

Era7 bionformatics

Presentación y Software Libre

Eduardo Pareja-Tobes, CTO

2016-05-06

Era7 bioinformatics - ohnosequences!

Era7?

La empresa

Fundada en 2006 en Granada, hacemos **análisis de datos**. Genómica, principalmente de **secuenciación de ADN**.

Claves

- Open source 100% *Todo* lo que hacemos!
- Cloud computing *AWS*, cientos de servidores a diario
- Investigación Bioinformática, Biología, Informática

Equipo



multidisciplinar: Biólogos, Informáticos, Matemáticos.

Dónde?



Granada En Puertal Real, el torreón encima del Deutsche Bank.

Dónde?



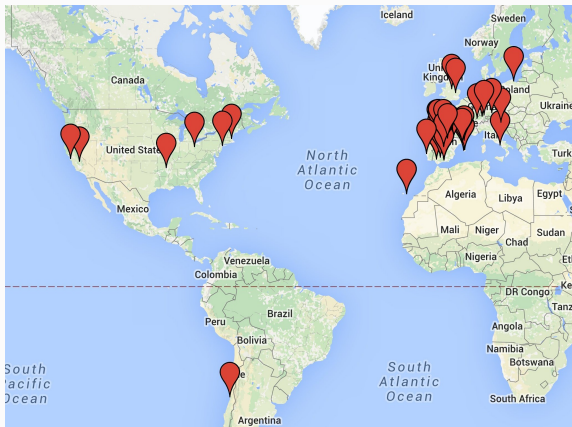
Madrid al lado del Prado y del Ritz, somos gente con clase.

Dónde?

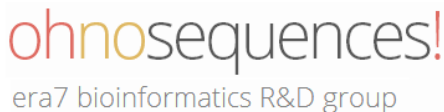


Cambridge, MA. Kendall square, enfrente del MIT. El edificio *todavía* no es entero nuestro.

Clientes



Centros de investigación, Empresas biotech, Hospitales, ...



Parte **fundamental** de nuestra actividad: en **2015** hemos publicado **16** papers y preprints.

En *qué*? **Bioinformática, Biología, Informática**: bacterial genomics, cloud data analysis, graph databases, ...

Software libre!

Todo lo que hacemos es **abierto**.

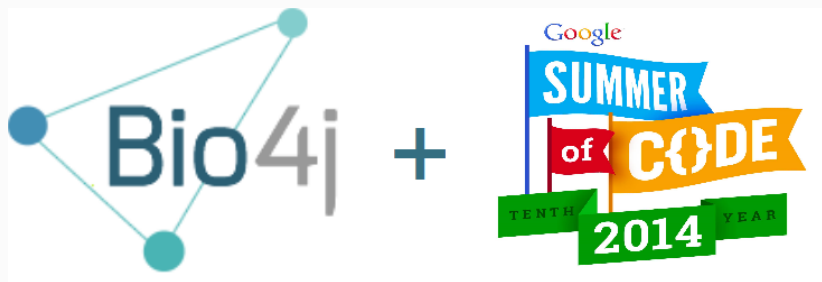
Licencia? **AGPLv3**. 100% abierto, 100% *copyleft*.

Cobramos por hacer algo *ahora* (servicios), no por lo que *hicimos* (licencias).



Plataforma para datos bioinformáticos/biológicos.

- Modelo basado en **typed graphs**
- APIs genéricas en **Java** y **Scala** (unreleased)
- **AWS** deployment



Seleccionados para el *Google Summer of Code* de 2014.

Desde 2011, para todo:

- Análisis de datos primeros en coordinar crowdsourced data analysis en github: 2011 *E. coli* outbreak

Desde 2011, para **todo**:

- Análisis de datos primeros en coordinar crowdsourced data analysis en github: 2011 *E. coli* outbreak
- documentación interna, websites, papers, slides

Desde 2011, para **todo**:

- Análisis de datos primeros en coordinar crowdsourced data analysis en github: [2011 *E. coli* outbreak](#)
- documentación interna, [websites](#), [papers](#), [slides](#)
- Y, por supuesto, **código!** [era7bio](#), [ohnosequences](#), [bio4j](#)

No podríamos vivir sin **Amazon Web Services**, en particular *S3, EC2, SQS, DynamoDB*.

Graph databases para Bio4j, para análisis de datos, ...

Lenguajes? **Scala** en un 90%, **Java** el resto.

Hay matemáticos sueltos, así que mucha **programación funcional** y **teoría de categorías**.

Qué estamos haciendo ahora

Muchos proyectos interesantes! Dos ejemplos:

Qué estamos haciendo ahora

Muchos proyectos interesantes! Dos ejemplos:

- type-safe generic Scala **graph data APIs**, en desarrollo desde hace dos años

Qué estamos haciendo ahora

Muchos proyectos interesantes! Dos ejemplos:

- type-safe generic Scala **graph data APIs**, en desarrollo desde hace dos años
- Diseño de un **graph database engine** (**Idris** + Scala)

Conclusiones

Conclusiones

- Es posible hacer todo libre!

Conclusiones

- Es **posible** hacer todo **libre!**
- Hay que currar **mucho**

Conclusiones

- Es **posible** hacer todo **libre**!
- Hay que currar **mucho**
- Vale la pena