## ריצה על קובץ 2:4 עם PBC

זמן ריצה: 500K צעדי זמן

את הריצה ביצעתי באופן ממוקבל עם 8 threads את הריצה ביצעתי באופן ממוקבל אם

צעדי זמן להפוגה בסוף ותחילת הריצה- 2000

10K -צעדי זמן להרצת הפוטנציאל הנוסף על רביעייה נבחרת

200 – צעדי זמן להפוגה בין הפעלת הפוטנציאל על רביעיות שונות

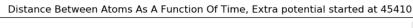
פרמטרים של הפוטנציאל:

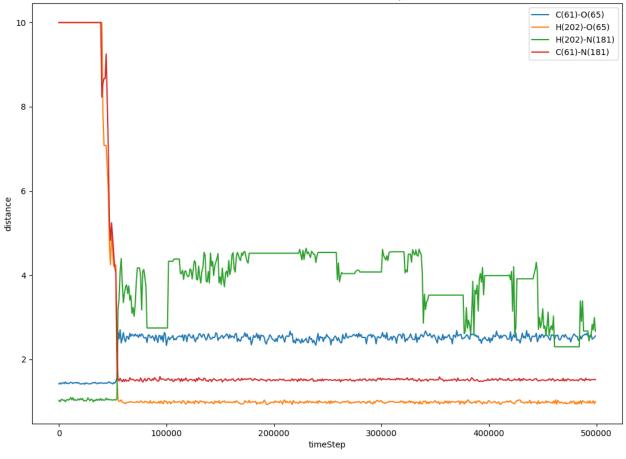
PAIR	O-C	N-C	H-O
F1	60	120	120
F2	0.5	1.0	1.0
R12	3.0	1.5	1.0

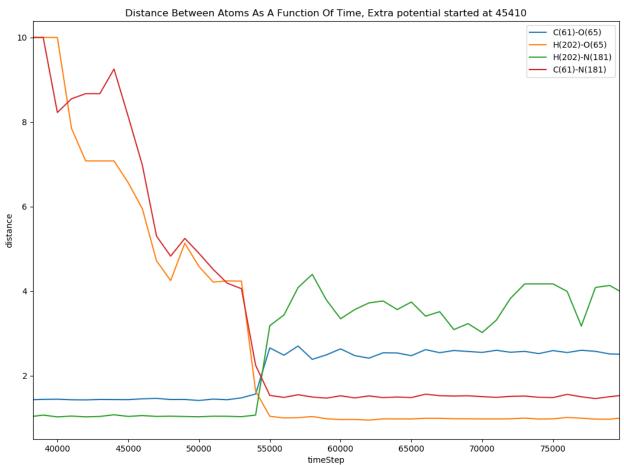
## תוצאות:

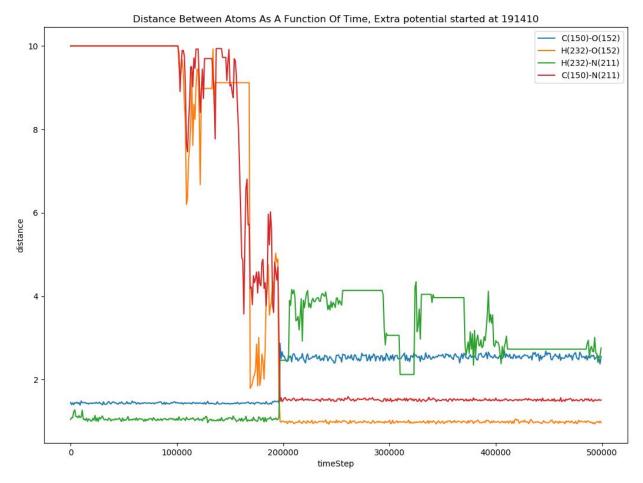
במהלך הריצה הופעל את הפוטנציאל על 42 רביעיות, אציג את הגרפים של ארבעת הרביעיות בהן תהליך הצילוב הושלם ונותר יציב בשני אופנים- לאורך זמן הריצה, וב"זום אין" לזמן ההתרחשות.

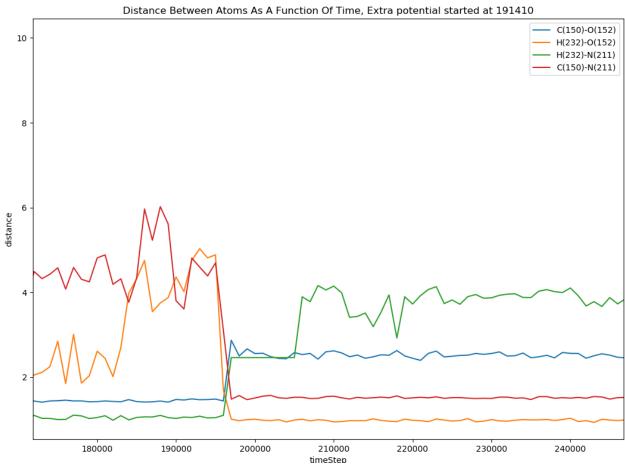
הערה חשובה: בגלל שאני לא מצליחה למצוא דרך אלגנטית בקוד לחישוב המרחקים בין האטומים לקובץ התיעוד תוך התחשבות בPBC אני לוקחת את המרחקים מחישובים שLAMMPS מבצע ברשימות השכנויות לוקחת את המרחקים מחישובים שLAMMPS מבצע ברשימות השכנויות להציג אותם בגרף שמתי ולכן אני לא עוקבת אחר מרחקים בין אטומים הגדולים מ-10 אנגסטרום. כדי שאוכל בכל זאת להציג אותם בגרף שמתי ערך "דיפולטיבי" ביניהם- 10 אנגסטרום. בנוסף, אם יש קווים ישרים במרחקים בין אטומים ולא ויבראציות, זה כי לא מצאתי את המרחק בין זוג האטומים באחת מהרשימות לאמפס למרות שהוא קטן מ-10 אנגסטרום, ולכן שמתי את המרחק האחרון שמצאתי. הבעיה הזאת מתרחשת בעיקר בתיעוד מרחקים בין זוגות אטומים שלא מחוברים בקשר כימי.



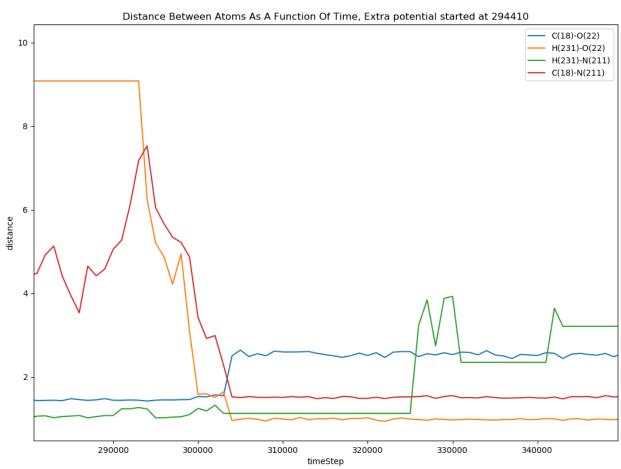


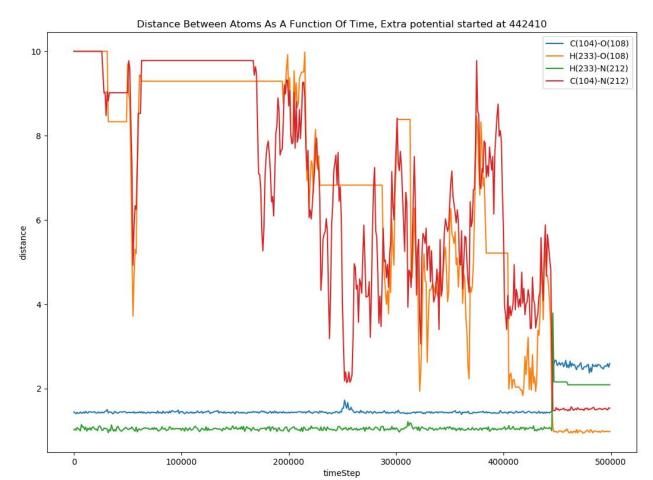


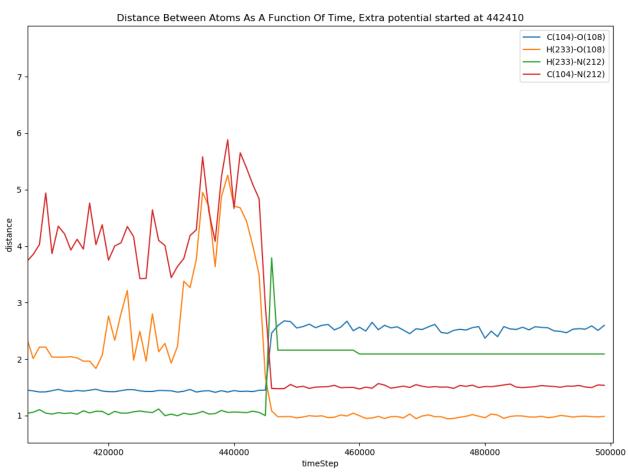






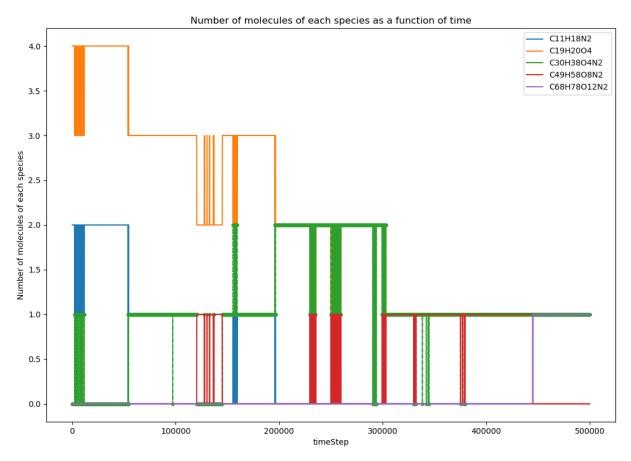






Species.out: אציג רק צעדי זמן בהם התרחשו שינויים יציבים

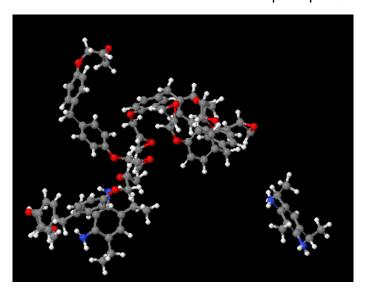
# Timestep	No_Moles No_Specs	C19H20O4	C11H18N2	
100 6	2 4 2			
# Timestep	No_Moles No_Specs	C19H20O4	C30H38O4N2	C11H18N2
54600	5 3 3 1	1		
# Timestep	No_Moles No_Specs	C49H58O8N2	C19H20O4	C11H18N2
120400	4 3 1 2	1		
# Timestep	No_Moles No_Specs	C19H20O4	C30H38O4N2	C11H18N2
145700	5 3 3 1	1		
# Timestep	No_Moles No_Specs	C19H20O4	C30H38O4N2	
196700	4 2 2 2			
# Timestep	No_Moles No_Specs	C49H58O8N2	C30H38O4N2	C19H20O4
299500	3 3 1 1	1		
# Timestep	No_Moles No_Specs	C68H78O12N2	C30H38O4N2	
445200	2 2 1 1			
# Timestep	No_Moles No_Specs	C68H78O12N2	C30H38O4N2	
500000	2 2 1 1			



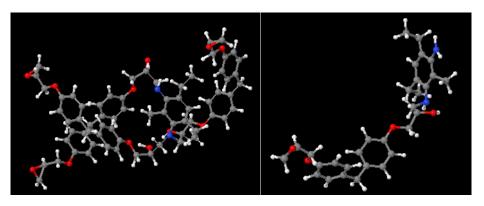
C11H18N2 בוצר כתוצאה מצילוב בין שלוש מולקולות C19H20O4 – נוצר כתוצאה מצילוב בין שלוש מולקולות בין מולקולה אחת של C19H20O4 – נוצר כתוצאה מצילוב בין מולקולה אחת של C19H20O4 – נוצר כתוצאה מצילוב בין שתי מולקולות של C19H20O4 – נוצר כתוצאה מצילוב בין שתי מולקולות של C19H20O4 – נוצר כתוצאה מצילוב בין שתי מולקולות של C19H20O4

## MOLVIEWER ציור באמצעות

צעד זמן ראשון



צעד זמן אחרון-כדי להציג תמונה ברורה ציירתי כל אחת מהמולקולות שנוצרו בנפרד C30H38O4N2 C30H38O4N2



חישוב אחוז צילוב

num of N-C bond at timestep 500,000: 8

num of N-C bond in DETDA: 4 num of N-C created bonds: 4 num of DETDA molecules: 2

RESULT-cross linking percent: 0.5

## גרפים של לחץ, טמפרטורה, אנרגיה שהפוטנציאל מוסיף, אנרגיה פוטנציאלית, סך האנרגיה כתלות בזמן

