Análises dos dados SIVEP-GRIPE, SINASC e SIM para painel Qualidados

Qualidados

23/janeiro/2024

Bases, importações e devidos tratamentos.

A seguir, são carregados os pacotes do R (https://www.r-project.org) utilizados para filtragem e tratamento dos dados considerados no dashboard https://observatorioobstetrico.shinyapps.io/oobr_qualidados2/. Os dados do painel foram atualizados no dia 23/janeiro/2024.

```
#carregar pacotes
loadlibrary <- function(x) {</pre>
  if (!require(x, character.only = TRUE)) {
    install.packages(x, dependencies = T)
    if (!require(x, character.only = TRUE))
      stop("Package not found")
  }
}
packages <-
  c(
    "readr",
    "readxl",
    "janitor",
    "dplyr",
    "forcats",
    "stringr",
    "lubridate",
    "summarytools",
    "magrittr",
    "questionr",
    "knitr",
    "data.table",
    "writexl",
    "modelsummary",
    'coro',
    'getPass','httr'
lapply(packages, loadlibrary)
```

SIVEP-GRIPE

A base de dados SIVEP-Gripe (Sistema de Informação da Vigilância Epidemiológica da Gripe) contém os registros de casos e óbitos de SRAG (Síndrome Respiratória Aguda Grave). A notificação é compulsória para síndrome gripal, caracterizada por pelo menos dois dos seguintes sinais e sintomas: febre, mesmo que referida, calafrios, dor de garganta, dor de cabeça, tosse, coriza, distúrbios olfatórios ou de paladar, além de dispneia/desconforto respiratório, pressão persistente no peito, Saturação de O2 menor que 95% no ar ambiente ou cor azulada dos lábios ou rosto. Indivíduos assintomáticos com confirmação laboratorial por biologia molecular ou exame imunológico para infecção por COVID-19 também são relatados.

Para notificações no Sivep-Gripe, devem ser considerados os casos hospitalizados em hospitais públicos e privados, bem como todas as mortes decorrentes de infecções respiratórias agudas graves, independentemente da hospitalização.

A vigilância da SRAG no Brasil é realizada pelo Ministério da Saúde (MS), por meio da Secretaria de Vigilância em Saúde (SVS), desde a pandemia de Influenza A (H1N1) em 2009. Para obter mais informações, acesse: https://coronavirus.saude.gov.br/definicao-de-caso-e-notificacao.

Extração

Os dados de 2009 a 2019 são extraídos com auxílio da API da Plataforma de Ciência de Dados Aplicada à Saúde (PCDaS) e, em seguida, são tratados com base no fluxo ETL (Extração, Transformação e Carga), os dados para 2020 a 2023 são extraido do próprio Open Datasus. Durante a extração da API, os dados são filtrados utilizando consultas SQL, conforme demonstrado, em que a variável CS_GESTANT assume os seguintes valores: 1-1º Trimestre; 2-2º Trimestre; 3-3º Trimestre; 4-Idade Gestacional Ignorada; 5-Não; 6-Não se aplica; 9-Ignorado.

```
# Dados 2009 - 2019 -----
# Função para converter os resultados das consultas para data.frame
convertRequestToDF <- function(request, column_names = c()){</pre>
  if("RequestError" %in% names(content(request)))
    stop(content(request)$RequestError)
  variables = unlist(content(request)$columns)
  variables = variables[names(variables) == "name"]
  if (!length(column names)){
    column names <- unname(variables)</pre>
  }
  values = content(request,)$rows
  df <- as.data.frame(do.call(rbind,lapply(values,function(r) {</pre>
    row <- r
    row[sapply(row, is.null)] <- NA</pre>
    rbind(unlist(row))
  } )))
  names(df) <- column_names</pre>
  return(df)
query_with_cursor <- generator(function(sql_query, token, nrows){</pre>
  tryCatch({
    json_api <- paste0('{"token": {"token": "',token,'"}, "sql": {"sql":</pre>
                        {"query":"',sql query,'", "fetch size":"',nrows,'" }}}')
    response <- POST(url = "https://bigdata-api.fiocruz.br/sql_query/",</pre>
```

```
body = json_api, encode = "json")
    df <- convertRequestToDF(response)</pre>
    col_names <- colnames(df)</pre>
    vield(df)
    while(TRUE){
      json_api <- paste0('{"token": {"token": "',token,'"}, "sql": {"sql":</pre>
                          {"cursor":"',content(response)$cursor,'" }}}')
      response <- POST(url = "https://bigdata-api.fiocruz.br/sql query/",
                        body = json_api, encode = "json")
      if(length(content(response)$rows)>0){
        yield(convertRequestToDF(response,col_names))
      else return(NULL)
 }, error=function(cond) message(paste0(cond, "\n", content(response))) )
convertColTypeToNum <- function(df, colname){</pre>
  df[,colname] <- as.numeric(as.character(df[,colname]))</pre>
  return(df)
}
anos <- c(2009:2019)
df_total_max3 <- data.frame()</pre>
for(i in anos){
  query <- paste0('SELECT (*)',
                   ' FROM \\"datasus-srags\\" WHERE (',
                   '(CAST(RIGHT(DT_SIN_PRI, 4) AS int) = ',i,') AND ',
                   '(CS_GESTANT = 1 OR CS_GESTANT = 1.0 OR ',
                   'CS_GESTANT = 2 OR CS_GESTANT = 2.0 OR ',
                   'CS_GESTANT = 3 OR CS_GESTANT = 3.0 OR ',
                   'CS_GESTANT = 4 OR CS_GESTANT = 4.0 OR ',
                   'PUERPERA = 1 OR PUERPERA = 1.0))')
  df_total <- data.frame()</pre>
  loop(for (df in query_with_cursor(query, token, nrows=10000)) {
    print(paste0('Número de registros recuperados a cada iteração: ', nrow(df)))
    df_total <- rbind(df_total,df)</pre>
  })
  df_total_max3 <- rbind(df_total,df_total_max3)</pre>
}
write_rds(df_total_max3,file = 'data1/Sivep_2009-2019.rds')
# Dados 2020-2023----
#carregar pacotes
loadlibrary <- function(x) {</pre>
  if (!require(x, character.only = TRUE)) {
    install.packages(x, dependencies = T)
```

```
if (!require(x, character.only = TRUE))
      stop("Package not found")
  }
}
packages <-
  c(
    "readr",
    "readxl",
    "janitor",
    "dplyr",
    "forcats",
    "stringr",
    "lubridate",
    "summarytools",
    "magrittr",
    "questionr",
    "knitr",
    "data.table",
    "writexl",
    "modelsummary",
    'coro',
    'getPass','httr'
  )
lapply(packages, loadlibrary)
ckanr::ckanr_setup("https://opendatasus.saude.gov.br")
arqs <- ckanr::package_search("srag 2020")$results %>%
  purrr::map("resources") %>%
  purrr::map(purrr::keep, ~ .x$mimetype == "text/csv") %>%
  purrr::map_chr(purrr::pluck, 1, "url")
arqs2 <- ckanr::package_search("srag 2021")$results %>%
  purrr::map("resources") %>%
  purrr::map(purrr::keep, ~.x$mimetype == "text/csv") %>%
  purrr::map_chr(purrr::pluck, 2, "url")
arqs3 <- ckanr::package_search("srag 2021")$results %>%
  purrr::map("resources") %>%
  purrr::map(purrr::keep, ~.x$mimetype == "text/csv") %>%
  purrr::map_chr(purrr::pluck, 3, "url")
dados_a <- fread(arqs[1], sep = ";")</pre>
dados_b <- fread(arqs[2], sep = ";")</pre>
dados_c <- fread(arqs2[1], sep = ";")</pre>
dados_d <- fread(arqs3[1], sep= ";")</pre>
dados_a$FATOR_RISC <- dados_a$FATOR_RISC %>% as.character()
dados_b$FATOR_RISC <- dados_b$FATOR_RISC %>% as.character()
dados_c$FATOR_RISC <- dados_c$FATOR_RISC %>% as.character()
dados_d$FATOR_RISC <- dados_d$FATOR_RISC %>% as.character()
```

```
dados_total <- full_join(dados_a, dados_b) %>%
  full_join(dados_c) %>%
  full_join(dados_d)
dados total <- dados total %>%
  filter(
      (CS_GESTANT == 1 | CS_GESTANT == 1.0 | CS_GESTANT == '1' |
         CS_GESTANT == '1.0'
         CS GESTANT == 2 | CS GESTANT == 2.0 | CS GESTANT == '2' |
         CS GESTANT == '2.0'
         CS_GESTANT == 3 | CS_GESTANT == 3.0 | CS_GESTANT == '3' |
         CS_GESTANT == '3.0'
                                                 CS_GESTANT == '4' |
         CS_GESTANT == 4 | CS_GESTANT == 4.0 |
         CS_GESTANT == '4.0' |
         PUERPERA == 1 | PUERPERA == 1.0 | PUERPERA == '1' |
         PUERPERA == '1.0')
  )
write_rds(dados_total,file = 'data1/Sivep_2020-2023.rds')
```

Há atualmente 63276 observações na base de dados e são as variáveis:

names(df)

```
##
     [1] "DT NOTIFIC"
                          "SEM NOT"
                                           "DT SIN PRI"
                                                             "SEM PRI"
##
     [5] "SG_UF_NOT"
                           "ID REGIONA"
                                           "CO REGIONA"
                                                             "ID MUNICIP"
##
     [9] "CO_MUN_NOT"
                           "ID_UNIDADE"
                                            "CO_UNI_NOT"
                                                             "CS_SEXO"
##
    [13] "DT_NASC"
                           "NU_IDADE_N"
                                           "TP_IDADE"
                                                             "COD_IDADE"
##
    [17] "CS_GESTANT"
                          "CS_RACA"
                                           "CS_ESCOL_N"
                                                             "ID_PAIS"
##
    [21] "CO_PAIS"
                           "SG_UF"
                                           "ID_RG_RESI"
                                                             "CO_RG_RESI"
##
    [25] "ID_MN_RESI"
                           "CO_MUN_RES"
                                            "CS_ZONA"
                                                             "SURTO_SG"
##
    [29] "NOSOCOMIAL"
                          "AVE_SUINO"
                                           "FEBRE"
                                                             "TOSSE"
##
    [33] "GARGANTA"
                          "DISPNEIA"
                                           "DESC_RESP"
                                                             "SATURACAO"
    [37] "DIARREIA"
                           "OTIMOV"
##
                                            "OUTRO_SIN"
                                                             "OUTRO_DES"
    [41] "PUERPERA"
                           "FATOR RISC"
                                            "CARDIOPATI"
                                                             "HEMATOLOGI"
##
   [45] "SIND_DOWN"
                          "HEPATICA"
                                           "ASMA"
                                                             "DIABETES"
   [49] "NEUROLOGIC"
                          "PNEUMOPATI"
                                           "IMUNODEPRE"
                                                             "RENAL"
   [53] "OBESIDADE"
                          "OBES_IMC"
                                           "OUT_MORBI"
                                                             "MORB_DESC"
##
    [57] "VACINA"
                           "DT_UT_DOSE"
                                                             "DT_VAC_MAE"
##
                                           "MAE_VAC"
##
    [61] "M_AMAMENTA"
                          "DT_DOSEUNI"
                                           "DT_1_DOSE"
                                                             "DT_2_DOSE"
    [65] "ANTIVIRAL"
                           "TP ANTIVIR"
                                           "OUT ANTIV"
                                                             "DT ANTIVIR"
    [69] "HOSPITAL"
                           "DT INTERNA"
                                           "SG_UF_INTE"
                                                             "ID_RG_INTE"
##
##
    [73] "CO RG INTE"
                          "ID_MN_INTE"
                                           "CO_MU_INTE"
                                                             "UTI"
##
   [77] "DT_ENTUTI"
                          "DT_SAIDUTI"
                                           "SUPORT_VEN"
                                                             "RAIOX_RES"
##
   [81] "RAIOX_OUT"
                           "DT_RAIOX"
                                           "AMOSTRA"
                                                             "DT_COLETA"
    [85] "TP_AMOSTRA"
                           "OUT_AMOST"
                                           "PCR_RESUL"
                                                             "DT_PCR"
##
##
    [89] "POS_PCRFLU"
                           "TP_FLU_PCR"
                                           "PCR_FLUASU"
                                                             "FLUASU_OUT"
   [93] "PCR_FLUBLI"
                          "FLUBLI_OUT"
                                           "POS_PCROUT"
                                                             "PCR_VSR"
   [97] "PCR_PARA1"
                           "PCR_PARA2"
                                           "PCR_PARA3"
                                                             "PCR_PARA4"
## [101] "PCR_ADENO"
                           "PCR_METAP"
                                           "PCR_BOCA"
                                                             "PCR_RINO"
## [105] "PCR_OUTRO"
                          "DS_PCR_OUT"
                                           "CLASSI_FIN"
                                                             "CLASSI_OUT"
## [109] "CRITERIO"
                          "EVOLUCAO"
                                           "DT_EVOLUCA"
                                                             "DT ENCERRA"
                                           "PAIS_VGM"
## [113] "DT DIGITA"
                          "HISTO_VGM"
                                                             "CO_PS_VGM"
## [117] "LO PS VGM"
                           "DT_VGM"
                                            "DT_RT_VGM"
                                                             "PCR_SARS2"
```

```
## [121] "PAC COCBO"
                           "PAC DSCBO"
                                            "OUT ANIM"
                                                             "DOR ABD"
  [125] "FADIGA"
                          "PERD OLFT"
                                           "PERD PALA"
                                                             "TOMO RES"
##
  [129] "TOMO OUT"
                          "DT TOMO"
                                           "TP TES AN"
                                                             "DT RES AN"
  [133] "RES_AN"
                           "POS_AN_FLU"
                                            "TP_FLU_AN"
                                                             "POS_AN_OUT"
##
  [137] "AN_SARS2"
                           "AN VSR"
                                            "AN PARA1"
                                                             "AN PARA2"
  [141] "AN PARA3"
                          "AN ADENO"
                                           "AN OUTRO"
                                                             "DS AN OUT"
##
  [145] "TP AM SOR"
                          "SOR OUT"
                                            "DT CO SOR"
                                                             "TP SOR"
         "OUT SOR"
                           "DT RES"
                                           "RES IGG"
                                                             "RES IGM"
## [149]
##
   [153]
         "RES_IGA"
                           "ESTRANG"
                                            "VACINA_COV"
                                                             "DOSE_1_COV"
                                                             "FAB_COV_2"
   [157]
         "DOSE_2_COV"
                          "DOSE_REF"
                                           "FAB_COV_1"
  [161] "FAB_COVREF"
                          "LOTE_REF"
                                           "LAB_PR_COV"
                                                             "LOTE_1_COV"
                                           "DOSE_2REF"
   [165] "LOTE_2_COV"
                           "FNT_IN_COV"
                                                             "FAB_COVRF2"
   [169] "LOTE_REF2"
                          "TRAT_COV"
                                           "TIPO_TRAT"
                                                             "OUT_TRAT"
##
                                                             "CALAFRIO"
  [173] "DT_TRT_COV"
                          "ARTRALGIA"
                                           "AVE_10_DIA"
## [177] "CONJUNTIV"
                          "CORIZA"
                                            "CO_LAB_IF"
                                                             "CO_LAB_PCR"
   [181]
         "CO_UF_INTE"
                           "CULT_AMOST"
                                            "CULT_OUT"
                                                             "CULT_RES"
                          "DS_IF_OUT"
                                                             "DS_OUTMET"
##
   [185]
         "DOENCA_TRA"
                                           "DS_OAGEETI"
   [189]
         "DS OUTSUB"
                          "DT CULTURA"
                                           "DT HEMAGLU"
                                                             "DT IF"
                                                             "DT_PCR_1"
   [193] "DT_IFI"
                           "DT_OBITO"
                                            "DT_OUTMET"
##
  [197]
         "HEMA ETIOL"
                           "HEMA RES"
                                            "HEMOGLOBI"
                                                             "HEM TIPO H"
## [201] "HEM_TIPO_N"
                          "ID_OCUPA_N"
                                           "IFI"
                                                             "IF_ADENO"
## [205] "IF OUTRO"
                          "IF PARA1"
                                           "IF PARA2"
                                                             "IF PARA3"
                           "IF_VSR"
                                                             "LAB_PCR"
## [209] "IF_RESUL"
                                            "LAB_IF"
                                                             "NU ANO"
## [213]
         "METABOLICA"
                           "MIALGIA"
                                            "MONITORA"
                                                             "PCR ETIOL"
## [217]
         "OUT METODO"
                          "PCR"
                                           "PCR AMOSTR"
  [221] "PCR OUT"
                           "PCR RES"
                                           "PCR TIPO H"
                                                             "PCR TIPO N"
   [225]
         "POS_IF_FLU"
                           "POS_IF_OUT"
                                            "REQUI_GAL"
                                                             "RES_ADNO"
                                                             "RES_OUTRO"
## [229] "RES_FLUA"
                           "RES_FLUASU"
                                            "RES_FLUB"
  [233]
         "RES_PARA1"
                          "RES_PARA2"
                                            "RES_PARA3"
                                                             "RES_VSR"
  [237]
         "SRAG2009FINAL"
                          "SRAG2010FINAL"
                                            "SRAG2011FINAL"
                                                             "SRAG2012FINAL"
## [241]
         "SRAG2013FINAL"
                           "SRAG2014FINAL"
                                            "SRAG2015FINAL"
                                                             "SRAG2017FINAL"
   [245]
         "SRAG2018FINAL"
                          "ST_TIPOFI"
                                            "TABAGISMO"
                                                             "TIPO_PCR"
## [249] "TPAUTOCTO"
                           "TP_FLU_IF"
                                            "watermark"
```

Tratamento

A base de dados do SIVEP-GRIPE utilizada no Painel Qualidados passa por um processo de reorganização, no qual os valores das observações que se enquadram em alguma das regras de indicadores de má qualidade dos dados (Incompletude, Implausibilidade ou Inconsistência) são substituídos. Os indicadores podem ser visualizados na aba de dicionário, na tabela de regras, para cada uma das respectivas bases de dados dentro do Painel. Por exemplo, os dados "NA" (Not Available) são substituídos por "Em Branco". Tanto os dicionários de variáveis quanto o conjunto de regras estão disponíveis no GitHub do Painel, no seguinte endereço: https://github.com/observatorioobstetrico/Qualidados.

```
#BANCO AUXILIAR PARA CORRECAO DOS MUNICIPIOS
aux_muni2 <- abjData::muni %>%
  dplyr::select(uf id,
                muni id,
                muni_nm_clean,
                uf_sigla) %>%
  mutate_at("muni_id", as.character) %>%
  mutate(cod_mun = stringr::str_sub(muni_id, 1, 6))
#CRIANDO CLASSIFICACAO DE GESTANTE E PUERP E CORRIGINDO OS MUNICIPIOS
df_gest <- df %>%
  #CORRECAO MUNICIPIOS
 left_join(aux_muni2, by = c("ID_MUNICIP" = "cod_mun")) %>%
  mutate(SG_UF_NOT = ifelse(is.na(muni_nm_clean),
                             SG_UF_NOT, uf_sigla),
         ID_MUNICIP = ifelse(is.na(muni_nm_clean),
                              ID_MUNICIP, muni_nm_clean)) %>%
  mutate(
    #DATA DO PRIMEIRO SINTOMA
    dt_sint = as.Date(DT_SIN_PRI, format = "%d/%m/%Y"),
    #DATA DO NASCIMENTO
    dt nasc = as.Date(DT NASC, format = "%d/%m/%Y"),
    #ANO, BASEADO NA DATA DO PRIMEIRO SINTOMA
    ANO = lubridate::year(dt_sint),
    #MUNICIPIO
    MUNICIPIO = paste(ID_MUNICIP, "-", SG_UF_NOT)
  ) %>% select(-muni_nm_clean, -uf_sigla)
# CORRECAO DO ERRO QUE A FALTA DE PADRONIZACAO DOS DADOS OCASIONOU
df_gest <- df_gest %>% mutate_if(~ !is.character(.), as.character)
df_gest <- data.frame(lapply(df_gest,</pre>
        function(x) ifelse(x == "1.0", '1',
           ifelse(x == '2.0','2',
                      ifelse(x == '3.0', '3',
                             ifelse(x == '4.0','4',
                                    ifelse(x == '5.0', '5',
                                           ifelse(x == '6.0', '6',
                                                   ifelse(x == '7.0', '7',
                                                          ifelse(x == '8.0', '8',
                                           ifelse(x == '9.0', '9', x))))))))))))))))))))))))))))))))))
df gest %>% nrow()#CONFERINDO SE VOLTOU TUDO
sivep2 <- df_gest
# INCOMPLETUDE -----
regras_incom <- fromJSON('data1/incompletude_sivep.json')</pre>
#VARIAVEIS DO DICIONARIO + VARIAVEIS PARA FILTRAGEM
df_gest2 <-</pre>
 df_gest[,c(variaveis_dic,'ANO','MUNICIPIO','SG_UF_NOT','CLASSI_FIN')]
#VARIAVEIS EM QUE O VALOR 9 E O VALOR IGNORADO:
variaveis_ign <- c('CS_SEXO','CS_RACA','CS_ESCOL_N','CS_ZONA','NOSOCOMIAL',</pre>
```

```
'AVE_SUINO', 'FEBRE', 'TOSSE', 'GARGANTA', 'DISPNEIA',
                    'DESC_RESP', 'SATURACAO', 'DIARREIA', 'VOMITO', 'OUTRO_SIN',
                    'FATOR_RISC', 'CARDIOPATI', 'HEMATOLOGI', 'SIND_DOWN',
                    'HEPATICA', 'ASMA', 'DIABETES', 'NEUROLOGIC', 'PNEUMOPATI',
                    'IMUNODEPRE', 'RENAL', 'OBESIDADE', 'OUT_MORBI',
                    'MAE_VAC', 'M_AMAMENTA', 'ANTIVIRAL', 'HOSPITAL', 'UTI',
                    'SUPORT_VEN', 'AMOSTRA', 'POS_PCRFLU', 'POS_PCROUT',
                    'EVOLUCAO', 'DOR_ABD', 'FADIGA', 'PERD_OLFT', 'PERD_PALA',
                    'POS AN FLU', 'POS AN OUT', 'CS GESTANT',
                    'TOMO RES', 'VACINA COV', 'VACINA', 'PUERPERA',
                    'CLASSI_FIN', "RAIOX_RES" )
setdiff(variaveis dic,variaveis ign)
#SUBSTITUIR VALORES NA POR EM BRANCO
sivep <- replace(df_gest2,is.na(df_gest2) ,"Em Branco")</pre>
#SUBSTITUIR VALORES 9 POR IGNORADO
sivep[, variaveis_ign] <- lapply(sivep[, variaveis_ign],</pre>
                                  function(x) ifelse((x == 9 | x == 9.0),
                                                      "Ignorado", x))
# Calcular as porcentagens de valores 'Ignorados' e
#'Em branco' por coluna so para ver se funcionou
colMeans(sivep == "Ignorado", na.rm = TRUE) * 100
colMeans(sivep == "Em Branco", na.rm = TRUE) * 100
# IMPLAUSIBILIDADE ---
regras_implau <- fromJSON('data1/implausibilidade_gestantes.json')</pre>
regras implau2 <- from JSON('data1/implausibilidade puerperas.json')</pre>
# Criando vetores de variáveis improváveis e impossíveis
improvavel <- grep("_IMPROVAVEL", names(regras_implau), value = TRUE)</pre>
impossivel <- grep("_IMPOSSIVEL", names(regras_implau), value = TRUE)</pre>
impossivel2 <- grep("_IMPOSSIVEL", names(regras_implau2), value = TRUE)</pre>
impossivel <- c(impossivel2,impossivel) %>% unique()
# Criando um data. frame com as variáveis improváveis
df_improvavel <- data.frame(</pre>
 variavel = gsub(improvavel,pattern = '_IMPROVAVEL',replacement = ''))
# Criando um data.frame com as variáveis impossíveis
df_impossivel <- data.frame(</pre>
 variavel = gsub(impossivel,pattern = '_IMPOSSIVEL',replacement = ''))
# Trocando regras em string por booleANOs
df impossivel <- df impossivel %>%
  mutate(condicao = case_when(
    grepl("CS_SEXO", variavel) ~
      "CS_SEXO != 'F'",
    grepl("NU_IDADE_N", variavel) ~
      "as.integer(NU_IDADE_N) < 0 | as.integer(NU_IDADE_N) > 90",
    grepl("CS_GESTANT", variavel) ~
      "CS_GESTANT %in% c('1','2','3','4') & PUERPERA == '1' ",
```

```
grepl("DT_INTERNA", variavel) ~
  "lubridate::year(as.Date(DT_INTERNA,format = '%d/%m/%Y')) < 2019
&!(is.na(lubridate::year(as.Date(DT_INTERNA,format = '\d/\%m/\%Y'))))",
grepl("DT_COLETA", variavel) ~
  "lubridate::year(as.Date(DT_COLETA,format = '%d/%m/%Y')) < 2019 &
!(is.na(lubridate::year(as.Date(DT COLETA,format = '%d/\%m/\%Y'))))",
grepl("TP_IDADE", variavel) ~
  "TP IDADE != '1' & TP IDADE != '2' & TP IDADE != '3'",
grepl("TP_ANTIVIR", variavel) ~
  "TP_ANTIVIR != '1' & TP_ANTIVIR != '2' & TP_ANTIVIR != '3'",
grepl("SURTO_SG", variavel) ~
  "SURTO_SG != '1' & SURTO_SG != '2' & SURTO_SG != 'Ignorado'",
grepl("NOSOCOMIAL", variavel) ~
  "NOSOCOMIAL != '1' & NOSOCOMIAL != '2' & NOSOCOMIAL != 'Ignorado'",
grepl("AVE_SUINO", variavel) ~
  "AVE_SUINO != '1' & AVE_SUINO != '2' & AVE_SUINO != 'Ignorado'",
grepl("FEBRE", variavel) ~
  "FEBRE != '1' & FEBRE != '2' & FEBRE != 'Ignorado'",
grepl("TOSSE", variavel) ~
  "TOSSE != '1' & TOSSE != '2' & TOSSE != 'Ignorado'",
grepl("GARGANTA", variavel) ~
  "GARGANTA != '1' & GARGANTA != '2' & GARGANTA != 'Ignorado'",
grepl("DISPNEIA", variavel) ~
  "DISPNEIA != '1' & DISPNEIA != '2' & DISPNEIA != 'Ignorado'",
grepl("DESC_RESP", variavel) ~
  "DESC RESP != '1' & DESC RESP != '2' & DESC RESP != 'Ignorado'",
grepl("SATURACAO", variavel) ~
  "SATURACAO != '1' & SATURACAO != '2' & SATURACAO != 'Ignorado'",
grepl("DIARREIA", variavel) ~
  "DIARREIA != '1' & DIARREIA != '2' & DIARREIA != 'Ignorado'",
grepl("VOMITO", variavel) ~
  "VOMITO != '1' & VOMITO != '2' & VOMITO != 'Ignorado'",
grepl("OUTRO_SIN", variavel) ~
  "OUTRO_SIN != '1' & OUTRO_SIN != '2' & OUTRO_SIN != 'Ignorado'",
grepl("FATOR_RISC", variavel) ~
  "FATOR_RISC != '1' & FATOR_RISC != '2' & FATOR_RISC != 'Ignorado'",
grepl("CARDIOPATI", variavel) ~
  "CARDIOPATI != '1' & CARDIOPATI != '2' & CARDIOPATI != 'Ignorado'",
grepl("HEMATOLOGI", variavel) ~
  "HEMATOLOGI != '1' & HEMATOLOGI != '2' & HEMATOLOGI != 'Ignorado'",
grepl("SIND_DOWN", variavel) ~
  "SIND_DOWN != '1' & SIND_DOWN != '2' & SIND_DOWN != 'Ignorado'",
grepl("HEPATICA", variavel) ~
  "HEPATICA != '1' & HEPATICA != '2' & HEPATICA != 'Ignorado'",
grepl("ASMA", variavel) ~
  "ASMA != '1' & ASMA != '2' & ASMA != 'Ignorado'",
grepl("DIABETES", variavel) ~
  "DIABETES != '1' & DIABETES != '2' & DIABETES != 'Ignorado'",
grepl("NEUROLOGIC", variavel) ~
  "NEUROLOGIC != '1' & NEUROLOGIC != '2' & NEUROLOGIC != 'Ignorado'",
grepl("PNEUMOPATI", variavel) ~
  "PNEUMOPATI != '1' & PNEUMOPATI != '2' & PNEUMOPATI != 'Ignorado'",
grepl("IMUNODEPRE", variavel) ~
```

```
"IMUNODEPRE != '1 ' & IMUNODEPRE != '2' & IMUNODEPRE != 'Ignorado'",
    grepl("RENAL", variavel) ~
      "RENAL != '1' & RENAL != '2' & RENAL != 'Ignorado'",
    grepl("OBESIDADE", variavel) ~
      "OBESIDADE != '1' & OBESIDADE != '2' & OBESIDADE != 'Ignorado'",
    grepl("OUT_MORBI", variavel) ~
      "OUT_MORBI != '1' & OUT_MORBI != '2' & OUT_MORBI != 'Ignorado'",
    grepl("VACINA", variavel) ~
      "VACINA != '1' & VACINA != '2' & VACINA != 'Ignorado'",
    grepl("MAE_VAC", variavel) ~
      "MAE_VAC != '1' & MAE_VAC != '2' & MAE_VAC != 'Ignorado'",
    grepl("M AMAMENTA", variavel) ~
      "M_AMAMENTA != '1' & M_AMAMENTA != '2' & M_AMAMENTA != 'Ignorado'",
    grepl("ANTIVIRAL", variavel) ~
      "ANTIVIRAL != '1' & ANTIVIRAL != '2' & ANTIVIRAL != 'Ignorado'",
    grepl("HOSPITAL", variavel) ~
      "HOSPITAL != '1' & HOSPITAL != '2' & HOSPITAL != 'Ignorado'",
    grepl("UTI", variavel) ~
      "UTI != '1' & UTI != '2' & UTI != 'Ignorado'",
    grepl("AMOSTRA", variavel) ~
      "AMOSTRA != '1' & AMOSTRA != '2' & AMOSTRA != 'Ignorado'",
    grepl("POS_PCRFLU", variavel) ~
      "POS PCRFLU != '1' & POS PCRFLU != '2' & POS PCRFLU != 'Ignorado'",
    grepl("POS_PCROUT", variavel) ~
      "POS_PCROUT != '1' & POS_PCROUT != '2' & POS_PCROUT != 'Ignorado'",
    grepl("HISTO_VGM", variavel) ~
      "HISTO VGM != '1' & HISTO VGM != '2' & HISTO VGM != 'Ignorado'",
    grepl("DOR_ABD", variavel) ~
      "DOR_ABD != '1' & DOR_ABD != '2' & DOR_ABD != 'Ignorado'",
    grepl("FADIGA", variavel) ~
      "FADIGA != '1' & FADIGA != '2' & FADIGA != 'Ignorado'",
    grepl("PERD_OLFT", variavel) ~
      "PERD_OLFT != '1' & PERD_OLFT != '2' & PERD_OLFT != 'Ignorado'",
    grepl("PERD_PALA", variavel) ~
      "PERD_PALA != '1' & PERD_PALA != '2' & PERD_PALA != 'Ignorado'",
    grepl("POS_AN_FLU", variavel) ~
      "POS_AN_FLU != '1' & POS_AN_FLU != '2' & POS_AN_FLU != 'Ignorado'",
    grepl("POS_AN_OUT", variavel) ~
      "POS AN OUT != '1' & POS AN OUT != '2' & POS AN OUT != 'Ignorado'",
    grepl("TP_AM_SOR", variavel) ~
      "TP_AM_SOR != '1' & TP_AM_SOR != '2' & TP_AM_SOR != 'Ignorado'",
    grepl("PUERPERA", variavel) ~
      "(PUERPERA %in% c('1')) & (CS_GESTANT %in% c('1','2','3','4'))"
    ))
   df_improvavel <- df_improvavel %>%
  mutate(condicao = case when(
    grepl("NU_IDADE_N", variavel) ~
      "(as.integer(NU_IDADE_N) < 10 & as.integer(NU_IDADE_N) >= 0) |
    (as.integer(NU_IDADE_N) > 55 & as.integer(NU_IDADE_N) <= 90)"))
#Substituindo os valores do banco sivep por improvavel e impossível
attach(sivep)
for(i in 1:nrow(df_impossivel)){
```

```
var <- df_impossivel$variavel[i]</pre>
  cond <- df_impossivel$condicao[i]</pre>
  sivep[eval(parse
             (text = paste0(cond, " & (",
                             var," != 'Em Branco')"))),var]<- 'Impossivel'</pre>
for(i in 1:nrow(df_improvavel)){
  var <- df improvavel$variavel[i]</pre>
  cond <- df_improvavel$condicao[i]</pre>
  sivep[eval(parse(text = paste0("(",cond,") & (",
                                  var," != 'Em branco' &",
                                  var," != 'Ignorado') "))),var] <- 'Improvavel'</pre>
}
detach(sivep)
sivep_ic_ip <- sivep</pre>
# INCONSISTENCIA --
regras_incon <- fromJSON('data1/SIVEP_Inconsistencias_Regras.json')</pre>
# Criando um data.frame com as variáveis improváveis
df_inconsistencia <- data.frame(</pre>
 variavel = names(regras_incon) %>% gsub(pattern = '_e_', replacement = ' e '))
# Trocando regras em string por booleANOs
df inconsistencia <- df inconsistencia %>%
  mutate(condicao = case when(
    grepl("CS_SEXO e CS_GESTANT", variavel) ~
      "(df_gest_aux$CS_SEXO %in% c('M', 'I')) &
    (df_gest_aux$CS_GESTANT %in% c('1','2','3','4'))",
    grepl('FATOR_RISC e COMORBIDADES', variavel) ~
      "((df_gest_aux$FATOR_RISC == '2' | df_gest_aux$FATOR_RISC == '9')
    & (df_gest_aux$CARDIOPATI == '1' | df_gest_aux$HEMATOLOGI == '1' |
    df_gest_aux$SIND_DOWN == '1' | df_gest_aux$HEPATICA == '1' |
    df_gest_aux$ASMA == '1' | df_gest_aux$DIABETES == '1' |
    df_gest_aux$NEUROLOGIC == '1' | df_gest_aux$PNEUMOPATI == '1' |
    df_gest_aux$IMUNODEPRE == '1' | df_gest_aux$RENAL == '1' |
    df_gest_aux$OBESIDADE == '1' | df_gest_aux$OBES_IMC == '1' |
    df_gest_aux$OUT_MORBI == '1')) | ((df_gest_aux$FATOR_RISC == '1') &
    (df_gest_aux$CARDIOPATI != '1' & df_gest_aux$HEMATOLOGI != '1' &
    df_gest_aux$SIND_DOWN != '1' & df_gest_aux$HEPATICA != '1' &
    df_gest_aux$ASMA != '1' & df_gest_aux$DIABETES != '1' &
    df_gest_aux$NEUROLOGIC != '1' & df_gest_aux$PNEUMOPATI != '1' &
    df_gest_aux$IMUNODEPRE != '1' & df_gest_aux$RENAL != '1' &
    df_gest_aux$OBESIDADE != '1' & df_gest_aux$OBES_IMC != '1' &
    df_gest_aux$OUT_MORBI != '1'))",
    grepl("VACINA e DT_UT_DOSE", variavel) ~
      "df_gest_aux$VACINA %in% c('2', '9') &
    (df_gest_aux$DT_UT_DOSE != 'Em Branco')",
    grepl("MAE_VAC e DT_VAC_MAE", variavel) ~
      "df_gest_aux$MAE_VAC %in% c('2', '9') &
    (df_gest_aux$DT_VAC_MAE != 'Em Branco')",
    grepl("DT_DOSEUNI e NU_IDADE_N", variavel) ~
```

```
"(df_gest_aux$DT_DOSEUNI != 'Em Branco') &
    (as.integer(df_gest_aux$NU_IDADE_N) <= '6' |</pre>
    as.integer(df_gest_aux$NU_IDADE_N) >= '8')",
    grepl("ANTIVIRAL e TP_ANTIVIR", variavel) ~ "df_gest_aux$ANTIVIRAL %in%
    c('2', '9') & df_gest_aux$TP_ANTIVIR %in% c('1', '2', '3')",
    grepl("HOSPITAL e DT_INTERNA", variavel) ~ "df_gest_aux$HOSPITAL %in%
    c('2', '9') & (df_gest_aux$DT_INTERNA != 'Em Branco')",
    grep1("UTI e DT_ENTUTI", variavel) ~ "(df_gest_aux$UTI == '2' |
    df_gest_aux$UTI == '9') & (df_gest_aux$DT_ENTUTI != 'Em Branco') |
    (df_gest_aux$HOSPITAL == '2' | df_gest_aux$HOSPITAL == '9') &
   df_gest_aux$UTI == '1'",
    grepl("RAIOX_RES e DT_RAIOX", variavel) ~ "(df_gest_aux$RAIOX_RES == '6' |
   df_gest_aux$RAIOX_RES == '9') & (df_gest_aux$DT_RAIOX!= 'Em Branco')",
    grep1("AMOSTRA e DT_COLETA", variavel) ~ "(df_gest_aux$AMOSTRA == '6' |
   df_gest_aux$AMOSTRA == '9') & (df_gest_aux$DT_COLETA != 'Em Branco')",
    grepl("HISTO_VGM e Campos_VGMs", variavel) ~
      "(df_gest_aux$HISTO_VGM == '2' | df_gest_aux$HISTO_VGM == '9') &
    (df_gest_aux$LO_PS_VGM != 'Em Branco') &
    (df_gest_aux$DT_VGM != 'Em Branco') &
    (df_gest_aux$DT_RT_VGM != 'Em Branco')",
    grepl("TOMO_RES e DT_TOMO", variavel) ~
      "(df_gest_aux$TOMO_RES == '6' | df_gest_aux$TOMO_RES == '9') &
    (df_gest_aux$DT_TOMO != 'Em Branco')",
    grepl("TP_TES_AN e DT_RES_AN", variavel) ~ "((df_gest_aux$RES_AN == '4') &
    (df_gest_aux$TP_TES_AN %in% c('1', '2'))) | ((df_gest_aux$RES_AN == '4') &
    (df gest aux$DT RES AN != 'Em Branco'))",
    grepl("VACINA_COV e DOSES", variavel) ~
      "(df_gest_aux$VACINA_COV %in% c('2', '9')) &
    ((df_gest_aux$DOSE_1_COV != 'Em Branco') |
    (df_gest_aux$DOSE_2_COV!= 'Em Branco'))",
    grepl("CLASSI_FIN_SRAG_INFLUENZA", variavel) ~
      "df_gest_aux$CLASSI_FIN == '1' & df_gest_aux$POS_PCRFLU %in%
    c('2', '9') & df_gest_aux$POS_AN_FLU %in% c('2', '9')",
    grepl("CLASSI_FIN_SRAG_OUTROS_VIRUS", variavel) ~
      "df_gest_aux$CLASSI_FIN == '1' &
   df_gest_aux$PCR_OUTRO %in% c('2', '9') &
   df_gest_aux$AN_OUTRO %in% c('2 ', '9')"
  ))
df_inconsistencia <- head(df_inconsistencia, -2)</pre>
# Criando colunas de inconsistencia no df_gest
df_gest_aux <- df_gest</pre>
#SUBSTITUIR VALORES NA POR EM BRANCO
df_gest_aux <- data.frame(lapply(df_gest_aux,</pre>
                                 function(x) ifelse(is.na(x), "Em Branco", x)))
for(i in 1:nrow(df_inconsistencia)){
  df_gest_aux[[df_inconsistencia$variavel[i]]] <- 'Nao'</pre>
df_gest_aux %>% colnames() #VENDO SE DEU CERTO
# Verificando a condição de inconsistência para cada variável
```

```
for(i in 1:(nrow(df inconsistencia))){
  var <- df_inconsistencia$variavel[i]</pre>
  cond <- df inconsistencia$condicao[i]</pre>
  df gest aux[eval(parse(text = paste0(cond))) ,var] <- 'Inconsistencia'</pre>
}
n <- nrow(df inconsistencia)</pre>
maxi <- ncol(df_gest_aux)</pre>
# CONCATENANDO E MUDANDO NOME DAS COLUNAS -----
sivep <- cbind(sivep_ic_ip,df_gest_aux[,(maxi - n + 1):maxi])</pre>
#RENOMEANDO AS COLUNAS COM BASE NO DICIONARIO
nomes_colunas <- colnames(sivep)</pre>
# Substituindo os nomes originais pelos novos
for(i in seq_along(SIVEP_dic$`Codigo SIVEP`)) {
  nomes_colunas <- gsub(SIVEP_dic$`Codigo SIVEP`[i],</pre>
                         SIVEP dic$ Codigo Qualidados [i],
                         nomes colunas)
}
# Atribuindo os novos nomes de colunas ao dataframe
colnames(sivep) <- nomes_colunas</pre>
# CRIAR REGRAS DO SIVEP -----
#inconsistencia
regras_incon <- regras_incon |> as.data.frame() |> t() |> as.data.frame()
regras_incon <- cbind(regras_incon |> row.names(),regras_incon)
regras_incon |> row.names() <- NULL</pre>
regras_incon |> colnames() <- c('Variavel', 'Regra')</pre>
regras_incon$Variavel <- regras_incon$Variavel |> gsub(pattern = '_e_',
                                                          replacement = ' e ')
regras_incon$Indicador <- 'Inconsistência'
regras_incon <- regras_incon[-c(17,18),]</pre>
#implausibilidade
regras_implau <- regras_implau |> as.data.frame() |> t() |> as.data.frame()
regras_implau <- cbind(regras_implau |> row.names(),regras_implau)
regras_implau |> row.names() <- NULL</pre>
regras_implau |> colnames() <- c('Variavel','Regra')</pre>
regras_implau$Variavel <- regras_implau$Variavel |>
  gsub(pattern = '_IMPOSSIVEL', replacement = '')
regras_implau$Regra <- regras_implau$Regra |>
  gsub(pattern = 'de gestantes ', replacement = '')
regras_implau$Regra <- regras_implau$Regra |>
  gsub(pattern = 'Gestantes ', replacement = 'Gestantes e puérperas ')
regras_implau$Regra[4] <- 'Gestantes e puérperas ao mesmo tempo'
regras_implau$Indicador <- 'Implausiblidade'</pre>
#incompletude
regras_incom <- regras_incom |> as.data.frame() |> t() |> as.data.frame()
```

```
regras_incom <- cbind(regras_incom |> row.names(),regras_incom)
regras_incom |> row.names() <- NULL</pre>
regras_incom |> colnames() <- c('Variavel', 'Regra')</pre>
regras_incom$Indicador <- 'Incompletude'</pre>
#CORRECAO PARA CODIGO DO QUALIDADOS
regras_sivep <- rbind(regras_incon,regras_implau,regras_incom)</pre>
for(i in seq along(SIVEP dic$`Codigo SIVEP`)) {
  for(j in 1:ncol(regras_sivep)){
 regras_sivep[,j] <- gsub(SIVEP_dic$`Codigo SIVEP`[i],</pre>
                           SIVEP_dic$`Codigo Qualidados`[i],
                       regras_sivep[,j])
regras_sivep$Variavel <- regras_sivep$Variavel %>%
  gsub(pattern = '_IMPROVAVEL',replacement = '')
#DESCRICAO DOS INDICADORES
desc_incom <- 'análise das informações que estão faltando na base de dados,
seja porque não foram preenchidas ("dados em branco") ou porque a
resposta era desconhecida ("dados ignorados").'
desc_implau <- "análise das informações que são improváveis e/ou dificilmente
possam ser consideradas aceitáveis dadas as características de sua natureza."
desc incon <- "informações que parecem ilógicas e/ou incompatíveis a
partir da análise da combinação dos dados informados em dois
ou mais campos do formulário."
var sivep incon <-
  regras_sivep[regras_sivep$Indicador=='Inconsistência','Variavel']
#VARIAVEIS AUXILIARES PARA INCONSISTENCIA
Var_incon_relacao <- list(</pre>
  c('SEXO','IDADE_GEST'),
  c('FATOR_RISCO', 'CARDIOPATI', 'HEMATOLOGI', 'SIND_DOWN', 'HEPÁTICA',
    'ASMA', 'DIABETES',
    'NEUROLÓGICA', 'PNEUMOPATIA', 'IMUNODEPRESSAO', 'RENAL_CRON', 'OBESIDADE',
    'OBES_IMC', 'OUT_FATOR_RISCO'),
  c('VACINA','DT VACINA GRIPE'),
  c('MAE_VACINA','DT_VACINA_MAE'),
  c('DT_DOSE_UNICA','IDADE'),
  c('ANTIVIRAL','TIPO_ANTIVIRAL'),
  c('INTERNACAO', 'DT_INTERNACAO'),
  c('UTI', 'DT_UTI', 'INTERNACAO'),
  c('RESULT_RAIOX' ,'DT_RAIOX' ),
  c('AMOSTRA_DIAG' ,'DT_COLETA_AMO' ),
  c('HIST_VIAGEM','LO_PS_VGM', 'DT_VGM', 'DT_RT_VGM'),
  c('RESULT_TOMOGR' ,'DT_TOMOGRAFIA' ),
  c('RES_AN' ,'TIPO_ANTIGENICO' ,'DT_RES_ANTIGENICO'),
  c('VACINA_COVID','DOSE_1_COV','DOSE_2_COV'),
  c('CLASSI_FIN' ,'PCR_INFLU' ,'ANTIGENICO_INFLU' ),
  c('CLASSI_FIN' ,'PCR_OUTRO' ,'AN_OUTRO')
names(Var_incon_relacao) <-</pre>
```

```
regras_sivep[regras_sivep$Indicador == 'Inconsistência','Variavel']
Var_incon_relacao <-</pre>
  Var_incon_relacao[var_sivep_incon] %>% unlist() %>% unname()
Var_incon_relacao <-</pre>
  Var_incon_relacao [Var_incon_relacao %in% colnames(sivep)]
#VARIAVEIS PARA FILTRO
var_sivep_implau <-</pre>
  regras_sivep$Variavel[regras_sivep$Indicador == 'Implausiblidade'] %>%
  unique()
var sivep incom <-
  regras_sivep$Variavel[regras_sivep$Indicador == 'Incompletude'] %>%
  unique()
dados_oobr_qualidados_SIVEP_2009_2023 <- sivep</pre>
#DADOS
usethis::use_data(dados_oobr_qualidados_SIVEP_2009_2023,overwrite = T)
#VARIVEIS PARA FILTRO
usethis::use_data(Var_incon_relacao,overwrite = T)
usethis::use_data(var_sivep_incom,overwrite = T)
usethis::use_data(var_sivep_implau,overwrite = T)
usethis::use_data(var_sivep_incon,overwrite = T)
#DESCRICAO
usethis::use_data(desc_incom, overwrite = T)
usethis::use_data(desc_implau, overwrite = T)
usethis::use data(desc incon, overwrite = T)
#DICIONARIO
usethis::use_data(SIVEP_dic,overwrite = T)
usethis::use_data(regras_sivep,overwrite = T)
```

Análise dos dados de caracterização

Classificação caso de SRAG

A variável que indica a classificação é a CLASSI_FIN, que possui as seguintes categorias: 1 - SRAG por influenza 2 - SRAG por outro vírus respiratório 3 - SRAG por outro agente etiológico 4 - SRAG não especificado 5 - SRAG por COVID-19

É perceptível que a maior concentração de dados está nas categorias de COVID-19 e SRAG não especificado. Todos os totais de dados considerados 'Em Branco', 'Implausíveis' e outras categorias similares serão apresentados posteriormente no documento.

Table 1: Tabela de frequências para classificação do caso

	n	%
1	6647	10.5
2	1357	2.1
3	3831	6.1
4	23064	36.4
5	25947	41.0
Em Branco	2387	3.8
Ignorado	43	0.1
Total	63276	100.0

Table 2: Tabela de frequências para classificação do trimestre gestacional

	n	%
1tri	6761	10.7
2tri	14827	23.4
3tri	25593	40.4
IG_ig	2204	3.5
não	3855	6.1
puerp	10036	15.9
Total	63276	100.0

Indicativo de Gestante ou Puérpera

Neste ponto, é realizada uma alteração nos dados para visualizar o trimestre gestacional e se a pessoa é puérpera ou não.

```
#tabela de frequência para a classificação
questionr::freq( dados_oobr_qualidados_SIVEP_2009_2023 |> mutate(
                classi_gesta_puerp = case_when(
                IDADE_GEST == '1'~ "1tri",
                IDADE_GEST == '2'~ "2tri",
                IDADE_GEST == '3' ~ "3tri",
                IDADE GEST == '4' ~ "IG ig",
                ( IDADE_GEST == '5' & PUERPERA == '1' )~ "puerp",
                (IDADE_GEST == '9' & PUERPERA == '1')~ "puerp",
                TRUE ~ "não"
                )) |> select(classi_gesta_puerp),
                    cum = FALSE,
                    total = TRUE,
                    na.last = FALSE,
                    valid = FALSE
                    ) %>%
          kable(caption =
          "Tabela de frequências para classificação do trimestre gestacional ",
                  digits = 2)
```

É importante observar que as implausibilidades e incompletudes são classificadas como "NÃO" no contexto mencionado.

Table 3: Tabela de frequências para variável sobre gestação

	n	%
0	1	0.0
1	6761	10.7
2	14827	23.4
3	25593	40.4
4	2204	3.5
5	10036	15.9
6	1155	1.8
Ignorado	677	1.1
Impossivel	2022	3.2
Total	63276	100.0

Período Gestacional

A variável IDADE_GEST representa o período gestacional e assume os seguintes valores: $1 - 1^{\circ}$ Trimestre; $2 - 2^{\circ}$ Trimestre; $3 - 3^{\circ}$ Trimestre; 4 - Idade Gestacional Ignorada; 5 - Não; 6 - Não se aplica; Ignorado.

```
#tabela de frequência para gestação
questionr::freq(
dados_oobr_qualidados_SIVEP_2009_2023$IDADE_GEST,
cum = FALSE,
total = TRUE,
na.last = FALSE,
valid = FALSE
) %>%
kable(caption = "Tabela de frequências para variável
sobre gestação", digits = 2)
```

Neste caso, os dados em que a variável IDADE_GEST assume os valores 1, 2, 3 ou 4, e a variável PUERPERA assume o valor 1 - É puérpera, são classificados como "Impossíveis".

Sexo

O Painel se limita aos dados em que o indivíduo observado foi classificado como gestante ou puérpera. Portanto, qualquer dado que indique "M" - Homem é considerado impossível. No total, existem 11 observações com essa classificação.

Table 4: Tabela de frequências para sexo

	n	%
F	62818	99.3
Impossivel	458	0.7
Total	63276	100.0

Idade

A variável IDADE representa a idade do indivíduo como um valor numérico. Nesse contexto, os dados cujos valores sejam maiores que 55 ou menores que 10 são classificados como implausíveis, sendo considerados como impossíveis ou improváveis.

Raça

A variável RACA representa a raça do indivíduo e possui as seguintes categorias:1 - Branca; 2 - Preta; 3 - Amarela; 4 - Parda; 5 - Indígena; Ignorado

```
#tabela de frequência para gestação
questionr::freq(
     dados_oobr_qualidados_SIVEP_2009_2023$RACA,
     cum = FALSE,
     total = TRUE,
     na.last = FALSE,
     valid = FALSE
) %>%
     kable(caption = "Tabela de frequências para variável
     Raça/Cor", digits = 2)
```

Os dados da população apresentam uma predominância majoritária nas categorias de raça "Branca" e "Parda".

UF de Notificação

A variável SG_UF_NOT representa a Unidade Federativa (UF) do estado de notificação do caso de SRAG. Ela assume diferentes valores correspondentes aos estados do Brasil.

Table 5: Tabela de frequências para variável idade

	n	%
10	17	0.0
11	19	0.0
12	32	0.1
13	76	0.1
14	242	0.4
15	498	0.8
16	759	1.2
17	1025	1.6
18	1223	1.9
19	1546	2.4
20	1686	2.7
21	1915	3.0
22	2016	3.2
23	2173	3.4
24	2169	3.4
25	2253	3.6
26	2215	3.5
27	2238	3.5
28	2214	3.5
29	2117	3.3
30	2135	3.4
31	2140	3.4
32	1972	3.1
33	1900	3.0
34	1846	2.9
35	1829	2.9
36	1607	2.5
37	1474	2.3
38	1309	2.3
39	1168	1.8
40	895	1.4
41	604	1.4
42	465	0.7
43	308	0.7
44	243	0.3
45	147	0.4
46	82	0.2
47	73	0.1
	63	0.1
48		0.1
49	51	0.1
50	42	0.1
51	41	0.1
52	44	0.1
53	53	0.1
54	64	0.1
55	55	0.1
Impossivel	14589	23.1
Improvavel	1644	2.6
Total	63276	100.0

Table 6: Tabela de frequências para variável Raça/Cor

	n	%
1	25265	39.9
2	3809	6.0
3	480	0.8
4	25705	40.6
5	331	0.5
Em Branco	956	1.5
Ignorado	6730	10.6
Total	63276	100.0

Escolaridade

A variável ESCOLARIDADE representa o nível de escolaridade do paciente e possui as seguintes categorias: 0 - Sem escolaridade/Analfabeto; 1 - Fundamental 1° ciclo, 1° a 5° série; 2 - Fundamental 2° ciclo, 6° a 9° série; 3 - Médio, 1° ao 3° ano; 4 - Superior; 5 - Não se aplica; Ignorado. Para os níveis de escolaridade fundamental e médio, deve-se considerar a última série ou ano concluído.

```
#tabela de frequência para gestação
questionr::freq(
dados_oobr_qualidados_SIVEP_2009_2023$ESCOLARIDADE,
cum = FALSE,
total = TRUE,
na.last = FALSE,
valid = FALSE
) %>%
kable(caption = "Tabela de frequências para variável
Escolaridade", digits = 2)
```

Entre as observações, o índice de ensino médio concluído é o de maior frequência. Isso significa que a categoria correspondente ao nível de escolaridade "Médio, 1° ao 3° ano" é a mais comum.

Análise dos Indicadores

Segue abaixo a frequência para cada variável e cada indicador apresentado no painel. As regras de decisão podem ser observadas na aba de tratamento ou no próprio dicionário do painel.

Table 7: Tabela de frequências para variável UF de notificação

	n	%
AC	259	0.4
AL	758	1.2
AM	1552	2.5
AP	300	0.5
BA	1784	2.8
CE	3191	5.0
DF	1797	2.8
ES	476	0.8
GO	1746	2.8
MA	774	1.2
MG	5406	8.5
MS	1484	2.3
MT	1298	2.1
PA	2119	3.3
PB	1905	3.0
PE	1657	2.6
PΙ	887	1.4
PR	7044	11.1
RJ	4579	7.2
RN	644	1.0
RO	604	1.0
RR	108	0.2
RS	2852	4.5
SC	2761	4.4
SE	403	0.6
SP	16463	26.0
ТО	425	0.7
Total	63276	100.0

Table 8: Tabela de frequências para variável Escolaridade

	n	%
0	296	0.5
0.0	52	0.1
1	3748	5.9
10.0	161	0.3
2	7002	11.1
3	12838	20.3
4	3723	5.9
5	846	1.3
6	1316	2.1
7	192	0.3
8	315	0.5
Em Branco	16121	25.5
Ignorado	16666	26.3
Total	63276	100.0

Incompletude

As regras aqui utilizadas são apresentadas no dicionário do painel, mostramos abaixo a frequência relativa a cada variável do painel apresentando alguma das incompletudes. Lembrando que o sivep possui um total de 35792 observações. Essas frequências representam a porcentagem de ocorrência de cada valor em relação ao total de observações para cada variável.

```
tabela_resultados <- data.frame(Variavel = character(),</pre>
                                   Ignorado = numeric(),
                                   `Em Branco` = numeric(),
                                   `Porcentagem Incompletude` = character(),
                                   row.names = NULL, stringsAsFactors = FALSE)
# Iteração sobre as colunas do dataframe original
for (col in colnames(dados_oobr_qualidados_SIVEP_2009_2023)) {
  # Contagem dos casos "Ignorado" e "Em Branco"
  contagem_ignorado <- sum(dados_oobr_qualidados_SIVEP_2009_2023[[col]] == "Ignorado", na.rm = TRUE)</pre>
  contagem_em_branco <- sum(dados_oobr_qualidados_SIVEP_2009_2023[[col]] == "Em Branco", na.rm = TRUE)
  porc <- (contagem_ignorado + contagem_em_branco)/length(dados_oobr_qualidados_SIVEP_2009_2023[[col]])
  # Adição dos resultados à tabela
  tabela_resultados <- rbind(tabela_resultados,</pre>
                        data.frame(Variavel = col,
                                     Ignorado = contagem_ignorado,
                                     `Em Branco` = contagem_em_branco,
                                     `Porcentagem Incompletude` = paste0(
                                     round(porc*100,2),'%')))
tabela_resultados |> kable()
```

SEXO	Variavel	Ignorado	Em.Branco	Porcentagem.Incompletude
TPO_IDADE			ů	
RACA		_	_	
ESCOLARIDADE		_		
ZONA				
SURTO SG				
SRAG_POS 3066 20666 37.51%		403	18413	
AVES SUINOS	SURTO_SG	0	50054	79.1%
FEBRE	SRAG_POS	3069	20666	37.51%
TOSSE	AVES_SUINOS	6530	20830	43.24%
DISPENEIA	FEBRE	476	7261	12.23%
DISPENEIA	TOSSE	379	5192	8.8%
DISPENDENCE 456	GARGANTA	1072	10877	18.88%
DESC RESPIRATORIO				
SATURAÇÃO				
DIARREIA				
VOMITO 708 26437 42.9% OUTRO SINT 1316 12440 21.74% FATOR RISCO 0 15837 25.03% CARDIÓPATI 892 30196 49.13% HEMATOLOGI 352 44669 71.13% SIND_DOWN 562 38334 61.47% HEPÁTICA 628 38381 61.65% ASMA 315 44180 70.32% DIABETES 305 43839 69.76% NEUROLÓGICA 606 38298 61.48% PNEUMOPATIA 912 30970 50.39% IMUNODEPRESSAO 929 31018 50.49% RENAL_CRON 910 31178 50.71% OBESIDADE 669 37916 60.98% OUT FATOR_RISCO 762 27796 45.13% MAE VACINA 16 63232 99.96% MATIVIRAL 4875 13923 29.71% TIPO_ANTIVIRAL 4875 13923 <t< td=""><td></td><td></td><td></td><td></td></t<>				
OUTRO_SINT				
FATOR_RISCO				
CARDIOPATI 892 30196 49.13% HEMATOLOGI 352 44659 71.13% SIND_DOWN 562 38334 11.47% HEPÁTICA 628 38381 61.65% ASMA 315 44180 70.32% DIABETES 305 43839 69.76% NEUROLÓGICA 606 38298 61.48% PNEUMOPATIA 912 30970 50.39% IMUNODEPRESSAO 929 31018 50.49% RENAL_CRON 910 31178 50.71% OBESIDADE 669 37916 60.98% OUT_FATOR RISCO 762 27796 45.13% MAE VACINA 16 63232 99.96% ANTIVIRAL 4875 13923 29.71% TIPO_ANTIVIRAL 0 58225 99.96% NEURORIVERT 1316 13603 32.58% UTI 606 13747 22.68% UTI 606 13747 22.68% </td <td></td> <td></td> <td></td> <td></td>				
HEMATOLOGI				
SIND_DOWN 562 38334 61.47% HEFATICA 628 38381 61.65% ASMA 315 44180 70.32% DIABETES 305 43839 69.76% NEUROLÓGICA 606 38298 61.48% PNEUMOPATIA 912 30970 50.39% IMUNODEPRESSAO 929 31018 50.49% RENAL_CRON 910 31178 50.71% OBESIDADE 669 37916 60.98% OUT_FATOR RISCO 762 27796 45.13% MAE_VACINA 16 63232 99.96% MAE AMAMENTA 12 63240 99.96% ANTIVIRAL 4875 13923 29.71% INTERNACAO 335 1032 2.16% DT_INTERNACAO 0 2039 3.22% UTI 606 13747 22.68% SUPORT_VENT 1316 13603 23.58% AMOSTRA DIAG 140 9406 15.0				
HEPÁTICA				
ASMA				
DIABETES 305 43839 69.76% NEUROLÓGICA 666 38298 61.48% PNEUMOPATIA 912 30970 50.39% IMUNODEPRESSAO 929 31018 50.49% RENAL_CRON 910 31178 50.71% OBESIDADE 669 37916 60.98% OUT_FATOR_RISCO 762 27796 45.13% MAE_VACINA 16 63323 99.96% MAE_AMAMENTA 12 63240 99.96% ANTIVIRAL 4875 13923 29.71% TIPO_ANTIVIRAL 0 58225 92.02% INTERNACAO 335 1032 2.16% DT_INTERNACAO 0 2039 3.22% UTI 606 13747 22.68% SUPORT_VENT 1316 13603 23.58% AMOSTRA_DIAG 140 9406 15.09% DT_COLETA_AMO 0 8550 13.51% RT-PCR_INFLU 1340 52048 84.37% RT-PCR_OUTRO 34 47622 75.31% EVOLUCAO 1842 5163 11.07% HIST_VIAGEM 0 14473 22.87% DOR_ABD 701 33255 53.66% FADIGA 9820 53.44% PERDA_DALFT 867 32884 53.34% PERDA_DALFT 867 32884 53.46% ANTIGENICO_INFLU 523 58245 92.88% ANTIGENICO_OUTRO 62 56984 90.15% IDADE_GEST 677 0 1.07% DT_VACINA_GRIPE 0 15157 23.95% DT_VACINA_GRIPE 0 15157 23.95% DT_VACINA_GRIPE 0 15157 23.95% DT_VACINA_MAE 23 0 15845 25.04% DT_UTIT 0 0 13055 20.62%				
NEUROLÓGICA 606 38298 61.48% PNEUMOPATIA 912 30970 50.39% IMUNODEPRESSAO 929 31018 50.39% IMUNODEPRESSAO 929 31118 50.71% OBESIDADE 669 37916 60.98% OUT_FATOR_RISCO 762 27796 45.13% MAE_VACINA 16 63232 99.96% MAE_VACINA 12 63240 99.96% ANTIVIRAL 4875 13923 29.71% TIPO_ANTIVIRAL 0 58225 92.02% INTERNACAO 335 1032 2.16% ODT_INTERNACAO 0 2039 3.22% UTI 606 13747 22.68% SUPORT_VENT 1316 13603 23.58% AMOSTRA_DIAG 140 9406 15.09% OT_COLETA_AMO 0 8550 13.51% RT-PCR_INFLU 1340 52048 84.37% RT-PCR_OUTRO 34 47622 75.31% EVOLUCAO 1842 5163 11.07% HIST_VIAGEM 0 14473 22.87% DOR_ABD 701 33255 53.66% FADIGA 682 32532 52.49% PERDA_PALADAR 882 32948 53.46% ANTIGENICO_INFLU 523 58245 92.88% ANTIGENICO_OUTRO 62 56984 90.15% IDDADE_GEST 677 0 1.07% DT_VACINA_MAE 23 0 15845 25.04% DT_UTIT 0 13050 20.62%				
PNEUMOPATIA				
IMUNODEPRESSAO 929 31018 50.49% RENAL_CRON 910 31178 50.71% OBESIDADE 669 37916 60.98% OUT_FATOR_RISCO 762 27796 45.13% MAE_VACINA 16 63232 99.96% MAE_AMAMENTA 12 63240 99.96% ANTIVIRAL 4875 13923 29.71% TIPO_ANTIVIRAL 0 58225 92.02% INTERNACAO 335 1032 2.16% OT_INTERNACAO 0 2039 3.22% UTI 606 13747 22.68% SUPORT_VENT 1316 13603 23.58% AMOSTRA_DIAG 140 9406 15.09% OT_COLETA_AMO 0 8550 13.51% RT-PCR_INFLU 1340 52048 84.37% RT-PCR_OUTRO 34 47622 75.31% EVOLUCAO 1842 5163 11.07% HIST_VIAGEM 0 14473 22.87% DOR_ABD 701 33255 53.66% FADIGA 682 32532 52.49% PERDA_OLFT 867 32884 53.34% PERDA_OLFT 867 6984 90.15% IDADE_GEST 677 0 1.07% DT_VACINA_GRIPE 0 15157 23.95% DT_VACINA_MAE 23 0 15845 25.04% DT_UTIU 0 13050 20.62%	NEUROLÓGICA	606	38298	61.48%
RENAL_CRON 910 31178 50.71% OBESIDADE 669 37916 60.98% OUT_FATOR_RISCO 762 27796 45.13% MAE_VACINA 16 63232 99.96% MAE_AMAMENTA 12 63240 99.96% ANTIVIRAL 4875 13923 29.71% TIPO_ANTIVIRAL 0 58225 92.02% INTERNACAO 335 1032 29.71% INTERNACAO 335 1032 21.66% DT_INTERNACAO 0 2039 3.22% UTI 606 13747 22.68% SUPORT_VENT 1316 13603 23.58% AMOSTRA_DIAG 140 9406 15.09% DT_COLETA_AMO 0 855 13.51% RT-PCR_INFLU 1340 52048 84.37% RT-PCR_OUTRO 34 47622 75.31% EVOLUCAO 1842 5163 11.07% HIST_VIAGEM 0 14473 <	PNEUMOPATIA	912	30970	50.39%
OBESIDADE 669 37916 60.98% OUT_FATOR_RISCO 762 27796 45.13% MAE_VACINA 16 63232 99.96% MAE_AMAMENTA 12 63240 99.96% ANTIVIRAL 4875 13923 29.71% TIPO_ANTIVIRAL 0 58225 92.02% INTERNACAO 335 1032 2.16% DT_INTERNACAO 0 2039 3.22% UTI 606 13747 22.68% SUPORT_VENT 1316 13603 23.58% AMOSTRA_DIAG 140 9406 15.09% DT_COLETA_AMO 0 8550 13.51% RT-PCR_INFLU 1340 52048 84.37% RT-PCR_OUTRO 34 47622 75.31% EVOLUCAO 1842 5163 11.07% HIST_VIAGEM 0 14473 22.87% DOR_ABD 701 33255 53.66% FADIGA 682 32532 52.	IMUNODEPRESSAO	929	31018	50.49%
OUT_FATOR_RISCO 762 27796 45.13% MAE_VACINA 16 63232 99.96% MAE_AMAMENTA 12 63240 99.96% ANTIVIRAL 4875 13923 29.71% TIPO_ANTIVIRAL 0 58225 99.02% INTERNACAO 335 1032 2.16% DT_INTERNACAO 0 2039 3.22% UTI 606 13747 22.68% SUPORT_VENT 1316 13603 23.58% AMOSTRA_DIAG 140 9406 15.09% DT_COLETA_AMO 0 8550 13.51% RT-PCR_INFLU 1340 52048 84.37% RT-PCR_OUTRO 34 47622 75.31% EVOLUCAO 1842 5163 11.07% HIST_VIAGEM 0 14473 22.87% DOR_ABD 701 33255 53.66% FADIGA 682 32532 52.49% PERDA_OLFT 867 32884 53	RENAL_CRON	910	31178	50.71%
MAE_VACINA 16 63232 99.96% MAE_AMAMENTA 12 63240 99.96% ANTIVIRAL 4875 13923 29.71% TIPO_ANTIVIRAL 0 58225 92.02% INTERNACAO 335 1032 2.16% DT_INTERNACAO 0 2039 3.22% UTI 606 13747 22.68% SUPORT_VENT 1316 13603 23.58% AMOSTRA_DIAG 140 9406 15.09% DT_COLETA_AMO 0 855 13.51% RT-PCR_INFLU 1340 52048 84.37% RT-PCR_OUTRO 34 47622 75.31% EVOLUCAO 1842 5163 11.07% HIST_VIAGEM 0 14473 22.87% DOR_ABD 701 33255 53.66% FADIGA 682 32532 52.49% PERDA_OLFT 867 32884 53.34% PERDA_PALADAR 882 32948 53.46	OBESIDADE	669	37916	60.98%
MAE_AMAMENTA 12 63240 99.96% ANTIVIRAL 4875 13923 29.71% TIPO_ANTIVIRAL 0 58225 92.02% INTERNACAO 335 1032 2.16% DT_INTERNACAO 0 2039 3.22% UTI 606 13747 22.68% SUPORT_VENT 1316 13603 23.58% AMOSTRA_DIAG 140 9406 15.09% DT_COLETA_AMO 0 8550 13.51% RT-PCR_INFLU 1340 52048 84.37% RT-PCR_OUTRO 34 47622 75.31% EVOLUCAO 1842 5163 11.07% HIST_VIAGEM 0 14473 22.87% DOR_ABD 701 33255 53.66% FADIGA 682 32532 52.49% PERDA_OLFT 867 3284 53.34% PERDA_PALADAR 882 32948 53.46% ANTIGENICO_INFLU 523 58245 <t< td=""><td>OUT FATOR RISCO</td><td>762</td><td>27796</td><td>45.13%</td></t<>	OUT FATOR RISCO	762	27796	45.13%
MAE_AMAMENTA 12 63240 99.96% ANTIVIRAL 4875 13923 29.71% TIPO_ANTIVIRAL 0 58225 92.02% INTERNACAO 335 1032 2.16% DT_INTERNACAO 0 2039 3.22% UTI 606 13747 22.68% SUPORT_VENT 1316 13603 23.58% AMOSTRA_DIAG 140 9406 15.09% DT_COLETA_AMO 0 8550 13.51% RT-PCR_INFLU 1340 52048 84.37% RT-PCR_OUTRO 34 47622 75.31% EVOLUCAO 1842 5163 11.07% HIST_VIAGEM 0 14473 22.87% DOR_ABD 701 33255 53.66% FADIGA 682 32532 52.49% PERDA_OLFT 867 3284 53.34% PERDA_PALADAR 882 32948 53.46% ANTIGENICO_INFLU 523 58245 <t< td=""><td></td><td>16</td><td>63232</td><td>99.96%</td></t<>		16	63232	99.96%
ANTIVIRAL	MAE AMAMENTA	12	63240	99.96%
TIPO_ANTIVIRAL 0 58225 92.02% INTERNACAO 335 1032 2.16% DT_INTERNACAO 0 2039 3.22% UTI 606 13747 22.68% SUPORT_VENT 1316 13603 23.58% AMOSTRA_DIAG 140 9406 15.09% DT_COLETA_AMO 0 8550 13.51% RT-PCR_INFLU 1340 52048 84.37% RT-PCR_OUTRO 34 47622 75.31% EVOLUCAO 1842 5163 11.07% HIST_VIAGEM 0 14473 22.87% DOR_ABD 701 33255 53.66% FADIGA 682 32532 52.49% PERDA_OLFT 867 3284 53.34% PERDA_PALADAR 882 32948 53.46% ANTIGENICO_INFLU 523 58245 92.88% ANTIGENICO_OUTRO 62 56984 90.15% IDADE_GEST 677 0 <t< td=""><td></td><td></td><td></td><td></td></t<>				
INTERNACAO 335 1032 2.16% DT_INTERNACAO 0 2039 3.22% UTI 606 13747 22.68% SUPORT_VENT 1316 13603 23.58% AMOSTRA_DIAG 140 9406 15.09% DT_COLETA_AMO 0 8550 13.51% RT-PCR_INFLU 1340 52048 84.37% RT-PCR_OUTRO 34 47622 75.31% EVOLUCAO 1842 5163 11.07% HIST_VIAGEM 0 14473 22.87% DOR_ABD 701 33255 53.66% FADIGA 682 32532 52.49% PERDA_OLFT 867 32884 53.34% PERDA_DALADAR 882 32948 53.46% ANTIGENICO_INFLU 523 58245 92.88% ANTIGENICO_OUTRO 62 56984 90.15% IDADE_GEST 677 0 1.07% DT_VACINA_GRIPE 0 15157 23.95% DT_VACINA_MAE 23 0 15845 25.04% DT_UTIU 0 13050 20.62%				
DT_INTERNACAO 0 2039 3.22% UTI 606 13747 22.68% SUPORT_VENT 1316 13603 23.58% AMOSTRA_DIAG 140 9406 15.09% DT_COLETA_AMO 0 8550 13.51% RT-PCR_INFLU 1340 52048 84.37% RT-PCR_OUTRO 34 47622 75.31% EVOLUCAO 1842 5163 11.07% HIST_VIAGEM 0 14473 22.87% DOR_ABD 701 33255 53.66% FADIGA 682 32532 52.49% PERDA_OLFT 867 3284 53.34% PERDA_PALADAR 882 32948 53.34% PERDA_PALADAR 882 32948 53.46% ANTIGENICO_INFLU 523 58245 92.88% ANTIGENICO_OUTRO 62 56984 90.15% IDADE_GEST 677 0 1.07% DT_VACINA_MAE 23 0 <t< td=""><td></td><td></td><td></td><td></td></t<>				
UTI 606 13747 22.68% SUPORT_VENT 1316 13603 23.58% AMOSTRA_DIAG 140 9406 15.09% DT_COLETA_AMO 0 8550 13.51% RT-PCR_INFLU 1340 52048 84.37% RT-PCR_OUTRO 34 47622 75.31% EVOLUCAO 1842 5163 11.07% HIST_VIAGEM 0 14473 22.87% DOR_ABD 701 33255 53.66% FADIGA 682 32532 52.49% PERDA_OLFT 867 3284 53.34% PERDA_PALADAR 882 32948 53.46% ANTIGENICO_INFLU 523 58245 92.88% ANTIGENICO_OUTRO 62 56984 90.15% IDADE_GEST 677 0 1.07% DT_VACINA_GRIPE 0 15157 23.95% DT_VACINA_MAE 23 0 15845 25.04% DT_UTI 0 130				
SUPORT_VENT 1316 13603 23.58% AMOSTRA_DIAG 140 9406 15.09% DT_COLETA_AMO 0 8550 13.51% RT-PCR_INFLU 1340 52048 84.37% RT-PCR_OUTRO 34 47622 75.31% EVOLUCAO 1842 5163 11.07% HIST_VIAGEM 0 14473 22.87% DOR_ABD 701 33255 53.66% FADIGA 682 32532 52.49% PERDA_OLFT 867 32884 53.34% PERDA_PALADAR 882 32948 53.46% ANTIGENICO_INFLU 523 58245 92.88% ANTIGENICO_OUTRO 62 56984 90.15% IDADE_GEST 677 0 1.07% DT_VACINA_MAE 23 0 15845 25.04% DT_DOSE_UNICA 0 15845 25.04% DT_UTI 0 13050 20.62%	_			
AMOSTRA_DIAG 140 9406 15.09% DT_COLETA_AMO 0 8550 13.51% RT-PCR_INFLU 1340 52048 84.37% RT-PCR_OUTRO 34 47622 75.31% EVOLUCAO 1842 5163 11.07% HIST_VIAGEM 0 14473 22.87% DOR_ABD 701 33255 53.66% FADIGA 682 32532 52.49% PERDA_OLFT 867 32884 53.34% PERDA_PALADAR 882 32948 53.46% ANTIGENICO_INFLU 523 58245 92.88% ANTIGENICO_OUTRO 62 56984 90.15% IDADE_GEST 677 0 1.07% DT_VACINA_GRIPE 0 15157 23.95% DT_VACINA_MAE 23 0 15845 25.04% DT_DOSE_UNICA 0 13050 20.62%				
DT_COLETA_AMO 0 8550 13.51% RT-PCR_INFLU 1340 52048 84.37% RT-PCR_OUTRO 34 47622 75.31% EVOLUCAO 1842 5163 11.07% HIST_VIAGEM 0 14473 22.87% DOR_ABD 701 33255 53.66% FADIGA 682 32532 52.49% PERDA_OLFT 867 32884 53.34% PERDA_PALADAR 882 32948 53.46% ANTIGENICO_INFLU 523 58245 92.88% ANTIGENICO_OUTRO 62 56984 90.15% IDADE_GEST 677 0 1.07% DT_VACINA_GRIPE 0 15157 23.95% DT_VACINA_MAE 23 0 15845 25.04% DT_DOSE_UNICA 0 13050 20.62%				
RT-PCR_INFLU 1340 52048 84.37% RT-PCR_OUTRO 34 47622 75.31% EVOLUCAO 1842 5163 11.07% HIST_VIAGEM 0 14473 22.87% DOR_ABD 701 33255 53.66% FADIGA 682 32532 52.49% PERDA_OLFT 867 3284 53.34% PERDA_PALADAR 882 32948 53.46% ANTIGENICO_INFLU 523 58245 92.88% ANTIGENICO_OUTRO 62 56984 90.15% IDADE_GEST 677 0 1.07% DT_VACINA_GRIPE 0 15157 23.95% DT_VACINA_MAE 23 0 15845 25.04% DT_UTI 0 13050 20.62%	-			
RT-PCR_OUTRO 34 47622 75.31% EVOLUCAO 1842 5163 11.07% HIST_VIAGEM 0 14473 22.87% DOR_ABD 701 33255 53.66% FADIGA 682 32532 52.49% PERDA_OLFT 867 32884 53.34% PERDA_PALADAR 882 32948 53.46% ANTIGENICO_INFLU 523 58245 92.88% ANTIGENICO_OUTRO 62 56984 90.15% IDADE_GEST 677 0 1.07% DT_VACINA_GRIPE 0 15157 23.95% DT_VACINA_MAE 23 0 15845 25.04% DT_DOSE_UNICA 0 13050 20.62%		ŭ		
EVOLUCAO 1842 5163 11.07% HIST_VIAGEM 0 14473 22.87% DOR_ABD 701 33255 53.66% FADIGA 682 32532 52.49% PERDA_OLFT 867 32884 53.34% PERDA_PALADAR 882 32948 53.46% ANTIGENICO_INFLU 523 58245 92.88% ANTIGENICO_OUTRO 62 56984 90.15% IDADE_GEST 677 0 1.07% DT_VACINA_GRIPE 0 15157 23.95% DT_VACINA_MAE 23 0 15845 25.04% DT_DOSE_UNICA 0 15845 25.04% DT_UTI 0 13050 20.62%				
HIST_VIAGEM 0 14473 22.87% DOR_ABD 701 33255 53.66% FADIGA 682 32532 52.49% PERDA_OLFT 867 32884 53.34% PERDA_PALADAR 882 32948 53.46% ANTIGENICO_INFLU 523 58245 92.88% ANTIGENICO_OUTRO 62 56984 90.15% IDADE_GEST 677 0 1.07% DT_VACINA_GRIPE 0 15157 23.95% DT_VACINA_MAE 23 0 15845 25.04% DT_DOSE_UNICA 0 15845 25.04% DT_UTI 0 13050 20.62%				
DOR_ABD 701 33255 53.66% FADIGA 682 32532 52.49% PERDA_OLFT 867 32884 53.34% PERDA_PALADAR 882 32948 53.46% ANTIGENICO_INFLU 523 58245 92.88% ANTIGENICO_OUTRO 62 56984 90.15% IDADE_GEST 677 0 1.07% DT_VACINA_GRIPE 0 15157 23.95% DT_VACINA_MAE 23 0 15845 25.04% DT_DOSE_UNICA 0 15845 25.04% DT_UTI 0 13050 20.62%				
FADIGA 682 32532 52.49% PERDA_OLFT 867 32884 53.34% PERDA_PALADAR 882 32948 53.46% ANTIGENICO_INFLU 523 58245 92.88% ANTIGENICO_OUTRO 62 56984 90.15% IDADE_GEST 677 0 1.07% DT_VACINA_GRIPE 0 15157 23.95% DT_VACINA_MAE 23 0 15845 25.04% DT_DOSE_UNICA 0 15845 25.04% DT_UTI 0 13050 20.62%		_		
PERDA_OLFT 867 32884 53.34% PERDA_PALADAR 882 32948 53.46% ANTIGENICO_INFLU 523 58245 92.88% ANTIGENICO_OUTRO 62 56984 90.15% IDADE_GEST 677 0 1.07% DT_VACINA_GRIPE 0 15157 23.95% DT_VACINA_MAE 23 0 15845 25.04% DT_DOSE_UNICA 0 15845 25.04% DT_UTI 0 13050 20.62%	_			
PERDA_PALADAR 882 32948 53.46% ANTIGENICO_INFLU 523 58245 92.88% ANTIGENICO_OUTRO 62 56984 90.15% IDADE_GEST 677 0 1.07% DT_VACINA_GRIPE 0 15157 23.95% DT_VACINA_MAE 23 0 15845 25.04% DT_DOSE_UNICA 0 15845 25.04% DT_UTI 0 13050 20.62%				
ANTIGENICO_INFLU 523 58245 92.88% ANTIGENICO_OUTRO 62 56984 90.15% IDADE_GEST 677 0 1.07% DT_VACINA_GRIPE 0 15157 23.95% DT_VACINA_MAE 23 0 15845 25.04% DT_DOSE_UNICA 0 15845 25.04% DT_UTI 0 13050 20.62%	_			
ANTIGENICO_OUTRO 62 56984 90.15% IDADE_GEST 677 0 1.07% DT_VACINA_GRIPE 0 15157 23.95% DT_VACINA_MAE 23 0 15845 25.04% DT_DOSE_UNICA 0 15845 25.04% DT_UTI 0 13050 20.62%	_			
IDADE_GEST 677 0 1.07% DT_VACINA_GRIPE 0 15157 23.95% DT_VACINA_MAE 23 0 15845 25.04% DT_DOSE_UNICA 0 13050 20.62%	-			
DT_VACINA_GRIPE 0 15157 23.95% DT_VACINA_MAE 23 0 15845 25.04% DT_DOSE_UNICA 0 15845 25.04% DT_UTI 0 13050 20.62%	ANTIGENICO_OUTRO	62	56984	90.15%
DT_VACINA_MAE 23 0 15845 25.04% DT_DOSE_UNICA 0 15845 25.04% DT_UTI 0 13050 20.62%	IDADE_GEST	677	0	1.07%
DT_DOSE_UNICA 0 15845 25.04% DT_UTI 0 13050 20.62%	DT_VACINA_GRIPE	0	15157	23.95%
DT_DOSE_UNICA 0 15845 25.04% DT_UTI 0 13050 20.62%	DT_VACINA_MAE 23	0	15845	25.04%
DT_UTI 0 13050 20.62%	DT_DOSE_UNICA	0	15845	25.04%
RESULT_RAIOX 3840 22070 40.95%		0	13050	20.62%
	RESULT_RAIOX	3840	22070	40.95%

Implausibilidade

```
tabela_resultados <- data.frame(Variavel = character(),</pre>
                                Implausivel = numeric(),
                                `Impossivel` = numeric(),
                                `Porcentagem Implausibilidade` = character(),
                                row.names = NULL, stringsAsFactors = FALSE)
# Iteração sobre as colunas do dataframe original
for (col in colnames(dados_oobr_qualidados_SIVEP_2009_2023)) {
  # Contagem dos casos "Ignorado" e "Em Branco"
  contagem_Implausivel <- sum(dados_oobr_qualidados_SIVEP_2009_2023[[col]] == "Improvavel", na.rm = TRU
  contagem_Impossivel <- sum(dados_oobr_qualidados_SIVEP_2009_2023[[col]] == "Impossivel", na.rm = TRUE
  porc <- (contagem_Implausivel + contagem_Impossivel)/length(dados_oobr_qualidados_SIVEP_2009_2023[[co
  # Adição dos resultados à tabela
 tabela_resultados <- rbind(tabela_resultados,</pre>
                            data.frame(Variavel = col,
                                         Implausivel = contagem_Implausivel,
                                        Impossivel = contagem_Impossivel,
                                       `Porcentagem Implausibilidade` = paste0(
                                        round(porc*100,2),'%')))}
tabela_resultados |> kable()
```

SFXO	Variavel	Implausivel	Impossivel	Porcentagem.Implausibilidade
TIPO IDADE		0	458	
RACA		1644	14589	
Description		0	0	
SURTO SG		0	0	
SURTO_SC	ESCOLARIDADE	0	0	0%
SHAG_POS	ZONA	0	0	0%
AVES. SUINOS	SURTO_SG	0	1458	2.3%
FEBRE	SRAG_POS	0	0	0%
TOSSE	AVES_SUINOS	0	47	0.07%
GARGANTA	FEBRE	0	0	0%
DISPENEIA	TOSSE	0	0	0%
DESC RESPIRATORIO	GARGANTA	0	0	0%
SATURAÇÃO	DISPENEIA	0	0	0%
SATURAÇÃO	DESC RESPIRATORIO	0	0	0%
DIARREIA		0	0	0%
VOMITO 0 0 % OUTRO_SINT 0 0 0% FATOR RISCO 0 14895 23.54% CARDIOPATI 0 0 0% HEMATOLOGI 0 0 0% SIND DOWN 0 0 0% HEPÁTICA 0 0 0 0% ASMA 0 0 0 0% DIABETES 0 0 0% PNEUROLÓGICA 0 0 0% PNEUMOPATIA 0 0 0% IMUNODEPRESSAO 0 1017 1.61% RENAL_CRON 0 0 % OBESIDADE 0 0 0% OUT_FATOR RISCO 0 0 0% MAE AMAMENTA 0 0 0% MAE AMAMENTA 0 0 0% ANTIVIRAL 0 0 0% ITPO_ANTIVIRAL 0 0 0% INTERNACAO 0 0 0% UTI 0 0 0% SUPORT_VENT 0 0 0% AMOSTRA_DIAG 0 12453 19.68% </td <td></td> <td></td> <td>0</td> <td></td>			0	
OUTRO_SINT 0 0 % FATOR_RISCO 0 14895 23.54% CARDIOPATI 0 0 0% HEMATOLOGI 0 0 0% SIND_DOWN 0 0 0% HEPATICA 0 0 0% ASMA 0 0 0% NEUROLÓGICA 0 0 0% NEUROLÓGICA 0 0 0% PNEUMOPATIA 0 0 0% IMUNODEPRESSAO 0 1017 1.61% RENAL_CRON 0 0 0% OBESIDADE 0 0 0% OUT_FATOR_RISCO 0 0 0% MAE_VACINA 0 0 0% MATURIAL 0 </td <td></td> <td></td> <td>0</td> <td></td>			0	
FATOR RISCO			0	
CARDIOPATI 0 0 0% HEMATOLOGI 0 0 0% SIND_DOWN 0 0 0% HEPÁTICA 0 0 0% ASMA 0 0 0% DIABETES 0 0 0% NEUROLÓGICA 0 0 0% PERUMOPATIA 0 0 0% IMUNODEPRESSAO 0 1017 1.61% RENAL_CRON 0 0% 0% OBESIDADE 0 0 0% OUT FATOR RISCO 0 0 0% MAE_VACINA 0 0 0% MAE_VACINA 0 0 0% MAE AMAMENTA 0 0 0% ANTIVIRAL 0 33 0.05% TIPO ANTIVIRAL 0 0 0% DT INTERNACAO 0 0 0% UTI 0 0 0% UTI	_	0	14895	
HEMATOLOGI		0		
SIND DOWN				
HEPÁTICA				
ASMA		_		
DIABETES		_	_	
NEUROLÓGICA		_	_	
PNEUMOPATIA		_	_	
IMUNODEPRESSAO 0 1017 1.61% RENAL_CRON 0 0 0 0 0 0 0 0 0				
RENAL_CRON 0 0 % OBESIDADE 0 0 % OUT_FATOR_RISCO 0 0 % MAE_VACINA 0 0 % MAE_AMAMENTA 0 0 % ANTIVIRAL 0 33 0.05% TIPO_ANTIVIRAL 0 0 % INTERNACAO 0 0 % DT_INTERNACAO 0 0 % UTI 0 0 % SUPORT_VENT 0 0 % AMOSTRA_DIAG 0 187 0.3% DT_COLETA_AMO 0 6002 9.49% RT-PCR_INFLU 0 0 % RT-PCR_OUTRO 0 0 % EVOLUCAO 0 0 % HIST_VIAGEM 0 38260 60.47% DOR_ABD 0 0 % FADIGA 0 0 % PERDA_OLFT 0 0 % PERDA_PALADAR 0 0 % ANTIGENICO_INFLU 0 0 % ANTIGENICO_OUTRO 0 0 %				
OBESIDADE 0 0 % OUT_FATOR_RISCO 0 0 % MAE_VACINA 0 0 % MAE_AMAMENTA 0 0 % ANTIVIRAL 0 33 0.05% TIPO_ANTIVIRAL 0 0 % INTERNACAO 0 0 % DT_INTERNACAO 0 12453 19.68% UTI 0 0 % SUPORT_VENT 0 0 % AMOSTRA DIAG 0 187 0.3% DT_COLETA_AMO 0 6002 9.49% RT-PCR_INFLU 0 0 % RT-PCR_INFLU 0 0 % EVOLUCAO 0 0 % EVOLUCAO 0 0 % HIST_VIAGEM 0 38260 60.47% DOR_ABD 0 0 % FADIGA 0 0 % FPERDA_OLFT 0 0 % PERDA_PALADAR 0 1 0% ANTIGENICO_INFLU 0 0 % ANTIGENICO_OUTRO 0 0 % </td <td></td> <td></td> <td></td> <td></td>				
OUT_FATOR_RISCO 0 0 0% MAE_VACINA 0 0 0% MAE_AMAMENTA 0 0 0% ANTIVIRAL 0 33 0.05% TIPO_ANTIVIRAL 0 0 0% INTERNACAO 0 0 0% DT_INTERNACAO 0 0 0% DT_INTERNACAO 0 0 0% UTI 0 0 0% SUPORT_VENT 0 0 0% AMOSTRA_DIAG 0 187 0.3% DT_COLETA_AMO 0 6002 9.49% RT-PCR_INFLU 0 0 0% RT-PCR_OUTRO 0 0 0% EVOLUCAO 0 0 0% HIST_VIAGEM 0 38260 60.47% DOR_ABD 0 0 0 FADIGA 0 0 0 PERDA_OLFT 0 0 0 <t< td=""><td></td><td></td><td></td><td></td></t<>				
MAE_VACINA 0 0 0% MAE_AMAMENTA 0 0 0% ANTIVIRAL 0 33 0.05% TIPO_ANTIVIRAL 0 0 0% INTERNACAO 0 0 0% DT_INTERNACAO 0 12453 19.68% UTI 0 0 0% SUPORT_VENT 0 0 0% AMOSTRA_DIAG 0 187 0.3% DT_COLETA_AMO 0 6002 9.49% RT-PCR_INFLU 0 0 0% RT-PCR_OUTRO 0 0 0% EVOLUCAO 0 0 0% HIST_VIAGEM 0 38260 60.47% DOR_ABD 0 0 0% FADIGA 0 0 0% PERDA_OLFT 0 0 0% PERDA_PALADAR 0 0 0% ANTIGENICO_INFLU 0 0 0% <tr< td=""><td></td><td></td><td>_</td><td></td></tr<>			_	
MAE_AMAMENTA 0 0 0% ANTIVIRAL 0 33 0.05% TIPO_ANTIVIRAL 0 0 0% INTERNACAO 0 0 0% DT_INTERNACAO 0 12453 19.68% UTI 0 0 0% SUPORT_VENT 0 0 0% AMOSTRA_DIAG 0 187 0.3% DT_COLETA_AMO 0 6002 9.49% RT-PCR_INFLU 0 0 0% RT-PCR_OUTRO 0 0 0% EVOLUCAO 0 0 0% HIST_VIAGEM 0 38260 60.47% DOR_ABD 0 0 0% FADIGA 0 0 0% FADIGA 0 0 0% PERDA_OLFT 0 0 0% PERDA_PALADAR 0 1 0% ANTIGENICO_INFLU 0 0 0%			_	
ANTIVIRAL				
TIPO_ANTIVIRAL 0 0 0% INTERNACAO 0 0 0% DT_INTERNACAO 0 12453 19.68% UTI 0 0 0% SUPORT_VENT 0 0 0% AMOSTRA_DIAG 0 187 0.3% DT_COLETA_AMO 0 6002 9.49% RT-PCR_INFLU 0 0 0% RT-PCR_OUTRO 0 0 0% EVOLUCAO 0 0 0% HIST_VIAGEM 0 38260 60.47% DOR_ABD 0 0 0% PADIGA 0 0 0% PERDA_OLFT 0 0 0% PERDA_PALADAR 0 1 0% ANTIGENICO_INFLU 0 0 0% ANTIGENICO_OUTRO 0 0 0% IDADE_GEST 0 2022 3.2% DT_VACINA_MAE 25 0 0			_	
INTERNACAO				
DT_INTERNACAO 0 12453 19.68% UTI 0 0 0% SUPORT_VENT 0 0 0% AMOSTRA_DIAG 0 187 0.3% DT_COLETA_AMO 0 6002 9.49% RT-PCR_INFLU 0 0 0% RT-PCR_OUTRO 0 0 0% EVOLUCAO 0 0 0% HIST_VIAGEM 0 38260 60.47% DOR_ABD 0 0 0% FADIGA 0 0 0% PERDA_OLFT 0 0 0% PERDA_PALADAR 0 1 0% ANTIGENICO_INFLU 0 0 0% ANTIGENICO_OUTRO 0 0 0% DT_VACINA_GRIPE 0 0 0% DT_VACINA_MAE 25 0 0 0% DT_DOSE_UNICA 0 0 0% DT_UTI 0 0 0				
UTI 0 0 0% SUPORT_VENT 0 0 0% AMOSTRA_DIAG 0 187 0.3% DT_COLETA_AMO 0 6002 9.49% RT-PCR_INFLU 0 0 0% RT-PCR_OUTRO 0 0 0% EVOLUCAO 0 0 0% HIST_VIAGEM 0 38260 60.47% DOR_ABD 0 0 0% FADIGA 0 0 0% PERDA_OLFT 0 0 0% PERDA_PALADAR 0 1 0% ANTIGENICO_INFLU 0 0 0% ANTIGENICO_OUTRO 0 0 0% DT_VACINA_GRIPE 0 0 0% DT_VACINA_MAE 25 0 0 0% DT_DOSE_UNICA 0 0 0% DT_UTI 0 0 0%				
SUPORT_VENT 0 0 0% AMOSTRA_DIAG 0 187 0.3% DT_COLETA_AMO 0 6002 9.49% RT-PCR_INFLU 0 0 0% RT-PCR_OUTRO 0 0 0% EVOLUCAO 0 0 0% HIST_VIAGEM 0 38260 60.47% DOR_ABD 0 0 0% FADIGA 0 0 0% PERDA_OLFT 0 0 0% PERDA_PALADAR 0 1 0% ANTIGENICO_INFLU 0 0 0% ANTIGENICO_OUTRO 0 0 0% IDADE_GEST 0 2022 3.2% DT_VACINA_GRIPE 0 0 0% DT_VACINA_MAE 25 0 0 0% DT_DOSE_UNICA 0 0 0 0 0 DT_UTI 0 0 0 0 0 0		-		
AMOSTRA_DIAG 0 187 0.3% DT_COLETA_AMO 0 6002 9.49% RT-PCR_INFLU 0 0 0% RT-PCR_OUTRO 0 0 0% EVOLUCAO 0 0 0% HIST_VIAGEM 0 38260 60.47% DOR_ABD 0 0 0% FADIGA 0 0 0% PERDA_OLFT 0 0 0% PERDA_PALADAR 0 1 0% ANTIGENICO_INFLU 0 0 0% ANTIGENICO_OUTRO 0 0 0% IDADE_GEST 0 2022 3.2% DT_VACINA_GRIPE 0 0 0% DT_VACINA_MAE 25 0 0 0% DT_DOSE_UNICA 0 0 0% DT_UTI 0 0 0%		-		
DT_COLETA_AMO 0 6002 9.49% RT-PCR_INFLU 0 0 0% RT-PCR_OUTRO 0 0 0% EVOLUCAO 0 0 0% HIST_VIAGEM 0 38260 60.47% DOR_ABD 0 0 0% FADIGA 0 0 0% PERDA_OLFT 0 0 0% PERDA_PALADAR 0 1 0% ANTIGENICO_INFLU 0 0 0% ANTIGENICO_OUTRO 0 0 0% IDADE_GEST 0 2022 3.2% DT_VACINA_GRIPE 0 0 0% DT_VACINA_MAE 25 0 0 0% DT_DOSE_UNICA 0 0 0% DT_UTI 0 0 0%		-		
RT-PCR_INFLU 0 0 0% RT-PCR_OUTRO 0 0 0% EVOLUCAO 0 0 0% HIST_VIAGEM 0 38260 60.47% DOR_ABD 0 0 0% FADIGA 0 0 0% PERDA_OLFT 0 0 0% PERDA_PALADAR 0 1 0% ANTIGENICO_INFLU 0 0 0% ANTIGENICO_OUTRO 0 0 0% IDADE_GEST 0 2022 3.2% DT_VACINA_GRIPE 0 0 0% DT_VACINA_MAE 25 0 0 0% DT_UTI 0 0 0% 0 0%		-		
RT-PCR_OUTRO 0 0 % EVOLUCAO 0 0 % HIST_VIAGEM 0 38260 60.47% DOR_ABD 0 0 % FADIGA 0 0 % PERDA_OLFT 0 0 % PERDA_PALADAR 0 1 0% ANTIGENICO_INFLU 0 0 % ANTIGENICO_OUTRO 0 0 % IDADE_GEST 0 2022 3.2% DT_VACINA_GRIPE 0 0 % DT_VACINA_MAE 25 0 0 % DT_DOSE_UNICA 0 0 % DT_UTI 0 0 %				
EVOLUCAO 0 0 0% HIST_VIAGEM 0 38260 60.47% DOR_ABD 0 0 0% FADIGA 0 0 0% PERDA_OLFT 0 0 0% PERDA_PALADAR 0 1 0% ANTIGENICO_INFLU 0 0 0% ANTIGENICO_OUTRO 0 0 0% IDADE_GEST 0 2022 3.2% DT_VACINA_GRIPE 0 0 0% DT_VACINA_MAE 25 0 0 0% DT_DOSE_UNICA 0 0 0% 0 0% DT_UTI 0 0 0% 0 0% 0% 0 0% 0 0% 0 0% 0 0% 0 0% 0 0% 0 0% 0 0% 0 0% 0 0% 0 0% 0 0% 0 0% 0 0% <td></td> <td></td> <td></td> <td></td>				
HIST_VIAGEM 0 38260 60.47% DOR_ABD 0 0 0% FADIGA 0 0 0% PERDA_OLFT 0 0 0% PERDA_PALADAR 0 1 0% ANTIGENICO_INFLU 0 0 0% ANTIGENICO_OUTRO 0 0% 0% IDADE_GEST 0 2022 3.2% DT_VACINA_GRIPE 0 0 0% DT_VACINA_MAE 25 0 0 0% DT_DOSE_UNICA 0 0 0% 0% DT_UTI 0 0 0% 0 0%				
DOR_ABD 0 0 0% FADIGA 0 0 0% PERDA_OLFT 0 0 0% PERDA_PALADAR 0 1 0% ANTIGENICO_INFLU 0 0 0% ANTIGENICO_OUTRO 0 0 0% IDADE_GEST 0 2022 3.2% DT_VACINA_GRIPE 0 0 0% DT_VACINA_MAE 25 0 0 0% DT_DOSE_UNICA 0 0 0% DT_UTI 0 0 0%				
FADIGA 0 0 0% PERDA_OLFT 0 0 0% PERDA_PALADAR 0 1 0% ANTIGENICO_INFLU 0 0 0% ANTIGENICO_OUTRO 0 0 0% IDADE_GEST 0 2022 3.2% DT_VACINA_GRIPE 0 0 0% DT_VACINA_MAE 25 0 0 0% DT_DOSE_UNICA 0 0 0% DT_UTI 0 0 0%				
PERDA_OLFT 0 0 0% PERDA_PALADAR 0 1 0% ANTIGENICO_INFLU 0 0 0% ANTIGENICO_OUTRO 0 0 0% IDADE_GEST 0 2022 3.2% DT_VACINA_GRIPE 0 0 0% DT_VACINA_MAE 25 0 0 0% DT_DOSE_UNICA 0 0 0% DT_UTI 0 0 0%				
PERDA_PALADAR 0 1 0% ANTIGENICO_INFLU 0 0 0% ANTIGENICO_OUTRO 0 0 0% IDADE_GEST 0 2022 3.2% DT_VACINA_GRIPE 0 0 0% DT_VACINA_MAE 25 0 0 0% DT_DOSE_UNICA 0 0 0% DT_UTI 0 0 0%			0	
ANTIGENICO_INFLU 0 0 0% ANTIGENICO_OUTRO 0 0 0% IDADE_GEST 0 2022 3.2% DT_VACINA_GRIPE 0 0 0% DT_VACINA_MAE 25 0 0 0% DT_DOSE_UNICA 0 0 0% DT_UTI 0 0 0%		0	0	
ANTIGENICO_OUTRO 0 0 0% IDADE_GEST 0 2022 3.2% DT_VACINA_GRIPE 0 0 0% DT_VACINA_MAE 25 0 0 0% DT_DOSE_UNICA 0 0 0% DT_UTI 0 0 0%		0	1	
IDADE_GEST 0 2022 3.2% DT_VACINA_GRIPE 0 0 0% DT_VACINA_MAE 25 0 0 0% DT_DOSE_UNICA 0 0 0% DT_UTI 0 0 0%		0	0	
DT_VACINA_GRIPE 0 0 0% DT_VACINA_MAE 25 0 0 0% DT_DOSE_UNICA 0 0 0% DT_UTI 0 0 0%	ANTIGENICO_OUTRO	0	0	0%
DT_VACINA_MAE 25 0 0 % DT_DOSE_UNICA 0 0 % DT_UTI 0 0 %	IDADE_GEST	0	2022	3.2%
DT_DOSE_UNICA 0 0 % DT_UTI 0 0 %		0	0	
DT_UTI 0 0 0%	DT_VACINA_MAE 25	0	0	0%
		0	0	
RESULT_RAIOX 0 0 0%	_	0	0	0%
	RESULT_RAIOX	0	0	0%

Inconsistência

As regras utilizadas para identificar as inconsistências no banco de dados podem ser visualizadas na aba de dicionário do painel. Nessa seção, é possível encontrar as informações detalhadas sobre as regras adotadas para determinar as inconsistências nos dados. Recomenda-se consultar essa aba para obter mais detalhes.

```
tabela_resultados <- data.frame(Variavel = character(),</pre>
                              Inconsistência = numeric(),
                               `Porcentagem Inconsistência` = character(),
                              row.names = NULL, stringsAsFactors = FALSE)
# Iteração sobre as colunas do dataframe original
for (col in colnames(dados oobr qualidados SIVEP 2009 2023)) {
  # Contagem dos casos "Ignorado" e "Em Branco"
  contagem <- sum(dados oobr qualidados SIVEP 2009 2023[[col]] == "Inconsistencia", na.rm = TRUE)
  porc <- (contagem)/length(dados_oobr_qualidados_SIVEP_2009_2023[[col]])</pre>
  # Adição dos resultados à tabela
  if (contagem > 0) {
        tabela resultados <- rbind(tabela resultados,
                                  data.frame(Variavel = col,
                                   `Inconsistência` = contagem,
                                  `Porcentagem Implausibilidade` = paste0(
                                  round(porc*100,2),'%')))}
tabela_resultados |> kable()
```

Variavel	Inconsistência	Porcentagem.Implausibilidade
SEXO e IDADE_GEST	13	0.02%
FATOR_RISCO e COMORBIDADES	5440	8.6%
VACINA e DT_VACINA_GRIPE	28777	45.48%
MAE_VACINA e DT_VACINA_MAE	21	0.03%
DT_DOSE_UNICA e IDADE	46617	73.67%
INTERNACAO e DT_INTERNACAO	1646	2.6%
UTI e DT_UTI	32177	50.85%
RESULT_RAIOX e DT_RAIOX	23121	36.54%
AMOSTRA_DIAG e DT_COLETA_AMO	133	0.21%
HIST_VIAGEM e Campos_VGMs	11942	18.87%
RESULT_TOMOGR e DT_TOMOGRAFIA	18446	29.15%
TIPO_ANTIGENICO e DT_RES_ANTIGENICO	11988	18.95%
VACINA_COVID e DOSES	15179	23.99%

SINASC

O Sistema de Informações sobre Nascidos Vivos (SINASC) foi oficialmente implantado a partir de 1990, com o propósito de coletar dados sobre os nascimentos ocorridos em todo o território nacional, fornecendo informações relevantes sobre a natalidade para todos os níveis do Sistema de Saúde.

O SINASC é gerenciado pelo Ministério da Saúde em parceria com as Secretarias Estaduais e Municipais de Saúde. Seu objetivo principal é subsidiar a formulação, implementação e avaliação de políticas públicas relacionadas à saúde materno-infantil.

Extração

Para a base de dados do SINASC, assim como para a base de dados do SIVEP-GRIPE e do SIM (Sistema de Informações sobre Mortalidade), a extração dos dados foi realizada por meio da API disponibilizada pela PCDas (Plataforma de Ciência de Dados Aplicada à Saúde) abrangendo os anos de 1996 a 2021, e pelo Open datasus para os dados preliminares referentes a 2022.

Durante a extração dos dados por meio da API, os mesmos são devidamente filtrados, tratados e subdivididos em três bases distintas. Essa subdivisão ocorre devido ao tamanho excessivo do arquivo completo, buscando otimizar o processamento e análise dos dados. Cada uma das três bases corresponde a um dos indicadores trabalhados no painel.

As bases finais resultantes contêm informações sobre o número de casos dos indicadores e o total de observações, agrupados por município-UF, ano e variável em questão. Essa organização permite uma visualização e análise mais eficiente dos dados, facilitando a compreensão dos padrões e tendências relacionados aos indicadores monitorados no painel.

```
import glob
import pandas as pd
from collections import Counter
import datetime as dt
import warnings
warnings.filterwarnings("ignore")
regras_ignorados = {}
regras_ignorados['LOCNASC'] = [9]
regras_ignorados['ESTCIVMAE'] = [9]
regras_ignorados['ESCMAE'] = [9]
regras_ignorados['GESTACAO'] = [9]
regras_ignorados['GRAVIDEZ'] = [9]
regras_ignorados['PARTO'] = [9]
regras_ignorados['CONSULTAS'] = [9]
regras_ignorados['CONSULTAS'] = [9]
regras ignorados['SEXO'] = [0, 9, 'I']
regras ignorados['RACACOR'] = [9]
regras ignorados['IDANOMAL'] = [8,9]
regras_ignorados['ESCMAE2010'] = [9]
regras_ignorados['TPMETESTIM'] = [8,9]
regras_ignorados['TPMETESTIM'] = [99]
regras ignorados['TPAPRESENT'] = [9]
regras_ignorados['STTRABPART'] = [9]
regras_ignorados['STCESPARTO'] = [9]
regras_ignorados['TPNASCASSI'] = [9]
regras_ignorados['TPFUNCRESP'] = [0]
regras_ignorados['ESCMAEAGR1'] = [9]
regras_ignorados['TPROBSON'] = [11,12]
regras ignorados['IDADEMAE'] = [99]
regras_ignorados['PESO'] = [9999]
for f in glob.glob('SINASC dataset/*.csv'):
```

```
df = pd.read_csv(f)
print(len(df))
ano = f.split('/')[1].split('_')[3].split('.')[0]
codmun = df['CODMUNNASC']
estado = f.split('/')[1].split('_')[2]
df_ignorados = df.copy()
df totais = df.isna()
df_nulos = df_totais.copy()
df_totais['ANO'] = ano
df_totais['CODMUNNASC'] = codmun
df_totais = df_totais.groupby(['ANO','CODMUNNASC']) \
                  .count() \
                  .reset_index() \
                  .melt(id_vars=['ANO','CODMUNNASC'])
df_totais.columns = ['ANO', 'CODMUNNASC', 'VARIAVEL', 'TOTAIS']
df nulos['CODMUNNASC'] = codmun
df_nulos['ANO'] = ano
df_nulos = df_nulos.groupby(['ANO','CODMUNNASC']).sum() \
                  .reset_index() \
                  .melt(id_vars=['ANO','CODMUNNASC'])
df_nulos.columns = ['ANO', 'CODMUNNASC', 'VARIAVEL', 'NULOS']
for c in df_ignorados.columns:
    if c in regras_ignorados:
        df_ignorados[c] = df_ignorados[c].isin(regras_ignorados[c])
    else:
        if c not in ['ANO','CODMUNNASC']:
            df_ignorados.drop(columns=[c], inplace=True)
df_ignorados['CODMUNNASC'] = codmun
df ignorados['ANO'] = ano
df_ignorados = df_ignorados.groupby(['ANO', 'CODMUNNASC']) \
                    .sum() \
                    .reset_index().melt(id_vars=['ANO','CODMUNNASC'])
df_ignorados.columns = ['ANO', 'CODMUNNASC', 'VARIAVEL', 'IGNORADOS']
df_ignorados = df_ignorados.fillna(0)
x = df_totais.merge(df_nulos,how='left',on=['ANO','CODMUNNASC','VARIAVEL'])
x = x.merge(df_ignorados, how='left', on=['ANO','CODMUNNASC','VARIAVEL'])
x = x.reset_index()
x = x[['ANO', 'CODMUNNASC', 'VARIAVEL', 'NULOS', 'IGNORADOS', 'TOTAIS']]
x = x.fillna(0)
```

```
x.to_csv('SINASC_dataset/resultados/Incompletude_{}_{}.csv' \
               .format(estado, ano),
             index=None, compression='gzip')
incompletude = pd.DataFrame()
for f in glob.glob('SINASC_dataset/resultados/Incompletude_*.csv'):
    df = pd.read csv(f, compression='gzip')
    incompletude = pd.concat([incompletude, df], axis=0)
incompletude.fillna(0, inplace=True)
incompletude = incompletude[~incompletude.VARIAVEL.isin(['contador','NOVO'])]
incompletude.to_csv('SINASC_Incompletude_v2.csv',index=None,compression='gzip')
# qera regras
import json
regras = {}
for r in regras_ignorados:
    regras["IGNORADOS_" + r] = "Se o campo " + r + \
    " estiver preenchido com " + str(regras_ignorados[r])
with open('SINASC_Incompletude_Regras.json', 'w') as fp:
    json.dump(regras, fp, indent=4)
#IMPLAUSIBLIDADE
colunas_implausibilidade = ['ANO', 'ESTADO', 'CODMUNNASC', 'LOCNASC',
                             'IDADEMAE', 'ESTCIVMAE', 'ESCMAE', 'QTDFILVIVO',
                             'QTDFILMORT', 'GESTACAO', 'GRAVIDEZ', 'PARTO',
                             'CONSULTAS', 'DTNASC', 'HORANASC', 'SEXO',
                             'APGAR1', 'APGAR5', 'RACACOR', 'PESO', 'IDANOMAL',
                             'DTCADASTRO', 'CODANOMAL', 'ESCMAE2010', 'DTNASCMAE',
                             'QTDGESTANT', 'QTDPARTNOR', 'QTDPARTCES', 'IDADEPAI',
                             'DTULTMENST', 'SEMAGESTAC', 'TPMETESTIM', 'TPAPRESENT',
                             'STTRABPART', 'STCESPARTO', 'TPNASCASSI', 'TPFUNCRESP',
                             'TPDOCRESP', 'TPROBSON', 'SERIESCMAE', 'CONSPRENAT',
                             'MESPRENAT', 'ESCMAEAGR1', 'PARIDADE']
# aplica as regras para variaveis com opcoes
regras_gerais = { 'LOCNASC': [1,2,3,4,5,9],
                   'ESTCIVMAE': [1,2,3,4,5,9],
                   'ESCMAE': [1,2,3,4,5,9],
                   'GESTACAO': [1,2,3,4,5,6,9],
                   'GRAVIDEZ': [1,2,3,9],
                   'PARTO': [1,2,9],
                   'CONSULTAS': [1,2,3,4,9],
                   'SEXO': [1,2,9,0,'M','F','I'],
                   'RACACOR': [1,2,3,4,5],
                   'IDANOMAL': [1,2,9],
                   'ESCMAE2010':[1,2,3,4,5,9],
                   'TPMETESTIM': [1,2,9],
```

```
'TPAPRESENT': [1,2,3,9],
                 'STTRABPART': [1,2,3,9],
                 'STCESPARTO': [1,2,3,9],
                 'TPNASCASSI': [1,2,3,4,9],
                 'TPFUNCRESP': [1,2,3,4,5,9],
                 'TPDOCRESP': [1,2,3,4,5],
                 'TPROBSON': list(range(1,13)), # 1 a 12
                 'SERIESCMAE': list(range(1,9)), # 1 a 8
                 'MESPRENAT': list(range(1,11)) + [99], # 1 a 10 e 99
                 'ESCMAEAGR1': list(range(1,13)), # 1 a 12,
               }
for f in glob.glob('SINASC_dataset/*.csv'):
   df = pd.read_csv(f)
   ano = f.split('/')[1].split('_')[3].split('.')[0]
   estado = f.split('/')[1].split('_')[2]
   codmun = df['CODMUNNASC']
   aux_cols = []
   for c in colunas_implausibilidade:
       if c in df.columns:
           aux_cols.append(c)
   aux = df[aux_cols]
   aux['ANO'] = ano
   aux['CODMUNNASC'] = codmun
   print(ano, estado)
   for col in regras_gerais.keys():
       if col in aux_cols:
           aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & \
                                          (~aux[col].isin(regras_gerais[col]))
    # REGRAS ESPECÍFICAS
   col = 'IDADEMAE'
   if col in aux_cols:
       aux[col] = pd.to_numeric(aux[col], errors='coerce')
       aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & \
                                     ((aux[col] < 10) | (aux[col] > 55))
   for col in ['QTDFILVIVO','QTDFILMORT']:
       if col not in aux_cols:
           continue
       aux[col] = pd.to_numeric(aux[col], errors='coerce')
       aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & \
                                     ((aux[col] < 0) \mid (aux[col] > 70))
```

```
col = 'PESO'
if col in aux_cols:
    aux[col] = pd.to_numeric(aux[col], errors='coerce')
    aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & ((aux[col] < 0) | \</pre>
                                          (aux[col] > 11000))
for col in ['QTDGESTANT','QTDPARTNOR','QTDPARTCES']:
    if col not in aux_cols:
        continue
    aux[col] = pd.to numeric(aux[col], errors='coerce')
    aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & ((aux[col] < 0) | \</pre>
                                                      (aux[col] > 27))
col = 'IDADEPAI'
if col in aux_cols:
    aux[col] = pd.to_numeric(aux[col], errors='coerce')
    aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & ((aux[col] < 10) | \</pre>
                                         (aux[col] > 99))
col = 'SEMAGESTAC'
if col in aux_cols:
    aux[col] = pd.to_numeric(aux[col], errors='coerce')
    aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & (aux[col] < 20)</pre>
col = 'CONSPRENAT'
if col in aux cols:
    aux[col + " IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & (aux[col] < 0)</pre>
for col in ['DTNASC','DTCADASTRO']:
    if col in aux_cols:
        aux[col] = pd.to_numeric(df[col].astype(str).str[-4:],
                                           errors='coerce')
        aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & \
                                       (aux[col] > dt.date.today().year)
col = 'DTNASCMAE'
if col in aux_cols:
    aux[col] = pd.to_numeric(df[col].astype(str).str[-4:],
                                                 errors='coerce')
    aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & ((aux[col] > 2012) | \
                                       (aux[col] < 1967))
col = 'HORANASC'
if col in aux cols:
    if df[col].dtype == "object":
        df[col] = df[col].str.replace(";","")
        df[col] = pd.to_numeric(df[col], errors='coerce')
    hora = pd.to_numeric(df[col], errors='coerce') // 100
    minuto = pd.to_numeric(df[col], errors='coerce') % 100
    aux[col + " IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & (df[col] > 59) & \
                             (hora > 23) & (minuto > 59) # 00:59 vira 59 só
for col in ['APGAR1','APGAR5']:
```

```
if col in aux_cols:
            aux[col] = pd.to_numeric(aux[col], errors='coerce')
            aux[col + " IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & \
                                           ((aux[col] < 0) \mid (aux[col] > 10))
   col = 'PARIDADE'
    if col in aux cols:
        aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & \
                                         ((aux[col] < 0) \mid (aux[col] > 27))
   aux_cols = []
   for c in aux.columns:
       if 'IMPLAUSIVEL' in c:
            aux_cols.append(c)
    aux_cols = ['ANO','ESTADO','CODMUNNASC'] + aux_cols
   df_implausiveis = aux[aux_cols]
   df implausiveis.fillna(0, inplace=True)
   df_implausiveis = df_implausiveis.groupby(['ANO','CODMUNNASC']) \
                                       .sum() \
                                       .reset_index() \
                                       .melt(id_vars=['ANO','CODMUNNASC'])
   df_implausiveis.columns = ['ANO', 'CODMUNNASC', 'VARIAVEL', 'IMPLAUSIVEIS']
   df['ANO'] = ano
    df['CODMUNNASC'] = codmun
   df_totais = df[['ANO','CODMUNNASC']]
   df_totais['TOTAIS'] = 1
   df_totais = df_totais.groupby(['ANO','CODMUNNASC'])['TOTAIS'] \
                          .sum().reset_index()
   df_totais.columns = ['ANO','CODMUNNASC','TOTAIS']
   df_totais.set_index(['ANO','CODMUNNASC'], inplace=True)
   df_implausiveis.set_index(['ANO','CODMUNNASC'], inplace=True)
   x = df_totais.join([df_implausiveis], how='left')
   x = x.reset_index()
   x = x[['ANO', 'CODMUNNASC', 'VARIAVEL', 'IMPLAUSIVEIS', 'TOTAIS']]
   x = x.fillna(0)
   x.to_csv('SINASC_dataset/resultados/Implausiiblidade_{}_{}.csv' \
                        .format(estado, ano),
             index=None, compression='gzip')
implausibilidade = pd.DataFrame()
```

```
for f in glob.glob('SINASC_dataset/resultados/Implausiiblidade_*.csv'):
   df = pd.read_csv(f, compression='gzip')
    implausibilidade = pd.concat([implausibilidade, df], axis=0)
implausibilidade.fillna(0, inplace=True)
implausibilidade.to_csv('SINASC_Implausibilidade_v2.csv', index=None,
                                              compression='gzip')
# gera regras
import json
regras = {}
regras["IDADEMAE"] = "Se campo IDADEMAE for menor que 10 ou maior que 55"
regras["QTDFILVIVO"] = "Se campo QTDFILVIVO for menor que 0 ou maior que 70"
regras["QTDFILMORT"] = "Se campo QTDFILMORT for menor que 0 ou maior que 70"
regras["PESO"] = "Se campo PESO for menor que 0 ou maior que 11000"
regras["QTDGESTANT"] = "Se campo QTDGESTANT for menor que 0 ou maior que 27"
regras["QTDPARTNOR"] = "Se campo QTDPARTNOR for menor que 0 ou maior que 27"
regras["QTDPARTCES"] = "Se campo QTDPARTCES for menor que 0 ou maior que 27"
regras["IDADEPAI"] = "Se campo IDADEPAI for menor que 10 ou maior que 99"
regras["SEMAGESTAC"] = "Se campo SEMAGESTAC for menor que 20"
regras["CONSPRENAT"] = "Se campo SEMAGESTAC for menor que 0"
regras["DTNASC"] = "Se campo DTNASC for maior que a data da última atualização \
                                                              dos dados"
regras["DTCADASTRO"] = "Se campo DTCADASTRO for menor que a data \
                                          da última atualização dos dados"
regras["DTNASCMAE"] = "Se campo DTNASCMAE for menor que 1967 ou maior que 2012"
regras["HORANASC"] = "Se campo HORANASC não for uma hora válida"
regras["APGAR1"] = "Se campo APGAR1 for menor que 0 ou maior que 10"
regras["APGAR5"] = "Se campo APGAR5 for menor que 0 ou maior que 10"
regras["PARIDADE"] = "Se campo APGAR5 for menor que 0 ou maior que 27"
for k in regras_gerais.keys():
    if k not in regras.keys():
        regras[k] = "Se o campo " + k + "não for preenchido com " + \
       str(regras gerais[k])
with open('SINASC_Implausibilidade_Regras.json', 'w') as fp:
    json.dump(regras, fp, indent=4)
#INCONSISTENCIA #############################
regras = {}
regras['LOCNASC_e_PARTO'] = "Se campo LOCNASC for 2,3,4,5 e o \
                              campo PARTO estiver preenchido com 2"
regras['PARTO_e_STCESPARTO'] = "Se o campo STCESPARTO estiver preenchido \
                               como 1 e o campo PARTO estiver como 2 ou 9"
regras['TPROBSON_e_composicao'] = "Se o campo TPROBSON estiver preenchido \
                                          entre 1 e 10 e qualquer um dos \
                                          campos QTDGESTANT,QTDPARTNOR, \
```

```
QTDPARTCES, SEMAGESTAC, TPAPRESENT, \
                                           STTRABPART estiverem em branco"
# inconsistencia
for f in glob.glob('SINASC_dataset/*.csv'):
   df = pd.read_csv(f)
   ano = f.split('/')[1].split('_')[3].split('.')[0]
    estado = f.split('/')[1].split('_')[2]
    codmun = df['CODMUNNASC']
   df['PESO'] = df['PESO'].apply(pd.to_numeric, errors='coerce')
   df['parto_prematuro'] = df['GESTACAO'] <= 4</pre>
   aux_cols = []
   base = df
    # LOCNASC e PARTO
   base['LOCNASC_e_PARTO_INCONSISTENTES'] = (base['LOCNASC'] \
                                               .isin([2,3,4,5]))
                                               & (base['PARTO'] == 2)
    # PARTO e STCESPARTO
    if 'STCESPARTO' in base.columns:
        base['PARTO_e_STCESPARTO_INCONSISTENTES']=(base['STCESPARTO'] == 1) & \
                                                   (base['PARTO'].isin([2,9]))
    # TPROBSON e composicao
   if 'TPROBSON' in base.columns:
        base['TPROBSON_e_composicao_INCONSISTENTES'] = (base['TPROBSON']\ .
                                             isin([1,2,3,4,5,6,7,8,9,10])) & \
                                             ((~base[['QTDGESTANT','QTDPARTNOR',\
                                             'QTDPARTCES', 'SEMAGESTAC', \
                                             'TPAPRESENT', 'STTRABPART']]\
                                             .isna()).sum(axis = 1) > 0)
    # PARTO PREMATURO e PESO
   base['PARTO_PREMATURO_e_PESO_INCONSISTENTES']=(base['parto_prematuro'] == 1) \
                                                   & (base['PESO'] > 2500)
   aux cols = []
   for c in base.columns:
        if 'INCONSISTENTES' in c:
            aux_cols.append(c)
   aux = base[aux_cols]
   aux['ANO'] = ano
    aux['CODMUNNASC'] = codmun
```

```
df_inconsistentes = aux
   df inconsistentes.fillna(0, inplace=True)
   df_inconsistentes = df_inconsistentes.groupby(['ANO', 'CODMUNNASC']) \
                                            .sum() \
                                            .reset index() \
                                            .melt(id_vars=['ANO','CODMUNNASC'])
   df_inconsistentes.columns=['ANO','CODMUNNASC','VARIAVEL','INCONSISTENTES']
   df['ANO'] = ano
    df['CODMUNNASC'] = codmun
    df_totais = df[['ANO','CODMUNNASC']]
   df_totais['TOTAIS'] = 1
   df_totais = df_totais.groupby(['ANO','CODMUNNASC'])['TOTAIS'] \
                            .sum().reset_index()
   df_totais.columns = ['ANO', 'CODMUNNASC', 'TOTAIS']
   df_totais.set_index(['ANO','CODMUNNASC'], inplace=True)
   df_inconsistentes.set_index(['ANO','CODMUNNASC'], inplace=True)
   x = df_totais.join([df_inconsistentes], how='left')
   x = x.reset_index()
   x = x[['ANO', 'CODMUNNASC', 'VARIAVEL', 'INCONSISTENTES', 'TOTAIS']]
   x = x.fillna(0)
   x.to_csv('SINASC_dataset/resultados/Inconsistencia_{}_{}.csv' \
                      .format(estado, ano),
             index=None, compression='gzip')
inconsistencias = pd.DataFrame()
for f in glob.glob('SINASC_dataset/resultados/Inconsistencia_*.csv'):
    df = pd.read csv(f, compression='gzip')
    inconsistencias = pd.concat([inconsistencias, df], axis=0)
inconsistencias.fillna(0, inplace=True)
inconsistencias.to_csv('SINASC_Inconsistencia_v2.csv',
                        index=None, compression='gzip')
# qera regras
import json
with open('SINASC_Inconsistencias_Regras.json', 'w') as fp:
    json.dump(regras, fp, indent=4)
```

Tratamento

Após a extração dos dados via API, é realizado o tratamento dos dados no software R para adequá-los ao modelo de dados utilizado no painel. Esse tratamento envolve várias etapas, incluindo a substituição dos códigos dos municípios pelos seus respectivos nomes e a associação das variáveis aos códigos correspondentes utilizado no Qualidados.

Os conjuntos de dados são trabalhados separadamente para cada indicador, garantindo que as informações sejam devidamente organizadas e associadas as abas correspondentes do painel. Dessa forma, cada indicador terá seu próprio conjunto de dados tratados, contendo as informações necessárias para a análise e exibição.

```
#pacotes
library(rjson)
library(readr)
library(dplyr)
library(readxl)
SINASC_dic <- read_excel("data1/dicionarios.xlsx", sheet = "SINASC")
usethis::use data(SINASC dic,overwrite = T)
regras_sinasc_incom <-
 c(fromJSON(file = 'data1/SINASC_Incompletude_Regras.json'))
Sinasc incom <-
 read csv("data1/SINASC Incompletude v2.csv", show col types = FALSE )
#FILTRAR APENAS PARA VARIAVEIS PRESENTES NO DICIONARIO
vars <- SINASC_dic$`Codigo SINASC` %>% unique()
Sinasc_incom$VARIAVEL %>% unique() %>% setdiff(vars)
Sinasc_incom <- Sinasc_incom[Sinasc_incom$VARIAVEL %in% vars,]</pre>
#ACRESCENTAR A COLUNA DE MUNICIPIOS E MUNICIPIOS
aux_muni2 <- abjData::muni %>%
 dplyr::select(uf_id,
               muni id,
               muni_nm_clean,
               uf sigla) %>%
 mutate_at("muni_id", as.character) %>%
 mutate(cod_mun = stringr::str_sub(muni_id, 1, 7))
aux muni2 <- rbind(aux muni2,aux muni2|>
                    mutate(cod_mun = stringr::str_sub(muni_id, 1, 6)))
Sinasc_incom$CODMUNNASC <- as.character(format(Sinasc_incom$CODMUNNASC ,
                                             scientific = FALSE))
Sinasc_incom$CODMUNNASC <- gsub(' ','',Sinasc_incom$CODMUNNASC)</pre>
Sinasc_incom <- Sinasc_incom %>%
 rename(cod_mun = CODMUNNASC ) %>%
 left_join(aux_muni2 ,by='cod_mun') %>%
 select(-muni id,-uf id) %>%
 mutate(uf_id = stringr::str_sub(cod_mun,1,2))
```

```
Sinasc_incom[is.na(Sinasc_incom$uf_sigla)==T,'uf_sigla']<-
  Sinasc_incom[is.na(Sinasc_incom$uf_sigla)==T,]|>
  left_join(unique(aux_muni2[,c('uf_id','uf_sigla')]),by = 'uf_id') |>
  dplyr::select(uf_sigla.y)
Sinasc incom[is.na(Sinasc incom muni nm clean) == T, 'muni nm clean'] <-
  'Não informado'
Sinasc_incom$CODMUNNASC <- Sinasc_incom$muni_nm_clean
Sinasc_incom$ESTADO <- Sinasc_incom$uf_sigla</pre>
Sinasc_incom[,c('cod_mun','uf_id','uf_sigla','muni_nm_clean')] <- NULL</pre>
Sinasc_incom[is.na(Sinasc_incom$ESTADO), "ESTADO"] <- 'Não Informado'
regras_sinasc_incom <-regras_sinasc_incom |> as.data.frame() |> t() |>
  as.data.frame()
regras_sinasc_incom <- cbind(regras_sinasc_incom|> row.names(),
                            regras_sinasc_incom)
regras_sinasc_incom |> row.names() <- NULL</pre>
regras_sinasc_incom |> colnames() <- c('Variável', 'Regra')</pre>
regras_sinasc_incom$Variável <- regras_sinasc_incom$Variável |>
  gsub(pattern = 'IGNORADOS_', replacement = '')
regras_sinasc_incom$Regra <- regras_sinasc_incom$Regra |>
  gsub(pattern = 'estiver', replacement = ' estiver')
var aux <- Sinasc incom$VARIAVEL |> unique()
Sinasc_incom <- merge(Sinasc_incom,</pre>
                     SINASC dic[,c("Codigo Qualidados", "Codigo SINASC")],
                     by.x="VARIAVEL", by.y="Codigo SINASC", all=TRUE)
Sinasc_incom <- Sinasc_incom[Sinasc_incom$VARIAVEL %in% var_aux,]</pre>
Sinasc_incom$VARIAVEL <- Sinasc_incom$`Codigo Qualidados`
Sinasc_incom$`Codigo Qualidados` <- NULL</pre>
vars_incom_sinasc <- unique(Sinasc_incom$VARIAVEL)</pre>
regras_sinasc_implau <-
  c(fromJSON(file = 'data1/SINASC_Implausibilidade_Regras.json'))
Sinasc_implau <- read_csv('data1/SINASC_Implausibilidade_v2.csv',
                          show_col_types = FALSE)
Sinasc_implau$VARIAVEL <- Sinasc_implau$VARIAVEL |>
  gsub(pattern = "_IMPLAUSIVEL", replacement = '')
Sinasc_implau$VARIAVEL %>% unique()
#FILTRAR APENAS PARA VARIAVEIS PRESENTES NO DICIONARIO
Sinasc_implau$VARIAVEL %>% unique() %>% setdiff(vars)
Sinasc_implau <- Sinasc_implau[Sinasc_implau$VARIAVEL %in% vars,]
#ACRESCENTAR A COLUNA DE MUNICIPIOS E MUNICIPIOS
Sinasc_implau$CODMUNNASC <- as.character(format(Sinasc_implau$CODMUNNASC ,
                                                scientific = FALSE))
Sinasc_implau$CODMUNNASC <- gsub(' ','',Sinasc_implau$CODMUNNASC)
```

```
Sinasc_implau <- Sinasc_implau %>%
 rename(cod mun = CODMUNNASC) %>%
 left_join(aux_muni2 ,by='cod_mun') %>% select(-muni_id,-uf_id)
Sinasc_implau <- Sinasc_implau |>
 mutate(uf id = stringr::str sub(cod mun,1,2))
Sinasc implau[is.na(Sinasc implau$uf sigla)==T,'uf sigla']<-
 Sinasc_implau[is.na(Sinasc_implau$uf_sigla)==T,]|>
 left_join(unique(aux_muni2[,c('uf_id','uf_sigla')]),by = 'uf_id') |>
 dplyr::select(uf_sigla.y)
Sinasc_implau[is.na(Sinasc_implau$muni_nm_clean)==T, 'muni_nm_clean'] <-
  'Não informado'
Sinasc_implau$CODMUNNASC <- Sinasc_implau$muni_nm_clean
Sinasc_implau$ESTADO <- Sinasc_implau$uf_sigla
Sinasc_implau[is.na(Sinasc_implau$ESTADO), 'ESTADO'] <- 'Não informado'
Sinasc implau[,c('cod mun','uf id','uf sigla','muni nm clean')] <- NULL
regras_sinasc_implau <-regras_sinasc_implau |> as.data.frame() |>
 t() |> as.data.frame()
regras_sinasc_implau <- cbind(regras_sinasc_implau|> row.names(),
                             regras_sinasc_implau)
regras_sinasc_implau |> row.names() <- NULL</pre>
regras_sinasc_implau |> colnames() <- c('Variável','Regra')</pre>
regras_sinasc_implau$Regra <- regras_sinasc_implau$Regra |>
 gsub(pattern = 'não', replacement = ' não')
var_aux <- Sinasc_implau$VARIAVEL |> unique()
Sinasc_implau <- merge(Sinasc_implau,</pre>
                      SINASC_dic[,c("Codigo Qualidados", "Codigo SINASC")]
                       , by.x="VARIAVEL", by.y="Codigo SINASC", all=TRUE)
Sinasc_implau <- Sinasc_implau[Sinasc_implau$VARIAVEL %in% var_aux,]
Sinasc implau$VARIAVEL <- Sinasc implau$`Codigo Qualidados`
Sinasc implau$ Codigo Qualidados <- NULL
vars_implau_sinasc <- unique(Sinasc_implau$VARIAVEL)</pre>
Sinasc_incon<- read_csv("data1/SINASC_Inconsistencia_v2.csv")</pre>
regras sinasc incon <-
 c(fromJSON(file = 'data1/SINASC_Inconsistencias_Regras.json'))
var_incon_sinasc <-Sinasc_incon$VARIAVEL |>
 stringr::str_sub(1,nchar(Sinasc_incon$VARIAVEL)-15) |>
 unique() |>
 gsub(pattern = '_', replacement = ' ')
nomes_incon <- Sinasc_incon$VARIAVEL |> unique()
var_incon_sinasc |> names() <- nomes_incon</pre>
# ACRESCENTAR MUNICIPIO
Sinasc_incon$CODMUNNASC <- as.character(format(Sinasc_incon$CODMUNNASC ,
```

```
scientific = FALSE))
Sinasc_incon$CODMUNNASC <- gsub(' ','',Sinasc_incon$CODMUNNASC)</pre>
Sinasc_incon <- Sinasc_incon %>%
 rename(cod mun = CODMUNNASC) %>%
 left_join(aux_muni2 ,by='cod_mun')
Sinasc_incon[,c('muni_id','uf_id')] <- NULL</pre>
Sinasc_incon <- Sinasc_incon |>
 mutate(uf_id = stringr::str_sub(cod_mun,1,2))
Sinasc_incon[is.na(Sinasc_incon$uf_sigla)==T,'uf_sigla']<-
 Sinasc_incon[is.na(Sinasc_incon$uf_sigla)==T,]|>
 left_join(unique(aux_muni2[,c('uf_id','uf_sigla')]),by = 'uf_id') |>
 dplyr::select(uf_sigla.y)
Sinasc_incon[is.na(Sinasc_incon$muni_nm_clean)==T, 'muni_nm_clean'] <-
  'Não informado'
Sinasc_incon$CODMUNNASC <- Sinasc_incon$muni_nm_clean
Sinasc_incon$ESTADO <- Sinasc_incon$uf_sigla</pre>
Sinasc_incon[,c('cod_mun','uf_id','uf_sigla','muni_nm_clean')] <- NULL
Sinasc_incon[is.na(Sinasc_incon$ESTADO) == T, 'ESTADO'] <- 'Não informado'
regras_sinasc_incon <-regras_sinasc_incon |> as.data.frame() |> t() |>
 as.data.frame()
regras_sinasc_incon <- cbind(regras_sinasc_incon|> row.names(),
                            regras_sinasc_incon)
regras_sinasc_incon |> row.names() <- NULL</pre>
regras_sinasc_incon |> colnames() <- c('Variável', 'Regra')</pre>
regras_sinasc_incon$Variável <- regras_sinasc_incon$Variável |>
 gsub(pattern = '_',replacement = ' ')
dados_oobr_qualidados_SINASC_Implausibilidade <- Sinasc_implau
dados_oobr_qualidados_SINASC_Incompletude <- Sinasc_incom
dados_oobr_qualidados_SINASC_Inconsistencia <- Sinasc_incon</pre>
usethis::use_data(dados_oobr_qualidados_SINASC_Implausibilidade, overwrite = TRUE)
usethis::use_data(vars_implau_sinasc, overwrite = TRUE)
usethis::use_data(dados_oobr_qualidados_SINASC_Incompletude, overwrite = TRUE)
usethis::use_data(vars_incom_sinasc, overwrite = TRUE)
usethis::use data(dados oobr qualidados SINASC Inconsistencia, overwrite = TRUE)
usethis::use data(var incon sinasc, overwrite = TRUE)
regras_sinasc_implau$Indicador <- 'Implausibilidade'</pre>
regras_sinasc_incon$Indicador <- 'Inconsistência'
regras_sinasc_incom$Indicador <- 'Incompletude'</pre>
```

```
for(i in seq_along(SINASC_dic$`Codigo SINASC`)) {
  for(j in 1:ncol(regras_sinasc_implau)){
    regras_sinasc_implau[,j] <- gsub(SINASC_dic$`Codigo SINASC`[i],</pre>
                                      SINASC_dic$`Codigo Qualidados`[i],
                                   regras_sinasc_implau[,j])
  }
regras sinasc implau <-
  regras_sinasc_implau[regras_sinasc_implau$Variável %in% vars_implau_sinasc,]
for(i in seq along(SINASC dic$`Codigo SINASC`)) {
  for(j in 1:ncol(regras_sinasc_incom)){
    regras_sinasc_incom[,j] <- gsub(SINASC_dic$`Codigo SINASC`[i],</pre>
                                     SINASC_dic$`Codigo Qualidados`[i],
                                  regras_sinasc_incom[,j])
 }
}
regras_sinasc_incom <-
  regras_sinasc_incom[regras_sinasc_incom$Variável %in% vars_incom_sinasc,]
regras_sinasc <-
  rbind(regras_sinasc_implau,regras_sinasc_incom,regras_sinasc_incon)
usethis::use_data(regras_sinasc, overwrite = TRUE)
```

Análise

Devido à disponibilidade de variáveis no banco de dados, é possível apresentar apenas o número máximo de observações por níveis de Incompletude, Implausibilidade e Inconsistência, assim como para cada uma das variáveis.

Agora serão exibidas as tabelas de frequência relativa para cada um dos indicadores. É importante notar que, em alguns casos, os dados totais para determinadas variáveis podem diferir. Isso ocorre devido à ausência de certas variáveis em determinados anos, os quais são mencionados no dicionário do painel.

Incompletude

VARIAVEL	Nulos	Ignorados	Porcentagem Incompletude	Total
ANOMALIA COG	2597961	1168494	5.79%	64998302
APGAR1	5365701	0	6.74%	79637102
APGAR5	5631493	0	7.07%	79637102
CESAREA ANTES PART	6859363	972151	21.09%	37126352
CODMUNNATU	4884674	0	13.16%	37126352
COD ANOMALIA COG	79145708	0	99.38%	79637102
CONSULTAS PRE NAT	4735978	0	13.84%	34222325
CONSUL PRE NATAL	1417765	1758504	3.99%	79637102
DIF OBITO RECEB	10423	0	0.03%	37126352
DOC RESP	177503	0	0.69%	25541508
DO EPIDEMIOLOGICA	7256	0	0.02%	37126352
DO NOVA	1699	0	0%	37126352
DT ATUALIZACAO REG	336419	0	0.69%	48779017
DT CADASTRO DN	196761	0	0.4%	48779017
DT DECLARAÇÃO	438742	0	1.72%	25541508
DT MENSTRUAÇÃO	18844412	0	50.76%	37126352
DT NASCIMENTO	0	0	0%	79637102
DT NASCIMENTO MAE	4424001	0	11.92%	37126352
DT RECEBIMENTO LOT	20122952	0	78.79%	25541508
ESCOLARIDADE	1895791	1953277	4.83%	79637102
ESCOLARIDADE 2010	566609	182012	2.39%	31351324
ESCOL 2010 AGR	417418	163129	2.04%	28445535
ESTABELECIMENTO	2529288	0	3.93%	64293318
ESTADO CIVIL	11254302	1017088	15.41%	79637102
FUNCAO RESP	1117151	69	4.37%	25541508
GEST PRE NATAL	5230954	0	14.09%	37126352
GRUPO ROBSON	3819770	1585771	15.8%	34222325
HORA NASCIMENTO	349131	0	0.71%	49087382
IDADE DA MAE	179562	134581	0.39%	79637102
IDADE PAI	23019296	0	62%	37126352
LOCAL NASCIMENTO	16968	647029	0.83%	79637102
METODO UTILIZADO	8696893	011029	23.43%	37126352
NASCI ASSISTIDO	239887	24560	0.93%	28445535
NATURALMAE	4957118	0	13.35%	37126352
NUM_LOTE	31795		0.09%	37126352
NUM PARTOS	0	0	0.0070	25541508
OCUPACAO CBO	21594698	0	28.45%	75900261
PAIS RESID	8925877	0	24.04%	37126352
PARTO INDUZIDO	4877718	884517	15.52%	37126352
PESO NASC	292544	87836	0.48%	79637102
QTD FILHOS M	13652709	0	17.14%	79637102
QTD FILHOS V	7542808	0	9.47%	79637102
QTD GESTACOES	5585726	0	15.05%	37126352
QTD PARTO CESAREA	6384592	0	17.2%	37126352
QTD PARTO NORMAL	6084441	0	16.39%	37126352
RACA	11542603	19313	14.52%	79637102
RACA MAE	5432206	0	14.63%	37126352
RESIDENCIA MUNI	0	0	0%	79637102
SEMANAS GEST	4950081	0	13.33%	37126352
SEMA GESTACAO	1668594	465866	2.68%	79637102
SERIE ESC MAE	16983947	403000	45.75%	37126352
SEXIE_ESC_MAE SEXO	0	65154	0.08%	79637102
TIPO GRAVIDEZ	765601	76772	1.06%	79637102
TIPO_GRAVIDEZ TIPO PARTO	126061		0.32%	79637102
TIPO_PARTO	4526617	12 56 11 376629	13.21%	37126352
UF NATURA MAE	489545	_	1.72%	28445535
VERSAO SISTEMA	35263	0	0.09%	
v ERSAO_SISTEMA	<u> </u>	0	0.0970	37126352

Implausibilidade

ANOMALIA_COG	658	- 64	
1 = 0 1 = 1	000	0%	64998302
APGAR1	85131	0.11%	79637102
APGAR5	78567	0.1%	79637102
CESAREA_ANTES_PART	0	0%	37126352
CONSULTAS_PRE_NAT	0	0%	34222325
CONSUL_PRE_NATAL	3683656	4.63%	79637102
DOC_RESP	2514205	9.84%	25541508
DT_CADASTRO_DN	119	0%	48779017
DT_NASCIMENTO	0	0%	79637102
DT_NASCIMENTO_MAE	5187648	13.97%	37126352
ESCOLARIDADE	7484753	9.4%	79637102
ESCOLARIDADE_2010	157444	0.5%	31351324
ESCOL_2010_AGR	133699	0.47%	28445535
ESTADO_CIVIL	0	0%	79637102
FUNCAO_RESP	69	0%	25541508
GEST_PRE_NATAL	0	0%	37126352
GRUPO_ROBSON	0	0%	34222325
HORA_NASCIMENTO	28	0%	49087382
IDADE_DA_MAE	136326	0.17%	79637102
IDADE_PAI	86	0%	37126352
LOCAL_NASCIMENTO	0	0%	79637102
METODO_UTILIZADO	15117474	40.72%	37126352
NASCI_ASSISTIDO	0	0%	28445535
NUM_PARTOS	0	0%	25541508
PARTO_INDUZIDO	0	0%	37126352
PESO_NASC	0	0%	79637102
QTD_FILHOS_M	866369	1.09%	79637102
QTD_FILHOS_V	467291	0.59%	79637102
QTD_GESTACOES	2535	0.01%	37126352
QTD_PARTO_CESAREA	3668	0.01%	37126352
QTD_PARTO_NORMAL	3823	0.01%	37126352
RACA	19314	0.02%	79637102
SEMANAS_GEST	3947	0.01%	37126352
SEMA_GESTACAO	456183	0.57%	79637102
SERIE_ESC_MAE	552	0%	37126352
SEXO	0	0%	79637102
TIPO_GRAVIDEZ	119	0%	79637102
TIPO_PARTO	0	0%	79637102
TIPO_RN	0	0%	37126352

Inconsistência

VARIAVEL	Inconsistências	Porcentagem Inconsistências	Total
LOCNASC e PARTO	289049	0.36%	79637102
PARTO_PREMATURO e PESO	3009060	3.78%	79637102
PARTO e STCESPARTO	9014258	24.28%	37126352
TPROBSON e composicao	28806879	84.18%	34222325

SIM

O Sistema de Informação Sobre Mortalidade (SIM), desenvolvido pelo Ministério da Saúde em 1975, é resultado da integração de mais de quarenta modelos de instrumentos utilizados ao longo dos anos para coletar dados sobre mortalidade no país. O SIM possui uma variedade de variáveis que, a partir das causas de morte atestadas pelos médicos, permitem a construção de indicadores e a realização de análises epidemiológicas que contribuem para a eficiência da gestão em saúde.

O processo de informatização do SIM teve início em 1979. Doze anos depois, com a implementação do Sistema Único de Saúde (SUS) e a descentralização das responsabilidades, a coleta de dados foi transferida para os estados e municípios, por meio de suas respectivas Secretarias de Saúde. O objetivo do SIM é reunir dados quantitativos e qualitativos sobre óbitos ocorridos no Brasil, sendo considerado uma ferramenta essencial para a gestão da saúde, fornecendo subsídios para a tomada de decisões em diversas áreas da assistência à saúde. No âmbito federal, o SIM está sob a responsabilidade da Secretaria de Vigilância em Saúde.

Extração

A extração dos dados foi realizada por meio da API da PCDas para o período de 1996 a 2021, utilizando a linguagem Python como suporte, e os dados de 2022 preliminares pelo open datasus. Durante o processo de extração, os dados são tratados para garantir a qualidade e consistência das informações. Assim como foi feito para a base de dados do SINASC, os dados são subdivididos para cada um dos indicadores trabalhados, visando reduzir o tamanho das bases.

As bases finais resultantes apresentam apenas o número de casos dos indicadores e o total de observações, agrupados por Município-UF, Ano e variável.

```
## INCOMPLETUDE
regras_ignorados = {}
regras_ignorados['TIPOBITO'] = ['NA']
regras_ignorados['SEXO'] = ['I','O']
```

```
regras_ignorados['RACACOR'] = ['NA']
regras_ignorados['ESTCIV'] = [9]
regras_ignorados['ESC'] = [9]
regras_ignorados['ESCMAE'] = [9]
regras_ignorados['QTDFILVIVO'] = [99]
regras_ignorados['QTDFILMORT'] = [99]
regras_ignorados['GRAVIDEZ'] = [9]
regras ignorados['GESTACAO'] = [9]
regras_ignorados['PARTO'] = [8,9]
regras_ignorados['OBITOPARTO'] = [9]
regras_ignorados['OBITOGRAV'] = [8,9]
regras_ignorados['OBITOPUERP'] = [99]
regras_ignorados['ASSISTMED'] = [9]
regras_ignorados['EXAME'] = [9]
regras_ignorados['CIRURGIA'] = [9]
regras_ignorados['NECROPSIA'] = [9]
regras_ignorados['CIRCOBITO'] = [0]
regras_ignorados['ACIDTRAB'] = [9]
regras_ignorados['FONTE'] = [9]
regras_ignorados['TPMORTEOCO'] = [9]
regras_ignorados['FONTEINV'] = [9]
regras_ignorados['ESCMAEAGR1'] = [9]
regras_ignorados['ESCFALAGR1'] = [9]
# incompletude
cont = 0
for f in glob.glob('SIM_dataset/*.csv'):
   df = pd.read_csv(f)
    ano = df['DTOBITO'] % 10000
    codmun = df['CODMUNOCOR']
   df_ignorados = df.copy()
    df_totais = df.isna()
    df_totais = df.isna()
   df_nulos = df_totais.copy()
   df_totais[df_totais == True] = 1
    df_totais[df_totais == False] = 1
   df_totais['ANO'] = ano
   df totais['CODMUNOCOR'] = codmun
    df_totais = df_totais.groupby(['ANO', 'CODMUNOCOR']) \
                          .count() \
                          .reset_index().melt(id_vars=['ANO','CODMUNOCOR'])
   df_totais.columns = ['ANO', 'CODMUNOCOR', 'VARIAVEL', 'TOTAIS']
   df_nulos['CODMUNNASC'] = codmun
   df_nulos['ANO'] = ano
    df_nulos = df_nulos.groupby(['ANO','CODMUNOCOR']) \
```

```
.sum() \
                        .reset_index().melt(id_vars=['ANO','CODMUNOCOR'])
    df_nulos.columns = ['ANO', 'CODMUNOCOR', 'VARIAVEL', 'NULOS']
    for c in df_ignorados.columns:
        if c in regras_ignorados:
            df_ignorados[c] = df_ignorados[c].isin(regras_ignorados[c])
            if c not in ['ANO','CODMUNOCOR']:
                df_ignorados.drop(columns=[c], inplace=True)
   df_ignorados['CODMUNOCOR'] = codmun
   df_ignorados['ANO'] = ano
    df_ignorados = df_ignorados.groupby(['ANO', 'CODMUNOCOR']) \
                                 .sum() \
                                 .reset_index() \
                                 .melt(id_vars=['ANO','CODMUNOCOR'])
    df_ignorados.columns = ['ANO', 'CODMUNOCOR', 'VARIAVEL', 'IGNORADOS']
   df_ignorados = df_ignorados.fillna(0)
   df totais.set index(['ANO','CODMUNOCOR','VARIAVEL'], inplace=True)
   df_nulos.set_index(['ANO','CODMUNOCOR','VARIAVEL'], inplace=True)
   df_ignorados.set_index(['ANO','CODMUNOCOR','VARIAVEL'], inplace=True)
   x = df_totais.join([df_nulos, df_ignorados], how='left')
   x = x.reset_index()
   x = x[['ANO', 'CODMUNOCOR', 'VARIAVEL', 'NULOS', 'IGNORADOS', 'TOTAIS']]
   x = x.fillna(0)
   x.to_csv('SIM_dataset/resultados/Incompletude_p{}.csv'.format(cont),
             index=None, compression='gzip')
    cont += 1
incompletude = pd.DataFrame()
for f in glob.glob('SIM_dataset/resultados/Incompletude_p*.csv'):
    df = pd.read_csv(f, compression='gzip')
    incompletude = pd.concat([incompletude, df], axis=0)
incompletude.fillna(0, inplace=True)
incompletude = incompletude[~incompletude.VARIAVEL.isin(['contador','NOVO'])]
incompletude.to_csv('SIM_Incompletude_v2.csv', index=None, compression='gzip')
# gera regras
regras = {}
for r in regras_ignorados:
   regras["IGNORADOS_" + r] = "Se o campo " + r + \
```

```
"estiver preenchido com " + str(regras_ignorados[r])
with open('SIM_Incompletude_Regras.json', 'w') as fp:
    json.dump(regras, fp, indent=4)
# aplica as regras para variaveis com opcoes
regras gerais = {'TIPOBITO':[1,2],
                'SEXO':[1,2,9,0,'M','F','I'],
                'RACACOR': [1,2,3,4,5],
                'ESTCIV': [1,2,3,4,5,9],
                'ESC': [1,2,3,4,5,9],
                'LOCOCOR': [1,2,3,4,5,9],
                'ESCMAE': [1,2,3,4,5,9],
                'GRAVIDEZ': [1,2,3,9],
                'GESTACAO': [1,2,3,4,5,6,9],
                'PARTO': [1,2,9],
                'OBITOPARTO': [1,2,3,9],
                'OBITOGRAV': [1,2,9],
                'OBITOPUERP': [1,2,3,9],
                'ASSISTMED': [1,2,3,9],
                'EXAME': [1,2,3,9],
                'CIRURGIA': [1,2,3,9],
                'NECROPSIA': [1,2,3,9],
                'CIRCOBITO': [1,2,3,4,9],
                'ACIDTRAB': [1,2,9],
                'FONTE': [1,2,3,4,9],
                'SERIESCMAE': list(range(1,9)),
                'TPMORTEOCO': [1,2,3,4,5,8,9],
                'TPPOS': [1,2],
                'ATESTANTE': list(range(1,6)),
                'FONTEINV': [1,2,3,4,6,7,8,9],
                'ESCMAEAGR1': list(range(1,13)),
                'ESCFALAGR1': list(range(1,13)),
               }
colunas_implausibilidade = regras_gerais.keys()
cont = 0
# implausibilidade
for f in glob.glob('SIM_dataset/*.csv'):
   df = pd.read csv(f)
   ano = df['DTOBITO'] % 10000
   codmun = df['CODMUNOCOR']
   aux_cols = []
   for c in colunas_implausibilidade:
       if c in df.columns:
           aux_cols.append(c)
   aux = df[aux_cols]
```

```
aux['ANO'] = ano
aux['CODMUNOCOR'] = codmun
for col in regras_gerais.keys():
    if col in aux_cols:
        aux[col + " IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & \
                                   (~aux[col].isin(regras_gerais[col]))
# REGRAS ESPECÍFICAS
for col in ['IDADE','IDADEMAE']:
    if col not in aux_cols:
        continue
    aux[col] = pd.to_numeric(aux[col], errors='coerce')
    aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & ((aux[col] < 0) \</pre>
                                   | (aux[col] > 120))
for col in ['QTDFILVIVO','QTDFILMORT']:
    if col not in aux_cols:
        continue
    aux[col] = pd.to_numeric(aux[col], errors='coerce')
    aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & (aux[col] != 99) & \
                              ((aux[col] < 0) \mid (aux[col] > 70))
col = 'PESO'
if col in aux cols:
   aux[col] = pd.to_numeric(aux[col], errors='coerce')
    aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & ((aux[col] < 0) | \</pre>
                                 (aux[col] > 11000))
aux_cols = []
for c in aux.columns:
    if 'IMPLAUSIVEL' in c:
        aux_cols.append(c)
aux_cols = ['ANO','CODMUNOCOR'] + aux_cols
df_implausiveis = aux[aux_cols]
df_implausiveis.fillna(0, inplace=True)
df_implausiveis = df_implausiveis.groupby(['ANO','CODMUNOCOR']) \
                                   .sum().reset index() \
                                  .melt(id_vars=['ANO','CODMUNOCOR'])
df_implausiveis.columns = ['ANO','CODMUNOCOR','VARIAVEL','IMPLAUSIVEIS']
df['ANO'] = ano
df['CODMUNOCOR'] = codmun
df_totais = df[['ANO','CODMUNOCOR']]
df_totais['TOTAIS'] = 1
```

```
df_totais = df_totais.groupby(['ANO','CODMUNOCOR'])['TOTAIS'] \
                         .sum().reset_index()
   df_totais.columns = ['ANO', 'CODMUNOCOR', 'TOTAIS']
   df_totais.set_index(['ANO','CODMUNOCOR'], inplace=True)
   df_implausiveis.set_index(['ANO','CODMUNOCOR'], inplace=True)
   x = df totais.join([df implausiveis], how='left')
   x = x.reset index()
   x = x[['ANO', 'CODMUNOCOR', 'VARIAVEL', 'IMPLAUSIVEIS', 'TOTAIS']]
   x = x.fillna(0)
   x.to_csv('SIM_dataset/resultados/Implausibilidade_p{}.csv'.format(cont),
            index=None, compression='gzip')
    cont += 1
implausibilidade = pd.DataFrame()
for f in glob.glob('SIM_dataset/resultados/Implausibilidade_p*.csv'):
   df = pd.read csv(f, compression='gzip')
    implausibilidade = pd.concat([implausibilidade, df], axis=0)
implausibilidade.fillna(0, inplace=True)
implausibilidade = implausibilidade[~implausibilidade.VARIAVEL \
                                                  .isin(['contador','NOVO'])]
implausibilidade.to_csv('SIM_Implausibilidade_v2.csv',
                                    index=None, compression='gzip')
# gera regras
regras = {}
regras["IDADE"] = "Se campo IDADE for menor que 0 ou maior que 120"
regras["IDADEMAE"] = "Se campo IDADEMAE for menor que 0 ou maior que 120"
regras["QTDFILVIVO"] = "Se campo QTDFILVIVO for menor que 0 ou maior que 70"
regras["QTDFILMORT"] = "Se campo QTDFILMORT for menor que 0 ou maior que 70"
regras["PESO"] = "Se campo PESO for menor que 0 ou maior que 11000"
for k in regras_gerais.keys():
    if k not in regras.keys():
       regras[k] = "Se o campo " + k + "não for preenchido com " + \
                   str(regras_gerais[k])
with open('SIM_Implausibilidade_Regras.json', 'w') as fp:
    json.dump(regras, fp, indent=4)
regras = {}
cont = 0
```

```
def convert_date(col):
   col = col.fillna(0)
   data_string = col.apply(int).apply(str)
   y = data_string.str[-4:]
   m = data_string.str[-6:-4]
   d = data_string.str[:-6]
   return y.str.cat(m.str.cat(d.str.zfill(2)))
# inconsistencias
for f in glob.glob('SIM_dataset/*.csv'):
   df = pd.read csv(f)
    ano = df['DTOBITO'] % 10000
    codmun = df['CODMUNOCOR']
    aux_cols = [
        'DTOBITO',
        'DTNASC',
        'SEXO',
        'OBITOPARTO'.
        'OBITOGRAV',
        'OBITOPUERP',
        'LOCOCOR',
        'FONTE'
   1
   aux = df[aux_cols]
    # DTOBITO menor que DTNASC
   regras['DTOBITO_e_DTNASC'] = "Se a data de óbito for menor \
                                          que a data de nascimento"
    aux['DTOBITO'] = convert_date(aux['DTOBITO'])
    aux['DTNASC'] = convert_date(aux['DTNASC'])
    aux['DTOBITO_e_DTNASC_INCONSISTENTES'] = (aux['DTOBITO'] < aux['DTNASC'])</pre>
    # se SEXO estiver como M ou I e os campos OBITOPARTO,
    # OBITOGRAV, OBITOPUERP estiverem preenchidos
   regras['SEXO_e_OBITO'] = "Se SEXO for differente de 'M','I' e os campos \
                         relativos a óbitos em mulheres estiverem preenchidos"
   obito preenchido = (~aux['OBITOPARTO'].isna()) | (~aux['OBITOGRAV'] \
                          .isna()) | (~aux['OBITOPUERP'].isna())
    aux['SEXO_e_OBITO_INCONSISTENTES'] = (aux['SEXO'].isin(['M','I'])) & \
                                            (obito_preenchido)
    # Se OBITOPARTO preenchido como 3 e OBITOPUERP
    ## estiver como 3 ou OBITOGRAV estiver como 1;
    # Se OBITOPARTO preenchido como 1 ou 2 e OBITOGRAV estiver como 2 ou
    ## OBITOPUERP estiver como 1 ou 2;
    # Se OBITOPARTO preenchido como 9, OBITOGRAV estiver como 1 ou 2 ou
    ## OBITOPUERP estiver como 1,2 ou 3
```

```
regras['OBITO_PUERPERIO_GRAVIDEZ'] = "Se OBITOPARTO e OBITOPUERP estiver \
                              como 3 ou OBITOGRAV estiver como 1;"
regras['OBITO_PUERPERIO_GRAVIDEZ'] += "Se OBITOPARTO estiver como 1 ou 2 e \
              OBITOGRAV estiver como 2, ou OBITOPUERP estiver como 1 ou 2;"
regras['OBITO_PUERPERIO_GRAVIDEZ'] += "Se OBITOPARTO estiver como 9 \
    e OBITOGRAV estiver como 1 ou 2, ou OBITOPUERP estiver como 1, 2 ou 3"
parte 1 = (aux['OBITOPARTO'] == 3) & ((aux['OBITOPARTO'] == 3) | \
                                  (aux['OBITOGRAV'] == 1))
parte 2 = (aux['OBITOPARTO'].isin([1,2])) & ((aux['OBITOGRAV'] == 2) | \
                                  (aux['OBITOPUERP'].isin([1,2])))
parte_3 = (aux['OBITOPARTO'] == 9) & ((aux['OBITOGRAV'].isin([1,2])) | \
                                  (aux['OBITOPUERP'].isin([1,2,3])))
aux['OBITO_PUERPERIO_GRAVIDEZ_INCONSISTENTES'] = (parte_1) | (parte_2) | \
                                                            parte_3
# Preechido como 1 e o item Morte durante o puerperio também for
# preenchido como 1,2 ou 9
regras['OBITOGRAV_e_OBITOPUERP'] = "Se OBITOGRAV estiver como 1 e \
                                          OBITOPUERP estiver como 1, 2 ou 9"
aux['OBITOGRAV_e_OBITOPUERP_INCONSISTENTES'] = (aux['OBITOGRAV'] == 1) & \
                                          (aux['OBITOPUERP'].isin([1,2,3]))
# Preenchido como 1 ou 2 e o item morte durante a gravidez
# estiver preenchido como 1 ou 9
regras['OBITOPUERP e OBITOGRAV'] = "Se OBITOGRAV estiver como 1 ou 2 e\
                                              OBITOGRAV estiver como 1 ou 9"
aux['OBITOPUERP_e_OBITOGRAV_INCONSISTENTES'] = (aux['OBITOGRAV'] \
                            .isin([1,2])) & (aux['OBITOGRAV'].isin([1,9]))
# Se FONTE diferente de 2 e LOCOCOR for igual a 1
regras['FONTE_E_LOCOCOR'] = "Se FONTE estiver differente de 2 e\
                                          LOCOCOR estiver como 1"
aux['FONTE_E_LOCOCOR_INCONSISTENTES'] = (aux['FONTE'] != 2) & \
                                            (aux['LOCOCOR'] == 1)
aux cols = []
for c in aux.columns:
    if 'INCONSISTENTES' in c:
        aux cols.append(c)
aux = aux[aux_cols]
aux['ANO'] = ano
aux['CODMUNOCOR'] = codmun
df_inconsistentes = aux
df_inconsistentes.fillna(0, inplace=True)
```

```
df_inconsistentes = df_inconsistentes.groupby(['ANO','CODMUNOCOR']) \
                        .sum().reset_index().melt(id_vars=['ANO','CODMUNOCOR'])
   df_inconsistentes.columns = ['ANO','CODMUNOCOR','VARIAVEL', \
                                                 'INCONSISTENTES'
   df['ANO'] = ano
   df['CODMUNOCOR'] = codmun
   df_totais = df[['ANO', 'CODMUNOCOR']]
   df_totais['TOTAIS'] = 1
   df_totais = df_totais.groupby(['ANO','CODMUNOCOR'])['TOTAIS'] \
                          .sum().reset_index()
   df_totais.columns = ['ANO', 'CODMUNOCOR', 'TOTAIS']
   df_totais.set_index(['ANO','CODMUNOCOR'], inplace=True)
   df_inconsistentes.set_index(['ANO','CODMUNOCOR'], inplace=True)
   x = df_totais.join([df_inconsistentes], how='left')
   x = x.reset index()
   x = x[['ANO', 'CODMUNOCOR', 'VARIAVEL', 'INCONSISTENTES', 'TOTAIS']]
   x = x.fillna(0)
   x.to_csv('SIM_dataset/resultados/Inconsistencia_p{}.csv'.format(cont),
             index=None, compression='gzip')
    cont += 1
inconsistencias = pd.DataFrame()
for f in glob.glob('SIM_dataset/resultados/Inconsistencia_p*.csv'):
    df = pd.read_csv(f, compression='gzip')
    inconsistencias = pd.concat([inconsistencias, df], axis=0)
inconsistencias.fillna(0, inplace=True)
inconsistencias = inconsistencias[~inconsistencias.VARIAVEL \
                                        .isin(['contador','NOVO'])]
inconsistencias.to_csv('SIM_Inconsistencia_v2.csv', index=None,
                                                 compression='gzip')
# gera regras
with open('SIM_Inconsistencia_Regras.json', 'w') as fp:
    json.dump(regras, fp, indent=4)
```

Tratamento

No caso do SIM, assim como foi feito para o SINASC, também é realizado um trabalho de adequação dos dados. Os códigos de identificação dos municípios são substituídos pelos respectivos nomes, a fim de tornar

os dados mais compreensíveis e facilitar a análise. Além disso, os dados são reformulados e estruturados de maneira adequada para serem recebidos e processados pelo painel.

```
## code to prepare `SIM` dataset goes here
library(rjson)
library(readr)
library(dplyr)
library(readxl)
SIM_dic <- read_excel("data1/dicionarios.xlsx", sheet = "SIM")
regras_sim_incom <- c(fromJSON(file = 'data1/SIM_Incompletude_Regras.json'))</pre>
SIM_Incom <- read_csv("data1/SIM_Incompletude_v2.csv", show_col_types = FALSE )
#ACRESCENTAR A COLUNA DE MUNICIPIOS E MUNICIPIOS
aux muni2 <- abjData::muni %>%
 dplyr::select(uf_id,
              muni id,
              muni nm clean,
              uf sigla) %>%
 mutate_at("muni_id", as.character) %>%
 mutate(cod_mun = stringr::str_sub(muni_id, 1, 7))
aux_muni2 <- rbind(aux_muni2,aux_muni2|>
                  mutate(cod_mun = stringr::str_sub(muni_id, 1, 6)))
SIM_Incom$CODMUNOCOR <- as.character(format(SIM_Incom$CODMUNOCOR ,
                                        scientific = FALSE))
SIM_Incom$CODMUNOCOR <- gsub(' ','',SIM_Incom$CODMUNOCOR)
SIM_Incom <- SIM_Incom %>%
 rename(cod mun = CODMUNOCOR ) %>%
 left_join(aux_muni2 ,by='cod_mun')
SIM Incom[,c('muni id','uf id')] <- NULL
SIM_Incom <- SIM_Incom |>
 mutate(uf_id = stringr::str_sub(cod_mun,1,2))
SIM_Incom[is.na(SIM_Incom$uf_sigla)==T, 'uf_sigla']<-
 SIM_Incom[is.na(SIM_Incom$uf_sigla)==T,]|>
 left_join(unique(aux_muni2[,c('uf_id','uf_sigla')]),by = 'uf_id') |>
 dplyr::select(uf_sigla.y)
SIM_Incom[is.na(SIM_Incom$muni_nm_clean)==T, 'muni_nm_clean'] <- 'Não informado'
SIM_Incom$CODMUNNASC <- SIM_Incom$muni_nm_clean
SIM_Incom$ESTADO <- SIM_Incom$uf_sigla</pre>
SIM_Incom[,c('cod_mun','uf_id','uf_sigla','muni_nm_clean')] <- NULL</pre>
var sim tirar <- c('CODBAIOCOR',</pre>
                 'CODCART',
```

```
'CODMUNCART',
                   'CONTADOR',
                   'DTREGCART'
                   'EXPDIFDATA',
                   'NUMREGCART',
                   'UFINFORM',
                   'ALTCAUSA',
                   'DTCADINF',
                   'DTCADINV',
                   'DTCONCASO',
                   'DTCONINV',
                   'ESTABDESCR',
                   'FONTES',
                   'FONTESINF',
                   'MORTEPARTO',
                   'NUDIASINF',
                   'NUDIASOBCO',
                   'NUDIASOBIN',
                   'ORIGEM',
                   'TPNIVELINV',
                   'TPOBITOCOR',
                   'TPRESGINFO')
SIM_Incom <- SIM_Incom[!(SIM_Incom$VARIAVEL %in% var_sim_tirar),]</pre>
var_aux <- SIM_Incom$VARIAVEL |> unique()
SIM_Incom <- merge(SIM_Incom, SIM_dic[,c("Codigo Qualidados", "Codigo SIM")],
                  by.x="VARIAVEL", by.y="Codigo SIM", all=TRUE)
SIM Incom <- SIM Incom[SIM Incom$VARIAVEL %in% var aux,]
SIM_Incom$VARIAVEL <- SIM_Incom$`Codigo Qualidados`
SIM_Incom$`Codigo Qualidados` <- NULL</pre>
vars_incom_sim<- unique(SIM_Incom$VARIAVEL)</pre>
######### REGRAS
df_aux <- regras_sim_incom |> as.data.frame() |> t() |> as.data.frame()
df_aux<- cbind(row.names(df_aux),df_aux)</pre>
df_aux |> row.names() <- NULL</pre>
df_aux$`row.names(df_aux)` <- df_aux$`row.names(df_aux)` |>
  gsub(pattern = 'IGNORADOS_', replacement = '')
colnames(df_aux) <- c('Variável','Regra')</pre>
regras_sim_incom <- df_aux</pre>
usethis::use_data(SIM_Incom, overwrite = TRUE)
usethis::use_data(vars_incom_sim, overwrite = TRUE)
regras_sim_implau <-</pre>
  c(fromJSON(file = 'data1/SIM_Implausibilidade_Regras.json'))
SIM_Implau <-
  read_csv("data1/SIM_Implausibilidade_v2.csv",show_col_types = FALSE )
SIM_Implau$VARIAVEL <- SIM_Implau$VARIAVEL |>
  gsub(pattern = '_IMPLAUSIVEL', replacement = '')
```

```
SIM_Implau$CODMUNOCOR <- as.character(format(SIM_Implau$CODMUNOCOR
                                               scientific = FALSE))
SIM_Implau$CODMUNOCOR <- gsub(' ','',SIM_Implau$CODMUNOCOR)
SIM_Implau <- SIM_Implau %>%
  rename(cod mun = CODMUNOCOR) %>%
  left_join(aux_muni2 ,by='cod_mun')
SIM Implau[,c('muni id','uf id')] <- NULL</pre>
SIM_Implau <- SIM_Implau |>
  mutate(uf_id = stringr::str_sub(cod_mun,1,2))
SIM_Implau[is.na(SIM_Implau$uf_sigla)==T,'uf_sigla']<-
  SIM_Implau[is.na(SIM_Implau$uf_sigla)==T,]|>
  left_join(unique(aux_muni2[,c('uf_id','uf_sigla')]),by = 'uf_id') |>
  dplyr::select(uf_sigla.y)
SIM_Implau[is.na(SIM_Implau$muni_nm_clean)==T, 'muni_nm_clean'] <-
  'Não informado'
SIM Implau$CODMUNNASC <- SIM Implau$muni nm clean
SIM_Implau$ESTADO <- SIM_Implau$uf_sigla</pre>
SIM Implau[,c('cod mun','uf id','uf sigla','muni nm clean')] <- NULL
SIM_Implau <- SIM_Implau[!(SIM_Implau$VARIAVEL %in% var_sim_tirar),]</pre>
var aux <- SIM Implau$VARIAVEL |> unique()
SIM_Implau <- merge(SIM_Implau,</pre>
                    SIM_dic[,c("Codigo Qualidados", "Codigo SIM") ],
                    by.x="VARIAVEL", by.y="Codigo SIM", all=TRUE)
SIM_Implau <- SIM_Implau[SIM_Implau$VARIAVEL %in% var_aux,]
SIM_Implau$VARIAVEL <- SIM_Implau$`Codigo Qualidados`
SIM Implau$`Codigo Qualidados` <- NULL</pre>
vars_implau_sim<- unique(SIM_Implau$VARIAVEL)</pre>
######## REGRAS
df_aux <- regras_sim_implau |> as.data.frame() |> t() |> as.data.frame()
df_aux<- cbind(row.names(df_aux),df_aux)</pre>
df aux |> row.names() <- NULL</pre>
colnames(df_aux) <- c('Variável', 'Regra')</pre>
regras_sim_implau <- df_aux
usethis::use data(SIM Implau, overwrite = TRUE)
usethis::use data(vars implau sim, overwrite = TRUE)
########################## Inconsistencia
regras_sim_incon <-
  c(fromJSON(file = 'data1/SIM_Inconsistencia_Regras.json'))
SIM_Incon <- read_csv("data1/SIM_Inconsistencia_v2.csv",show_col_types = FALSE )</pre>
SIM_Incon$VARIAVEL <- SIM_Incon$VARIAVEL |>
  gsub(pattern = '_INCONSISTENTES',replacement = '')
SIM_Incon$VARIAVEL <- SIM_Incon$VARIAVEL |>
  gsub(pattern = '_',replacement = ' ')
```

```
SIM_Incon$CODMUNOCOR <- as.character(format(SIM_Incon$CODMUNOCOR ,
                                              scientific = FALSE))
SIM Incon$CODMUNOCOR <- gsub(' ','',SIM Incon$CODMUNOCOR)
SIM Incon <- SIM Incon %>%
  rename(cod_mun = CODMUNOCOR ) %>%
  left join(aux muni2 ,by='cod mun')
SIM_Incon[,c('muni_id','uf_id')] <- NULL</pre>
SIM_Incon <- SIM_Incon |>
  mutate(uf_id = stringr::str_sub(cod_mun,1,2))
SIM_Incon[is.na(SIM_Incon$uf_sigla)==T, 'uf_sigla']<-</pre>
  SIM_Incon[is.na(SIM_Incon$uf_sigla)==T,]|>
  left_join(unique(aux_muni2[,c('uf_id','uf_sigla')]),by = 'uf_id') |>
  dplyr::select(uf_sigla.y)
SIM Incon[is.na(SIM Incon$muni nm clean)==T, 'muni nm clean'] <- 'Não informado'
SIM Incon$CODMUNNASC <- SIM Incon$muni nm clean
SIM_Incon$ESTADO <- SIM_Incon$uf_sigla</pre>
SIM_Incon[,c('cod_mun', 'uf_id', 'uf_sigla', 'muni_nm_clean')] <- NULL
SIM_Incon <- SIM_Incon[!(SIM_Incon$VARIAVEL %in% SIM_Incon),]
vars_incon_sim<- unique(SIM_Incon$VARIAVEL)</pre>
######## REGRAS
df_aux <- regras_sim_incon |> as.data.frame() |> t() |> as.data.frame()
df_aux<- cbind(row.names(df_aux),df_aux)</pre>
df_aux |> row.names() <- NULL</pre>
df_aux$`row.names(df_aux)` <- df_aux$`row.names(df_aux)` |>
  gsub(pattern = '_', replacement = ' ')
colnames(df_aux) <- c('Variável', 'Regra')</pre>
regras_sim_incon <- df_aux</pre>
usethis::use data(SIM Incon, overwrite = TRUE)
usethis::use data(vars incon sim, overwrite = TRUE)
regras_sim_implau$Indicador <- 'Implausibilidade'</pre>
regras_sim_incom$Indicador <- 'Incompletude'</pre>
regras_sim_incon$Indicador <- 'Inconsistência'
for(i in seq_along(SIM_dic$`Codigo SIM`)) {
  for(j in 1:ncol(regras_sim_implau)){
    regras_sim_implau[,j] <- gsub(SIM_dic$`Codigo SIM`[i],</pre>
                                  SIM_dic$`Codigo Qualidados`[i],
                             regras_sim_implau[,j])
  }
}
```

```
regras_sim_implau <-
  regras_sim_implau[regras_sim_implau$Variável %in% vars_implau_sim,]
for(i in seq along(SIM dic$`Codigo SIM`)) {
  for(j in 1:ncol(regras_sim_incom)){
    regras_sim_incom[,j] <- gsub(SIM_dic$`Codigo SIM`[i],</pre>
                                   SIM_dic$`Codigo Qualidados`[i],
                                  regras_sim_incom[,j])
 }
}
regras_sim_incom <-
  regras_sim_incom[regras_sim_incom$Variável %in% vars_incom_sim,]
regras_sim <- rbind(regras_sim_implau,regras_sim_incom,regras_sim_incon)</pre>
usethis::use_data(regras_sim, overwrite = TRUE)
SIM_dic<-
  SIM_dic[SIM_dic$`Codigo Qualidados` %in% c(vars_implau_sim,
                                              vars_incom_sim, vars_incon_sim),
usethis::use_data(SIM_dic,overwrite = T)
```

Análise

Devido à disponibilidade das variáveis no banco de dados, é possível apresentar apenas o número máximo de observações para cada nível de Incompletude, Implausibilidade e Inconsistência. Além disso, será fornecida a frequência dos indicadores para cada variável presente no conjunto de dados.

${\bf Incompletude}$

VARIAVEL	Nulos	Ignorados	Porcentagem Incompletude	Total
ACIDENTE_TRAB	72909	849	97.35%	75767
ASSIST_MEDICA	14835	2602	23.01%	75767
CAUSA_BASICA	215	0	0.38%	56459
CAUSA_CID_10	0	0	0%	75767
CAUSA_EXT_MAT	35253	0	99.23%	35526
CAUSA_SCB	26181	0	55.55%	47130
CID_ATESTADO	1	0	0%	26197
CID_LINHA_A	7082	0	9.35%	75767
CID_LINHA_B	20340	0	26.85%	75767
CID_LINHA_C	38635	0	50.99%	75767
CID_LINHA_D	58722	0	77.5%	75767
CID_LINHA_II	56195	0	74.17%	75767
CIRURGIA	40665	1933	56.22%	75767
CODIFICADO	0	0	0%	26197
DIF OBITO RECEB	1	0	0%	32120
DT ATESTADO	496	0	0.88%	56459
DT CADASTRO	721	0	1.28%	56459
DT INVESTIG	25631	0	45.4%	56459
DT NASC	269	0	0.36%	75767
 DT_OBITO	0	0	0%	75767
DT RECEBI CENTRAL	4576	0	8.1%	56459
DT RECEBI ORIGINAL	2	0	0.01%	32663
ESCOLARIDADE	11350	9168	27.08%	75767
ESCOLARIDADE 2010	6590	0	18.55%	35526
ESCOL 2010 AGR	5250	2232	25.57%	29257
ESCOL MAE	74558	122	98.57%	75767
ESCOL MAE 2010	34514	0	97.15%	35526
ESCOL MAE 2010 AGR	28542	55	97.74%	29257
ESTABELECIMENTO	11386	0	16.93%	67263
EST CIVIL	3851	2530	8.42%	75767
EXAM COMPLEM	40152	2302	56.03%	75767
FONTE INF	68819	796	91.88%	75767
FONTE INV	24839	41	44.07%	56459
HORA OBITO	3222	0	5.71%	56459
IDADE	3222	0	0.01%	75767
IDADE MAE	74612	0	98.48%	75767
LOCAL OBITO	60	0	0.08%	75767
MEDICO ATEST	4368	0	6.49%	67263
MORTE GRAV	1563	415	2.61%	75767
MORTE PARTO	74593	38	98.5%	75767
MORTE_PARTO MORTE PUERP	3669		4.84%	75767
MUNICIPIO NATU		0		
MUNICIPIO_NATU MUNICIPIO RES	1679	0	6.41% 0%	26197
MUNICIPIO_RES MUNICIPIO SVO IML	0	0		75767
	27342	0	76.96%	35526
NATURALIDADE	15872	1006	20.95%	75767
NECROPSIA NUMERO LOTE	9343	1926	14.87%	75767
NUMERO_LOTE	22	0	0.08%	26197
NUM_FILH_MORT	74326	394	98.62%	75767
NUM_FILH_VIVOS	74563	90	98.53%	75767
OBITO_INV	12593	0	22.3%	56459
OCUP_CBO2002	13784	0	18.19%	75767
OCUP_MAE	74661	0	98.54%	75767
PESO_NASC	74464	0	98.28%	75767
RACA	6260	0	\$\frac{8}{26}\%	75767
SEM_GEST	31220	0	97.2%	32120
SEM_GESTACAO	74632	32	98.54%	75767
SERIE_FALECIDO	24214	0	75.39%	32120

Implausibilidades

VARIAVEL	Implausiveis	Porcentagem Implausibilidade	Total
ACIDENTE_TRAB	3	0%	75767
ASSIST_MEDICA	0	0%	75767
CIRURGIA	1	0%	75767
ESCOLARIDADE	2124	2.8%	75767
ESCOL_2010_AGR	664	2.27%	29257
ESCOL_MAE	34	0.04%	75767
ESCOL_MAE_2010_AGR	36	0.12%	29257
EST_CIVIL	0	0%	75767
EXAM_COMPLEM	1	0%	75767
FONTE_INF	1	0%	75767
FONTE_INV	421	0.75%	56459
LOCAL_OBITO	19	0.03%	75767
MEDICO_ATEST	1	0%	67263
MORTE_GRAV	0	0%	75767
MORTE_PARTO	0	0%	75767
MORTE_PUERP	1324	1.75%	75767
NECROPSIA	1	0%	75767
OBITO_INV	43866	77.7%	56459
RACA	0	0%	75767
SEM_GESTACAO	7	0.01%	75767
SERIE_MAE	0	0%	32120
SEXO	0	0%	75767
TIPO_GRAVIDEZ	1	0%	75767
TIPO_MORTE_GRAV	0	0%	32120
TIPO_OBITO	0	0%	75767
TIPO_PARTO	1	0%	75767
TP_ACIDENTE	4	0.01%	75767

Inconsistência

```
gsub(pattern = '_INCONSISTENTES', replacement = '')
kable(df)
```

VARIAVEL	Inconsistências	Porcentagem Inconsistências	Total
DTOBITO e DTNASC	0	0%	75767
FONTE E LOCOCOR	60620	80.01%	75767
OBITO PUERPERIO GRAVIDEZ	1174	1.55%	75767
OBITOGRAV e OBITOPUERP	27030	35.68%	75767
OBITOPUERP e OBITOGRAV	33740	44.53%	75767
SEXO e OBITO	0	0%	75767