 'CS GESTANT',
                    'TOMO RES', 'VACINA COV', 'VACINA', 'PUERPERA',
                    'CLASSI_FIN', "RAIOX_RES" )
setdiff(variaveis dic,variaveis ign)
#SUBSTITUIR VALORES NA POR EM BRANCO
sivep <- replace(df_gest2,is.na(df_gest2) ,"Em Branco")</pre>
#SUBSTITUIR VALORES 9 POR IGNORADO
sivep[, variaveis_ign] <- lapply(sivep[, variaveis_ign],</pre>
                                  function(x) ifelse((x == 9 | x == 9.0),
                                                      "Ignorado", x))
# Calcular as porcentagens de valores 'Ignorados' e
#'Em branco' por coluna so para ver se funcionou
colMeans(sivep == "Ignorado", na.rm = TRUE) * 100
colMeans(sivep == "Em Branco", na.rm = TRUE) * 100
# IMPLAUSIBILIDADE ---
regras_implau <- fromJSON('data1/implausibilidade_gestantes.json')</pre>
regras implau2 <- from JSON('data1/implausibilidade puerperas.json')</pre>
# Criando vetores de variáveis improváveis e impossíveis
improvavel <- grep("_IMPROVAVEL", names(regras_implau), value = TRUE)</pre>
impossivel <- grep("_IMPOSSIVEL", names(regras_implau), value = TRUE)</pre>
impossivel2 <- grep("_IMPOSSIVEL", names(regras_implau2), value = TRUE)</pre>
impossivel <- c(impossivel2,impossivel) %>% unique()
# Criando um data. frame com as variáveis improváveis
df_improvavel <- data.frame(</pre>
 variavel = gsub(improvavel,pattern = '_IMPROVAVEL',replacement = ''))
# Criando um data.frame com as variáveis impossíveis
df_impossivel <- data.frame(</pre>
 variavel = gsub(impossivel,pattern = '_IMPOSSIVEL',replacement = ''))
# Trocando regras em string por booleANOs
df impossivel <- df impossivel %>%
  mutate(condicao = case_when(
    grepl("CS_SEXO", variavel) ~
      "CS_SEXO != 'F'",
    grepl("NU_IDADE_N", variavel) ~
      "as.integer(NU_IDADE_N) < 0 | as.integer(NU_IDADE_N) > 90",
    grepl("CS_GESTANT", variavel) ~
      "CS_GESTANT %in% c('1','2','3','4') & PUERPERA == '1' ",
```

```
grepl("DT_INTERNA", variavel) ~
  "lubridate::year(as.Date(DT_INTERNA,format = '%d/%m/%Y')) < 2019
&!(is.na(lubridate::year(as.Date(DT_INTERNA,format = '\d/\%m/\%Y'))))",
grepl("DT_COLETA", variavel) ~
  "lubridate::year(as.Date(DT_COLETA,format = '%d/%m/%Y')) < 2019 &
!(is.na(lubridate::year(as.Date(DT COLETA,format = '%d/\%m/\%Y'))))",
grepl("TP_IDADE", variavel) ~
  "TP IDADE != '1' & TP IDADE != '2' & TP IDADE != '3'",
grepl("TP_ANTIVIR", variavel) ~
  "TP_ANTIVIR != '1' & TP_ANTIVIR != '2' & TP_ANTIVIR != '3'",
grepl("SURTO_SG", variavel) ~
  "SURTO_SG != '1' & SURTO_SG != '2' & SURTO_SG != 'Ignorado'",
grepl("NOSOCOMIAL", variavel) ~
  "NOSOCOMIAL != '1' & NOSOCOMIAL != '2' & NOSOCOMIAL != 'Ignorado'",
grepl("AVE_SUINO", variavel) ~
  "AVE_SUINO != '1' & AVE_SUINO != '2' & AVE_SUINO != 'Ignorado'",
grepl("FEBRE", variavel) ~
  "FEBRE != '1' & FEBRE != '2' & FEBRE != 'Ignorado'",
grepl("TOSSE", variavel) ~
  "TOSSE != '1' & TOSSE != '2' & TOSSE != 'Ignorado'",
grepl("GARGANTA", variavel) ~
  "GARGANTA != '1' & GARGANTA != '2' & GARGANTA != 'Ignorado'",
grepl("DISPNEIA", variavel) ~
  "DISPNEIA != '1' & DISPNEIA != '2' & DISPNEIA != 'Ignorado'",
grepl("DESC_RESP", variavel) ~
  "DESC RESP != '1' & DESC RESP != '2' & DESC RESP != 'Ignorado'",
grepl("SATURACAO", variavel) ~
  "SATURACAO != '1' & SATURACAO != '2' & SATURACAO != 'Ignorado'",
grepl("DIARREIA", variavel) ~
  "DIARREIA != '1' & DIARREIA != '2' & DIARREIA != 'Ignorado'",
grepl("VOMITO", variavel) ~
  "VOMITO != '1' & VOMITO != '2' & VOMITO != 'Ignorado'",
grepl("OUTRO_SIN", variavel) ~
  "OUTRO_SIN != '1' & OUTRO_SIN != '2' & OUTRO_SIN != 'Ignorado'",
grepl("FATOR_RISC", variavel) ~
  "FATOR_RISC != '1' & FATOR_RISC != '2' & FATOR_RISC != 'Ignorado'",
grepl("CARDIOPATI", variavel) ~
  "CARDIOPATI != '1' & CARDIOPATI != '2' & CARDIOPATI != 'Ignorado'",
grepl("HEMATOLOGI", variavel) ~
  "HEMATOLOGI != '1' & HEMATOLOGI != '2' & HEMATOLOGI != 'Ignorado'",
grepl("SIND_DOWN", variavel) ~
  "SIND_DOWN != '1' & SIND_DOWN != '2' & SIND_DOWN != 'Ignorado'",
grepl("HEPATICA", variavel) ~
  "HEPATICA != '1' & HEPATICA != '2' & HEPATICA != 'Ignorado'",
grepl("ASMA", variavel) ~
  "ASMA != '1' & ASMA != '2' & ASMA != 'Ignorado'",
grepl("DIABETES", variavel) ~
  "DIABETES != '1' & DIABETES != '2' & DIABETES != 'Ignorado'",
grepl("NEUROLOGIC", variavel) ~
  "NEUROLOGIC != '1' & NEUROLOGIC != '2' & NEUROLOGIC != 'Ignorado'",
grepl("PNEUMOPATI", variavel) ~
  "PNEUMOPATI != '1' & PNEUMOPATI != '2' & PNEUMOPATI != 'Ignorado'",
grepl("IMUNODEPRE", variavel) ~
```

```
"IMUNODEPRE != '1 ' & IMUNODEPRE != '2' & IMUNODEPRE != 'Ignorado'",
    grepl("RENAL", variavel) ~
      "RENAL != '1' & RENAL != '2' & RENAL != 'Ignorado'",
    grepl("OBESIDADE", variavel) ~
      "OBESIDADE != '1' & OBESIDADE != '2' & OBESIDADE != 'Ignorado'",
    grepl("OUT_MORBI", variavel) ~
      "OUT_MORBI != '1' & OUT_MORBI != '2' & OUT_MORBI != 'Ignorado'",
    grepl("VACINA", variavel) ~
      "VACINA != '1' & VACINA != '2' & VACINA != 'Ignorado'",
    grepl("MAE_VAC", variavel) ~
      "MAE_VAC != '1' & MAE_VAC != '2' & MAE_VAC != 'Ignorado'",
    grepl("M AMAMENTA", variavel) ~
      "M_AMAMENTA != '1' & M_AMAMENTA != '2' & M_AMAMENTA != 'Ignorado'",
    grepl("ANTIVIRAL", variavel) ~
      "ANTIVIRAL != '1' & ANTIVIRAL != '2' & ANTIVIRAL != 'Ignorado'",
    grepl("HOSPITAL", variavel) ~
      "HOSPITAL != '1' & HOSPITAL != '2' & HOSPITAL != 'Ignorado'",
    grepl("UTI", variavel) ~
      "UTI != '1' & UTI != '2' & UTI != 'Ignorado'",
    grepl("AMOSTRA", variavel) ~
      "AMOSTRA != '1' & AMOSTRA != '2' & AMOSTRA != 'Ignorado'",
    grepl("POS_PCRFLU", variavel) ~
      "POS PCRFLU != '1' & POS PCRFLU != '2' & POS PCRFLU != 'Ignorado'",
    grepl("POS_PCROUT", variavel) ~
      "POS_PCROUT != '1' & POS_PCROUT != '2' & POS_PCROUT != 'Ignorado'",
    grepl("HISTO_VGM", variavel) ~
      "HISTO VGM != '1' & HISTO VGM != '2' & HISTO VGM != 'Ignorado'",
    grepl("DOR_ABD", variavel) ~
      "DOR_ABD != '1' & DOR_ABD != '2' & DOR_ABD != 'Ignorado'",
    grepl("FADIGA", variavel) ~
      "FADIGA != '1' & FADIGA != '2' & FADIGA != 'Ignorado'",
    grepl("PERD_OLFT", variavel) ~
      "PERD_OLFT != '1' & PERD_OLFT != '2' & PERD_OLFT != 'Ignorado'",
    grepl("PERD_PALA", variavel) ~
      "PERD_PALA != '1' & PERD_PALA != '2' & PERD_PALA != 'Ignorado'",
    grepl("POS_AN_FLU", variavel) ~
      "POS_AN_FLU != '1' & POS_AN_FLU != '2' & POS_AN_FLU != 'Ignorado'",
    grepl("POS_AN_OUT", variavel) ~
      "POS AN OUT != '1' & POS AN OUT != '2' & POS AN OUT != 'Ignorado'",
    grepl("TP_AM_SOR", variavel) ~
      "TP_AM_SOR != '1' & TP_AM_SOR != '2' & TP_AM_SOR != 'Ignorado'",
    grepl("PUERPERA", variavel) ~
      "(PUERPERA %in% c('1')) & (CS_GESTANT %in% c('1','2','3','4'))"
    ))
   df_improvavel <- df_improvavel %>%
  mutate(condicao = case when(
    grepl("NU_IDADE_N", variavel) ~
      "(as.integer(NU_IDADE_N) < 10 & as.integer(NU_IDADE_N) >= 0) |
    (as.integer(NU_IDADE_N) > 55 & as.integer(NU_IDADE_N) <= 90)"))
#Substituindo os valores do banco sivep por improvavel e impossível
attach(sivep)
for(i in 1:nrow(df_impossivel)){
```

```
var <- df_impossivel$variavel[i]</pre>
  cond <- df_impossivel$condicao[i]</pre>
  sivep[eval(parse
             (text = paste0(cond, " & (",
                             var," != 'Em Branco')"))),var]<- 'Impossivel'</pre>
for(i in 1:nrow(df_improvavel)){
  var <- df improvavel$variavel[i]</pre>
  cond <- df_improvavel$condicao[i]</pre>
  sivep[eval(parse(text = paste0("(",cond,") & (",
                                  var," != 'Em branco' &",
                                  var," != 'Ignorado') "))),var] <- 'Improvavel'</pre>
}
detach(sivep)
sivep_ic_ip <- sivep</pre>
# INCONSISTENCIA --
regras_incon <- fromJSON('data1/SIVEP_Inconsistencias_Regras.json')</pre>
# Criando um data.frame com as variáveis improváveis
df_inconsistencia <- data.frame(</pre>
 variavel = names(regras_incon) %>% gsub(pattern = '_e_', replacement = ' e '))
# Trocando regras em string por booleANOs
df inconsistencia <- df inconsistencia %>%
  mutate(condicao = case when(
    grepl("CS_SEXO e CS_GESTANT", variavel) ~
      "(df_gest_aux$CS_SEXO %in% c('M', 'I')) &
    (df_gest_aux$CS_GESTANT %in% c('1','2','3','4'))",
    grepl('FATOR_RISC e COMORBIDADES', variavel) ~
      "((df_gest_aux$FATOR_RISC == '2' | df_gest_aux$FATOR_RISC == '9')
    & (df_gest_aux$CARDIOPATI == '1' | df_gest_aux$HEMATOLOGI == '1' |
    df_gest_aux$SIND_DOWN == '1' | df_gest_aux$HEPATICA == '1' |
    df_gest_aux$ASMA == '1' | df_gest_aux$DIABETES == '1' |
    df_gest_aux$NEUROLOGIC == '1' | df_gest_aux$PNEUMOPATI == '1' |
    df_gest_aux$IMUNODEPRE == '1' | df_gest_aux$RENAL == '1' |
    df_gest_aux$OBESIDADE == '1' | df_gest_aux$OBES_IMC == '1' |
    df_gest_aux$OUT_MORBI == '1')) | ((df_gest_aux$FATOR_RISC == '1') &
    (df_gest_aux$CARDIOPATI != '1' & df_gest_aux$HEMATOLOGI != '1' &
    df_gest_aux$SIND_DOWN != '1' & df_gest_aux$HEPATICA != '1' &
    df_gest_aux$ASMA != '1' & df_gest_aux$DIABETES != '1' &
    df_gest_aux$NEUROLOGIC != '1' & df_gest_aux$PNEUMOPATI != '1' &
    df_gest_aux$IMUNODEPRE != '1' & df_gest_aux$RENAL != '1' &
    df_gest_aux$OBESIDADE != '1' & df_gest_aux$OBES_IMC != '1' &
    df_gest_aux$OUT_MORBI != '1'))",
    grepl("VACINA e DT_UT_DOSE", variavel) ~
      "df_gest_aux$VACINA %in% c('2', '9') &
    (df_gest_aux$DT_UT_DOSE != 'Em Branco')",
    grepl("MAE_VAC e DT_VAC_MAE", variavel) ~
      "df_gest_aux$MAE_VAC %in% c('2', '9') &
    (df_gest_aux$DT_VAC_MAE != 'Em Branco')",
    grepl("DT_DOSEUNI e NU_IDADE_N", variavel) ~
```

```
"(df_gest_aux$DT_DOSEUNI != 'Em Branco') &
    (as.integer(df_gest_aux$NU_IDADE_N) <= '6' |</pre>
    as.integer(df_gest_aux$NU_IDADE_N) >= '8')",
    grepl("ANTIVIRAL e TP_ANTIVIR", variavel) ~ "df_gest_aux$ANTIVIRAL %in%
    c('2', '9') & df_gest_aux$TP_ANTIVIR %in% c('1', '2', '3')",
    grepl("HOSPITAL e DT_INTERNA", variavel) ~ "df_gest_aux$HOSPITAL %in%
    c('2', '9') & (df_gest_aux$DT_INTERNA != 'Em Branco')",
    grep1("UTI e DT_ENTUTI", variavel) ~ "(df_gest_aux$UTI == '2' |
    df_gest_aux$UTI == '9') & (df_gest_aux$DT_ENTUTI != 'Em Branco') |
    (df_gest_aux$HOSPITAL == '2' | df_gest_aux$HOSPITAL == '9') &
   df_gest_aux$UTI == '1'",
    grepl("RAIOX_RES e DT_RAIOX", variavel) ~ "(df_gest_aux$RAIOX_RES == '6' |
   df_gest_aux$RAIOX_RES == '9') & (df_gest_aux$DT_RAIOX!= 'Em Branco')",
    grep1("AMOSTRA e DT_COLETA", variavel) ~ "(df_gest_aux$AMOSTRA == '6' |
   df_gest_aux$AMOSTRA == '9') & (df_gest_aux$DT_COLETA != 'Em Branco')",
    grepl("HISTO_VGM e Campos_VGMs", variavel) ~
      "(df_gest_aux$HISTO_VGM == '2' | df_gest_aux$HISTO_VGM == '9') &
    (df_gest_aux$LO_PS_VGM != 'Em Branco') &
    (df_gest_aux$DT_VGM != 'Em Branco') &
    (df_gest_aux$DT_RT_VGM != 'Em Branco')",
    grepl("TOMO_RES e DT_TOMO", variavel) ~
      "(df_gest_aux$TOMO_RES == '6' | df_gest_aux$TOMO_RES == '9') &
    (df_gest_aux$DT_TOMO != 'Em Branco')",
    grepl("TP_TES_AN e DT_RES_AN", variavel) ~ "((df_gest_aux$RES_AN == '4') &
    (df_gest_aux$TP_TES_AN %in% c('1', '2'))) | ((df_gest_aux$RES_AN == '4') &
    (df gest aux$DT RES AN != 'Em Branco'))",
    grepl("VACINA_COV e DOSES", variavel) ~
      "(df_gest_aux$VACINA_COV %in% c('2', '9')) &
    ((df_gest_aux$DOSE_1_COV != 'Em Branco') |
    (df_gest_aux$DOSE_2_COV!= 'Em Branco'))",
    grepl("CLASSI_FIN_SRAG_INFLUENZA", variavel) ~
      "df_gest_aux$CLASSI_FIN == '1' & df_gest_aux$POS_PCRFLU %in%
    c('2', '9') & df_gest_aux$POS_AN_FLU %in% c('2', '9')",
    grepl("CLASSI_FIN_SRAG_OUTROS_VIRUS", variavel) ~
      "df_gest_aux$CLASSI_FIN == '1' &
   df_gest_aux$PCR_OUTRO %in% c('2', '9') &
   df_gest_aux$AN_OUTRO %in% c('2 ', '9')"
  ))
df_inconsistencia <- head(df_inconsistencia, -2)</pre>
# Criando colunas de inconsistencia no df_gest
df_gest_aux <- df_gest</pre>
#SUBSTITUIR VALORES NA POR EM BRANCO
df_gest_aux <- data.frame(lapply(df_gest_aux,</pre>
                                 function(x) ifelse(is.na(x), "Em Branco", x)))
for(i in 1:nrow(df_inconsistencia)){
  df_gest_aux[[df_inconsistencia$variavel[i]]] <- 'Nao'</pre>
df_gest_aux %>% colnames() #VENDO SE DEU CERTO
# Verificando a condição de inconsistência para cada variável
```

```
for(i in 1:(nrow(df inconsistencia))){
  var <- df_inconsistencia$variavel[i]</pre>
  cond <- df inconsistencia$condicao[i]</pre>
  df gest aux[eval(parse(text = paste0(cond))) ,var] <- 'Inconsistencia'</pre>
}
n <- nrow(df inconsistencia)</pre>
maxi <- ncol(df_gest_aux)</pre>
# CONCATENANDO E MUDANDO NOME DAS COLUNAS -----
sivep <- cbind(sivep_ic_ip,df_gest_aux[,(maxi - n + 1):maxi])</pre>
#RENOMEANDO AS COLUNAS COM BASE NO DICIONARIO
nomes_colunas <- colnames(sivep)</pre>
# Substituindo os nomes originais pelos novos
for(i in seq_along(SIVEP_dic$`Codigo SIVEP`)) {
  nomes_colunas <- gsub(SIVEP_dic$`Codigo SIVEP`[i],</pre>
                         SIVEP dic$ Codigo Qualidados [i],
                         nomes colunas)
}
# Atribuindo os novos nomes de colunas ao dataframe
colnames(sivep) <- nomes_colunas</pre>
# CRIAR REGRAS DO SIVEP -----
#inconsistencia
regras_incon <- regras_incon |> as.data.frame() |> t() |> as.data.frame()
regras_incon <- cbind(regras_incon |> row.names(),regras_incon)
regras_incon |> row.names() <- NULL</pre>
regras_incon |> colnames() <- c('Variavel', 'Regra')</pre>
regras_incon$Variavel <- regras_incon$Variavel |> gsub(pattern = '_e_',
                                                          replacement = ' e ')
regras_incon$Indicador <- 'Inconsistência'
regras_incon <- regras_incon[-c(17,18),]</pre>
#implausibilidade
regras_implau <- regras_implau |> as.data.frame() |> t() |> as.data.frame()
regras_implau <- cbind(regras_implau |> row.names(),regras_implau)
regras_implau |> row.names() <- NULL</pre>
regras_implau |> colnames() <- c('Variavel','Regra')</pre>
regras_implau$Variavel <- regras_implau$Variavel |>
  gsub(pattern = '_IMPOSSIVEL', replacement = '')
regras_implau$Regra <- regras_implau$Regra |>
  gsub(pattern = 'de gestantes ', replacement = '')
regras_implau$Regra <- regras_implau$Regra |>
  gsub(pattern = 'Gestantes ', replacement = 'Gestantes e puérperas ')
regras_implau$Regra[4] <- 'Gestantes e puérperas ao mesmo tempo'
regras_implau$Indicador <- 'Implausiblidade'</pre>
#incompletude
regras_incom <- regras_incom |> as.data.frame() |> t() |> as.data.frame()
```

```
regras_incom <- cbind(regras_incom |> row.names(),regras_incom)
regras_incom |> row.names() <- NULL</pre>
regras_incom |> colnames() <- c('Variavel', 'Regra')</pre>
regras_incom$Indicador <- 'Incompletude'</pre>
#CORRECAO PARA CODIGO DO QUALIDADOS
regras_sivep <- rbind(regras_incon,regras_implau,regras_incom)</pre>
for(i in seq along(SIVEP dic$`Codigo SIVEP`)) {
  for(j in 1:ncol(regras_sivep)){
 regras_sivep[,j] <- gsub(SIVEP_dic$`Codigo SIVEP`[i],</pre>
                           SIVEP_dic$`Codigo Qualidados`[i],
                       regras_sivep[,j])
regras_sivep$Variavel <- regras_sivep$Variavel %>%
  gsub(pattern = '_IMPROVAVEL',replacement = '')
#DESCRICAO DOS INDICADORES
desc_incom <- 'análise das informações que estão faltando na base de dados,
seja porque não foram preenchidas ("dados em branco") ou porque a
resposta era desconhecida ("dados ignorados").'
desc_implau <- "análise das informações que são improváveis e/ou dificilmente
possam ser consideradas aceitáveis dadas as características de sua natureza."
desc incon <- "informações que parecem ilógicas e/ou incompatíveis a
partir da análise da combinação dos dados informados em dois
ou mais campos do formulário."
var sivep incon <-
  regras_sivep[regras_sivep$Indicador=='Inconsistência','Variavel']
#VARIAVEIS AUXILIARES PARA INCONSISTENCIA
Var_incon_relacao <- list(</pre>
  c('SEXO','IDADE_GEST'),
  c('FATOR_RISCO', 'CARDIOPATI', 'HEMATOLOGI', 'SIND_DOWN', 'HEPÁTICA',
    'ASMA', 'DIABETES',
    'NEUROLÓGICA', 'PNEUMOPATIA', 'IMUNODEPRESSAO', 'RENAL_CRON', 'OBESIDADE',
    'OBES_IMC', 'OUT_FATOR_RISCO'),
  c('VACINA','DT VACINA GRIPE'),
  c('MAE_VACINA','DT_VACINA_MAE'),
  c('DT_DOSE_UNICA','IDADE'),
  c('ANTIVIRAL','TIPO_ANTIVIRAL'),
  c('INTERNACAO', 'DT_INTERNACAO'),
  c('UTI', 'DT_UTI', 'INTERNACAO'),
  c('RESULT_RAIOX' ,'DT_RAIOX' ),
  c('AMOSTRA_DIAG' ,'DT_COLETA_AMO' ),
  c('HIST_VIAGEM','LO_PS_VGM', 'DT_VGM', 'DT_RT_VGM'),
  c('RESULT_TOMOGR' ,'DT_TOMOGRAFIA' ),
  c('RES_AN' ,'TIPO_ANTIGENICO' ,'DT_RES_ANTIGENICO'),
  c('VACINA_COVID','DOSE_1_COV','DOSE_2_COV'),
  c('CLASSI_FIN' ,'PCR_INFLU' ,'ANTIGENICO_INFLU' ),
  c('CLASSI_FIN' ,'PCR_OUTRO' ,'AN_OUTRO')
names(Var_incon_relacao) <-</pre>
```

```
regras_sivep[regras_sivep$Indicador == 'Inconsistência','Variavel']
Var_incon_relacao <-</pre>
  Var_incon_relacao[var_sivep_incon] %>% unlist() %>% unname()
Var_incon_relacao <-</pre>
  Var_incon_relacao [Var_incon_relacao %in% colnames(sivep)]
#VARIAVEIS PARA FILTRO
var sivep implau <-
  regras_sivep$Variavel[regras_sivep$Indicador == 'Implausiblidade'] %>%
  unique()
var_sivep_incom <-</pre>
 regras_sivep$Variavel[regras_sivep$Indicador == 'Incompletude'] %>%
  unique()
dados_oobr_qualidados_SIVEP_2009_2023 <- sivep</pre>
#DADOS
usethis::use_data(dados_oobr_qualidados_SIVEP_2009_2023,overwrite = T)
#VARIVEIS PARA FILTRO
usethis::use_data(Var_incon_relacao,overwrite = T)
usethis::use_data(var_sivep_incom,overwrite = T)
usethis::use_data(var_sivep_implau,overwrite = T)
usethis::use_data(var_sivep_incon,overwrite = T)
#DESCRICAO
usethis::use_data(desc_incom, overwrite = T)
usethis::use_data(desc_implau, overwrite = T)
usethis::use data(desc incon, overwrite = T)
#DICIONARIO
usethis::use_data(SIVEP_dic,overwrite = T)
usethis::use_data(regras_sivep,overwrite = T)
```

Análise dos dados de caracterização

Classificação caso de SRAG

A variável que indica a classificação é a CLASSI_FIN, que possui as seguintes categorias: 1 - SRAG por influenza 2 - SRAG por outro vírus respiratório 3 - SRAG por outro agente etiológico 4 - SRAG não especificado 5 - SRAG por COVID-19

Table 1: Tabela de frequências para classificação do caso

	n	%
1	6647	10.5
2	1357	2.1
3	3831	6.1
4	23064	36.4
5	25947	41.0
Em Branco	2387	3.8
Ignorado	43	0.1
Total	63276	100.0

É perceptível que a maior concentração de dados está nas categorias de COVID-19 e SRAG não especificado. Todos os totais de dados considerados 'Em Branco', 'Implausíveis' e outras categorias similares serão apresentados posteriormente no documento.

Indicativo de Gestante ou Puérpera

Neste ponto, é realizada uma alteração nos dados para visualizar o trimestre gestacional e se a pessoa é puérpera ou não.

```
#tabela de frequência para a classificação
questionr::freq( dados oobr qualidados SIVEP 2009 2023 |> mutate(
                classi_gesta_puerp = case_when(
                IDADE_GEST == '1'~ "1tri",
                IDADE GEST == '2'~ "2tri",
                IDADE GEST == '3' ~ "3tri",
                IDADE_GEST == '4' ~ "IG_ig",
                ( IDADE_GEST == '5' & PUERPERA == '1' )~ "puerp",
                (IDADE_GEST == '9' & PUERPERA == '1')~ "puerp",
                TRUE ~ "não"
                )) |> select(classi_gesta_puerp),
                    cum = FALSE,
                    total = TRUE,
                    na.last = FALSE,
                    valid = FALSE
                    ) %>%
          kable(caption =
          "Tabela de frequências para classificação do trimestre gestacional ",
                  digits = 2)
```

Table 2: Tabela de frequências para classificação do trimestre gestacional

	n	%
1tri	6761	10.7
2tri	14827	23.4
3tri	25593	40.4
IG_ig	2204	3.5
não	3855	6.1
puerp	10036	15.9

	n	%
Total	63276	100.0

É importante observar que as implausibilidades e incompletudes são classificadas como "NÃO" no contexto mencionado.

Período Gestacional

A variável IDADE_GEST representa o período gestacional e assume os seguintes valores: $1 - 1^{\circ}$ Trimestre; $2 - 2^{\circ}$ Trimestre; $3 - 3^{\circ}$ Trimestre; 4 - Idade Gestacional Ignorada; 5 - Não; 6 - Não se aplica; Ignorado.

```
#tabela de frequência para gestação
questionr::freq(
dados_oobr_qualidados_SIVEP_2009_2023$IDADE_GEST,
cum = FALSE,
total = TRUE,
na.last = FALSE,
valid = FALSE
) %>%
kable(caption = "Tabela de frequências para variável
sobre gestação", digits = 2)
```

Table 3: Tabela de frequências para variável sobre gestação

	n	%
0	1	0.0
1	6761	10.7
2	14827	23.4
3	25593	40.4
4	2204	3.5
5	10036	15.9
6	1155	1.8
Ignorado	677	1.1
Impossivel	2022	3.2
Total	63276	100.0

Neste caso, os dados em que a variável IDADE_GEST assume os valores 1, 2, 3 ou 4, e a variável PUERPERA assume o valor 1 - É puérpera, são classificados como "Impossíveis".

Sexo

O Painel se limita aos dados em que o indivíduo observado foi classificado como gestante ou puérpera. Portanto, qualquer dado que indique "M" - Homem é considerado impossível. No total, existem 11 observações com essa classificação.

```
total = TRUE,
na.last = FALSE,
valid = FALSE
) %>%
   kable(caption = "Tabela de frequências para sexo", digits = 2)
```

Table 4: Tabela de frequências para sexo

	n	%
F	62818	99.3
Impossivel	458	0.7
Total	63276	100.0

Idade

A variável IDADE representa a idade do indivíduo como um valor numérico. Nesse contexto, os dados cujos valores sejam maiores que 55 ou menores que 10 são classificados como implausíveis, sendo considerados como impossíveis ou improváveis.

Table 5: Tabela de frequências para variável idade

	n	%
10	17	0.0
11	19	0.0
12	32	0.1
13	76	0.1
14	242	0.4
15	498	0.8
16	759	1.2
17	1025	1.6
18	1223	1.9
19	1546	2.4
20	1686	2.7
21	1915	3.0
22	2016	3.2
23	2173	3.4
24	2169	3.4
25	2253	3.6
26	2215	3.5

	n	%
27	2238	3.5
28	2214	3.5
29	2117	3.3
30	2135	3.4
31	2140	3.4
32	1972	3.1
33	1900	3.0
34	1846	2.9
35	1829	2.9
36	1607	2.5
37	1474	2.3
38	1309	2.1
39	1168	1.8
40	895	1.4
41	604	1.0
42	465	0.7
43	308	0.5
44	243	0.4
45	147	0.2
46	82	0.1
47	73	0.1
48	63	0.1
49	51	0.1
50	42	0.1
51	41	0.1
52	44	0.1
53	53	0.1
54	64	0.1
55	55	0.1
Impossivel	14589	23.1
Improvavel	1644	2.6
Total	63276	100.0

Raça

A variável RACA representa a raça do indivíduo e possui as seguintes categorias:1 - Branca; 2 - Preta; 3 - Amarela; 4 - Parda; 5 - Indígena; Ignorado

```
#tabela de frequência para gestação
questionr::freq(
    dados_oobr_qualidados_SIVEP_2009_2023$RACA,
    cum = FALSE,
    total = TRUE,
    na.last = FALSE,
    valid = FALSE
) %>%
    kable(caption = "Tabela de frequências para variável
    Raça/Cor", digits = 2)
```

Table 6: Tabela de frequências para variável Raça/Cor

	n	%
1	25265	39.9
2	3809	6.0
3	480	0.8
4	25705	40.6
5	331	0.5
Em Branco	956	1.5
Ignorado	6730	10.6
Total	63276	100.0

Os dados da população apresentam uma predominância majoritária nas categorias de raça "Branca" e "Parda".

UF de Notificação

A variável SG_UF_NOT representa a Unidade Federativa (UF) do estado de notificação do caso de SRAG. Ela assume diferentes valores correspondentes aos estados do Brasil.

Table 7: Tabela de frequências para variável UF de notificação

\mathbf{n}	%
259	0.4
758	1.2
1552	2.5
300	0.5
1784	2.8
3191	5.0
1797	2.8
476	0.8
1746	2.8
774	1.2
5406	8.5
1484	2.3
1298	2.1
2119	3.3
1905	3.0
1657	2.6
	259 758 1552 300 1784 3191 1797 476 1746 774 5406 1484 1298 2119 1905

	n	%
PI	887	1.4
PR	7044	11.1
RJ	4579	7.2
RN	644	1.0
RO	604	1.0
RR	108	0.2
RS	2852	4.5
SC	2761	4.4
SE	403	0.6
SP	16463	26.0
TO	425	0.7
Total	63276	100.0

Escolaridade

A variável ESCOLARIDADE representa o nível de escolaridade do paciente e possui as seguintes categorias: 0 - Sem escolaridade/Analfabeto; 1 - Fundamental 1° ciclo, 1^{a} a 5^{a} série; 2 - Fundamental 2° ciclo, 6^{a} a 9^{a} série; 3 - Médio, 1° ao 3° ano; 4 - Superior; 5 - Não se aplica; Ignorado. Para os níveis de escolaridade fundamental e médio, deve-se considerar a última série ou ano concluído.

```
#tabela de frequência para gestação
questionr::freq(
dados_oobr_qualidados_SIVEP_2009_2023$ESCOLARIDADE,
cum = FALSE,
total = TRUE,
na.last = FALSE,
valid = FALSE
) %>%
kable(caption = "Tabela de frequências para variável
Escolaridade", digits = 2)
```

Table 8: Tabela de frequências para variável Escolaridade

	n	%
0	296	0.5
0.0	52	0.1
1	3748	5.9
10.0	161	0.3
2	7002	11.1
3	12838	20.3
4	3723	5.9
5	846	1.3
6	1316	2.1
7	192	0.3
8	315	0.5
Em Branco	16121	25.5
Ignorado	16666	26.3
Total	63276	100.0

Entre as observações, o índice de ensino médio concluído é o de maior frequência. Isso significa que a categoria correspondente ao nível de escolaridade "Médio, 1° ao 3° ano" é a mais comum.

Análise dos Indicadores

Segue abaixo a frequência para cada variável e cada indicador apresentado no painel. As regras de decisão podem ser observadas na aba de tratamento ou no próprio dicionário do painel.

Incompletude

As regras aqui utilizadas são apresentadas no dicionário do painel, mostramos abaixo a frequência relativa a cada variável do painel apresentando alguma das incompletudes. Lembrando que o sivep possui um total de 35792 observações. Essas frequências representam a porcentagem de ocorrência de cada valor em relação ao total de observações para cada variável.

```
tabela_resultados <- data.frame(Variavel = character(),</pre>
                                  Ignorado = numeric(),
                                   `Em Branco` = numeric(),
                                  `Porcentagem Incompletude` = character(),
                                  row.names = NULL, stringsAsFactors = FALSE)
# Iteração sobre as colunas do dataframe original
for (col in colnames(dados oobr qualidados SIVEP 2009 2023)) {
  # Contagem dos casos "Ignorado" e "Em Branco"
  contagem_ignorado <- sum(dados_oobr_qualidados_SIVEP_2009_2023[[col]] == "Ignorado", na.rm = TRUE)
  contagem_em_branco <- sum(dados_oobr_qualidados_SIVEP_2009_2023[[col]] == "Em Branco", na.rm = TRUE)
  porc <- (contagem_ignorado + contagem_em_branco)/length(dados_oobr_qualidados_SIVEP_2009_2023[[col]])
  # Adição dos resultados à tabela
  tabela_resultados <- rbind(tabela_resultados,</pre>
                        data.frame(Variavel = col,
                                    Ignorado = contagem_ignorado,
                                     `Em Branco` = contagem_em_branco,
                                     Porcentagem Incompletude = paste0(
                                    round(porc*100,2),'%')))
tabela_resultados |> kable()
```

Variavel	Ignorado	Em.Branco	Porcentagem.Incompletude
SEXO	0	0	0%
IDADE	0	0	0%
TIPO_IDADE	0	14472	22.87%
RACA	6730	956	12.15%
ESCOLARIDADE	16666	16121	51.82%
ZONA	403	18413	29.74%
SURTO_SG	0	50054	79.1%
SRAG_POS	3069	20666	37.51%
AVES_SUINOS	6530	20830	43.24%
FEBRE	476	7261	12.23%
TOSSE	379	5192	8.8%
GARGANTA	1072	10877	18.88%
DISPENEIA	456	7617	12.76%

Variavel	Ignorado	Em.Branco	Porcentagem.Incompletude
DESC_RESPIRATORIO	614	17016	27.86%
SATURAÇÃO	1005	17811	29.74%
DIARREIA	873	19184	31.7%
VOMITO	708	26437	42.9%
OUTRO_SINT	1316	12440	21.74%
FATOR_RISCO	0	15837	25.03%
CARDIOPATI	892	30196	49.13%
HEMATOLOGI	352	44659	71.13%
SIND_DOWN	562	38334	61.47%
HEPÁTICA	628	38381	61.65%
ASMA	315	44180	70.32%
DIABETES	305	43839	69.76%
NEUROLÓGICA	606	38298	61.48%
PNEUMOPATIA	912	30970	50.39%
IMUNODEPRESSAO	929	31018	50.49%
RENAL_CRON	910	31178	50.71%
OBESIDADE	669	37916	60.98%
OUT_FATOR_RISCO	762	27796	45.13%
MAE_VACINA	16	63232	99.96%
MAE_AMAMENTA	12	63240	99.96%
ANTIVIRAL	4875	13923	29.71%
TIPO_ANTIVIRAL	0	58225	92.02%
INTERNACAO	335	1032	2.16%
DT_INTERNACAO	0	2039	3.22%
UTI	606	13747	22.68%
SUPORT_VENT	1316	13603	23.58%
AMOSTRA_DIAG	140	9406	15.09%
DT_COLETA_AMO	0	8550	13.51%
RT-PCR_INFLU	1340	52048	84.37%
RT-PCR_OUTRO	34	47622	75.31%
EVOLUCAO	1842	5163	11.07%
HIST_VIAGEM	0	14473	22.87%
DOR_ABD	701	33255	53.66%
FADIGA	682	32532	52.49%
PERDA_OLFT	867	32884	53.34%
PERDA_PALADAR	882	32948	
ANTIGENICO_INFLU	523	58245	92.88%
ANTIGENICO_OUTRO	62	56984	90.15%
IDADE_GEST	677	0	1.07%
DT_VACINA_GRIPE	0	15157	23.95%
DT_VACINA_MAE	0	15845	25.04%
DT_DOSE_UNICA	0	15845	25.04%
DT_UTI	0	13050	20.62%
RESULT_RAIOX	3840	22070	40.95%
DT_RAIOX	1905	6719	10.62%
RESULT_TOMOGR	1805	36975	61.29%
DT_TOMOGRAFIA	0	15845	25.04%
TIPO_ANTIGENICO	0	45731	72.27%
DT_RESULT_ANTTIGENICO	0	15844	25.04%
VACINA_COVID	3829	35410	62.01%
VACINA	16848	12046	45.66%
TIPO_AMOSTRA	0	59360	93.81%

Variavel	Ignorado	Em.Branco	${\bf Porcentagem. In completude}$
PUERPERA	306	34121	54.41%
DOSE1_COVID	0	30732	48.57%
DOSE2_COVID	0	30732	48.57%
LOCAL_VIAGEM	0	26922	42.55%
DT_VIAGEM	0	26922	42.55%
DT_RETORNO_VIAGEM	0	26922	42.55%
RESULT_ANT	0	21849	34.53%
ANO	0	0	0%
MUNICIPIO	0	0	0%
SG_UF_NOT	0	0	0%
CLASSI_FIN	43	2387	3.84%
SEXO e IDADE_GEST	0	0	0%
FATOR_RISCO e COMORBIDADES	0	0	0%
VACINA e DT_VACINA_GRIPE	0	0	0%
MAE_VACINA e DT_VACINA_MAE	0	0	0%
DT_DOSE_UNICA e IDADE	0	0	0%
ANTIVIRAL e TIPO_ANTIVIRAL	0	0	0%
INTERNACAO e DT_INTERNACAO	0	0	0%
UTI e DT_UTI	0	0	0%
RESULT_RAIOX e DT_RAIOX	0	0	0%
AMOSTRA_DIAG e DT_COLETA_AMO	0	0	0%
HIST_VIAGEM e Campos_VGMs	0	0	0%
RESULT_TOMOGR e DT_TOMOGRAFIA	0	0	0%
TIPO_ANTIGENICO e	0	0	0%
DT_RESULT_ANTTIGENICO			
VACINA_COVID e DOSES	0	0	0%
CLASSI_FIN_SRAG_INFLUENZA	0	0	0%
CLASSI_FIN_SRAG_OUTROS_VIRUS	0	0	0%
TIPO_ANTIGENICO e	0	0	0%
DT_RES_ANTIGENICO			

Implausibilidade

```
tabela_resultados <- data.frame(Variavel = character(),</pre>
                                Implausivel = numeric(),
                                `Impossivel` = numeric(),
                                `Porcentagem Implausibilidade` = character(),
                                row.names = NULL, stringsAsFactors = FALSE)
# Iteração sobre as colunas do dataframe original
for (col in colnames(dados_oobr_qualidados_SIVEP_2009_2023)) {
  # Contagem dos casos "Ignorado" e "Em Branco"
  contagem_Implausivel <- sum(dados_oobr_qualidados_SIVEP_2009_2023[[col]] == "Improvavel", na.rm = TRU
  contagem_Impossivel <- sum(dados_oobr_qualidados_SIVEP_2009_2023[[col]] == "Impossivel", na.rm = TRUE
  porc <- (contagem_Implausivel + contagem_Impossivel)/length(dados_oobr_qualidados_SIVEP_2009_2023[[co
  # Adição dos resultados à tabela
  tabela_resultados <- rbind(tabela_resultados,</pre>
                            data.frame(Variavel = col,
                                        Implausivel = contagem_Implausivel,
                                         Impossivel = contagem_Impossivel,
```

`Porcentagem Implausibilidade` = paste0(round(porc*100,2),'%')))}

tabela_resultados |> kable()

Variavel	Implausivel	Impossivel	Porcentagem.Implausibilidade
SEXO	0	458	0.72%
IDADE	1644	14589	25.65%
TIPO_IDADE	0	0	0%
RACA	0	0	0%
ESCOLARIDADE	0	0	0%
ZONA	0	0	0%
SURTO_SG	0	1458	2.3%
SRAG_POS	0	0	0%
AVES_SUINOS	0	47	0.07%
FEBRE	0	0	0%
TOSSE	0	0	0%
GARGANTA	0	0	0%
DISPENEIA	0	0	0%
DESC_RESPIRATORIO	0	0	0%
SATURAÇÃO	0	0	0%
DIARREIA	0	0	0%
VOMITO	0	0	0%
OUTRO_SINT	0	0	0%
FATOR_RISCO	0	14895	23.54%
CARDIOPATI	0	0	0%
HEMATOLOGI	0	0	0%
SIND_DOWN	0	0	0%
HEPÁTICA	0	0	0%
ASMA	0	0	0%
DIABETES	0	0	0%
NEUROLÓGICA	0	0	0%
PNEUMOPATIA	0	0	0%
IMUNODEPRESSAO	0	1017	1.61%
RENAL_CRON	0	0	0%
OBESIDADE	0	0	0%
OUT_FATOR_RISCO	0	0	0%
MAE_VACINA	0	0	0%
MAE_AMAMENTA	0	0	0%
ANTIVIRAL	0	33	0.05%
TIPO_ANTIVIRAL	0	0	0%
INTERNACAO	0	0	0%
DT_INTERNACAO	0	12453	19.68%
UTI	0	0	0%
SUPORT_VENT	0	0	0%
AMOSTRA_DIAG	0	187	0.3%
DT_COLETA_AMO	0	6002	9.49%
RT-PCR_INFLU	0	0	0%
RT-PCR_OUTRO	0	0	0%
EVOLUCAO	0	0	0%
HIST_VIAGEM	0	38260	60.47%
DOR ABD	0	0	0%

Variavel	Implausivel	Impossivel	Porcentagem.Implausibilidade
FADIGA	0	0	0%
PERDA_OLFT	0	0	0%
PERDA_PALADAR	0	1	0%
ANTIGENICO_INFLU	0	0	0%
ANTIGENICO_OUTRO	0	0	0%
IDADE_GEST	0	2022	3.2%
DT_VACINA_GRIPE	0	0	0%
DT_VACINA_MAE	0	0	0%
DT_DOSE_UNICA	0	0	0%
DT_UTI	0	0	0%
RESULT_RAIOX	0	0	0%
DT_RAIOX	0	0	0%
RESULT_TOMOGR	0	0	0%
DT TOMOGRAFIA	0	0	0%
TIPO ANTIGENICO	0	0	0%
DT_RESULT_ANTTIGENICO	0	0	0%
VACINA_COVID	0	0	0%
VACINA	0	0	0%
TIPO AMOSTRA	0	517	0.82%
PUERPERA	0	2022	3.2%
DOSE1_COVID	0	0	0%
DOSE2 COVID	0	0	0%
LOCAL_VIAGEM	0	0	0%
DT_VIAGEM	0	0	0%
DT_RETORNO_VIAGEM	0	0	0%
RESULT ANT	0	0	0%
ANO	0	0	0%
MUNICIPIO	0	0	0%
SG_UF_NOT	0	0	0%
CLASSI FIN	0	0	0%
SEXO e IDADE GEST	0	0	0%
FATOR_RISCO e COMORBIDADES	0	0	0%
VACINA e DT_VACINA_GRIPE	0	0	0%
MAE_VACINA e DT_VACINA_MAE	0	0	0%
DT DOSE UNICA e IDADE	0	0	0%
ANTIVIRAL e TIPO ANTIVIRAL	0	0	0%
INTERNACAO e DT INTERNACAO	0	0	0%
UTI e DT UTI	0	0	0%
RESULT_RAIOX e DT_RAIOX	0	0	0%
AMOSTRA_DIAG e	0	0	0%
DT COLETA AMO			
HIST_VIAGEM e Campos_VGMs	0	0	0%
RESULT TOMOGR e	0	0	0%
DT TOMOGRAFIA			
TIPO ANTIGENICO e	0	0	0%
DT RESULT ANTTIGENICO	ŭ	3	-
VACINA COVID e DOSES	0	0	0%
CLASSI_FIN_SRAG_INFLUENZA	0	0	0%
CLASSI_FIN_SRAG_OUTROS_VIRUS	0	0	0%
TIPO ANTIGENICO e	0	0	0%
DT RES ANTIGENICO	Ŭ	· ·	

Inconsistência

As regras utilizadas para identificar as inconsistências no banco de dados podem ser visualizadas na aba de dicionário do painel. Nessa seção, é possível encontrar as informações detalhadas sobre as regras adotadas para determinar as inconsistências nos dados. Recomenda-se consultar essa aba para obter mais detalhes.

```
tabela_resultados <- data.frame(Variavel = character(),</pre>
                              Inconsistência = numeric(),
                              `Porcentagem Inconsistência` = character(),
                              row.names = NULL, stringsAsFactors = FALSE)
# Iteração sobre as colunas do dataframe original
for (col in colnames(dados oobr qualidados SIVEP 2009 2023)) {
  # Contagem dos casos "Ignorado" e "Em Branco"
  contagem <- sum(dados oobr qualidados SIVEP 2009 2023[[col]] == "Inconsistencia", na.rm = TRUE)
  porc <- (contagem)/length(dados_oobr_qualidados_SIVEP_2009_2023[[col]])</pre>
  # Adição dos resultados à tabela
  if (contagem > 0) {
        tabela resultados <- rbind(tabela resultados,
                                  data.frame(Variavel = col,
                                   `Inconsistência` = contagem,
                                   Porcentagem Implausibilidade = paste0(
                                  round(porc*100,2),'%')))}
tabela_resultados |> kable()
```

Variavel	Inconsistência	${\bf Porcentage m. Implausi bilidade}$
SEXO e IDADE_GEST	13	0.02%
FATOR_RISCO e COMORBIDADES	5440	8.6%
VACINA e DT_VACINA_GRIPE	28777	45.48%
MAE_VACINA e DT_VACINA_MAE	13	0.02%
DT_DOSE_UNICA e IDADE	46609	73.66%
INTERNACAO e DT_INTERNACAO	1646	2.6%
UTI e DT_UTI	32177	50.85%
RESULT_RAIOX e DT_RAIOX	23121	36.54%
AMOSTRA_DIAG e DT_COLETA_AMO	133	0.21%
HIST_VIAGEM e Campos_VGMs	11942	18.87%
RESULT_TOMOGR e DT_TOMOGRAFIA	18446	29.15%
TIPO_ANTIGENICO e	11988	18.95%
DT_RESULT_ANTTIGENICO		
VACINA_COVID e DOSES	15179	23.99%

SINASC

O Sistema de Informações sobre Nascidos Vivos (SINASC) foi oficialmente implantado a partir de 1990, com o propósito de coletar dados sobre os nascimentos ocorridos em todo o território nacional, fornecendo informações relevantes sobre a natalidade para todos os níveis do Sistema de Saúde.

O SINASC é gerenciado pelo Ministério da Saúde em parceria com as Secretarias Estaduais e Municipais de Saúde. Seu objetivo principal é subsidiar a formulação, implementação e avaliação de políticas públicas relacionadas à saúde materno-infantil.

Extração

Para a base de dados do SINASC, assim como para a base de dados do SIVEP-GRIPE e do SIM (Sistema de Informações sobre Mortalidade), a extração dos dados foi realizada por meio da API disponibilizada pela PCDas (Plataforma de Ciência de Dados Aplicada à Saúde) abrangendo os anos de 1996 a 2021, e pelo Open datasus para os dados preliminares referentes a 2022.

Durante a extração dos dados por meio da API, os mesmos são devidamente filtrados, tratados e subdivididos em três bases distintas. Essa subdivisão ocorre devido ao tamanho excessivo do arquivo completo, buscando otimizar o processamento e análise dos dados. Cada uma das três bases corresponde a um dos indicadores trabalhados no painel.

As bases finais resultantes contêm informações sobre o número de casos dos indicadores e o total de observações, agrupados por município-UF, ano e variável em questão. Essa organização permite uma visualização e análise mais eficiente dos dados, facilitando a compreensão dos padrões e tendências relacionados aos indicadores monitorados no painel.

```
import glob
import pandas as pd
from collections import Counter
import datetime as dt
import warnings
warnings.filterwarnings("ignore")
regras_ignorados = {}
regras_ignorados['LOCNASC'] = [9]
regras_ignorados['ESTCIVMAE'] = [9]
regras_ignorados['ESCMAE'] = [9]
regras_ignorados['GESTACAO'] = [9]
regras_ignorados['GRAVIDEZ'] = [9]
regras_ignorados['PARTO'] = [9]
regras_ignorados['CONSULTAS'] = [9]
regras_ignorados['CONSULTAS'] = [9]
regras ignorados['SEXO'] = [0, 9, 'I']
regras ignorados['RACACOR'] = [9]
regras ignorados['IDANOMAL'] = [8,9]
regras_ignorados['ESCMAE2010'] = [9]
regras_ignorados['TPMETESTIM'] = [8,9]
regras_ignorados['TPMETESTIM'] = [99]
regras ignorados['TPAPRESENT'] = [9]
regras_ignorados['STTRABPART'] = [9]
regras_ignorados['STCESPARTO'] = [9]
regras_ignorados['TPNASCASSI'] = [9]
regras_ignorados['TPFUNCRESP'] = [0]
regras_ignorados['ESCMAEAGR1'] = [9]
regras_ignorados['TPROBSON'] = [11,12]
regras ignorados['IDADEMAE'] = [99]
regras_ignorados['PESO'] = [9999]
for f in glob.glob('SINASC dataset/*.csv'):
```

```
df = pd.read_csv(f)
print(len(df))
ano = f.split('/')[1].split('_')[3].split('.')[0]
codmun = df['CODMUNNASC']
estado = f.split('/')[1].split('_')[2]
df_ignorados = df.copy()
df totais = df.isna()
df_nulos = df_totais.copy()
df_totais['ANO'] = ano
df_totais['CODMUNNASC'] = codmun
df_totais = df_totais.groupby(['ANO','CODMUNNASC']) \
                  .count() \
                  .reset_index() \
                  .melt(id_vars=['ANO','CODMUNNASC'])
df_totais.columns = ['ANO', 'CODMUNNASC', 'VARIAVEL', 'TOTAIS']
df nulos['CODMUNNASC'] = codmun
df_nulos['ANO'] = ano
df_nulos = df_nulos.groupby(['ANO','CODMUNNASC']).sum() \
                  .reset index() \
                  .melt(id_vars=['ANO','CODMUNNASC'])
df_nulos.columns = ['ANO', 'CODMUNNASC', 'VARIAVEL', 'NULOS']
for c in df_ignorados.columns:
    if c in regras_ignorados:
        df_ignorados[c] = df_ignorados[c].isin(regras_ignorados[c])
    else:
        if c not in ['ANO','CODMUNNASC']:
            df_ignorados.drop(columns=[c], inplace=True)
df_ignorados['CODMUNNASC'] = codmun
df_ignorados['ANO'] = ano
df_ignorados = df_ignorados.groupby(['ANO', 'CODMUNNASC']) \
                    .sum() \
                    .reset_index().melt(id_vars=['ANO','CODMUNNASC'])
df_ignorados.columns = ['ANO', 'CODMUNNASC', 'VARIAVEL', 'IGNORADOS']
df_ignorados = df_ignorados.fillna(0)
x = df_totais.merge(df_nulos,how='left',on=['ANO','CODMUNNASC','VARIAVEL'])
x = x.merge(df_ignorados, how='left', on=['ANO','CODMUNNASC','VARIAVEL'])
x = x.reset_index()
x = x[['ANO', 'CODMUNNASC', 'VARIAVEL', 'NULOS', 'IGNORADOS', 'TOTAIS']]
x = x.fillna(0)
```

```
x.to_csv('SINASC_dataset/resultados/Incompletude_{}_{}.csv' \
               .format(estado, ano),
             index=None, compression='gzip')
incompletude = pd.DataFrame()
for f in glob.glob('SINASC_dataset/resultados/Incompletude_*.csv'):
    df = pd.read csv(f, compression='gzip')
    incompletude = pd.concat([incompletude, df], axis=0)
incompletude.fillna(0, inplace=True)
incompletude = incompletude[~incompletude.VARIAVEL.isin(['contador','NOVO'])]
incompletude.to csv('SINASC Incompletude v2.csv',index=None,compression='gzip')
# qera regras
import json
regras = {}
for r in regras_ignorados:
    regras["IGNORADOS_" + r] = "Se o campo " + r + \
    " estiver preenchido com " + str(regras_ignorados[r])
with open('SINASC_Incompletude_Regras.json', 'w') as fp:
    json.dump(regras, fp, indent=4)
#IMPLAUSIBLIDADE
colunas_implausibilidade = ['ANO', 'ESTADO', 'CODMUNNASC', 'LOCNASC',
                             'IDADEMAE', 'ESTCIVMAE', 'ESCMAE', 'QTDFILVIVO',
                             'QTDFILMORT', 'GESTACAO', 'GRAVIDEZ', 'PARTO',
                             'CONSULTAS', 'DTNASC', 'HORANASC', 'SEXO',
                             'APGAR1', 'APGAR5', 'RACACOR', 'PESO', 'IDANOMAL',
                             'DTCADASTRO', 'CODANOMAL', 'ESCMAE2010', 'DTNASCMAE',
                             'QTDGESTANT', 'QTDPARTNOR', 'QTDPARTCES', 'IDADEPAI',
                             'DTULTMENST', 'SEMAGESTAC', 'TPMETESTIM', 'TPAPRESENT',
                             'STTRABPART', 'STCESPARTO', 'TPNASCASSI', 'TPFUNCRESP',
                             'TPDOCRESP', 'TPROBSON', 'SERIESCMAE', 'CONSPRENAT',
                             'MESPRENAT', 'ESCMAEAGR1', 'PARIDADE']
# aplica as regras para variaveis com opcoes
regras_gerais = { 'LOCNASC': [1,2,3,4,5,9],
                   'ESTCIVMAE': [1,2,3,4,5,9],
                   'ESCMAE': [1,2,3,4,5,9],
                   'GESTACAO': [1,2,3,4,5,6,9],
                   'GRAVIDEZ': [1,2,3,9],
                   'PARTO': [1,2,9],
                   'CONSULTAS': [1,2,3,4,9],
                   'SEXO': [1,2,9,0,'M','F','I'],
                   'RACACOR': [1,2,3,4,5],
                   'IDANOMAL': [1,2,9],
                   'ESCMAE2010':[1,2,3,4,5,9],
                   'TPMETESTIM': [1,2,9],
```

```
'TPAPRESENT': [1,2,3,9],
                 'STTRABPART': [1,2,3,9],
                 'STCESPARTO': [1,2,3,9],
                 'TPNASCASSI': [1,2,3,4,9],
                 'TPFUNCRESP': [1,2,3,4,5,9],
                 'TPDOCRESP': [1,2,3,4,5],
                 'TPROBSON': list(range(1,13)), # 1 a 12
                 'SERIESCMAE': list(range(1,9)), # 1 a 8
                 'MESPRENAT': list(range(1,11)) + [99], # 1 a 10 e 99
                 'ESCMAEAGR1': list(range(1,13)), # 1 a 12,
               }
for f in glob.glob('SINASC_dataset/*.csv'):
   df = pd.read_csv(f)
   ano = f.split('/')[1].split('_')[3].split('.')[0]
   estado = f.split('/')[1].split('_')[2]
   codmun = df['CODMUNNASC']
   aux_cols = []
   for c in colunas_implausibilidade:
       if c in df.columns:
           aux_cols.append(c)
   aux = df[aux_cols]
   aux['ANO'] = ano
   aux['CODMUNNASC'] = codmun
   print(ano, estado)
   for col in regras_gerais.keys():
       if col in aux_cols:
           aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & \
                                          (~aux[col].isin(regras_gerais[col]))
    # REGRAS ESPECÍFICAS
   col = 'IDADEMAE'
   if col in aux_cols:
       aux[col] = pd.to_numeric(aux[col], errors='coerce')
       aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & \
                                     ((aux[col] < 10) | (aux[col] > 55))
   for col in ['QTDFILVIVO','QTDFILMORT']:
       if col not in aux_cols:
           continue
       aux[col] = pd.to_numeric(aux[col], errors='coerce')
       aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & \
                                     ((aux[col] < 0) \mid (aux[col] > 70))
```

```
col = 'PESO'
if col in aux_cols:
    aux[col] = pd.to_numeric(aux[col], errors='coerce')
    aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & ((aux[col] < 0) | \</pre>
                                          (aux[col] > 11000))
for col in ['QTDGESTANT','QTDPARTNOR','QTDPARTCES']:
    if col not in aux_cols:
        continue
    aux[col] = pd.to numeric(aux[col], errors='coerce')
    aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & ((aux[col] < 0) | \</pre>
                                                      (aux[col] > 27))
col = 'IDADEPAI'
if col in aux_cols:
    aux[col] = pd.to_numeric(aux[col], errors='coerce')
    aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & ((aux[col] < 10) | \</pre>
                                         (aux[col] > 99))
col = 'SEMAGESTAC'
if col in aux_cols:
    aux[col] = pd.to_numeric(aux[col], errors='coerce')
    aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & (aux[col] < 20)</pre>
col = 'CONSPRENAT'
if col in aux cols:
    aux[col + " IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & (aux[col] < 0)</pre>
for col in ['DTNASC','DTCADASTRO']:
    if col in aux_cols:
        aux[col] = pd.to_numeric(df[col].astype(str).str[-4:],
                                           errors='coerce')
        aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & \
                                       (aux[col] > dt.date.today().year)
col = 'DTNASCMAE'
if col in aux_cols:
    aux[col] = pd.to_numeric(df[col].astype(str).str[-4:],
                                                 errors='coerce')
    aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & ((aux[col] > 2012) | \
                                       (aux[col] < 1967))
col = 'HORANASC'
if col in aux cols:
    if df[col].dtype == "object":
        df[col] = df[col].str.replace(";","")
        df[col] = pd.to_numeric(df[col], errors='coerce')
    hora = pd.to_numeric(df[col], errors='coerce') // 100
    minuto = pd.to_numeric(df[col], errors='coerce') % 100
    aux[col + " IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & (df[col] > 59) & \
                             (hora > 23) & (minuto > 59) # 00:59 vira 59 só
for col in ['APGAR1','APGAR5']:
```

```
if col in aux_cols:
            aux[col] = pd.to_numeric(aux[col], errors='coerce')
            aux[col + " IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & \
                                           ((aux[col] < 0) \mid (aux[col] > 10))
   col = 'PARIDADE'
    if col in aux cols:
        aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & \
                                         ((aux[col] < 0) \mid (aux[col] > 27))
   aux_cols = []
   for c in aux.columns:
       if 'IMPLAUSIVEL' in c:
            aux_cols.append(c)
    aux_cols = ['ANO','ESTADO','CODMUNNASC'] + aux_cols
   df_implausiveis = aux[aux_cols]
   df_implausiveis.fillna(0, inplace=True)
   df_implausiveis = df_implausiveis.groupby(['ANO','CODMUNNASC']) \
                                       .sum() \
                                       .reset_index() \
                                       .melt(id_vars=['ANO','CODMUNNASC'])
   df_implausiveis.columns = ['ANO','CODMUNNASC','VARIAVEL','IMPLAUSIVEIS']
   df['ANO'] = ano
    df['CODMUNNASC'] = codmun
   df_totais = df[['ANO','CODMUNNASC']]
   df_totais['TOTAIS'] = 1
   df_totais = df_totais.groupby(['ANO','CODMUNNASC'])['TOTAIS'] \
                          .sum().reset_index()
   df_totais.columns = ['ANO','CODMUNNASC','TOTAIS']
   df_totais.set_index(['ANO','CODMUNNASC'], inplace=True)
   df_implausiveis.set_index(['ANO','CODMUNNASC'], inplace=True)
   x = df_totais.join([df_implausiveis], how='left')
   x = x.reset_index()
   x = x[['ANO', 'CODMUNNASC', 'VARIAVEL', 'IMPLAUSIVEIS', 'TOTAIS']]
   x = x.fillna(0)
   x.to_csv('SINASC_dataset/resultados/Implausiiblidade_{}_{}.csv' \
                        .format(estado, ano),
             index=None, compression='gzip')
implausibilidade = pd.DataFrame()
```

```
for f in glob.glob('SINASC_dataset/resultados/Implausiiblidade_*.csv'):
   df = pd.read_csv(f, compression='gzip')
    implausibilidade = pd.concat([implausibilidade, df], axis=0)
implausibilidade.fillna(0, inplace=True)
implausibilidade.to_csv('SINASC_Implausibilidade_v2.csv', index=None,
                                              compression='gzip')
# gera regras
import json
regras = {}
regras["IDADEMAE"] = "Se campo IDADEMAE for menor que 10 ou maior que 55"
regras["QTDFILVIVO"] = "Se campo QTDFILVIVO for menor que 0 ou maior que 70"
regras["QTDFILMORT"] = "Se campo QTDFILMORT for menor que 0 ou maior que 70"
regras["PESO"] = "Se campo PESO for menor que 0 ou maior que 11000"
regras["QTDGESTANT"] = "Se campo QTDGESTANT for menor que 0 ou maior que 27"
regras["QTDPARTNOR"] = "Se campo QTDPARTNOR for menor que 0 ou maior que 27"
regras["QTDPARTCES"] = "Se campo QTDPARTCES for menor que 0 ou maior que 27"
regras["IDADEPAI"] = "Se campo IDADEPAI for menor que 10 ou maior que 99"
regras["SEMAGESTAC"] = "Se campo SEMAGESTAC for menor que 20"
regras["CONSPRENAT"] = "Se campo SEMAGESTAC for menor que 0"
regras["DTNASC"] = "Se campo DTNASC for maior que a data da última atualização \
                                                              dos dados"
regras["DTCADASTRO"] = "Se campo DTCADASTRO for menor que a data \
                                          da última atualização dos dados"
regras["DTNASCMAE"] = "Se campo DTNASCMAE for menor que 1967 ou maior que 2012"
regras["HORANASC"] = "Se campo HORANASC não for uma hora válida"
regras["APGAR1"] = "Se campo APGAR1 for menor que 0 ou maior que 10"
regras["APGAR5"] = "Se campo APGAR5 for menor que 0 ou maior que 10"
regras["PARIDADE"] = "Se campo APGAR5 for menor que 0 ou maior que 27"
for k in regras_gerais.keys():
    if k not in regras.keys():
        regras[k] = "Se o campo " + k + "não for preenchido com " + \
       str(regras gerais[k])
with open('SINASC_Implausibilidade_Regras.json', 'w') as fp:
    json.dump(regras, fp, indent=4)
#INCONSISTENCIA ##############################
regras = {}
regras['LOCNASC_e_PARTO'] = "Se campo LOCNASC for 2,3,4,5 e o \
                              campo PARTO estiver preenchido com 2"
regras['PARTO_e_STCESPARTO'] = "Se o campo STCESPARTO estiver preenchido \
                               como 1 e o campo PARTO estiver como 2 ou 9"
regras['TPROBSON_e_composicao'] = "Se o campo TPROBSON estiver preenchido \
                                          entre 1 e 10 e qualquer um dos \
                                          campos QTDGESTANT,QTDPARTNOR, \
```

```
QTDPARTCES, SEMAGESTAC, TPAPRESENT, \
                                          STTRABPART estiverem em branco"
# inconsistencia
for f in glob.glob('SINASC_dataset/*.csv'):
   df = pd.read_csv(f)
   ano = f.split('/')[1].split('_')[3].split('.')[0]
    estado = f.split('/')[1].split('_')[2]
    codmun = df['CODMUNNASC']
   df['PESO'] = df['PESO'].apply(pd.to numeric, errors='coerce')
   df['parto_prematuro'] = df['GESTACAO'] <= 4</pre>
   aux_cols = []
   base = df
    # LOCNASC e PARTO
   base['LOCNASC_e_PARTO_INCONSISTENTES'] = (base['LOCNASC'] \
                                               .isin([2,3,4,5]))
                                               & (base['PARTO'] == 2)
    # PARTO e STCESPARTO
    if 'STCESPARTO' in base.columns:
        base['PARTO_e_STCESPARTO_INCONSISTENTES']=(base['STCESPARTO'] == 1) & \
                                                   (base['PARTO'].isin([2,9]))
    # TPROBSON e composicao
   if 'TPROBSON' in base.columns:
        base['TPROBSON_e_composicao_INCONSISTENTES'] = (base['TPROBSON']\ .
                                             isin([1,2,3,4,5,6,7,8,9,10])) & \
                                             ((~base[['QTDGESTANT','QTDPARTNOR',\
                                             'QTDPARTCES','SEMAGESTAC',\
                                             'TPAPRESENT', 'STTRABPART']]\
                                             .isna()).sum(axis = 1) > 0)
    # PARTO PREMATURO e PESO
   base['PARTO_PREMATURO_e_PESO_INCONSISTENTES']=(base['parto_prematuro'] == 1) \
                                                   & (base['PESO'] > 2500)
   aux cols = []
   for c in base.columns:
        if 'INCONSISTENTES' in c:
            aux_cols.append(c)
   aux = base[aux_cols]
   aux['ANO'] = ano
    aux['CODMUNNASC'] = codmun
```

```
df_inconsistentes = aux
   df inconsistentes.fillna(0, inplace=True)
   df_inconsistentes = df_inconsistentes.groupby(['ANO', 'CODMUNNASC']) \
                                             .sum() \
                                             .reset index() \
                                            .melt(id_vars=['ANO','CODMUNNASC'])
   df_inconsistentes.columns=['ANO','CODMUNNASC','VARIAVEL','INCONSISTENTES']
   df['ANO'] = ano
    df['CODMUNNASC'] = codmun
    df_totais = df[['ANO','CODMUNNASC']]
   df_totais['TOTAIS'] = 1
   df_totais = df_totais.groupby(['ANO','CODMUNNASC'])['TOTAIS'] \
                            .sum().reset_index()
   df_totais.columns = ['ANO', 'CODMUNNASC', 'TOTAIS']
   df_totais.set_index(['ANO','CODMUNNASC'], inplace=True)
   df_inconsistentes.set_index(['ANO','CODMUNNASC'], inplace=True)
   x = df_totais.join([df_inconsistentes], how='left')
   x = x.reset_index()
   x = x[['ANO', 'CODMUNNASC', 'VARIAVEL', 'INCONSISTENTES', 'TOTAIS']]
   x = x.fillna(0)
   x.to_csv('SINASC_dataset/resultados/Inconsistencia_{}_{}.csv' \
                      .format(estado, ano),
             index=None, compression='gzip')
inconsistencias = pd.DataFrame()
for f in glob.glob('SINASC_dataset/resultados/Inconsistencia_*.csv'):
    df = pd.read csv(f, compression='gzip')
    inconsistencias = pd.concat([inconsistencias, df], axis=0)
inconsistencias.fillna(0, inplace=True)
inconsistencias.to_csv('SINASC_Inconsistencia_v2.csv',
                        index=None, compression='gzip')
# qera regras
import json
with open('SINASC_Inconsistencias_Regras.json', 'w') as fp:
    json.dump(regras, fp, indent=4)
```

Tratamento

Após a extração dos dados via API, é realizado o tratamento dos dados no software R para adequá-los ao modelo de dados utilizado no painel. Esse tratamento envolve várias etapas, incluindo a substituição dos códigos dos municípios pelos seus respectivos nomes e a associação das variáveis aos códigos correspondentes utilizado no Qualidados.

Os conjuntos de dados são trabalhados separadamente para cada indicador, garantindo que as informações sejam devidamente organizadas e associadas as abas correspondentes do painel. Dessa forma, cada indicador terá seu próprio conjunto de dados tratados, contendo as informações necessárias para a análise e exibição.

```
#pacotes
library(rjson)
library(readr)
library(dplyr)
library(readxl)
SINASC_dic <- read_excel("data1/dicionarios.xlsx", sheet = "SINASC")
usethis::use data(SINASC dic,overwrite = T)
regras_sinasc_incom <-
 c(fromJSON(file = 'data1/SINASC_Incompletude_Regras.json'))
Sinasc incom <-
 read csv("data1/SINASC Incompletude v2.csv", show col types = FALSE )
#FILTRAR APENAS PARA VARIAVEIS PRESENTES NO DICIONARIO
vars <- SINASC_dic$`Codigo SINASC` %>% unique()
Sinasc_incom$VARIAVEL %>% unique() %>% setdiff(vars)
Sinasc_incom <- Sinasc_incom[Sinasc_incom$VARIAVEL %in% vars,]</pre>
#ACRESCENTAR A COLUNA DE MUNICIPIOS E MUNICIPIOS
aux_muni2 <- abjData::muni %>%
 dplyr::select(uf_id,
               muni id,
               muni_nm_clean,
               uf sigla) %>%
 mutate_at("muni_id", as.character) %>%
 mutate(cod_mun = stringr::str_sub(muni_id, 1, 7))
aux muni2 <- rbind(aux muni2,aux muni2|>
                    mutate(cod_mun = stringr::str_sub(muni_id, 1, 6)))
Sinasc_incom$CODMUNNASC <- as.character(format(Sinasc_incom$CODMUNNASC ,
                                             scientific = FALSE))
Sinasc_incom$CODMUNNASC <- gsub(' ','',Sinasc_incom$CODMUNNASC)</pre>
Sinasc_incom <- Sinasc_incom %>%
 rename(cod_mun = CODMUNNASC ) %>%
 left_join(aux_muni2 ,by='cod_mun') %>%
 select(-muni id,-uf id) %>%
 mutate(uf_id = stringr::str_sub(cod_mun,1,2))
```

```
Sinasc_incom[is.na(Sinasc_incom$uf_sigla)==T,'uf_sigla']<-
  Sinasc_incom[is.na(Sinasc_incom$uf_sigla)==T,]|>
  left_join(unique(aux_muni2[,c('uf_id','uf_sigla')]),by = 'uf_id') |>
  dplyr::select(uf_sigla.y)
Sinasc incom[is.na(Sinasc incom muni nm clean) == T, 'muni nm clean'] <-
  'Não informado'
Sinasc_incom$CODMUNNASC <- Sinasc_incom$muni_nm_clean
Sinasc_incom$ESTADO <- Sinasc_incom$uf_sigla</pre>
Sinasc_incom[,c('cod_mun','uf_id','uf_sigla','muni_nm_clean')] <- NULL
Sinasc_incom[is.na(Sinasc_incom$ESTADO), "ESTADO"] <- 'Não Informado'
regras_sinasc_incom <-regras_sinasc_incom |> as.data.frame() |> t() |>
  as.data.frame()
regras_sinasc_incom <- cbind(regras_sinasc_incom|> row.names(),
                            regras_sinasc_incom)
regras_sinasc_incom |> row.names() <- NULL</pre>
regras_sinasc_incom |> colnames() <- c('Variável', 'Regra')</pre>
regras_sinasc_incom$Variável <- regras_sinasc_incom$Variável |>
  gsub(pattern = 'IGNORADOS_', replacement = '')
regras_sinasc_incom$Regra <- regras_sinasc_incom$Regra |>
  gsub(pattern = 'estiver', replacement = ' estiver')
var aux <- Sinasc incom$VARIAVEL |> unique()
Sinasc_incom <- merge(Sinasc_incom,</pre>
                     SINASC dic[,c("Codigo Qualidados", "Codigo SINASC")],
                     by.x="VARIAVEL", by.y="Codigo SINASC", all=TRUE)
Sinasc_incom <- Sinasc_incom[Sinasc_incom$VARIAVEL %in% var_aux,]</pre>
Sinasc_incom$VARIAVEL <- Sinasc_incom$`Codigo Qualidados`
Sinasc_incom$`Codigo Qualidados` <- NULL</pre>
vars_incom_sinasc <- unique(Sinasc_incom$VARIAVEL)</pre>
regras_sinasc_implau <-
  c(fromJSON(file = 'data1/SINASC_Implausibilidade_Regras.json'))
Sinasc_implau <- read_csv('data1/SINASC_Implausibilidade_v2.csv',
                          show_col_types = FALSE)
Sinasc_implau$VARIAVEL <- Sinasc_implau$VARIAVEL |>
  gsub(pattern = "_IMPLAUSIVEL", replacement = '')
Sinasc_implau$VARIAVEL %>% unique()
#FILTRAR APENAS PARA VARIAVEIS PRESENTES NO DICIONARIO
Sinasc_implau$VARIAVEL %>% unique() %>% setdiff(vars)
Sinasc_implau <- Sinasc_implau[Sinasc_implau$VARIAVEL %in% vars,]
#ACRESCENTAR A COLUNA DE MUNICIPIOS E MUNICIPIOS
Sinasc_implau$CODMUNNASC <- as.character(format(Sinasc_implau$CODMUNNASC ,
                                               scientific = FALSE))
Sinasc_implau$CODMUNNASC <- gsub(' ','',Sinasc_implau$CODMUNNASC)
```

```
Sinasc_implau <- Sinasc_implau %>%
 rename(cod mun = CODMUNNASC) %>%
 left_join(aux_muni2 ,by='cod_mun') %>% select(-muni_id,-uf_id)
Sinasc_implau <- Sinasc_implau |>
 mutate(uf id = stringr::str sub(cod mun,1,2))
Sinasc implau[is.na(Sinasc implau$uf sigla)==T,'uf sigla']<-
 Sinasc_implau[is.na(Sinasc_implau$uf_sigla)==T,]|>
 left_join(unique(aux_muni2[,c('uf_id','uf_sigla')]),by = 'uf_id') |>
 dplyr::select(uf_sigla.y)
Sinasc_implau[is.na(Sinasc_implau$muni_nm_clean)==T, 'muni_nm_clean'] <-
  'Não informado'
Sinasc_implau$CODMUNNASC <- Sinasc_implau$muni_nm_clean
Sinasc_implau$ESTADO <- Sinasc_implau$uf_sigla
Sinasc_implau[is.na(Sinasc_implau$ESTADO), 'ESTADO'] <- 'Não informado'
Sinasc implau[,c('cod mun','uf id','uf sigla','muni nm clean')] <- NULL
regras_sinasc_implau <-regras_sinasc_implau |> as.data.frame() |>
 t() |> as.data.frame()
regras_sinasc_implau <- cbind(regras_sinasc_implau|> row.names(),
                             regras_sinasc_implau)
regras_sinasc_implau |> row.names() <- NULL</pre>
regras_sinasc_implau |> colnames() <- c('Variável','Regra')</pre>
regras_sinasc_implau$Regra <- regras_sinasc_implau$Regra |>
 gsub(pattern = 'não',replacement = ' não')
var_aux <- Sinasc_implau$VARIAVEL |> unique()
Sinasc_implau <- merge(Sinasc_implau,</pre>
                      SINASC_dic[,c("Codigo Qualidados", "Codigo SINASC")]
                       , by.x="VARIAVEL", by.y="Codigo SINASC", all=TRUE)
Sinasc_implau <- Sinasc_implau[Sinasc_implau$VARIAVEL %in% var_aux,]
Sinasc implau$VARIAVEL <- Sinasc implau$`Codigo Qualidados`
Sinasc implau$ Codigo Qualidados <- NULL
vars_implau_sinasc <- unique(Sinasc_implau$VARIAVEL)</pre>
Sinasc_incon<- read_csv("data1/SINASC_Inconsistencia_v2.csv")</pre>
regras sinasc incon <-
 c(fromJSON(file = 'data1/SINASC_Inconsistencias_Regras.json'))
var_incon_sinasc <-Sinasc_incon$VARIAVEL |>
 stringr::str_sub(1,nchar(Sinasc_incon$VARIAVEL)-15) |>
 unique() |>
 gsub(pattern = '_', replacement = ' ')
nomes_incon <- Sinasc_incon$VARIAVEL |> unique()
var_incon_sinasc |> names() <- nomes_incon</pre>
# ACRESCENTAR MUNICIPIO
Sinasc_incon$CODMUNNASC <- as.character(format(Sinasc_incon$CODMUNNASC ,
```

```
scientific = FALSE))
Sinasc_incon$CODMUNNASC <- gsub(' ','',Sinasc_incon$CODMUNNASC)</pre>
Sinasc_incon <- Sinasc_incon %>%
 rename(cod mun = CODMUNNASC) %>%
 left_join(aux_muni2 ,by='cod_mun')
Sinasc_incon[,c('muni_id','uf_id')] <- NULL</pre>
Sinasc_incon <- Sinasc_incon |>
 mutate(uf_id = stringr::str_sub(cod_mun,1,2))
Sinasc_incon[is.na(Sinasc_incon$uf_sigla)==T,'uf_sigla']<-
 Sinasc_incon[is.na(Sinasc_incon$uf_sigla)==T,]|>
 left_join(unique(aux_muni2[,c('uf_id','uf_sigla')]),by = 'uf_id') |>
 dplyr::select(uf_sigla.y)
Sinasc_incon[is.na(Sinasc_incon$muni_nm_clean)==T, 'muni_nm_clean'] <-
  'Não informado'
Sinasc_incon$CODMUNNASC <- Sinasc_incon$muni_nm_clean
Sinasc_incon$ESTADO <- Sinasc_incon$uf_sigla</pre>
Sinasc_incon[,c('cod_mun','uf_id','uf_sigla','muni_nm_clean')] <- NULL
Sinasc_incon[is.na(Sinasc_incon$ESTADO) == T, 'ESTADO'] <- 'Não informado'
regras_sinasc_incon <-regras_sinasc_incon |> as.data.frame() |> t() |>
 as.data.frame()
regras_sinasc_incon <- cbind(regras_sinasc_incon|> row.names(),
                            regras_sinasc_incon)
regras_sinasc_incon |> row.names() <- NULL</pre>
regras_sinasc_incon |> colnames() <- c('Variável', 'Regra')</pre>
regras_sinasc_incon$Variável <- regras_sinasc_incon$Variável |>
 gsub(pattern = '_',replacement = ' ')
dados_oobr_qualidados_SINASC_Implausibilidade <- Sinasc_implau
dados_oobr_qualidados_SINASC_Incompletude <- Sinasc_incom
dados_oobr_qualidados_SINASC_Inconsistencia <- Sinasc_incon</pre>
usethis::use_data(dados_oobr_qualidados_SINASC_Implausibilidade, overwrite = TRUE)
usethis::use_data(vars_implau_sinasc, overwrite = TRUE)
usethis::use_data(dados_oobr_qualidados_SINASC_Incompletude, overwrite = TRUE)
usethis::use_data(vars_incom_sinasc, overwrite = TRUE)
usethis::use data(dados oobr qualidados SINASC Inconsistencia, overwrite = TRUE)
usethis::use data(var incon sinasc, overwrite = TRUE)
regras_sinasc_implau$Indicador <- 'Implausibilidade'</pre>
regras_sinasc_incon$Indicador <- 'Inconsistência'
regras_sinasc_incom$Indicador <- 'Incompletude'</pre>
```

```
for(i in seq_along(SINASC_dic$`Codigo SINASC`)) {
  for(j in 1:ncol(regras_sinasc_implau)){
    regras_sinasc_implau[,j] <- gsub(SINASC_dic$`Codigo SINASC`[i],</pre>
                                      SINASC_dic$`Codigo Qualidados`[i],
                                   regras_sinasc_implau[,j])
  }
regras sinasc implau <-
  regras_sinasc_implau[regras_sinasc_implau$Variável %in% vars_implau_sinasc,]
for(i in seq along(SINASC dic$`Codigo SINASC`)) {
  for(j in 1:ncol(regras_sinasc_incom)){
    regras_sinasc_incom[,j] <- gsub(SINASC_dic$`Codigo SINASC`[i],</pre>
                                     SINASC_dic$`Codigo Qualidados`[i],
                                  regras_sinasc_incom[,j])
 }
}
regras_sinasc_incom <-
  regras_sinasc_incom[regras_sinasc_incom$Variável %in% vars_incom_sinasc,]
regras_sinasc <-
  rbind(regras_sinasc_implau,regras_sinasc_incom,regras_sinasc_incon)
usethis::use_data(regras_sinasc, overwrite = TRUE)
```

Análise

Devido à disponibilidade de variáveis no banco de dados, é possível apresentar apenas o número máximo de observações por níveis de Incompletude, Implausibilidade e Inconsistência, assim como para cada uma das variáveis.

Agora serão exibidas as tabelas de frequência relativa para cada um dos indicadores. É importante notar que, em alguns casos, os dados totais para determinadas variáveis podem diferir. Isso ocorre devido à ausência de certas variáveis em determinados anos, os quais são mencionados no dicionário do painel.

Incompletude

VARIAVEL	Nulos	Ignorados	Porcentagem Incompletude	Total
ANOMALIA_COG	2597961	1168494	5.79%	64998302
APGAR1	5365701	0	6.74%	79637102
APGAR5	5631493	0	7.07%	79637102

VARIAVEL	Nulos	Ignorados	Porcentagem Incompletude	Total
CESAREA ANTES PART	6859363	972151	21.09%	37126352
CODMUNNATU	4884674	0	13.16%	37126352
COD ANOMALIA COG	79145708	0	99.38%	79637102
CONSULTAS PRE NAT	4735978	0	13.84%	34222325
CONSUL_PRE_NATAL	1417765	1758504	3.99%	79637102
DIF OBITO RECEB	10423	0	0.03%	37126352
DOC RESP	177503	0	0.69%	25541508
DO EPIDEMIOLOGICA	7256	0	0.02%	37126352
DO NOVA	1699	0	0%	37126352
DT ATUALIZACAO REG	336419	0	0.69%	48779017
DT_CADASTRO_DN	196761	0	0.4%	48779017
DT DECLARAÇÃO	438742	0	1.72%	25541508
DT MENSTRUACAO	18844412	0	50.76%	37126352
DT NASCIMENTO	0	0	0%	79637102
DT NASCIMENTO MAE	4424001	0	11.92%	37126352
DT RECEBIMENTO LO		0	78.79%	25541508
ESCOLARIDADE	1895791	1953277	4.83%	79637102
ESCOLARIDADE 2010	566609	182012	2.39%	31351324
ESCOL 2010 AGR	417418	163129	2.04%	28445535
ESTABELECIMENTO	2529288	0	3.93%	64293318
ESTADO CIVIL	11254302	1017088	15.41%	79637102
FUNCAO RESP	1117151	69	4.37%	25541508
GEST PRE NATAL	5230954	0	14.09%	37126352
GRUPO_ROBSON	3819770	1585771	15.8%	34222325
HORA NASCIMENTO	349131	0	0.71%	49087382
$IDADE_DA_MAE$	179562	134581	0.39%	79637102
IDADE_PAI	23019296	0	62%	37126352
LOCAL_NASCIMENTO	16968	647029	0.83%	79637102
METODO_UTILIZADO	8696893	0	23.43%	37126352
NASCI_ASSISTIDO	239887	24560	0.93%	28445535
NATURALMAE	4957118	0	13.35%	37126352
NUM_LOTE	31795	0	0.09%	37126352
NUM_PARTOS	0	0	0%	25541508
OCUPACAO_CBO	21594698	0	28.45%	75900261
PAIS_RESID	8925877	0	24.04%	37126352
PARTO_INDUZIDO	4877718	884517		37126352
PESO_NASC	292544	87836	0.48%	79637102
QTD_FILHOS_M	13652709	0	17.14%	79637102
QTD_FILHOS_V	7542808	0	9.47%	79637102
QTD_GESTACOES	5585726	0	15.05%	37126352
QTD_PARTO_CESAREA	6384592	0	17.2%	37126352
QTD_PARTO_NORMAL	6084441	0	16.39%	37126352
RACA	11542603	19313	14.52%	79637102
RACA_MAE	5432206	0	14.63%	37126352
RESIDENCIA_MUNI	0	0	0%	79637102
SEMANAS_GEST	4950081	0	13.33%	37126352
SEMA_GESTACAO	1668594	465866	2.68%	79637102
SERIE_ESC_MAE	16983947	0	45.75%	37126352
SEXO	0	65154	0.08%	79637102
TIPO_GRAVIDEZ	765601	76772	1.06%	79637102
TIPO_PARTO	126061	125611	0.32%	79637102
TIPO_RN	4526617	376629	13.21%	37126352

VARIAVEL	Nulos	Ignorados	Porcentagem Incompletude	Total
UF_NATURA_MAE VERSAO_SISTEMA	$489545 \\ 35263$	0	1.72% 0.09%	28445535 37126352

${\bf Implausibilidade}$

VARIAVEL	Implausiveis	Porcentagem Implausibilidade	Total
ANOMALIA_COG	658	0%	64998302
APGAR1	85131	0.11%	79637102
APGAR5	78567	0.1%	79637102
CESAREA_ANTES_PART	0	0%	37126352
CONSULTAS_PRE_NAT	0	0%	34222325
$CONSUL_PRE_NATAL$	3683656	4.63%	79637102
DOC_RESP	2514205	9.84%	25541508
DT_CADASTRO_DN	119	0%	48779017
DT_NASCIMENTO	0	0%	79637102
DT_NASCIMENTO_MAE	5187648	13.97%	37126352
ESCOLARIDADE	7484753	9.4%	79637102
ESCOLARIDADE_2010	157444	0.5%	31351324
ESCOL_2010_AGR	133699	0.47%	28445535
ESTADO_CIVIL	0	0%	79637102
FUNCAO_RESP	69	0%	25541508
$GEST_PRE_NATAL$	0	0%	37126352
GRUPO_ROBSON	0	0%	34222325
HORA_NASCIMENTO	28	0%	49087382
$IDADE_DA_MAE$	136326	0.17%	79637102
IDADE_PAI	86	0%	37126352
LOCAL_NASCIMENTO	0	0%	79637102
$METODO_UTILIZADO$	15117474	40.72%	37126352
NASCI_ASSISTIDO	0	0%	28445535
NUM_PARTOS	0	0%	25541508
PARTO_INDUZIDO	0	0%	37126352
PESO_NASC	0	0%	79637102
QTD_FILHOS_M	866369	1.09%	79637102
QTD_FILHOS_V	467291	0.59%	79637102
QTD_GESTACOES	2535	0.01%	37126352
QTD_PARTO_CESAREA	3668	0.01%	37126352
QTD_PARTO_NORMAL	3823	0.01%	37126352
RACA	19314	0.02%	79637102
SEMANAS_GEST	3947	0.01%	37126352
SEMA_GESTACAO	456183	0.57%	79637102

VARIAVEL	Implausiveis	Porcentagem Implausibilidade	Total
SERIE_ESC_MAE	552	0%	37126352
SEXO	0	0%	79637102
TIPO_GRAVIDEZ	119	0%	79637102
TIPO_PARTO	0	0%	79637102
TIPO_RN	0	0%	37126352

Inconsistência

VARIAVEL	Inconsistências	Porcentagem Inconsistências	Total
LOCNASC e PARTO	289049	0.36%	79637102
PARTO_PREMATURO e	3009060	3.78%	79637102
PESO			
PARTO e STCESPARTO	9014258	24.28%	37126352
TPROBSON e composicao	28806879	84.18%	34222325

SIM

O Sistema de Informação Sobre Mortalidade (SIM), desenvolvido pelo Ministério da Saúde em 1975, é resultado da integração de mais de quarenta modelos de instrumentos utilizados ao longo dos anos para coletar dados sobre mortalidade no país. O SIM possui uma variedade de variáveis que, a partir das causas de morte atestadas pelos médicos, permitem a construção de indicadores e a realização de análises epidemiológicas que contribuem para a eficiência da gestão em saúde.

O processo de informatização do SIM teve início em 1979. Doze anos depois, com a implementação do Sistema Único de Saúde (SUS) e a descentralização das responsabilidades, a coleta de dados foi transferida para os estados e municípios, por meio de suas respectivas Secretarias de Saúde. O objetivo do SIM é reunir dados quantitativos e qualitativos sobre óbitos ocorridos no Brasil, sendo considerado uma ferramenta essencial para a gestão da saúde, fornecendo subsídios para a tomada de decisões em diversas áreas da assistência à saúde. No âmbito federal, o SIM está sob a responsabilidade da Secretaria de Vigilância em Saúde.

Extração

A extração dos dados foi realizada por meio da API da PCDas para o período de 1996 a 2021, utilizando a linguagem Python como suporte, e os dados de 2022 preliminares pelo open datasus. Durante o processo de

extração, os dados são tratados para garantir a qualidade e consistência das informações. Assim como foi feito para a base de dados do SINASC, os dados são subdivididos para cada um dos indicadores trabalhados, visando reduzir o tamanho das bases.

As bases finais resultantes apresentam apenas o número de casos dos indicadores e o total de observações, agrupados por Município-UF, Ano e variável.

```
## INCOMPLETUDE
regras_ignorados = {}
regras_ignorados['TIPOBITO'] = ['NA']
regras_ignorados['SEXO'] = ['I','0']
regras_ignorados['RACACOR'] = ['NA']
regras_ignorados['ESTCIV'] = [9]
regras_ignorados['ESC'] = [9]
regras_ignorados['ESCMAE'] = [9]
regras_ignorados['QTDFILVIVO'] = [99]
regras_ignorados['QTDFILMORT'] = [99]
regras ignorados['GRAVIDEZ'] = [9]
regras_ignorados['GESTACAO'] = [9]
regras ignorados['PARTO'] = [8,9]
regras_ignorados['OBITOPARTO'] = [9]
regras_ignorados['OBITOGRAV'] = [8,9]
regras ignorados['OBITOPUERP'] = [99]
regras ignorados['ASSISTMED'] = [9]
regras_ignorados['EXAME'] = [9]
regras_ignorados['CIRURGIA'] = [9]
regras_ignorados['NECROPSIA'] = [9]
regras_ignorados['CIRCOBITO'] = [0]
regras_ignorados['ACIDTRAB'] = [9]
regras_ignorados['FONTE'] = [9]
regras_ignorados['TPMORTEOCO'] = [9]
regras_ignorados['FONTEINV'] = [9]
regras_ignorados['ESCMAEAGR1'] = [9]
regras_ignorados['ESCFALAGR1'] = [9]
# incompletude
cont = 0
for f in glob.glob('SIM_dataset/*.csv'):
   df = pd.read csv(f)
   ano = df['DTOBITO'] % 10000
    codmun = df['CODMUNOCOR']
   df_ignorados = df.copy()
   df_totais = df.isna()
   df_totais = df.isna()
    df_nulos = df_totais.copy()
   df_totais[df_totais == True] = 1
   df_totais[df_totais == False] = 1
   df_totais['ANO'] = ano
    df totais['CODMUNOCOR'] = codmun
```

```
df_totais = df_totais.groupby(['ANO','CODMUNOCOR']) \
                          .count() \
                          .reset_index().melt(id_vars=['ANO','CODMUNOCOR'])
   df_totais.columns = ['ANO', 'CODMUNOCOR', 'VARIAVEL', 'TOTAIS']
    df_nulos['CODMUNNASC'] = codmun
   df_nulos['ANO'] = ano
   df_nulos = df_nulos.groupby(['ANO','CODMUNOCOR']) \
                        .sum() \
                        .reset_index().melt(id_vars=['ANO','CODMUNOCOR'])
   df_nulos.columns = ['ANO','CODMUNOCOR','VARIAVEL','NULOS']
   for c in df_ignorados.columns:
        if c in regras_ignorados:
            df_ignorados[c] = df_ignorados[c].isin(regras_ignorados[c])
        else:
            if c not in ['ANO', 'CODMUNOCOR']:
                df_ignorados.drop(columns=[c], inplace=True)
   df_ignorados['CODMUNOCOR'] = codmun
   df_ignorados['ANO'] = ano
   df_ignorados = df_ignorados.groupby(['ANO','CODMUNOCOR']) \
                                .sum() \
                                .reset index() \
                                .melt(id_vars=['ANO','CODMUNOCOR'])
   df_ignorados.columns = ['ANO','CODMUNOCOR','VARIAVEL','IGNORADOS']
   df_ignorados = df_ignorados.fillna(0)
   df_totais.set_index(['ANO','CODMUNOCOR','VARIAVEL'], inplace=True)
   df_nulos.set_index(['ANO','CODMUNOCOR','VARIAVEL'], inplace=True)
   df_ignorados.set_index(['ANO','CODMUNOCOR','VARIAVEL'], inplace=True)
   x = df_totais.join([df_nulos, df_ignorados], how='left')
   x = x.reset_index()
   x = x[['ANO', 'CODMUNOCOR', 'VARIAVEL', 'NULOS', 'IGNORADOS', 'TOTAIS']]
   x = x.fillna(0)
   x.to_csv('SIM_dataset/resultados/Incompletude_p{}.csv'.format(cont),
             index=None, compression='gzip')
    cont += 1
incompletude = pd.DataFrame()
for f in glob.glob('SIM_dataset/resultados/Incompletude_p*.csv'):
   df = pd.read_csv(f, compression='gzip')
    incompletude = pd.concat([incompletude, df], axis=0)
```

```
incompletude.fillna(0, inplace=True)
incompletude = incompletude[~incompletude.VARIAVEL.isin(['contador','NOVO'])]
incompletude.to_csv('SIM_Incompletude_v2.csv', index=None, compression='gzip')
# gera regras
regras = {}
for r in regras_ignorados:
   regras["IGNORADOS_" + r] = "Se o campo " + r + \
    "estiver preenchido com " + str(regras_ignorados[r])
with open('SIM_Incompletude_Regras.json', 'w') as fp:
    json.dump(regras, fp, indent=4)
# aplica as regras para variaveis com opcoes
regras_gerais = {'TIPOBITO':[1,2],
                 'SEXO': [1,2,9,0,'M','F','I'],
                 'RACACOR': [1,2,3,4,5],
                 'ESTCIV': [1,2,3,4,5,9],
                 'ESC': [1,2,3,4,5,9],
                 'LOCOCOR': [1,2,3,4,5,9],
                 'ESCMAE': [1,2,3,4,5,9],
                 'GRAVIDEZ': [1,2,3,9],
                 'GESTACAO': [1,2,3,4,5,6,9],
                'PARTO': [1,2,9],
                 'OBITOPARTO': [1,2,3,9],
                 'OBITOGRAV': [1,2,9],
                 'OBITOPUERP': [1,2,3,9],
                 'ASSISTMED': [1,2,3,9],
                 'EXAME': [1,2,3,9],
                 'CIRURGIA': [1,2,3,9],
                 'NECROPSIA': [1,2,3,9],
                 'CIRCOBITO': [1,2,3,4,9],
                 'ACIDTRAB': [1,2,9],
                 'FONTE': [1,2,3,4,9],
                 'SERIESCMAE': list(range(1,9)),
                 'TPMORTEOCO': [1,2,3,4,5,8,9],
                 'TPPOS': [1,2],
                 'ATESTANTE': list(range(1,6)),
                'FONTEINV': [1,2,3,4,6,7,8,9],
                 'ESCMAEAGR1': list(range(1,13)),
                 'ESCFALAGR1': list(range(1,13)),
               }
colunas_implausibilidade = regras_gerais.keys()
cont = 0
# implausibilidade
for f in glob.glob('SIM_dataset/*.csv'):
   df = pd.read_csv(f)
    ano = df['DTOBITO'] % 10000
```

```
codmun = df['CODMUNOCOR']
aux_cols = []
for c in colunas_implausibilidade:
    if c in df.columns:
        aux_cols.append(c)
aux = df[aux cols]
aux['ANO'] = ano
aux['CODMUNOCOR'] = codmun
for col in regras_gerais.keys():
    if col in aux_cols:
        aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & \
                                   (~aux[col].isin(regras_gerais[col]))
# REGRAS ESPECÍFICAS
for col in ['IDADE','IDADEMAE']:
    if col not in aux_cols:
        continue
    aux[col] = pd.to_numeric(aux[col], errors='coerce')
    aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & ((aux[col] < 0) \</pre>
                                   | (aux[col] > 120))
for col in ['QTDFILVIVO','QTDFILMORT']:
    if col not in aux_cols:
        continue
    aux[col] = pd.to_numeric(aux[col], errors='coerce')
    aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & (aux[col] != 99) & \
                               ((aux[col] < 0) \mid (aux[col] > 70))
col = 'PESO'
if col in aux_cols:
    aux[col] = pd.to_numeric(aux[col], errors='coerce')
    aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & ((aux[col] < 0) | \</pre>
                                 (aux[col] > 11000))
aux_cols = []
for c in aux.columns:
    if 'IMPLAUSIVEL' in c:
        aux_cols.append(c)
aux_cols = ['ANO','CODMUNOCOR'] + aux_cols
df_implausiveis = aux[aux_cols]
df_implausiveis.fillna(0, inplace=True)
df_implausiveis = df_implausiveis.groupby(['ANO','CODMUNOCOR']) \
                                   .sum().reset_index() \
```

```
.melt(id_vars=['ANO','CODMUNOCOR'])
    df_implausiveis.columns = ['ANO','CODMUNOCOR','VARIAVEL','IMPLAUSIVEIS']
   df['ANO'] = ano
   df['CODMUNOCOR'] = codmun
   df totais = df[['ANO', 'CODMUNOCOR']]
   df totais['TOTAIS'] = 1
   df_totais = df_totais.groupby(['ANO', 'CODMUNOCOR'])['TOTAIS'] \
                          .sum().reset_index()
   df_totais.columns = ['ANO', 'CODMUNOCOR', 'TOTAIS']
   df_totais.set_index(['ANO','CODMUNOCOR'], inplace=True)
   df_implausiveis.set_index(['ANO','CODMUNOCOR'], inplace=True)
   x = df_totais.join([df_implausiveis], how='left')
   x = x.reset_index()
   x = x[['ANO', 'CODMUNOCOR', 'VARIAVEL', 'IMPLAUSIVEIS', 'TOTAIS']]
   x = x.fillna(0)
   x.to csv('SIM dataset/resultados/Implausibilidade p{}.csv'.format(cont),
             index=None, compression='gzip')
    cont += 1
implausibilidade = pd.DataFrame()
for f in glob.glob('SIM_dataset/resultados/Implausibilidade_p*.csv'):
   df = pd.read_csv(f, compression='gzip')
    implausibilidade = pd.concat([implausibilidade, df], axis=0)
implausibilidade.fillna(0, inplace=True)
implausibilidade = implausibilidade[~implausibilidade.VARIAVEL \
                                                     .isin(['contador','NOVO'])]
implausibilidade.to_csv('SIM_Implausibilidade_v2.csv',
                                      index=None, compression='gzip')
# gera regras
regras = {}
regras["IDADE"] = "Se campo IDADE for menor que 0 ou maior que 120"
regras["IDADEMAE"] = "Se campo IDADEMAE for menor que 0 ou maior que 120"
regras["QTDFILVIVO"] = "Se campo QTDFILVIVO for menor que 0 ou maior que 70"
regras["QTDFILMORT"] = "Se campo QTDFILMORT for menor que 0 ou maior que 70"
regras["PESO"] = "Se campo PESO for menor que 0 ou maior que 11000"
for k in regras_gerais.keys():
    if k not in regras.keys():
        regras[k] = "Se o campo " + k + "não for preenchido com " + \
```

```
str(regras_gerais[k])
with open('SIM_Implausibilidade_Regras.json', 'w') as fp:
    json.dump(regras, fp, indent=4)
regras = {}
cont = 0
def convert_date(col):
   col = col.fillna(0)
   data_string = col.apply(int).apply(str)
   y = data_string.str[-4:]
   m = data_string.str[-6:-4]
   d = data_string.str[:-6]
   return y.str.cat(m.str.cat(d.str.zfill(2)))
# inconsistencias
for f in glob.glob('SIM_dataset/*.csv'):
   df = pd.read_csv(f)
   ano = df['DTOBITO'] % 10000
   codmun = df['CODMUNOCOR']
   aux_cols = [
       'DTOBITO',
       'DTNASC',
       'SEXO',
       'OBITOPARTO',
       'OBITOGRAV',
       'OBITOPUERP',
       'LOCOCOR',
       'FONTE'
   ]
   aux = df[aux_cols]
    # DTOBITO menor que DTNASC
   regras['DTOBITO_e_DTNASC'] = "Se a data de óbito for menor \
                                        que a data de nascimento"
   aux['DTOBITO'] = convert_date(aux['DTOBITO'])
   aux['DTNASC'] = convert_date(aux['DTNASC'])
   aux['DTOBITO_e_DTNASC_INCONSISTENTES'] = (aux['DTOBITO'] < aux['DTNASC'])</pre>
    \# se SEXO estiver como M ou I e os campos OBITOPARTO,
    # OBITOGRAV, OBITOPUERP estiverem preenchidos
   regras['SEXO_e_OBITO'] = "Se SEXO for differente de 'M','I' e os campos \
                        relativos a óbitos em mulheres estiverem preenchidos"
   obito_preenchido = (~aux['OBITOPARTO'].isna()) | (~aux['OBITOGRAV'] \
```

```
.isna()) | (~aux['OBITOPUERP'].isna())
aux['SEXO_e_OBITO_INCONSISTENTES'] = (aux['SEXO'].isin(['M','I'])) & \
                                        (obito_preenchido)
# Se OBITOPARTO preenchido como 3 e OBITOPUERP
## estiver como 3 ou OBITOGRAV estiver como 1;
# Se OBITOPARTO preenchido como 1 ou 2 e OBITOGRAV estiver como 2 ou
## OBITOPUERP estiver como 1 ou 2;
# Se OBITOPARTO preenchido como 9, OBITOGRAV estiver como 1 ou 2 ou
## OBITOPUERP estiver como 1.2 ou 3
regras['OBITO PUERPERIO GRAVIDEZ'] = "Se OBITOPARTO e OBITOPUERP estiver \
                              como 3 ou OBITOGRAV estiver como 1;"
regras['OBITO PUERPERIO GRAVIDEZ'] += "Se OBITOPARTO estiver como 1 ou 2 e \
              OBITOGRAV estiver como 2, ou OBITOPUERP estiver como 1 ou 2;"
regras['OBITO_PUERPERIO_GRAVIDEZ'] += "Se OBITOPARTO estiver como 9 \
    e OBITOGRAV estiver como 1 ou 2, ou OBITOPUERP estiver como 1, 2 ou 3"
parte_1 = (aux['OBITOPARTO'] == 3) & ((aux['OBITOPARTO'] == 3) | \
                                  (aux['OBITOGRAV'] == 1))
parte_2 = (aux['OBITOPARTO'].isin([1,2])) & ((aux['OBITOGRAV'] == 2) | \
                                  (aux['OBITOPUERP'].isin([1,2])))
parte_3 = (aux['OBITOPARTO'] == 9) & ((aux['OBITOGRAV'].isin([1,2])) | \
                                  (aux['OBITOPUERP'].isin([1,2,3])))
aux['OBITO_PUERPERIO_GRAVIDEZ_INCONSISTENTES'] = (parte_1) | (parte_2) | \
# Preechido como 1 e o item Morte durante o puerperio também for
# preenchido como 1,2 ou 9
regras['OBITOGRAV_e_OBITOPUERP'] = "Se OBITOGRAV estiver como 1 e \
                                          OBITOPUERP estiver como 1, 2 ou 9"
aux['OBITOGRAV_e_OBITOPUERP_INCONSISTENTES'] = (aux['OBITOGRAV'] == 1) & \
                                          (aux['OBITOPUERP'].isin([1,2,3]))
# Preenchido como 1 ou 2 e o item morte durante a gravidez
# estiver preenchido como 1 ou 9
regras['OBITOPUERP_e_OBITOGRAV'] = "Se OBITOGRAV estiver como 1 ou 2 e\
                                              OBITOGRAV estiver como 1 ou 9"
aux['OBITOPUERP e OBITOGRAV INCONSISTENTES'] = (aux['OBITOGRAV'] \
                            .isin([1,2])) & (aux['OBITOGRAV'].isin([1,9]))
# Se FONTE diferente de 2 e LOCOCOR for iqual a 1
regras['FONTE E LOCOCOR'] = "Se FONTE estiver differente de 2 e\
                                          LOCOCOR estiver como 1"
aux['FONTE_E_LOCOCOR_INCONSISTENTES'] = (aux['FONTE'] != 2) & \
                                            (aux['LOCOCOR'] == 1)
aux_cols = []
for c in aux.columns:
    if 'INCONSISTENTES' in c:
       aux_cols.append(c)
```

```
aux = aux[aux_cols]
   aux['ANO'] = ano
    aux['CODMUNOCOR'] = codmun
   df_inconsistentes = aux
   df_inconsistentes.fillna(0, inplace=True)
   df_inconsistentes = df_inconsistentes.groupby(['ANO', 'CODMUNOCOR']) \
                        .sum().reset_index().melt(id_vars=['ANO','CODMUNOCOR'])
   df_inconsistentes.columns = ['ANO','CODMUNOCOR','VARIAVEL', \
                                                 'INCONSISTENTES']
   df['ANO'] = ano
   df['CODMUNOCOR'] = codmun
   df_totais = df[['ANO','CODMUNOCOR']]
   df totais['TOTAIS'] = 1
   df_totais = df_totais.groupby(['ANO', 'CODMUNOCOR'])['TOTAIS'] \
                          .sum().reset_index()
   df_totais.columns = ['ANO', 'CODMUNOCOR', 'TOTAIS']
   df_totais.set_index(['ANO','CODMUNOCOR'], inplace=True)
   df_inconsistentes.set_index(['ANO','CODMUNOCOR'], inplace=True)
   x = df_totais.join([df_inconsistentes], how='left')
   x = x.reset_index()
   x = x[['ANO','CODMUNOCOR','VARIAVEL','INCONSISTENTES','TOTAIS']]
   x = x.fillna(0)
   x.to_csv('SIM_dataset/resultados/Inconsistencia_p{}.csv'.format(cont),
             index=None, compression='gzip')
    cont += 1
inconsistencias = pd.DataFrame()
for f in glob.glob('SIM_dataset/resultados/Inconsistencia_p*.csv'):
    df = pd.read_csv(f, compression='gzip')
    inconsistencias = pd.concat([inconsistencias, df], axis=0)
inconsistencias.fillna(0, inplace=True)
inconsistencias = inconsistencias[~inconsistencias.VARIAVEL \
                                        .isin(['contador','NOVO'])]
inconsistencias.to_csv('SIM_Inconsistencia_v2.csv', index=None,
                                                compression='gzip')
# gera regras
```

```
with open('SIM_Inconsistencia_Regras.json', 'w') as fp:
    json.dump(regras, fp, indent=4)
```

Tratamento

No caso do SIM, assim como foi feito para o SINASC, também é realizado um trabalho de adequação dos dados. Os códigos de identificação dos municípios são substituídos pelos respectivos nomes, a fim de tornar os dados mais compreensíveis e facilitar a análise. Além disso, os dados são reformulados e estruturados de maneira adequada para serem recebidos e processados pelo painel.

```
## code to prepare `SIM` dataset goes here
library(rjson)
library(readr)
library(dplyr)
library(readxl)
SIM dic <- read excel("data1/dicionarios.xlsx", sheet = "SIM")
regras_sim_incom <- c(fromJSON(file = 'data1/SIM_Incompletude_Regras.json'))</pre>
SIM_Incom <- read_csv("data1/SIM_Incompletude_v2.csv",show_col_types = FALSE)
#ACRESCENTAR A COLUNA DE MUNICIPIOS E MUNICIPIOS
aux_muni2 <- abjData::muni %>%
 dplyr::select(uf_id,
             muni_id,
             muni_nm_clean,
             uf_sigla) %>%
 mutate_at("muni_id", as.character) %>%
 mutate(cod_mun = stringr::str_sub(muni_id, 1, 7))
aux_muni2 <- rbind(aux_muni2,aux_muni2|>
                 mutate(cod mun = stringr::str sub(muni id, 1, 6)))
SIM_Incom$CODMUNOCOR <- as.character(format(SIM_Incom$CODMUNOCOR ,
                                      scientific = FALSE))
SIM_Incom$CODMUNOCOR <- gsub(' ','',SIM_Incom$CODMUNOCOR)
SIM_Incom <- SIM_Incom %>%
 rename(cod_mun = CODMUNOCOR ) %>%
 left_join(aux_muni2 ,by='cod_mun')
SIM_Incom[,c('muni_id','uf_id')] <- NULL</pre>
SIM_Incom <- SIM_Incom |>
 mutate(uf_id = stringr::str_sub(cod_mun,1,2))
SIM_Incom[is.na(SIM_Incom$uf_sigla) == T, 'uf_sigla'] <-
 SIM_Incom[is.na(SIM_Incom$uf_sigla)==T,]|>
```

```
left_join(unique(aux_muni2[,c('uf_id','uf_sigla')]),by = 'uf_id') |>
  dplyr::select(uf_sigla.y)
SIM_Incom[is.na(SIM_Incom$muni_nm_clean) == T, 'muni_nm_clean'] <- 'Não informado'
SIM Incom$CODMUNNASC <- SIM Incom$muni nm clean
SIM_Incom$ESTADO <- SIM_Incom$uf_sigla</pre>
SIM Incom[,c('cod mun','uf id','uf sigla','muni nm clean')] <- NULL
var sim tirar <- c('CODBAIOCOR',</pre>
                   'CODCART'.
                   'CODMUNCART',
                   'CONTADOR',
                   'DTREGCART'
                   'EXPDIFDATA',
                   'NUMREGCART',
                   'UFINFORM',
                   'ALTCAUSA',
                   'DTCADINF',
                   'DTCADINV',
                   'DTCONCASO',
                   'DTCONINV',
                   'ESTABDESCR',
                   'FONTES',
                   'FONTESINF',
                   'MORTEPARTO',
                   'NUDIASINF',
                   'NUDIASOBCO'.
                   'NUDIASOBIN',
                   'ORIGEM',
                   'TPNIVELINV',
                   'TPOBITOCOR',
                   'TPRESGINFO')
SIM_Incom <- SIM_Incom[!(SIM_Incom$VARIAVEL %in% var_sim_tirar),]</pre>
var_aux <- SIM_Incom$VARIAVEL |> unique()
SIM_Incom <- merge(SIM_Incom, SIM_dic[,c("Codigo Qualidados", "Codigo SIM")],
                   by.x="VARIAVEL", by.y="Codigo SIM", all=TRUE)
SIM_Incom <- SIM_Incom[SIM_Incom$VARIAVEL %in% var_aux,]</pre>
SIM Incom$VARIAVEL <- SIM Incom$`Codigo Qualidados`
SIM_Incom$`Codigo Qualidados` <- NULL</pre>
vars_incom_sim<- unique(SIM_Incom$VARIAVEL)</pre>
######## REGRAS
df_aux <- regras_sim_incom |> as.data.frame() |> t() |> as.data.frame()
df_aux<- cbind(row.names(df_aux),df_aux)</pre>
df aux |> row.names() <- NULL</pre>
df_aux$`row.names(df_aux)` <- df_aux$`row.names(df_aux)` |>
  gsub(pattern = 'IGNORADOS_', replacement = '')
colnames(df_aux) <- c('Variável','Regra')</pre>
regras_sim_incom <- df_aux</pre>
usethis::use_data(SIM_Incom, overwrite = TRUE)
usethis::use_data(vars_incom_sim, overwrite = TRUE)
```

```
regras_sim_implau <-
  c(fromJSON(file = 'data1/SIM_Implausibilidade_Regras.json'))
SIM Implau <-
  read csv("data1/SIM Implausibilidade v2.csv",show col types = FALSE )
SIM Implau$VARIAVEL <- SIM Implau$VARIAVEL |>
  gsub(pattern = '_IMPLAUSIVEL',replacement = '')
SIM_Implau$CODMUNOCOR <- as.character(format(SIM_Implau$CODMUNOCOR ,
                                               scientific = FALSE))
SIM_Implau$CODMUNOCOR <- gsub(' ','',SIM_Implau$CODMUNOCOR)
SIM_Implau <- SIM_Implau %>%
 rename(cod_mun = CODMUNOCOR ) %>%
 left_join(aux_muni2 ,by='cod_mun')
SIM_Implau[,c('muni_id','uf_id')] <- NULL</pre>
SIM_Implau <- SIM_Implau |>
  mutate(uf id = stringr::str sub(cod mun,1,2))
SIM_Implau[is.na(SIM_Implau$uf_sigla)==T,'uf_sigla']<-
  SIM_Implau[is.na(SIM_Implau$uf_sigla)==T,]|>
  left_join(unique(aux_muni2[,c('uf_id','uf_sigla')]),by = 'uf_id') |>
  dplyr::select(uf_sigla.y)
SIM_Implau[is.na(SIM_Implau$muni_nm_clean)==T, 'muni_nm_clean'] <-
  'Não informado'
SIM_Implau$CODMUNNASC <- SIM_Implau$muni_nm_clean</pre>
SIM_Implau$ESTADO <- SIM_Implau$uf_sigla</pre>
SIM_Implau[,c('cod_mun','uf_id','uf_sigla','muni_nm_clean')] <- NULL
SIM_Implau <- SIM_Implau[!(SIM_Implau$VARIAVEL %in% var_sim_tirar),]</pre>
var_aux <- SIM_Implau$VARIAVEL |> unique()
SIM Implau <- merge(SIM Implau,
                    SIM dic[,c("Codigo Qualidados", "Codigo SIM")],
                    by.x="VARIAVEL", by.y="Codigo SIM", all=TRUE)
SIM Implau <- SIM Implau[SIM Implau$VARIAVEL %in% var aux,]
SIM_Implau$VARIAVEL <- SIM_Implau$`Codigo Qualidados`</pre>
SIM Implau$ Codigo Qualidados <- NULL
vars_implau_sim<- unique(SIM_Implau$VARIAVEL)</pre>
######## REGRAS
df_aux <- regras_sim_implau |> as.data.frame() |> t() |> as.data.frame()
df_aux<- cbind(row.names(df_aux),df_aux)</pre>
df_aux |> row.names() <- NULL</pre>
colnames(df_aux) <- c('Variável', 'Regra')</pre>
regras_sim_implau <- df_aux
usethis::use_data(SIM_Implau, overwrite = TRUE)
usethis::use_data(vars_implau_sim, overwrite = TRUE)
```

```
########################## Inconsistencia
regras_sim_incon <-
  c(fromJSON(file = 'data1/SIM Inconsistencia Regras.json'))
SIM Incon <- read csv("data1/SIM Inconsistencia v2.csv", show col types = FALSE)
SIM_Incon$VARIAVEL <- SIM_Incon$VARIAVEL |>
  gsub(pattern = '_INCONSISTENTES',replacement = '')
SIM_Incon$VARIAVEL <- SIM_Incon$VARIAVEL |>
  gsub(pattern = ' ',replacement = ' ')
SIM_Incon$CODMUNOCOR <- as.character(format(SIM_Incon$CODMUNOCOR ,
                                             scientific = FALSE))
SIM_Incon$CODMUNOCOR <- gsub(' ','',SIM_Incon$CODMUNOCOR)
SIM_Incon <- SIM_Incon %>%
  rename(cod_mun = CODMUNOCOR ) %>%
  left_join(aux_muni2 ,by='cod_mun')
SIM_Incon[,c('muni_id','uf_id')] <- NULL</pre>
SIM Incon <- SIM Incon |>
  mutate(uf_id = stringr::str_sub(cod_mun,1,2))
SIM Incon[is.na(SIM Incon$uf sigla) == T, 'uf sigla'] <-
  SIM_Incon[is.na(SIM_Incon$uf_sigla)==T,]|>
  left_join(unique(aux_muni2[,c('uf_id','uf_sigla')]),by = 'uf_id') |>
  dplyr::select(uf_sigla.y)
SIM_Incon[is.na(SIM_Incon$muni_nm_clean)==T, 'muni_nm_clean'] <- 'Não informado'
SIM_Incon$CODMUNNASC <- SIM_Incon$muni_nm_clean</pre>
SIM_Incon$ESTADO <- SIM_Incon$uf_sigla</pre>
SIM_Incon[,c('cod_mun','uf_id','uf_sigla','muni_nm_clean')] <- NULL
SIM_Incon <- SIM_Incon[!(SIM_Incon$VARIAVEL %in% SIM_Incon),]</pre>
vars_incon_sim<- unique(SIM_Incon$VARIAVEL)</pre>
######## REGRAS
df aux <- regras sim incon |> as.data.frame() |> t() |> as.data.frame()
df_aux<- cbind(row.names(df_aux),df_aux)</pre>
df aux |> row.names() <- NULL</pre>
df_aux$`row.names(df_aux)` <- df_aux$`row.names(df_aux)` |>
 gsub(pattern = '_', replacement = ' ')
colnames(df_aux) <- c('Variável','Regra')</pre>
regras_sim_incon <- df_aux</pre>
usethis::use_data(SIM_Incon, overwrite = TRUE)
usethis::use_data(vars_incon_sim, overwrite = TRUE)
regras_sim_implau$Indicador <- 'Implausibilidade'</pre>
regras_sim_incom$Indicador <- 'Incompletude'</pre>
regras_sim_incon$Indicador <- 'Inconsistência'
```

```
for(i in seq_along(SIM_dic$`Codigo SIM`)) {
  for(j in 1:ncol(regras_sim_implau)){
    regras_sim_implau[,j] <- gsub(SIM_dic$`Codigo SIM`[i],</pre>
                                   SIM_dic$`Codigo Qualidados`[i],
                              regras_sim_implau[,j])
  }
}
regras sim implau <-
  regras_sim_implau[regras_sim_implau$Variável %in% vars_implau_sim,]
for(i in seq_along(SIM_dic$`Codigo SIM`)) {
  for(j in 1:ncol(regras_sim_incom)){
    regras_sim_incom[,j] <- gsub(SIM_dic$`Codigo SIM`[i],</pre>
                                   SIM_dic$`Codigo Qualidados`[i],
                                  regras_sim_incom[,j])
  }
}
regras_sim_incom <-</pre>
 regras_sim_incom[regras_sim_incom$Variavel %in% vars_incom_sim,]
regras_sim <- rbind(regras_sim_implau,regras_sim_incom,regras_sim_incon)</pre>
usethis::use data(regras sim, overwrite = TRUE)
SIM dic<-
  SIM_dic[SIM_dic$`Codigo Qualidados` %in% c(vars_implau_sim,
                                               vars_incom_sim,vars_incon_sim),
usethis::use_data(SIM_dic,overwrite = T)
```

Análise

Devido à disponibilidade das variáveis no banco de dados, é possível apresentar apenas o número máximo de observações para cada nível de Incompletude, Implausibilidade e Inconsistência. Além disso, será fornecida a frequência dos indicadores para cada variável presente no conjunto de dados.

${\bf Incompletude}$

VARIAVEL	Nulos	Ignorados	Porcentagem Incompletude	Total
ACIDENTE_TRAB	72909	849	97.35%	75767
ASSIST_MEDICA	14835	2602	23.01%	75767
CAUSA BASICA	215	0	0.38%	56459

	NT 1	т 1	D	TD + 1
VARIAVEL	Nulos	Ignorados	Porcentagem Incompletude	Total
CAUSA_CID_10	0	0	0%	75767
CAUSA_EXT_MAT	35253	0	99.23%	35526
CAUSA_SCB	26181	0	55.55%	47130
CID_ATESTADO	1	0	0%	26197
CID_LINHA_A	7082	0	9.35%	75767
CID_LINHA_B	20340	0	26.85%	75767
CID LINHA C	38635	0	50.99%	75767
CID LINHA D	58722	0	77.5%	75767
CID LINHA II	56195	0	74.17%	75767
CIRURGIA	40665	1933	56.22%	75767
CODIFICADO	0	0	0%	26197
DIF OBITO RECEB	1	0	0%	32120
DT ATESTADO	496	0	0.88%	56459
DT CADASTRO	721	0	1.28%	56459
DT INVESTIG	25631	0	45.4%	56459
DT NASC	269	0	0.36%	75767
DT OBITO	0	0	0%	75767
DT RECEBI CENTRAL	4576	0	8.1%	56459
DT RECEBI ORIGINAL	2	0	0.01%	32663
ESCOLARIDADE	11350	9168	27.08%	75767
ESCOLARIDADE 2010	6590	0	18.55%	35526
ESCOL 2010 AGR	5250	2232	25.57%	29257
ESCOL_2010_AGIC ESCOL_MAE	74558	$\frac{2232}{122}$	98.57%	75767
ESCOL_MAE 2010	34514	0	97.15%	35526
ESCOL_MAE_2010 ESCOL MAE 2010 AGR	28542	55	97.74%	29257
ESTABELECIMENTO	11386	0	16.93%	67263
EST CIVIL	3851	2530	8.42%	75767
EXAM COMPLEM	40152	$\frac{2330}{2302}$	56.03%	75767
FONTE INF	68819	796	91.88%	75767
FONTE_INV	24839	41	44.07%	
_	$\frac{24639}{3222}$		5.71%	56459
HORA_OBITO IDADE		0		56459
	$4 \\ 74612$	0	0.01%	75767
IDADE_MAE		0	98.48%	75767
LOCAL_OBITO	60	0	0.08%	75767
MEDICO_ATEST	4368	0	6.49%	67263
MORTE_GRAV	1563	415		75767
MORTE_PARTO	74593	38	98.5%	75767
MORTE_PUERP	3669	0	4.84%	75767
MUNICIPIO_NATU	1679	0	6.41%	26197
MUNICIPIO_RES	0	0	0%	75767
MUNICIPIO_SVO_IML	27342	0	76.96%	35526
NATURALIDADE	15872	0	20.95%	75767
NECROPSIA	9343	1926	14.87%	75767
NUMERO_LOTE	22	0	0.08%	26197
NUM_FILH_MORT	74326	394	98.62%	75767
NUM_FILH_VIVOS	74563	90	98.53%	75767
OBITO_INV	12593	0	22.3%	56459
OCUP_CBO2002	13784	0	18.19%	75767
OCUP_MAE	74661	0	98.54%	75767
PESO_NASC	74464	0	98.28%	75767
RACA	6260	0	8.26%	75767
SEM_GEST	31220	0	97.2%	32120

VARIAVEL	Nulos	Ignorados	Porcentagem Incompletude	Total
SEM_GESTACAO	74632	32	98.54%	75767
SERIE_FALECIDO	24214	0	75.39%	32120
SERIE_MAE	31695	0	98.68%	32120
SEXO	1	0	0%	75767
STATUS_DO_EPID	1	0	0%	35526
STATUS_DO_NOVA	0	0	0%	35526
STATUS_INSTAL	6	0	0.02%	26197
TIPO_GRAVIDEZ	74562	10	98.42%	75767
TIPO_MORTE_GRAV	506	1	1.58%	32120
TIPO_OBITO	0	0	0%	75767
TIPO_PARTO	74561	10	98.42%	75767
TP_ACIDENTE	67296	4	88.82%	75767
VERSAO_SELETOR	1082	0	4.13%	26197
VERSAO_SISTEM	0	0	0%	26197
NA	13767	0	64.59%	21313

Implausibilidades

VARIAVEL	Implausiveis	Porcentagem Implausibilidade	Total
ACIDENTE_TRAB	3	0%	75767
ASSIST_MEDICA	0	0%	75767
CIRURGIA	1	0%	75767
ESCOLARIDADE	2124	2.8%	75767
ESCOL_2010_AGR	664	2.27%	29257
ESCOL_MAE	34	0.04%	75767
ESCOL_MAE_2010_AGR	36	0.12%	29257
EST_CIVIL	0	0%	75767
EXAM_COMPLEM	1	0%	75767
FONTE_INF	1	0%	75767
FONTE_INV	421	0.75%	56459
LOCAL_OBITO	19	0.03%	75767
MEDICO_ATEST	1	0%	67263
$MORTE_GRAV$	0	0%	75767
MORTE_PARTO	0	0%	75767
MORTE_PUERP	1324	1.75%	75767
NECROPSIA	1	0%	75767
OBITO_INV	43866	77.7%	56459
RACA	0	0%	75767
SEM_GESTACAO	7	0.01%	75767
SERIE_MAE	0	0%	32120

VARIAVEL	Implausiveis	Porcentagem Implausibilidade	Total
SEXO	0	0%	75767
TIPO_GRAVIDEZ	1	0%	75767
TIPO_MORTE_GRAV	0	0%	32120
TIPO_OBITO	0	0%	75767
TIPO_PARTO	1	0%	75767
TP_ACIDENTE	4	0.01%	75767

Inconsistência

VARIAVEL	Inconsistências	Porcentagem Inconsistências	Total
DTOBITO e DTNASC	0	0%	75767
FONTE E LOCOCOR	60620	80.01%	75767
OBITO PUERPERIO	1174	1.55%	75767
GRAVIDEZ			
OBITOGRAV e OBITOPUERP	27030	35.68%	75767
OBITOPUERP e OBITOGRAV	33740	44.53%	75767
SEXO e OBITO	0	0%	75767