Hafta 04 - Karar Ağaçları/Kümeleme SİB 552 - Siber Güvenlik İçin Veri Madenciliği Bilgisayar Mühendisliği Siber Güvenlik Yüksek Lisans Programı

Dr. Ferhat Özgür Çatak ozgur.catak@tubitak.gov.tr

Gebze Teknik Üniversitesi 2019 - Bahar

# İçindekiler

- Karar Ağaçları
  - Giriş
  - Tek Değişkenli Ağaçlar
  - Sınıflandırma Ağaçları
  - Karar Ağacı Algoritmaları
  - Python
- 2 Kümeleme

- Giriş
- Kümelemenin Amacı
- K-Ortalamalar Kümeleme
- K-Means Kümeleme İçin Silhouette Analizi
- Hierarchical clustering
- DBSCAN
- Model Değerlendirme

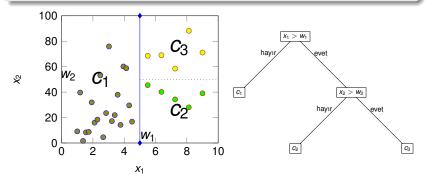
# İçindekiler

- Karar Ağaçları
  - Giriş
  - Tek Değişkenli Ağaçlar
  - Sınıflandırma Ağaçları
  - Karar Ağacı Algoritmaları
  - Python
- 2 Kümeleme

- Giriş
- Kümelemenin Amacı
- K-Ortalamalar Kümeleme
- K-Means Kümeleme İçin Silhouette Analizi
- Hierarchical clustering
- DBSCAN
- Model Değerlendirme

### Giriş

- Böl-ve-fethet stratejisine dayalı hiyerarşik veri yapılarıdır.
- ► Girdi uzayını lokal bölgelere yinelemeli olarak ayıran hiyerarşik model.
- Bir karar ağacı modeli, karar düğümü ve hedef yapraklarından oluşmaktadır.
- ► Her bir *karar düğümü*  $f_m(\mathbf{x})$  şeklinde bir test fonksiyonuna sahiptir.



### Tek Değişkenli Ağaçlar

- Her bir düğümde sadece bir öznitelik kontrol edilir.
- Düğümde kullanılan öznitelik, x<sub>i</sub>, kesikli olması durumunda n adet farklı ayrıştırma gerçekleştirilmelidir.
  - Örnek: öznitelik servis ⇒ {http, ftp, ssh} olması durumunda 3 farklı dallanma olmalıdır.
- Düğümde kullanılan öznitelik, xi, sürekli olması durumunda ise kesikli hale getirilmelidir.
  - ightharpoonup Örnek: paket sayısı  $\Rightarrow f_m(\mathbf{x}_i) : \mathbf{x}_i > w_m$
  - ▶ w<sub>m</sub> değeri, uygun bir yöntemle seçilmiş olan eşik değeridir.
  - ► Karar düğümü, girdi uzayını ikiye bölmektedir:  $L_m = \{\mathbf{x} | x_i > w_m\}$  ve  $R_m = \{\mathbf{x} | x_i \leq w_m\}$
  - lkili ayrıştırma: binary split

# Sınıflandırma Ağaçları I

Classification Trees

### Sınıflandırma Ağaçları

- Bir ayrıştırmanın ne kadar doğru yapıldığının ölçümü: Belirsizlik ölçümü (Impurity Measure)
- Eğer bir ayrıştırma yapıldıktan sonra, bir dal içinde yer alan örneklerin tamamı aynı sınıfa etiketine sahip olması durumunda, bu ayrıştırma saftır (pure).
- Düğüm m, bu düğümde yer alan örnek (satır) sayısı N<sub>m</sub>, ve sınıf C<sub>i</sub>'ye ait olan örneklerin sayısı N<sup>i</sup><sub>m</sub> olsun. Bu durumda bir örneğin, x, m düğümüne eriştiğinde bir C<sub>i</sub> sınıfına ait olma olasılığı:

$$P(C_i|\mathbf{x},m) = \frac{N_m^i}{N_m} \tag{1}$$

Elinizde 5 adet zararlı yazılım (y<sub>m</sub> = {ransomware, trojan, trojan, ransomware, backdoor}) olduğunu kabul edin. Bu durumda N<sub>m</sub> = 5. Seçtiğiniz bir yazılımın, x, ransomware (C<sub>i</sub> = ransomware) olma olasılığı nedir? x ve m bilindiğine göre C<sub>i</sub>'nin olasılığı - koşullu olasılık.

$$P(C_i|\mathbf{x},m) = \frac{N_m^i}{N_m} = \frac{2}{5} = 0.4$$

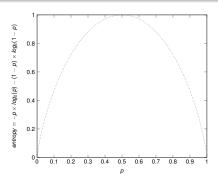
# Sınıflandırma Ağaçları II

Classification Trees

### Entropy

Düzensizlik ölçümlerinden bir tanesidir.

$$H_m = -\sum_{i=1}^K p_i log_2(p_i)$$
 (2)



# Sınıflandırma Ağaçları III Classification Trees

## Düzensizlik ölçüm yöntemleri

- Entropy tek yöntem değildir.
- liki sınıflı problem için 1. sınıf için olasılık,  $p_1 = p$ , 2. sınıf için olasılık  $p_2 = 1 p_1 = 1 p$
- ▶ Genel çözüm:  $\phi(p, 1-p)$  negative olmayan fonksiyon tanımlanmalıdır.
  - ▶ Negative olmayan fonksiyon:  $\phi \ge 0$ ,  $\phi \in \mathbb{R}_+$
- Özellikleri:
  - $\phi(0,1) = \phi(1,0) = 0$
  - $\phi(p, 1-p)$  fonksiyonu [0, 1/2] aralığında artış, [1/2, 1] aralığında azalış göstermelidir.
- ▶ Yöntemler:
  - ► **Entropy**:  $\phi(p, 1-p) = -p \times log_2(p) (1-p) \times log_2(1-p)$

  - ► Misclassification Error:  $\phi(p, 1-p) = 1 max(p, 1-p)$

# Sınıflandırma Ağaçları IV

Classification Trees

$$\phi(p, 1-p) = -plog_2p - (1-p)log_2(1-p)$$

$$0.8$$

$$0.8$$

$$0.4$$

$$0.2$$

$$0$$

$$0.2$$

$$0.2$$

$$0.4$$

$$0.2$$

$$0$$

$$0.2$$

$$0.4$$

$$0.6$$

$$0.8$$

$$0.9$$

$$\phi(p, 1 - p) = 2 \times p \times (1 - p)$$

$$0.8$$

$$0.6$$

$$0.4$$

$$0.2$$

$$0$$

$$0.2$$

$$0.2$$

$$0.4$$

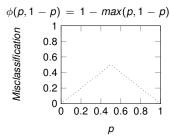
$$0.2$$

$$0$$

$$0.2$$

$$0.4$$

$$0.2$$



#### Sınıflandırma Ağaçları V Classification Trees

### Düzensizlik (Impurity)

- Bir düğüm m saf (pure) değilse, düzensizliği en fazla azaltacak şekilde sahip olduğu örnekler ayrıştırışmalıdır.
  - ▶ Bir düğümün sahip olduğu örneklerin sınıf etiketleri aynı ise bu düğüm saftır.
- Düğüm m ait olan örneklerin içinde j dalının örnek sayısı N<sub>mj</sub> olsun. Bu durumda j dalının içinde C<sub>i</sub> sınıfının olasılığı

$$P(C_i|\mathbf{x},m,j)=p_{mj}^i=rac{N_{mj}^i}{N_{mj}}$$

Ayrıştırma olduktan sonra toplam düzensizlik

$$\mathcal{I}_{m} = -\sum_{j=1}^{N} \frac{N_{mj}}{N_{m}} \sum_{i=1}^{K} p_{mj}^{i} log_{2}(p_{mj}^{i})$$
 (3)

# Karar Ağacı Algoritmaları I

### **ID3** (Iterative Dichotomiser 3)

- 1986 yılında Ross Quinlan tarafından önerilmiştir.
- Kategorik hedefler (sınıflar) için kategorik öznitelikleri kullanmaktadır.
- Bilgi kazancının en fazla olacağı nitelik seçilerek aşağıya doğru devam etmektedir.

# Karar Ağacı Algoritmaları II

#### C4.5

- 1993 yılında Ross Quinlan tarafından önerilmiştir.
- Sayısal değerler içerebilir. Bir eşik değeri seçilerek aralığın orta noktası bulunur.
- ▶ Sayısal değere sahip olan nitelik sıralanır  $\mathbf{x}_f = \{v_1, v_2, \dots, v_n\}$ . Eşik değeri ortanca değer seçilebilir
- ▶ Örnek:
  - ▶ bir niteliğin içerdiği değerler sıralansın.  $\mathbf{x}_f = \{15, 20, 25, 30, 35, 40\}.$
  - **x**<sub>f</sub>  $\in \mathbb{R}^6$  olması nedeniyle 25 ve 30 ortanca değerlerdir. Eşik noktası  $t_f = \frac{25+30}{2} = 27.5$ .
  - ▶ Bu nitelik değerleri  $\mathbf{x}_f = \{ \le 27.5, \le 27.5, \le 27.5, > 27.5, > 27.5, > 27.5 \}$

# Karar Ağacı Algoritmaları III

## **CART (Classification And Regression Trees)**

- C4.5 algoritmasına oldukça benzer.
- Sayısal değerlerin eşik değerleri için bilgi kazanım değerinin en yüksek olduğu değer seçilir.
- scikit-learn kütüphanesi CART kullanmaktadır.
- Sayısal değerlerin ayrıştırılabilmesi için en yüksek kazanç noktasını bulmaktadır.

## Python

### **Python**

```
class sklearn.tree.DecisionTreeClassifier(
  criterion='gini', splitter='best', max_depth=None,
  min_samples_split=2, min_samples_leaf=1,
  min_weight_fraction_leaf=0.0, max_features=None,
  random_state=None, max_leaf_nodes=None,
  min_impurity_decrease=0.0, min_impurity_split=None,
  class_weight=None, presort=False)
```

## Lab

Lab - 1

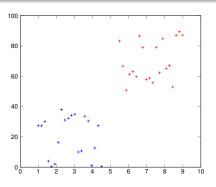
## İçindekiler

- Karar Ağaçları
  - Giriş
  - Tek Değişkenli Ağaçlar
  - Sınıflandırma Ağaçları
  - Karar Ağacı Algoritmaları
  - Python
- 2 Kümeleme

- Giriş
- Kümelemenin Amacı
- K-Ortalamalar Kümeleme
- K-Means Kümeleme İçin Silhouette Analizi
- Hierarchical clustering
- DBSCAN
- Model Değerlendirme

#### Kümeleme

- Bir veri kümesi içerisinde yer alan benzer nesnelerin aynı gruplarda yer alacak şekilde ayrıştırılmasıdır.
- Birçok gerçek dünya veri kümesinde örneklem tek bir öbek yerine bir kaç farklı öbekten gelebilmektedir.



### Kümelemenin Amacı

### Amaç

- Bir veri kümesi içerisinde yer alan benzer nesnelerin aynı gruplarda yer alacak şekilde ayrıştırılmasıdır.
- Örnekler:
  - Bir hastalığa neden olan genlerin gruplanması
  - Benzer ilgileri olan kişilerin gruplanması

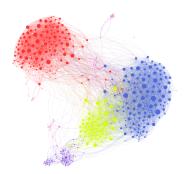
Table: User-Item Matrix

	Film₁	Film₁	• • • •	Film <sub>n</sub>
user <sub>1</sub>	10	1		8
user <sub>2</sub>	3	9		2
usern	10	1		8

# Kümelemenin Uygulama Alanları

### **Uygulama Alanları**

- Veri kümesinde genel karakteristiğini anlamak
- Veriyi görselleştirmek
- Örnekler
  - Sosyal ağlarda toplulukların bulunması



## Centroids ve Medoids

#### Centroid

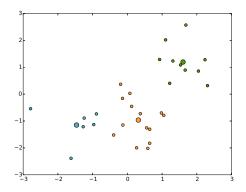
Kümedeki noktaların ortalaması.

$$\mu = \frac{1}{|C|} \sum_{\mathbf{x} \in C} \mathbf{x} \tag{4}$$

#### Medoid

Centroide en yakın nokta

$$m = arg \min_{\mathbf{x} \in C} d(\mathbf{x}, \mu)$$
 (5)



#### K-Ortalamalar

► Her bir küme içinde varyansı düşürmek

$$Var(C) = \frac{1}{|C|} \sum_{\mathbf{x} \in C} ||\mathbf{x} - \mu_c||^2$$

- ► Parametre: kümesi sayısı *k*
- Yüksek sayıda örnek içeren veri kümeleri için uygun bir yöntemdir.
- Algoritma 4 adımdan oluşmaktadır.
  - Rassal k adet centroid belirle
  - Veri kümesinde yer alan her bir örneğe en yakın centroide göre küme etiketi ata
  - ► Kümeler için de ortalama yöntemi ile yeni centroidleri hesapla
  - centroidlerde belirli bir eşik değerininden daha az değişim oluncaya kadar yukarıda yer alan adımları tekrarla.

Lab

Lab - 2

# K-Means Kümeleme İçin Silhouette Analizi I

#### Silhouette Analizi

- Oluşturulan kümelerde yer alan verilerin tutarlığını ölçmek için kullanılan bir yöntemdir.
- a(i): i noktası ile aynı kümede yer alan noktalar arasında bulunan uzaklığın ortalaması
  - ▶ a(i) ne kadar küçük ise doğru bir küme ataması yapıldığı anlamındadır.
- b(i): i'nin üye olmadığı diğer kümelerde yer alan noktalara olan uzaklığın en az değeri. En yakın komşuya olan ortalama uzaklık.

#### Silhouette:

$$s(i) = \frac{b(i) - a(i)}{\max\{a(i), b(i)\}}$$

$$s(i) = \begin{cases} 1 - a(i)/b(i) & \text{if } a(i) < b(i) \\ 0 & \text{if } a(i) = b(i) \\ b(i)/a(i) - 1 & \text{if } a(i) > b(i) \end{cases}$$

$$-1 < s(i) < 1$$
(6)

# K-Means Kümeleme İçin Silhouette Analizi II

#### Silhouette

- lack s(i) ifadesi  $a(i) \ll b(i)$  için 1'e yaklaşır. a(i) ifadesi küme içinde uzaklık olması nedeniyle, değerin düşük olması doğru bir kümede olduğu anlamına gelir.
- b(i) büyük olması en yakın kümeye uzak olduğunu dolayısıyla doğru kümede olduğu anlamına gelir.
- Ortalama s(i) ise bir kümede yer alan bütün örnekleri s(i) değerlerinin ortalamasıdır.

### Lab

Lab - 3

# Hierarchical clustering I

### Hierarchical clustering <sup>1</sup>

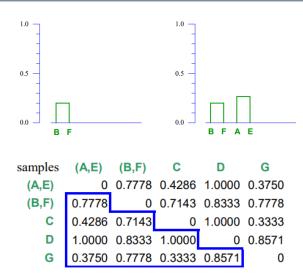
- Kümeleri bir araya getirerek ya da birbiri ile ayırarak oluşturan genel bir kümeleme algoritması ailesidir.
- Bu kümeler hiyerarşisi bir ağaç (veya dendrogram) olarak temsil edilir.
- Ağacın kökü (root), tüm örnekleri toplayan tekil kümedir (unique cluster), yapraklar sadece bir örnekle kümedir.

## Hierarchical clustering II

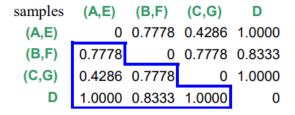
```
samples
                                                     G
             0 0.5000 0.4286 1.0000 0.2500 0.6250 0.3750
    В
        0.5000
                    0 0.7143 0.8333 0.6667
                                            0.2000 0.7778
        0.4286 0.7143
                           0 1.0000 0.4286 0.6667 0.3333
        1.0000 0.8333 1.0000
                                  0 1.0000 0.8000 0.8571
        0.2500 0.6667 0.4286 1.0000
                                         0 0.7778 0.3750
        0.6250 0.2000 0.6667 0.8000 0.7778
                                                0 0.7500
        0.3750 0.7778 0.3333 0.8571 0.3750 0.7500
```

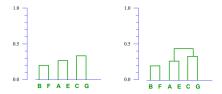
```
samples
                 (B,F)
                0.6250 0.4286 1.0000 0.2500 0.3750
 (B,F)
         0.6250
                       0.7143 0.8333 0.7778 0.7778
    C
         0.4286 0.7143
                               1.0000 0.4286 0.3333
    D
         1.0000 0.8333 1.0000
                                      1.0000 0.8571
     E
         0.2500 0.7778 0.4286 1.0000
    G
         0.3750 0.7778 0.3333 0.8571 0.3750
```

# Hierarchical clustering III



# Hierarchical clustering IV

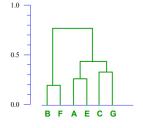


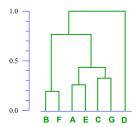


# Hierarchical clustering V







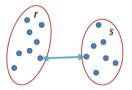


# Hierarchical clustering VI

### Single Linkage

İki küme arasındaki uzaklık, kümeler içinde yer alan örnekler arasında bulunan en kısa uzaklıktır.

$$d(r,s) = \min_{\mathbf{x}_r \in r, \mathbf{x}_s \in s} (d(\mathbf{x}_r, \mathbf{x}_s))$$

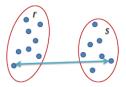


# Hierarchical clustering VII

#### **Complete Linkage**

İki küme arasındaki uzaklık, kümeler içinde yer alan örnekler arasında bulunan en uzun uzaklıktır.

$$d(r,s) = \max_{\mathbf{x}_r \in r, \mathbf{x}_s \in s} (d(\mathbf{x}_r, \mathbf{x}_s))$$

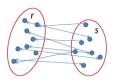


# Hierarchical clustering VIII

### Average Linkage

İki küme arasındaki uzaklık, kümeler içinde yer alan örnekler arasında bulunan en uzun uzaklıktır.

$$d(r,s) = \frac{1}{|r||s|} \sum_{\mathbf{x}_{ri} \in r} \sum_{\mathbf{x}_{si} \in s} d(\mathbf{x}_{ri}, \mathbf{x}_{si})$$





<sup>1</sup> http://www.econ.upf.edu/ michael/stanford/maeb7.pdf

Lab

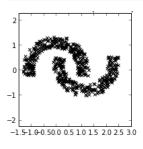
Lab - 4

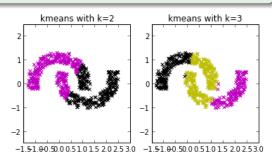
#### DBSCAN I

Density-based spatial clustering of applications with noise

#### **Convex Set**

- Euclid uzayında yer alan bir nesne convex olabilmesi için bütün noktalarının doğrusal bir çizgi ile birleşebilmelidir.
- K-means, hierarchical clustering: convex veya küre biçimli kümeler oluşturmaktadır. Hataya neden olabilir.



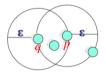


### DBSCAN II

Density-based spatial clustering of applications with noise

### **Algoritma**

- $\blacktriangleright$  İki parametre:  $\epsilon$ : *epsilon* ve *minimum points* ("MinPts")
- $\epsilon$ -Neighborhood bir nesneden  $\epsilon$  uzaklığında yer alan nesneler.  $N_{\epsilon}(p) = \{q | d(p,q) \le \epsilon\}$ 
  - Yüksek yoğunluk (high density): bir nesnenin ε-komşuluğunda yer alan nesnelerin sayısı en az MinPts olması

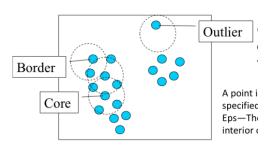


 $\epsilon$ -Neighborhood of p  $\epsilon$ -Neighborhood of qDensity of p is "high" (MinPts = 4)

Density of q is "low" (MinPts = 4)

#### **DBSCAN III**

Density-based spatial clustering of applications with noise



$$\varepsilon = 1$$
unit, MinPts = 5

A be

- ε ve MinPts verildiğinde nesneler 3 gruba ayrılırlar.
- Border point: MinPts'den daha az nokta içeren fakat bir core point'e komşu.
- Noise point: Core point veya border point olmayan noktalar

#### **Python**

```
class sklearn.cluster.DBSCAN(eps=0.5,
min_samples=5,metric='euclidean',metric_params=None,
algorithm='auto',leaf_size=30, p=None, n_jobs=1)
```



# Model Değerlendirme I

### Homogenity

C: class set, K: cluster set

$$h = 1 - \frac{H(C|K)}{H(C)} \tag{7}$$

- Python: sklearn.metrics.homogeneity\_score
- ► Her bir küme içinde yer alan sınıf dağılımı aynı ise H(C|K) = 0
- ightharpoonup h = [0, 1]. 1'e yaklaştıkca doğru kümelenmiştir.

#### **Completeness**

$$h = 1 - \frac{H(K|C)}{H(K)} \tag{8}$$

- Python: sklearn.metrics.completeness\_score
- h = [0, 1]. 1'e yaklaştıkca doğru kümelenmiştir.

