

SUPPLEMENTARY MATERIAL

SUPPLEMENTARY TABLES

Supplementary Table S1: Population genetic parameters per chromosome for piRNA clusters and intergenic regions per populations and whole dataset.

Parameters per chromosome										
Chromosome	PiRNA clusters				Pi	Theta_Watterson	Mut.rate	Tajima's D	Fu&Li's D	
	n.sites	n. bial. sites	n.polyal.sites	D						
1	33232	1395	20	0,01537675	0,00090298	0,004667158	1,167E-07	-2,239647	-8,408973	
2	1265288	5901	35	0,00277802	7,8871E-05	0,000518529	1,296E-08	-2,336708	-1,693589	
3	29868	1407	13	0,01570242	0,001055	0,005237555	1,309E-07	-1,999153	-5,325649	
4	25481	1289	14	0,01540089	0,00151538	0,00562434	1,184E-07	-2,010527	-6,370632	
5	30212	1513	16	0,01343837	0,00261007	0,00556794	1,392E-07	-1,450436	-7,736375	
6	108725	4500	33	0,01145091	0,00119996	0,004601706	1,15E-07	-2,023893	-10,49759	
7	51255	2409	27	0,01551068	0,00119	0,005225615	1,306E-07	-2,068678	-7,36327	
8	15159	750	12	0,00686061	0,00192109	0,005500852	1,375E-07	-1,535276	-9,909341	
9	156031	6545	76	0,02253398	0,00069426	0,004663737	1,166E-07	-2,370299	-4,731675	
10	35929	1337	21	0,01180105	0,00070898	0,004137343	1,034E-07	-2,289799	-9,767987	
11	65513	2412	17	0,00926534	0,00092018	0,004093407	1,023E-07	-2,147813	-12,21144	
12	68776	2693	24	0,00959637	0,00131019	0,004353471	1,088E-07	-1,89021	-9,802047	
13	57878	2455	20	0,01133419	0,00126225	0,012198072	1,179E-07	-2,041343	-9,888405	
14	46559	1881	10	0,01688181	0,00076652	0,004491798	1,123E-07	-2,304112	-7,154643	
15	61270	2916	48	0,0136282	0,00129077	0,005291446	1,404E-07	-2,107161	-9,669214	
16	23507	804	6	0,0134428	0,00050735	0,003802715	9,507E-08	-2,399142	-8,971679	
17	23613	1336	9	0,01842206	0,00128167	0,00629059	1,573E-07	-2,179676	-8,04327	
18	40357	1789	19	0,01308323	0,00114372	0,004928632	1,232E-07	-2,138492	-9,786031	
19	48207	1989	18	0,01086979	0,00124946	0,004587328	1,147E-07	-2,01164	-9,399433	
20	15795	617	7	0,0096233	0,00149013	0,004343109	1,086E-07	-1,793512	-10,17337	
21	20102	891	14	0,01333201	0,00080186	0,004928031	1,232E-07	-2,315056	-9,241235	
22	16387	710	4	0,017880	0,00107418	0,0048172	1,204E-07	-2,121576	-6,524058	

Parameters per chromosome										
Chromosome	Closest intergenic regions				Pi	Theta_Watterson	Mut.rate	Tajima's D	Fu&Li's D	
	n.sites	n. bial. sites	n.polyal.sites	D						
1	144870	13201	105	0,02837026	0,00205235	0,010131263	2,53282E-07	-2,215433	-11,25122	
2	117983	6965	61	0,01864675	0,00121108	0,006563522	1,64088E-07	-2,26458	-10,06977	
3	152897	6182	43	0,01336848	0,002949276	0,023012274	1,12385E-07	-2,398682	-11,4691	
4	87696	3054	25	0,0101715	0,001095183	0,003871911	9,67978E-08	-1,947706	-10,73303	
5	28902	1333	17	0,01335548	0,001469849	0,004905541	1,28197E-07	-1,884224	-8,424423	
6	200831	8622	65	0,01243832	0,001075443	0,004773236	1,19331E-07	-2,136643	-10,13597	
7	294984	12186	94	0,01644835	0,00103494	0,004593015	1,14825E-07	-2,156213	-8,168787	
8	44086	8559	77	0,05634442	0,00452499	0,021585304	5,39633E-07	-2,175571	-10,83619	
9	274441	15720	155	0,01837553	0,001562065	0,006368524	1,59213E-07	-2,09776	-10,49936	
10	392743	10897	91	0,01268259	0,001495204	0,004528613	1,13215E-07	-1,854984	-10,19909	
11	71887	4915	46	0,02100519	0,001363495	0,007601654	1,90041E-07	-2,285173	-11,30864	
12	130462	4531	33	0,00996459	0	0,003861403	9,65351E-08	-2,257606	-11,8044	
13	62249	2188	0	3,10711E-05	0,003907955	9,76989E-08	-2,755091	6,181727		
14	73092	2919	27	0,01324358	0,000973958	0,006970521	1,11004E-07	-2,398012	-11,74733	
15	212834	10749	125	0,0165575	0,001461781	0,00561516	1,40379E-07	-2,056981	-8,899924	
16	90067	3370	23	0,01206879	0,000708145	0,004160065	1,04002E-07	-2,285286	-10,22964	
17	88849	3132	0	3,11609E-05	0,003919259	6,00922E-08	-2,757833	6,315662		
18	56627	2937	37	0,0230632	0,001029898	0,005766571	1,44164E-07	-2,226183	-4,764866	
19	46240	2809	0	5,37001E-05	0,006754118	1,68853E-07	-2,757101	6,279117		
20	156794	7382	73	0,01545978	0,001455017	0,005234567	1,30864E-07	-1,961522	-9,378804	
21	4805	232	3	0,01685744	0,000914704	0,005368219	1,34206E-07	-2,227316	-5,416269	
22	35953	2253	20	0,01139705	0,001582317	0,006967254	1,04041E-07	-2,125321	-9,191885	

n.sites- number of sites; n.bial.sites- number of biallelic sites; n.polyal.sites – number of polyallelic sites; D- divergence with chimpanzee.

Supplementary Table S1 (continued): African population.

Parameters per chromosome per population

AFR: PiRNA clusters

Chromosome	n.sites	n. bial. sites	n.polyal. sites	D	Pi	Theta	Watterson	Mut.rate	Tajima's D	Fu&Li's D
1	33232	981		10	0,01591839	0,00113467	0,003869162	9,673E-08	-2,098417	-0,1320489
2	1265288	4831		21	0,00279146	0,00011476	0,000500446	1,251E-08	-2,273584	2,315714
3	29868	973		6	0,01613767	0,00144543	0,004270035	1,068E-07	-1,710352	1,540585
4	25481	951		9	0,01602882	0,00181501	0,004891802	1,03E-07	-1,86345	0,3589761
5	30212	1059		13	0,01403416	0,00257697	0,004594337	1,149E-07	-1,270897	-0,6885664
6	108725	2967		14	0,01194757	0,00137388	0,003576811	8,942E-08	-1,792694	-1,233725
7	51255	1696		15	0,01595942	0,00132252	0,004337114	1,084E-07	-1,999478	0,1048843
8	15159	484		8	0,00705851	0,00187126	0,004185014	1,046E-07	-1,325805	-3,255647
9	156031	5083		41	0,02298261	0,00083743	0,004269869	1,067E-07	-2,402199	1,748359
10	35929	901		7	0,01219071	0,00099546	0,003286894	8,217E-08	-2,051534	-1,242489
11	65513	1526		7	0,00955536	0,00112669	0,003053037	7,633E-08	-1,86461	-2,685441
12	68776	1793		11	0,00990171	0,0016061	0,003417055	8,543E-08	-1,514253	-1,122844
13	57878	1592		6	0,01193891	0,00133643	0,003605232	9,013E-08	-1,838467	-0,5149709
14	46559	1348		6	0,01709659	0,00094851	0,003794822	9,487E-08	-2,227042	0,2027374
15	61270	2014		28	0,01424841	0,00142606	0,004308396	1,077E-07	-1,993281	-0,6921558
16	23507	532		5	0,01361297	0,00077307	0,002966327	7,416E-08	-2,186454	-0,7228955
17	23613	902		4	0,01901495	0,0016065	0,005006835	1,252E-07	-1,979818	-0,5492404
18	40357	1260		12	0,01350447	0,00159626	0,00409219	1,023E-07	-1,815146	-1,307941
19	48207	1336		10	0,01140913	0,00152836	0,00363247	9,081E-08	-1,704343	-1,110102
20	15795	417		1	0,01012979	0,00187894	0,003460368	8,651E-08	-1,321107	-2,268324
21	20102	606		12	0,01377972	0,00131069	0,003951286	9,878E-08	-1,96549	-1,646912
22	16387	519		3	0,01824617	0,00121804	0,004151213	1,038E-07	-2,065054	0,3233073

Parameters per chromosome per population

AFR: Nearest intergenic regions

Chromosome	n.sites	n. bial. sites	n.polyal. sites	D	Pi	Theta	Watterson	Mut.rate	Tajima's D	Fu&Li's D
1	144870	8848		53	0,02926762	0,002372961	0,008005205	2,0013E-07	-2,0864	-1,448172
2	117983	4770		26	0,01919768	0,001552418	0,005299132	1,32478E-07	-2,093486	-1,186557
3	152897	4053		19	0,01374782	0,004326969	0,017786152	8,68619E-08	-2,199352	-1,351601
4	87696	2043		15	0,01044517	0,00128469	0,003053496	7,63374E-08	-1,666245	-1,266386
5	28902	912		9	0,01401287	0,001588067	0,00395663	1,03399E-07	-1,702319	-0,3097883
6	200831	5769		38	0,0128765	0,001402219	0,003765103	9,41276E-08	-1,839285	-0,9489291
7	294984	8804		45	0,01685854	0,001225121	0,00391189	2,44501E-06	-2,048463	0,2052033
8	44086	5719		37	0,05899832	0,005793202	0,017003071	4,25077E-07	-1,926993	-1,093652
9	274441	12699		110	0,02229259	0,002141287	0,006064939	1,51624E-07	-1,913924	-0,837464
10	392743	10897		91	0,01268259	0,001642766	0,003636671	9,09168E-08	-1,625248	-0,3955352
11	71887	3349		18	0,0217981	0,001699196	0,006106178	1,52654E-07	-2,144733	-2,232039
12	130462	2912		14	0,01017154	0,00084901	0,002925583	7,31396E-08	-2,104328	-1,900384
13	62249	2188		0	0,000121518	0,004607004	1,15175E-07	-2,847327	5,109916	
14	73092	1936		13	0,01364034	0,001203782	0,005450117	8,6792E-08	-2,317983	-1,711361
15	212834	7634		72	0,01714482	0,001708054	0,004701279	1,17532E-07	-1,894663	-0,4737667
16	90067	2217		8	0,0124796	0,000887244	0,003226327	8,06582E-08	-2,124366	-0,905808
17	88849				0,00012187	0,004620329	1,15508E-07	-2,849731	5,171617	
18	56627	2179		18	0,02382256	0,001275093	0,005043659	1,26092E-07	-2,170673	1,953229
19	46240				0,00021002	0,007962284	1,99057E-07	-2,84909	5,154954	
20	156794	5043		43	0,01593173	0,001710929	0,004215687	1,05392E-07	-1,717943	-0,2330375
21	4805	160		2	0,01706556	0,001351754	0,004364489	1,09112E-07	-1,96316	-0,8259745
22	35953	1521		11	0,01255862	0,001827191	0,005544998	8,75412E-08	-1,962339	-0,8865416

n.sites- number of sites; n.bial.sites- number of biallelic sites; n.polyal.sites – number of polyallelic sites; D- divergence with chimpanzee.

Supplementary Table S1 (continued): American population.

AMR: piRNA clusters											
Chromosome	n.sites	n. bial. sites	n.polyal.sites	D	Pi	Theta_Watterson	Mut.rate	Tajima's D	Fu&Li's D		
1	33232	7463		36	0,02975771	0,00099421	0,007326258	1,832E-07	-2,154771	-0,2573358	
2	1265288	4399		13	0,00280569	9,5767E-05	0,000494445	1,236E-08	-2,516161	2,952871	
3	29868	844		4	0,01647248	0,0011218	0,00401894	1,005E-07	-2,097326	1,247515	
4	25481	808		8	0,01629321	0,00160534	0,004509635	9,494E-08	-2,00719	0,6763944	
5	30212	858		8	0,01413346	0,00255814	0,004038859	1,01E-07	-1,109014	0,3276808	
6	108725	2450		7	0,01203955	0,00126625	0,0032047	8,012E-08	-1,86012	-0,4559737	
7	51255	1458		13	0,01613501	0,00134423	0,00404557	1,011E-07	-2,013487	0,07466694	
8	15159	368		3	0,00738835	0,00175304	0,00345268	8,632E-08	-1,185453	-1,839104	
9	156031	4654		30	0,02311079	0,00089976	0,004241914	1,06E-07	-2,474591	1,908529	
10	35929	770		5	0,01258037	0,00073834	0,003047855	7,62E-08	-2,335941	-0,0070651	
11	65513	1199		6	0,009708	0,00094453	0,002602784	6,507E-08	-1,978271	-1,615415	
12	68776	1499		8	0,01009073	0,00131867	0,003099689	7,749E-08	-1,739243	-0,9823638	
13	57878	1297		9	0,01221535	0,00120578	0,003186916	7,967E-08	-1,86751	-1,358632	
14	46559	1169		4	0,01713954	0,0009074	0,00357073	8,927E-08	-2,327778	1,106009	
15	61270	1661		15	0,01521136	0,00137207	0,00385537	9,638E-08	-2,020541	-0,8854822	
16	23507	464		3	0,01378313	0,00056354	0,002807151	7,018E-08	-2,478122	0,616777	
17	23613	764		2	0,01926905	0,00133185	0,004601427	1,15E-07	-2,189324	0,7977845	
18	40357	997		8	0,01377704	0,00110707	0,003513353	8,783E-08	-2,149759	0,7082373	
19	48207	1143		9	0,01161657	0,00120578	0,003371971	8,43E-08	-1,984635	-0,9933175	
20	15795	346		1	0,01038303	0,00143012	0,00311535	7,788E-08	-1,634692	-1,121359	
21	20102	502		7	0,0140782	0,00082969	0,003551492	8,879E-08	-2,361701	-2,234042	
22	16387	453		1	0,01836822	0,00104789	0,003931399	9,828E-08	-2,263234	1,713685	
AMR: Nearest intergenic regions											
Chromosome	n.sites	n. bial. sites	n.polyal.sites	D	Pi	Theta_Watterson	Mut.rate	Tajima's D	Fu&Li's D		
1	144870	7463		36	0,02975771	0,002258803	0,007326258	1,83157E-07	-2,154771	-1,693589	
2	117983	3921		18	0,01952824	0,001187403	0,00472634	1,18159E-07	-2,328798	-0,4354903	
3	152897	3410		12	0,01388516	0,003394057	0,016236979	7,92962E-08	-2,430035	-0,1751337	
4	87696	1739		9	0,01060482	0,001123232	0,002820148	7,05037E-08	-1,840146	-0,8402996	
5	28902	760		7	0,01408207	0,001501056	0,003577578	9,34934E-08	-1,744294	0,7671217	
6	200831	4859		25	0,013050774	0,001131939	0,003440861	8,60215E-08	-2,068945	-0,1281901	
7	294984	7648		30	0,017028042	0,001121488	0,003687193	2,30457E-06	-2,181828	1,112163	
8	44086	4715		25	0,05990564	0,004693306	0,015210076	3,80252E-07	-2,137457	-0,04163686	
9	274441	10589		77	0,02258409	0,002052667	0,005487234	1,37181E-07	-1,95326	0,110791	
10	392743	9267		73	0,01298559	0,001506314	0,003355655	8,38914E-08	-1,727384	0,1394849	
11	71887	2700		9	0,02222933	0,001469847	0,005341453	1,33536E-07	-2,2607090,006188597		
12	130462	2427		8	0,01034018	0,00076048	0,002645649	6,61412E-08	-2,215306	-1,161241	
13	62249	2188		0	0,000220716	0,004998723	1,24968E-07	-2,876558	4,600354		
14	73092	1604		10	0,0138182	0,001139327	0,004899427	7,80224E-08	-2,3947	-0,2451168	
15	212834	6368		49	0,01758178	0,001589493	0,004255085	1,06377E-07	-1,964725	0,7752503	
16	90067	1855		7	0,01259063	0,000773777	0,002929065	7,32266E-08	-2,275054	0,2493437	
17	88849				0,000221354	0,005013181	1,2533E-07	-2,878788	4,641036		
18	40357	997		8	0,01377704	0,001107074	0,003513353	8,78338E-08	-2,149759	0,7082373	
19	46240				0,000381463	0,008639291	2,15982E-07	-2,878193	4,630088		
20	156794	4348		31	0,01623149	0,001495459	0,003943784	9,85946E-08	-1,903977	0,09736154	
21	4805	138		1	0,01748179	0,001043826	0,004084508	1,02113E-07	-2,202651	0,6493236	
22	35953	1249		6	0,01278696	0,001522081	0,004940559	7,79986E-08	-2,142036	0,5302605	

n.sites- number of sites; n.bial.sites- number of biallelic sites; n.polyal.sites – number of polyallelic sites; D- divergence with chimpanzee.

Supplementary Table S1 (continued): East Asian population.

EAS: piRNA clusters											
Chromosome	n.sites	n. bial. sites	n.polyal.sites	D	Pi		Theta_Watterson	Mut.rate	Tajima's D	Fu&Li's D	
1	33232	894	6	0,01639986	0,000738	0,003590527	8,976E-08	-2,271597	-1,485906		
2	1265288	4481	21	0,00279699	8,2389E-05	0,000472681	1,236E-08	-2,516161	2,952871		
3	29868	898	5	0,01653944	0,0011218	0,00401894	1,005E-07	-2,097326	1,247515		
4	25481	840	8	0,01635931	0,00160534	0,004509635	9,494E-08	-2,00719	0,6763944		
5	30212	902	9	0,01410036	0,00259559	0,003984811	9,962E-08	-1,00317	0,4182791		
6	108725	2704	16	0,0118648	0,00106929	0,003319388	8,298E-08	-2,00716	-2,436538		
7	51255	1504	10	0,01603746	0,00131194	0,00391649	9,791E-08	-1,926256	-0,5245155		
8	15159	388	5	0,00732238	0,00196112	0,003416322	8,541E-08	-0,895974	-2,038344		
9	156031	4788	34	0,02296339	0,00076426	0,004095637	1,024E-07	-2,457756	1,218264		
10	35929	833	9	0,01230204	0,00069565	0,003094422	7,736E-08	-2,30429	-2,250435		
11	65513	1300	4	0,0096622	0,00088636	0,002648465	6,621E-08	-1,985441	-3,606954		
12	68776	1583	8	0,01011981	0,00115096	0,003072035	7,68E-08	-1,82957	-1,92981		
13	57878	1413	7	0,01192163	0,00126446	0,003258407	8,146E-08	-1,846429	-3,00057		
14	46559	1258	5	0,01709659	0,0007598	0,003606242	9,016E-08	-2,369065	-1,14454		
15	61270	1743	13	0,01506447	0,00111917	0,003796874	9,492E-08	-2,125633	-2,524773		
16	23507	501	1	0,01395329	0,0004372	0,002844574	7,111E-08	-2,526601	-0,6199222		
17	23613	847	3	0,0193114	0,00138065	0,004787549	1,197E-07	-2,104754	-1,481179		
18	40357	1101	9	0,01362837	0,00089788	0,003641207	9,103E-08	-2,258925	-2,250869		
19	48207	1179	8	0,01151285	0,00110425	0,00326424	8,161E-08	-1,976278	-1,618836		
20	15795	369	1	0,01038303	0,00159309	0,00311807	7,795E-08	-1,431826	-3,964171		
21	20102	544	7	0,01402845	0,00072161	0,003611918	9,03E-08	-2,377297	-2,234042		
22	16387	471	2	0,01842924	0,00092072	0,003836191	9,59E-08	-2,2603	-0,2387972		
EAS: Nearest intergenic regions											
Chromosome	n.sites	n. bial. sites	n.polyal.sites	D	Pi		Theta_Watterson	Mut.rate	Tajima's D	Fu&Li's D	
1	144870	7812	38	0,02970939	0,001939633	0,007197	1,7993E-07	-2,193088	-1,796179		
2	117983	4087	24	0,01953671	0,001172095	0,00462342	1,15586E-07	-2,243174	-1,690815		
3	152897	3542	14	0,01387208	0,002774782	0,015828033	7,72991E-08	-2,449117	-1,335492		
4	87696	1787	13	0,0105478	0,001021392	0,002719735	6,79934E-08	-1,836341	-1,807387		
5	28902	814	5	0,01422047	0,001314874	0,003596071	9,39767E-08	-1,839278	-0,9119534		
6	200831	5254	28	0,01297111	0,000960015	0,003491724	8,72931E-08	-2,157754	-2,492248		
7	294984	7949	35	0,01692973	0,001041684	0,003596598	2,24794E-06	-2,143884	-0,6818702		
8	44086	5067	23	0,05976954	0,004112319	0,01534019	3,83505E-07	-2,181091	-2,315754		
9	274441	11219	93	0,02240919	0,001763147	0,00545612	1,36403E-07	-2,030510	-1,670662		
10	392743	9974	68	0,01286592	0,001475138	0,003389527	8,47382E-08	-1,697366	-2,073229		
11	71887	2968	14	0,0219233	0,001247064	0,005510501	1,37763E-07	-2,323547	-2,381117		
12	130462	2578	7	0,01030952	0,00064945	0,002637407	6,59352E-08	-2,258283	-2,88602		
13	62249	2188	0	0,000139342	0,004691282	1,17282E-07	-2,855213	4,994059			
14	73092	1702	13	0,01376348	0,001003769	0,004879022	7,76974E-08	-2,388742	-1,882409		
15	212834	6692	48	0,01755359	0,001336979	0,004196553	1,04914E-07	-2,053578	-1,058557		
16	90067	2017	8	0,01263504	0,000552339	0,002988967	7,47242E-08	-2,430781	-1,750772		
17	88849				0,000139745	0,00470485	1,17621E-07	-2,857578	5,050377		
18	40357	1101	9	0,01362837	0,000897876	0,003641207	9,10302E-08	-2,258925	-2,250869		
19	46240				0,000240825	0,008107939	2,02699E-07	-2,856947	5,035182		
20	156794	4607	27	0,01623787	0,001334327	0,003921668	9,80417E-08	-1,948632	-1,080927		
21	4805	140	2	0,01748179	0,000768609	3,89E-03	9,72199E-08	-2,302551	-1,138375		
22	35953	1368	8	0,01257619	0,00160086	0,00507845	8,01756E-08	-2,032615	-2,463785		

n.sites- number of sites; n.bial.sites- number of biallelic sites; n.polyal.sites – number of polyallelic sites; D- divergence with chimpanzee.

Supplementary Table S1 (continued): European population.

EUR: PiRNA clusters											
Chromosome	n.sites	n. bial. sites	n.polyal.sites	D	Pi	Theta_Watterson	Mut.rate	Tajima's D	Fu&Li's D		
1	33232	807	3	0,01636976	0,00093853	0,003253349	8,133E-08	-2,149493	0,6891742		
2	1265288	4304	12	0,00281201	8,3571E-05	0,000455723	1,139E-08	-2,464327	3,289583		
3	29868	809	2	0,01700817	0,0009063	0,003628911	9,072E-08	-2,11517	1,783962		
4	25481	762	8	0,0165576	0,0014912	0,004006389	8,435E-08	-1,89217	1,149374		
5	30212	839	11	0,01423276	0,00266801	0,003720489	9,301E-08	-0,811542	0,1582032		
6	108725	2704	16	0,0118648	0,00106929	0,003319388	8,298E-08	-2,00716	-2,436538		
7	51255	1336	13	0,01623256	0,00116874	0,003492131	8,73E-08	-1,956859	0,3284298		
8	15159	319	3	0,00752029	0,00180402	0,002819392	7,048E-08	-0,664154	-0,5938643		
9	156031	4480	28	0,0231172		0,003846641	9,617E-08	-2,421533	2,593131		
10	35929	698	7	0,01274736	0,00060979	0,002602711	6,507E-08	-2,292146	-0,1114871		
11	65513	1159	3	0,00976905	0,00082544	0,002370123	5,925E-08	-1,956512	-1,692223		
12	68776	1391	5	0,01035245	0,00119263	0,002709627	6,774E-08	-1,635189	-1,339523		
13	57878	1209	7	0,01230174	0,00100468	0,002798505	6,996E-08	-1,884479	-0,4779837		
14	46559	1132	3	0,01724693	0,000753	0,003257297	8,143E-08	-2,319826	0,7425184		
15	61270	1610	18	0,01526032	0,00124906	0,003520395	8,801E-08	-1,95701	-1,033397		
16	23507	473	2	0,01378313	0,00048128	0,002695739	6,739E-08	-2,459677	-0,9727986		
17	23613	746	2	0,0193961	0,00105631	0,004232577	1,058E-07	-2,236384	0,8508795		
18	40357	978	5	0,0141735	0,0011188	0,003246636	8,117E-08	-1,981518	-1,42155		
19	48207	1068	8	0,01157508	0,00115473	0,002968083	7,42E-08	-1,833149	-1,557343		
20	15795	312	4	0,01031972	0,00116234	0,002646375	6,616E-08	-1,645637	-0,4324159		
21	20102	452	3	0,01452592	0,00061923	0,003012418	7,531E-08	-2,365544	-0,3533711		
22	16387	432	1	0,01842924	0,00105388	0,003531835	8,83E-08	-2,091361	1,735472		
EUR: Nearest intergenic regions											
Chromosome	n.sites	n. bial. sites	n.polyal.sites	D	Pi	Theta_Watterson	Mut.rate	Tajima's D	Fu&Li's D		
1	144870	7091	34	0,03001312	0,00205885	0,007197177	1,6394E-07	-2,193088	-1,796179		
2	117983	3706	15	0,01974861	0,001132045	0,004208249	1,05206E-07	-2,203879	-0,3529495		
3	152897	3315	11	0,01393749	0,002602108	0,014869569	7,26182E-08	-2,461534	-0,8383723		
4	87696	1634	3	0,01076446	0,001066273	0,002496266	6,24066E-08	-1,688004	-0,0602018		
5	28902	729	7	0,01422047	0,001485188	0,003232718	8,4481E-08	-1,565306	0,1225714		
6	200831	4650	24	0,01309559	0,000965775	0,003101983	7,75496E-08	-2,059374	-0,1959189		
7	294984	7388	30	0,0170755	0,001121488	0,003687193	2,30457E-06	-2,181828	1,112163		
8	44086	4485	22	0,06015515	0,003965152	0,013629467	3,40737E-07	-2,123964	-0,6704736		
9	274441	10102	61	0,02269705	0,001804406	0,004931442	1,23286E-07	-1,913851	0,227815		
10	392743	8946	56	0,01306198	0,001366545	0,003051655	7,62914E-08	-1,670877	-0,0288391		
11	71887	2598	12	0,02222933	0,001436986	0,004841759	1,21044E-07	-2,125605	-0,9822048		
12	130462	2191	10	0,01042449	0,000627611	0,002499494	5,62487E-08	-2,177107	-0,9753868		
13	62249	2188	0		0,000143319	0,004708996	1,17725E-07	-2,856764	4,792706		
14	73092	1481	7	0,01395502	0,000958677	0,004261524	6,78639E-08	-2,344093	0,0995998		
15	212834	6117	50	0,01771334	0,001365451	0,003850456	9,62614E-08	-1,956084	0,6410226		
16	90067	1815	6	0,01263504	0,000694185	0,002699781	6,74945E-08	-2,221293	-0,2419189		
17	88849				0,000143734	0,004722615	1,18065E-07	-2,859122	5,025387		
18	40357	978	5	0,0141735	0,001118804	0,003246636	8,11659E-08	-1,981518	-1,42155		
19	46240				0,000247699	0,008138555	2,03464E-07	-2,858493	5,010481		
20	156794	4101	23	0,01637818	0,001367068	0,003504118	8,7603E-08	-1,810971	0,1937301		
21	4805	131	1	0,01789802	0,000740928	0,003652547	9,13137E-08	-2,28839	-0,0233376		
22	35953	1184	3	0,01298017	0,001514268	0,004411971	6,96536E-08	-1,967423	-0,2831903		

n.sites- number of sites; n.bial.sites- number of biallelic sites; n.polyal.sites – number of polyallelic sites; D- divergence with chimpanzee.

Supplementary Table S1 (continued): South Asian population.

SAS: PiRNA clusters									
Chromosome	n.sites	n. bial. sites	n.polyal.sites	D	Pi	Theta_Watterson	Mut.rate	Tajima's D	Fu&Li's D
1	33232	817	3	0,01652022	0,00090388	0,003388111	8,47E-08	-2,247789	0,4185978
2	1265288	4337	13	0,00281359	8,4538E-05	0,000472387	1,181E-08	-2,517058	3,072325
3	29868	810	2	0,01690773	0,00099542	0,003737619	9,344E-08	-2,100329	1,842542
4	25481	779	6	0,01642541	0,00132059	0,004213222	8,87E-08	-2,09794	0,08529676
5	30212	883	9	0,01436515	0,00279035	0,004027893	1,007E-07	-0,898563	-0,5660184
6	108725	2386	9	0,01211313	0,00124938	0,003024385	7,561E-08	-1,776607	-0,6756405
7	51255	1402	14	0,01615452	0,00118136	0,003769767	9,424E-08	-2,038178	0,3645972
8	15159	343	4	0,00738835	0,00191585	0,003118473	7,796E-08	-0,787003	-1,348543
9	156031	4541	21	0,02320052	0,00083861	0,004010829	1,003E-07	-2,438974	2,302225
10	35929	729	5	0,01291436	0,00071145	0,002796257	6,991E-08	-2,263714	-0,2095595
11	65513	1171	6	0,00969273	0,00087979	0,002463329	6,158E-08	-1,963309	-0,9113275
12	68776	1388	7	0,01071595	0,00125154	0,002781321	6,953E-08	-1,638136	-0,3434885
13	57878	1297	5	0,01233629	0,00121096	0,003088289	7,721E-08	-1,805593	0,6625086
14	46559	1161	3	0,01713954	0,00087936	0,003436543	8,591E-08	-2,279995	0,9519785
15	61270	1563	19	0,01542354	0,00134101	0,003515628	8,789E-08	-1,909211	-0,1754253
16	23507	477	3	0,01386821	0,00050687	0,002796489	6,991E-08	-2,490161	-0,9459209
17	23613	747	2	0,01948079	0,0013041	0,004359793	1,09E-07	-2,120189	0,3008311
18	40357	917	7	0,0141735	0,00110694	0,003131439	7,829E-08	-2,006306	-0,1723165
19	48207	1056	7	0,01194847	0,0011825	0,003018889	7,547E-08	-1,85827	-0,6466035
20	15795	310	2	0,01038303	0,00129456	0,002704812	6,762E-08	-1,559928	-0,4098826
21	20102	477	7	0,01462541	0,00071572	0,003270187	8,175E-08	-2,36557	-0,4696621
22	16387	450	1	0,01842924	0,00119288	0,003784478	9,461E-08	-2,086392	1,007386
SAS: Nearest intergenic regions									
Chromosome	n.sites	n. bial. sites	n.polyal.sites	D	Pi	Theta_Watterso	Mut.rate	Tajima's D	Fu&Li's D
1	144870	7033	31	0,03006834	0,002158548	0,006690462	1,6726E-07	-2,077817	-0,1528673
2	117983	3717	16	0,01983337	0,001211725	0,004341774	1,0854E-07	-2,208003	-0,0777381
3	152897	3240	12	0,0141991	0,003023443	0,01494996	7,3011E-08	-2,413637	-0,1149855
4	87696	1629	6	0,01082147	0,001019543	0,002559995	6,4E-08	-1,808906	-0,5460574
5	28902	750	6	0,01411667	0,001528992	0,003421237	8,9408E-08	-1,614821	0,6853168
6	200831	4679	21	0,013314678	0,001034856	0,003210838	8,0271E-08	-2,05947	-0,4181129
7	294984	7445	31	0,016987362	0,001018384	0,003478239	2,174E-06	-2,177704	0,962023
8	44086	4565	24	0,06054076	0,004424239	0,014270417	3,5676E-07	-2,095344	-0,6066497
9	274441	10335	58	0,02276263	0,001902994	0,005189866	1,2975E-07	-1,939373	0,1121552
10	392743	9068	64	0,0130136	0,001508178	0,003181974	7,9549E-08	-1,618756	0,5529422
11	71887	2544	12	0,02229889	0,001262821	0,004877075	1,2193E-07	-2,274451	0,2771405
12	130462	2343	4	0,0104015	0,000783617	0,002475036	6,1876E-08	-2,091247	-0,9753868
13	62249	2188	0		0,000176407	0,004844026	1,211E-07	-2,867332	4,792706
14	73092	1582	8	0,01392765	0,001068721	0,004682682	7,4571E-08	-2,366283	-1,182069
15	212834	6115	48	0,01775092	0,001440353	0,003959574	9,8989E-08	-1,961012	0,4390709
16	90067	1834	10	0,01270166	0,000723802	0,002806273	7,0157E-08	-2,255839	-0,3119375
17	88849				0,000176917	0,004858037	1,2145E-07	-2,86963	4,840543
18	40357	917	7	0,0141735	0,001106941	0,003131439	7,8286E-08	-2,006306	-0,1723165
19	46240				0,000304884	0,008371927	2,093E-07	-2,869017	4,827654
20	156794	4165	23	0,01639093	0,001514388	0,003660866	9,1522E-08	-1,764199	0,1636745
21	4805	142	1	0,01789802	0,001051627	0,004072789	1,0182E-07	-2,165469	-0,201504
22	35953	1223	4	0,01294504	0,001566719	0,004687995	7,4011E-08	-2,020402	-0,0031722

n.sites- number of sites; n.bial.sites- number of biallelic sites; n.polyal.sites – number of polyallelic sites; D- divergence with chimpanzee.

Supplementary Table S2: Population genetic parameters of piRNA clusters overall and for each population.

Nº	Chromosome	Cluster	Start	End	n.sites	n. bial. sites	D	Pi	Theta	Watterson	Mutrate	Tajima's D	Fu&Li's D
1	1	1	6675490	6687718	833	33	0,0120048	0,000676	0,004404571	1,101E-07	-1,965583	-3,888085	
2	1	2	10434145	10443830	2157	70	0,0097357	0,001424	0,003608134	9,02E-08	-1,53516	-2,162955	
3	1	3	20230789	20241453	2015	74	0,0074442	0,000356	0,004083113	1,021E-07	-2,325267	-6,322157	
4	1	4	27647875	27656513	761	19	0,0078844	2,5E-05	0,002775899	6,94E-08	-2,078835	-2,767778	
5	1	5	27728548	27736940	2182	77	0,0096242	0,000356	0,003923473	9,809E-08	-2,323747	-6,066425	
6	1	6	28293521	28302527	2248	75	0,0080071	0,000552	0,003709366	9,273E-08	-2,170713	-7,57193	
7	1	7	110036254	110044254	420	8	0,002381	0,000322	0,002117754	5,294E-08	-1,408432	-2,35063	
8	1	8	179551149	179562980	6190	209	0,014378	0,000692	0,003753966	9,385E-08	-2,197567	-4,151848	
9	1	9	222640351	222655359	7434	491	0,031477	0,001222	0,007343347	1,836E-07	-2,291606	-4,192633	
10	1	10	229796748	229805740	8992	339	0,010676	0,001105	0,004191586	1,048E-07	-2,00742	-8,701244	
11	2	1	90498900	91730960	1226918	3935	0,0022349	4,14E-05	0,000356586	8,915E-09	-2,459007	-0,0161	
12	2	2	95419856	95459749	2519	82	0,0011909	0,000555	0,003619272	9,048E-08	-2,155251	-9,143585	
13	2	3	95521847	95541715	8893	304	0,004273	0,000734	0,003800675	9,502E-08	-2,17834	-12,99701	
14	2	4	121973698	121982558	465	14	0,0129032	0,000288	0,003347417	8,369E-08	-1,784173	-2,857374	
15	2	5	130792797	130835551	22899	1389	0,0284729	0,001650	0,006744114	1,686E-07	-1,926788	-0,649033	
16	2	6	237030675	237041380	936	46	0,0181624	0,001086	0,005464076	1,366E-07	-1,946353	-1,275013	
17	2	7	239352995	239363666	2658	131	0,0214447	0,000759	0,005479628	1,37E-07	-2,277382	-3,432323	
18	3	1	12888513	12921417	1471	57	0,0040789	0,000715	0,00403821	1,077E-07	-2,074721	-3,78372	
19	3	2	49758613	49768420	343	25	0,0174927	0,0043832	0,008103647	2,026E-07	-1,017419	-4,445916	
20	3	3	124462898	124469870	1750	44	0,0005714	0,0015149	0,002795566	6,989E-08	10,594261	0,49949	
21	3	4	128551846	128584836	25037	1215	0,0172545	0,0009867	0,005395541	1,349E-07	-2,059517	-4,266714	
22	3	5	181717081	181729733	1267	66	0,0189424	0,002479	0,00579165	1,448E-07	-1,976485	-5,365116	
23	4	1	41981218	41989614	3619	182	0,0086946	0,001256	0,005591384	6,025E-08	-2,023977	-3,374653	
24	4	2	119547188	119563146	5265	278	0,0239316	0,000579	0,005870585	1,468E-07	-2,455731	-3,231309	
25	4	3	120323190	120336158	5932	446	0,023938	0,003856	0,008359275	2,09E-07	-1,474399	-4,229005	
26	4	4	152584172	152591018	3592	121	0,0089087	0,000507	0,003745276	9,363E-08	-2,276719	-7,886668	
27	4	5	165928222	165938097	7073	262	0,0131486	0,000944	0,004118436	1,03E-07	-2,090642	-5,948038	
28	5	1	42998118	42997891	8773	8773	0,0102588	0,001034	0,004346911	1,087E-07	-2,080284	-7,215254	
29	5	2	178250015	178259870	9666	9666	0,0099317	0,00603	0,006107785	1,527E-07	0,1389102	-6,498257	
30	5	3	179503105	179510993	4548	4548	0,0156113	0,000526	0,004718149	1,18E-07	-2,3877655	-4,895856	
31	5	4	180104021	180120384	7225	7225	0,0206228	0,001239	0,00686328	1,716E-07	-2,254549	-5,680868	
32	6	1	4185730	41942463	6187	311	0,0140617	0,001727	0,005588754	1,397E-07	-1,882026	-6,776787	
33	6	2	25723034	25734245	9794	426	0,0116398	0,001524	0,004847366	1,209E-07	-1,723899	-5,645918	
34	6	3	26103393	26113254	8710	333	0,0111366	0,001301	0,004250704	1,063E-07	-1,897338	-8,550292	
35	6	4	26153437	26161250	4184	209	0,0112333	0,0004	0,005500645	1,388E-07	-2,500974	-10,128054	
36	6	5	26212797	26220651	6707	251	0,0087968	0,000785	0,004160865	1,04E-07	-2,093443	-7,079161	
37	6	6	26231685	26239237	6754	251	0,0069588	0,000579	0,00413188	1,033E-07	-2,32656	-11,905378	
38	6	7	34245126	34257679	2330	277	0,0050381	0,004515	0,013217781	1,048E-07	-1,788366	-9,920465	
39	6	8	36451822	36460692	1772	91	0,0094421	0,000625	0,005709688	1,086E-07	-2,304457	-7,708729	
40	6	9	39068783	39093690	13776	49	0,0112867	4,05E-05	0,000395465	7,686E-08	-2,194597	-4,169282	
41	6	10	39094797	39108646	13835	577	0,0139373	0,001287	0,004636945	1,164E-07	-1,975595	-6,808594	
42	6	11	40343104	40351746	4120	598	0,011348	0,006563	0,016137685	1,201E-07	-1,485368	-6,035368	
43	6	12	42689739	42699763	8973	140	0,0089806	0,000489	0,001734703	9,445E-08	-1,904975	-8,759263	
44	6	13	42842946	42858545	4750	378	0,0183885	0,001158	0,008847779	1,171E-07	-2,360231	-4,865083	
45	6	14	107383411	107395081	2975	192	0,0126316	0,00114	0,00717546	1,124E-07	-2,247955	-5,775555	
46	6	15	133133066	133141657	5468	107	0,010084	0,00037	0,002195988	9,997E-08	-2,174984	-2,681087	
47	6	16	159049067	159058050	1046	241	0,0076811	0,008431	0,025616521	1,225E-07	-1,816544	-8,304028	
48	6	17	29493892	29505708	7344	67	0,0305927	0,000171	0,001014324	1,78E-07	-2,099147	-3,408337	
49	7	1	6198867	6207568	212	8	0	0,001332	0,00419555	1,049E-07	-1,133543	-3,464386	
50	7	2	6617659	6633659	643	24	0,0062208	0,002224	0,004149875	1,037E-07	-1,020651	-2,096487	
51	7	3	27493034	27502607	7684	279	0,0115825	0,000922	0,004036934	1,009E-07	-2,101826	-5,875099	
52	7	4	35732666	35739378	355	19	0,0140845	0,002799	0,005950589	1,488E-07	-1,110884	-2,767778	
53	7	5	56870712	56905707	3383	155	0	0,001291	0,005094079	1,274E-07	-1,942551	-9,264804	
54	7	6	63200389	63215405	15016	915	0,0234417	0,001769	0,006774883	1,694E-07	-2,043888	-4,456505	
55	7	7	64293379	64300618	4957	399	0,0296555	0,00253	0,008949527	2,237E-07	-1,07238	0,885162	
56	7	8	66362919	66374773	8414	257	0,007131	0,000362	0,003395982	8,49E-08	-2,426015	-10,242589	
57	7	9	74437156	74447091	2423	16	0,0066034	5,84E-06	0,000734178	1,835E-08	-2,001325	1,385740	
58	7	10	102908736	102923212	2355	82	0,0101911	0,000162	0,003871307	9,678E-08	-2,46088	-3,766673	
59	7	11	117852321	117869066	2402	95	0,0120959	0,001226	0,004397292	1,099E-07	-1,871299	-6,221158	
60	7	12	148943506	148956111	3411	160	0,0196423	0,000779	0,005215224	1,304E-07	-2,269521	-4,43291	
61	8	1	156150	165015	7036	361	0	0,001611	0,005704584	1,426E-07	-1,48793	-7,551799	
62	8	2	28605622	28614366	1250	51	0,0096	0,001679	0,004536228	1,134E-07	-1,5485444	-3,473766	
63	8	3	28904563	28924544	2263	100	0,0097216	0,00064	0,004913038	1,228E-07	-2,2643854	-7,280210	
64	8	4	142215114	142224752	2151	113	0,0199907	0,00189	0,005840867	1,46E-07	-1,5331901	-3,351775	
65	8	5	143736415	143749404	2459	125	0,0109801	0,004123	0,005651797	1,413E-07	-0,6880265	-7,998044	
66	9	1	26640003	26644650	22749	842	0,0090114	0,000983	0,004115142	1,029E-07	-2,099031	-10,07855	
67	9	2	33572015	33582959	5946	221	0,008577	0,002	0,004132398	1,033E-07	-1,262101	-6,162416	
68	9	3	37435083	37445725	1123	42	0,004452	0,000289	0,004158189	1,04E-07	-2,23478	-5,730434	
69	9	4	44017295	44031054	12695	7	0,000000	0,000103	6,13064E-05	1,533E-09	1,902134	0,786444	
70	9	5	67290040	67306943	8311	98	0,000000	0,000109	0,000131016	3,278E-08	-2,372021	-8,542507	
71	9	6	69446439	69483196	34511	2007	0,042711	0,000486	0,00646584	1,616E-07	-2,580093	0,016536	
72	9	7	82495927	82518848	14249	520	0,010808	0,000947	0,004057459	1,014E-07	-2,100191	-10,07373	
73	9	8	82522045	82532928	8416	314	0,010219	0,000635	0,004148191	1,037E-07	-2,311979	-9,076469	
74	9	9	84523917	84548943	12530	1022	0,071						

Supplementary Table S2 (continued).

Nº	Chromosome	Cluster	Start	End	n.sites	n. bial. sites	D	Pi	Theta_Watterson	Mut-rate	Tajima's D	Fu&Li's D
82	10	1	29074929	29088891	3188	133	0,01223338	0,000280352	0,004638398	1,1596E-07	-2,485757	-6,40851
83	10	2	45489591	45499469	1807	75	0,01715551	0,000453529	0,00461464	1,1537E-07	-2,299713	-3,56232
84	10	3	51765930	51773243	2984	52	0	0,000831639	0,0019375	4,8438E-08	-1,250794	-4,80969
85	10	4	59862000	59868949	6493	259	0,008470661	0,000556724	0,004434954	1,1087E-07	-2,375756	-7,73941
86	10	5	72179774	72190667	1662	72	0,01022864	0,00052812	0,004816551	1,2041E-07	-2,263088	-5,81605
87	10	6	85319031	85327160	8129	258	0,00811908	0,000889209	0,003528732	8,8218E-08	-1,982301	-7,47088
88	10	7	91564793	91580773	3949	125	0,006077488	0,001669246	0,00351931	8,7983E-08	-1,386437	-8,5978
89	10	8	94174861	94184786	7717	363	0,02488013	0,000370169	0,005229904	1,3075E-07	-2,540933	-4,76616
90	11	1	17392631	17403471	3308	108	0,007255139	0,000958504	0,003629888	9,0747E-08	-1,923392	-5,96461
91	11	2	45671555	45757548	56680	2002	0,008715596	0,000893549	0,003927077	9,8177E-08	-2,13633	-12,3259
92	11	3	73110077	73119689	1455	35	0,005498282	0,000296918	0,002674482	6,6862E-08	-2,082387	-5,19241
93	11	4	122924715	122934526	4070	267	0,01990172	0,001460545	0,007293761	1,8234E-07	-2,170173	-6,96397
94	12	1	9462671	9525135	50358	2084	0,01038564	0,001478073	0,00460114	1,1503E-07	-1,824532	-8,63041
95	12	2	9544701	9557062	738	19	0,004065041	0,000604484	0,002862411	7,156E-08	-1,654708	-2,05582
96	12	3	54621785	54637501	2939	91	0,006464784	0,000510461	0,00344252	8,6063E-08	-2,203851	-8,3044
97	12	4	58210790	58222803	1223	47	0,009811938	0,001326329	0,004272737	1,0682E-07	-1,679405	-5,57705
98	12	5	58320819	58333655	8189	259	0,007815362	0,001123865	0,003516454	8,7911E-08	-1,791324	-7,39261
99	12	6	100545969	100570873	4166	152	0,00600096	0,000354727	0,004056591	1,0141E-07	-2,394132	-9,02633
100	12	7	121132912	121140830	1163	41	0,01203783	0,001184202	0,003919574	9,7989E-08	-1,670981	-3,03378
101	13	1	31905163	31955148	47948	1981	0,01032368	0,001243514	0,004593553	1,1484E-07	-2,02467	-9,80136
102	13	2	114924574	114934504	9930	474	0,016213	0,001290988	0,00530718	1,3268E-07	-2,079614	-7,80074
103	14	1	19581332	19605056	14978	569	0,02517025	0,000489753	0,004223711	1,0559E-07	-2,430499	-1,69741
104	14	2	61578302	61587727	9425	415	0,0127321	0,001091709	0,004895549	1,2239E-07	-2,128094	-8,57831
105	14	3	71187038	71198306	2205	83	0,01405896	0,000840488	0,004185084	1,0463E-07	-2,0543	-3,70464
106	14	4	88594365	88638180	19951	814	0,01293168	0,000804789	0,004536224	1,1341E-07	-2,277393	-7,94283
107	15	1	24223168	24254145	5563	250	0,01294266	0,0030933	0,002085053	1,2491E-07	1,370795	0,900605
108	15	2	24269210	24279095	9885	435	0,01031866	0,001130805	0,002578603	1,2232E-07	-1,644584	-3,706
109	15	3	43029219	43039793	1608	59	0,008706468	0,000564052	0,001692032	1,0199E-07	-1,59891	-0,78588
110	15	4	62496215	62573211	30505	1402	0,01656366	0,000910242	0,001943437	1,2775E-07	-1,579811	-2,14858
111	15	5	79022376	79033249	5412	305	0,01552106	0,001969259	0,003042855	1,5665E-07	-1,018676	-1,27335
112	15	6	89736386	89749195	3598	137	0,00639244	0,001080504	0,002109385	1,0584E-07	-1,340315	-2,12872
113	15	7	91825325	91849238	4699	328	0,03277293	0,001654945	0,002895072	1,9402E-07	-1,150797	-1,14629
114	16	1	23677355	23690204	201	6	0,0199005	2,19905E-05	0,003318867	8,2972E-08	-1,496599	-1,71895
115	16	2	28381362	28391348	9538	271	0,01383938	0,000474928	0,003158983	7,8975E-08	-2,305736	-3,95376
116	16	3	31083339	31095335	102	3	0,009803922	2,16671E-05	0,003270061	8,1752E-08	-1,45266	-1,22058
117	16	4	66647926	66658617	727	13	0,008253095	6,35398E-05	0,001988125	4,9703E-08	-1,853767	-1,349
118	16	5	68530944	68543883	12939	511	0,01337043	0,000553864	0,004390914	1,0977E-07	-2,401023	-10,203
119	17	1	7231762	7239463	1790	67	0,00726257	0,001967398	0,001839992	1,0404E-07	0,17171137	-0,940344
120	17	2	18216209	18232206	303	25	0,04620462	1,08922E-05	0,000472605	2,2934E-07	-0,84539468	-2,446072
121	17	3	26586053	26605774	5396	266	0,01334322	0,000605984	0,00191074	1,3702E-07	-1,92120321	-4,255526
122	17	4	34229674	34248832	1668	220	0,01918465	0,005061055	0,005837865	3,6661E-07	-0,3728986	0,489798
123	17	5	36552280	36562782	936	27	0,004273504	0,001299483	0,002141871	8,018E-08	-0,63534955	-1,806475
124	17	6	66117204	66135103	4714	186	0,009970901	0,001510368	0,00191378	1,0967E-07	-0,58743605	-1,180066
125	17	7	73056106	73063992	2008	149	0,04930279	0,000547158	0,00128366	2,0625E-07	-0,07989761	-1,823942
126	17	8	74553469	74562102	114	7	0,01754386	8,65637E-05	0,001256135	1,7067E-07	-0,8057054	0,408819
127	17	9	76985085	76993110	2714	389	0,00560059	0,001201137	0,002268818	3,984E-07	-1,26762918	0,059740
128	17	10	79473027	79483935	3970	271	0,029219	0,001694763	0,002669208	1,8974E-07	-0,31186256	-2,460790
129	18	1	11633196	11698981	40357	1789	0,01308323	0,001143721	0,004928632	1,2322E-07	-2,138492	-9,78603
130	19	1	16120965	16155153	11564	535	0,01288481	0,001546971	0,00514377	1,2859E-07	-1,879977	-6,173911
131	19	2	19848827	19869819	16805	737	0,0107706	0,001276867	0,004876003	1,219E-07	-2,032984	-9,002394
132	19	3	22928738	22935512	6247	295	0,01392668	0,001304088	0,005250314	1,3126E-07	-2,044562	-5,917344
133	19	4	35374879	35387799	7293	224	0,00740436	0,000951551	0,003414888	8,5372E-08	-1,947804	-8,843719
134	19	5	35391755	35403584	6298	198	0,00841537	0,000887723	0,003495403	8,7385E-08	-2,006437	-6,342504
135	20	1	5171677	5179628	1095	44	0,010046	0,000658963	0,004467625	1,1169E-07	-1,95333	-4,92626
136	20	2	5473972	5486585	5154	157	0,010865	0,001786155	0,003386803	8,467E-08	-1,259893	-4,55876
137	20	3	31436063	31444827	2364	80	0,0093906	0,000790298	0,003762506	9,4063E-08	-2,024963	-4,85873
138	20	4	47154559	47162369	7182	336	0,00877193	0,001623456	0,005201505	1,3004E-07	-1,862973	-10,4202
139	21	1	45886885	45920909	20102	891	0,01333201	0,000801857	0,004928031	1,2322E-07	-2,315056	-9,24124
140	22	1	18208834	18217791	3283	127	0,01248858	0,000782863	0,004300981	1,0752E-07	-2,1590871	-7,48818
141	22	2	21040679	21049277	3538	21	0,00861244	0,00040635	0,00659927	1,6498E-08	-0,8232032	0,901542
142	22	3	31671114	31689434	1507	274	0,05002826	0,003051907	0,020215043	5,0538E-07	-2,2558811	0,108626
143	22	4	39078331	39087131	122	50	0,00862641	0,008700187	0,045566417	1,1392E-06	-1,984496	-3,98126
144	22	5	50272669	50290618	6892	3	0,008196721	5,12932E-07	4,83961E-05	1,2099E-09	-1,1406856	0,610874
145	22	6	18832651	18840619	1045	235	0,00754498	0,007475811	0,025002664	6,2507E-07	-1,8955506	-8,51731

n.sites- number of sites; n.bial.sites- number of biallelic sites; n.polyal.sites – number of polyallelitic sites; D- divergence with chimpanzee.

Supplementary Table S2 (continued): African population.

Nº	Chromosome	Cluster	Start	End	n.sites	n. bial. sites	D	Pi	Theta_Watterson	Mut.rate	Tajima's D	Fu&Li's D
1	1	1	6675490	6687718	833	20	0,0132053	0,001070666	0,003146942	7,86735E-08	-1,5223241	0,39237
2	1	2	10434145	10443830	2157	55	0,0097357	0,001345147	0,003342075	8,35519E-08	-1,5839893	-0,278595
3	1	3	20230789	20241453	2015	45	0,0074442	0,00088667	0,002927124	7,31781E-08	-1,8115122	-2,028559
4	1	4	27647875	27656513	761	12	0,0078844	7,25618E-05	0,002066809	5,16702E-08	-1,9881124	-0,35514
5	1	5	27728548	27736940	2182	41	0,0109991	0,000538618	0,002462821	6,15705E-08	-2,0094169	-0,683293
6	1	6	28293521	28302527	2248	41	0,0080071	0,000698576	0,002390514	5,97628E-08	-1,820309	-1,103491
7	1	7	110036254	110044254	420	4	0,002381	0,00078334	0,001248287	3,12072E-08	-0,5409482	0,7706368
8	1	8	179551149	179562980	6190	158	0,0147011	0,000878797	0,00334557	8,36393E-08	-2,0827263	0,6453645
9	1	9	222640351	222655359	7434	397	0,0326877	0,001640559	0,006995954	1,7499E-07	-2,2529832	0,2886069
10	1	10	229796748	229805740	8992	208	0,0110098	0,001184765	0,003031881	7,5797E-08	-1,7603508	-0,161564
11	2	1	90498900	91730960	1226918	3383	0,0022357	6,56654E-05	0,000361405	9,03512E-09	-2,441043	2,9849696
12	2	2	95419856	95459749	2519	44	0,0015879	0,001016334	0,002289458	5,72365E-08	-1,391233	-5,589752
13	2	3	95521847	95541715	8893	137	0,0046104	0,000780384	0,002019204	5,04801E-08	-1,696533	-5,538195
14	2	4	121973698	121982558	465	9	0,0129032	0,000250833	0,002536841	6,3421E-08	-1,717426	0,1737648
15	2	5	130792797	130835551	22899	1131	0,0289969	0,002232387	0,006473885	1,61847E-07	-1,782766	2,2297634
16	2	6	237030675	237041380	936	36	0,0181624	0,001421317	0,005041158	1,26029E-07	-1,817843	-0,12763
17	2	7	239352959	239363666	2658	91	0,0214447	0,000860595	0,004487352	1,12184E-07	-2,224551	0,2368693
18	3	1	12888513	12921417	1471	40	0,0040789	0,001437887	0,003564109	8,91027E-08	-1,5298883	-1,175541
19	3	2	49758613	49768420	343	14	0,0174927	0,004373641	0,005349802	1,33745E-07	-0,3903473	-0,892272
20	3	3	124462898	124469870	1750	25	0,0005714	0,001530502	0,001872822	4,68205E-08	10,1286714	0,5478701
21	3	4	128551846	128584836	25037	848	0,0177737	0,001382476	0,004439546	1,10989E-07	-1,8061847	2,0055661
22	3	5	181717081	181729733	1267	46	0,0189424	0,001727297	0,004758686	1,18967E-07	-1,6764849	-0,437809
23	4	1	41981218	41989614	3619	131	0,0086946	0,00139909	0,004744505	5,11266E-08	-1,978839	0,696380
24	4	2	119547188	119563146	5265	210	0,0254511	0,000805846	0,005227879	1,30697E-07	-2,456961	1,171294
25	4	3	120323190	120336158	5932	339	0,0249494	0,004197161	0,007490372	1,87259E-07	-1,28905	0,185849
26	4	4	152584172	152591018	3592	73	0,0091871	0,000946206	0,00266373	6,65933E-08	-1,749197	-0,422239
27	4	5	165928222	165938097	7073	198	0,0137141	0,001152801	0,003669148	9,17287E-08	-1,951518	-0,448475
28	5	1	42989118	42997891	8773	230	0,0103727	0,000961	0,00343624	3,95543E-07	-2,0577466	-1,817207
29	5	2	178250015	178259870	9666	380	0,0103455	0,005501	0,005152856	1,28821E-07	0,4191387	-0,653238
30	5	3	179503105	179510993	4548	130	0,0164908	0,000850	0,003746508	9,36627E-08	-2,1670294	0,4080597
31	5	4	180104021	180120384	7225	319	0,0218685	0,001544	0,005787041	1,44676E-07	-2,1096755	-0,019072
32	6	1	4185730	4194263	6187	225	0,015678	0,001726756	0,004766571	1,19164E-07	-1,7259579	-1,402157
33	6	2	25723034	25734245	9794	256	0,0121503	0,001523757	0,003439456	8,56518E-08	-1,8286708	1,508759
34	6	3	26103393	26113254	8710	203	0,0111366	0,00130072	0,003054792	7,63698E-08	-1,6237843	-0,634201
35	6	4	26153437	26161250	4184	121	0,0131453	0,000399781	0,003727869	9,47634E-08	-2,4704506	-1,865885
36	6	5	26212797	26220651	6707	153	0,0092441	0,000785151	0,002990063	7,47516E-08	-1,8040562	-1,127668
37	6	6	26231685	26239237	6754	151	0,0075511	0,000579476	0,002930368	7,32592E-08	-2,1350728	-1,967076
38	6	7	34245126	34257679	2330	148	0,0053105	0,004514704	0,008325484	6,60348E-08	-0,7664121	-1,934186
39	6	8	36451822	36460692	1772	51	0,0094421	0,000624641	0,003772334	7,17229E-08	-1,9300258	-1,591322
40	6	9	39068783	39093690	13776	34	0,0112867	4,04638E-05	0,000323491	6,28727E-08	-2,1280543	0,155337
41	6	10	39094797	39108646	13835	411	0,0142276	0,001286911	0,003893748	9,77606E-08	-1,8857134	-0,32437
42	6	11	40343104	40351746	4120	416	0,0116372	0,006562676	0,013234553	9,85297E-08	-1,1485202	-0,945607
43	6	12	42689739	42699763	8973	93	0,0092233	0,000488732	0,001358467	7,39655E-08	-1,8678613	-3,476814
44	6	13	42842946	42858545	4750	264	0,0189457	0,001157555	0,007284802	9,64081E-08	-2,2868998	0,521307
45	6	14	107383411	107395081	2975	140	0,0128421	0,001139967	0,006168055	9,65788E-08	-1,9695334	-0,838429
46	6	15	133133066	133141657	5468	82	0,0110924	0,000370227	0,001989543	9,03172E-08	-1,9766637	-0,847021
47	6	16	159049067	159058050	1046	167	0,0084126	0,008403515	0,020926109	1,00076E-07	-1,1947146	-2,190589
48	6	17	29493892	29505708	7344	50	0,0305927	0,00017141	0,000892362	1,56633E-07	-1,8387937	0,2065721
49	7	1	6198867	6207568	212	6	0,002402333	0,003709532	9,27388E-08	-0,5915859	-1,448923	
50	7	2	6617659	6633659	643	14	0,0062208	0,002327739	0,002853782	7,13445E-08	-0,3943376	-1,658159
51	7	3	27493034	27502607	7684	191	0,0122332	0,001026023	0,003257994	8,14498E-08	-1,9833638	0,137523
52	7	4	35732666	35739378	355	14	0,0140845	0,002681371	0,005168962	1,29224E-07	-1,0295406	-0,126385
53	7	5	56870172	56905707	3383	84	0	0,001716791	0,003254537	8,13634E-08	-1,1587822	-2,537562
54	7	6	63200389	63215405	15016	690	0,0241076	0,001761044	0,006022813	1,5057E-07	-2,0930485	1,245050
55	7	7	64293379	64300618	4957	287	0,0302602	0,003028426	0,007589378	1,89735E-07	-1,0088976	2,868090
56	7	8	66362919	66374773	8414	155	0,0073687	0,000284514	0,002414535	6,03634E-08	-2,5200828	-3,157395
57	7	9	74437156	74447091	2423	16	0,0066034	2,28293E-05	0,00865506	2,16377E-08	-2,1465707	1,494999
58	7	10	102908736	102923212	2355	58	0,0101911	0,000458651	0,003228054	8,07014E-08	-2,2851531	-0,817232
59	7	11	117852321	117869066	2402	68	0,0133222	0,00133849	0,003710561	9,2764E-08	-1,7251321	-1,56949
60	7	12	148943506	148956111	3411	113	0,0202287	0,000693873	0,004342106	1,08553E-07	-2,3398775	-0,483002
61	8	1	156150	165015	7036	222	0	0,00160489	0,004135848	1,03396E-07	-1,154372	-3,474573
62	8	2	28614366	28614366	1250	38	0,00906	0,001729409	0,003984531	9,96133E-08	-1,4425206	-2,205348
63	8	3	28904563	28924544	2263	61	0,0101635	0,000676395	0,003533043	8,83261E-08	-2,1629963	-2,643989
64	8	4	142215114	142224752	2151	84	0,0209205	0,001834571	0,005118692	1,27967E-07	-1,5895577	0,053288
65	8	5	143736415	143749404	2459	79	0,0109801	0,003728317	0,004210874	1,05272E-07	-0,3126048	-1,862380
66	9	1	26620003	26644650	22749	531	0,0094047	0,001133211	0,003059405	7,64851E-08	-1,8473178	-0,941991
67	9	2	33572015	33582959	5946	157	0,0094181	0,00227546	0,00346082	8,65205E-08	-0,9888872	-0,447907
68	9	3	37435083	37445725	1123	25	0,0053428	0,000617855	0,002917857	7,29464E-08	-1,8922824	-0,961679
69	9	4	44017295	44031054	12695	6	0	0,00118441	6,1952E-05	1,5488E-09	2,706996	-2,168953
70	9	5	67290040	67306943	8311	53	0	0,00175367	0,000835853	2,08963E-08	-2,0594777	-5,278158
71	9	6	69446439	69483196	34511	1748	0,0432906	0,000712044	0,006638787	1,6597E-07	-2,6729152	3,292158</td

Supplementary Table S2 (continued): African population.

AFR												
Nº	Chromosome	Cluster	Start	End	n.sites	n. bial. sites D	Pi	Theta	Watterson	Mut.rate	Tajima's D	Fu&Li's D
82	10	1	29074929	29088891	3188	89	0,0131744	0,00057781	0,003659109	9,14777E-08	-2,3146834	-1,3828
83	10	2	45489591	45499469	1807	53	0,01715551	0,00027024	0,003844336	9,61084E-08	-2,4561631	-0,01919
84	10	3	51765930	51773243	2984	31	0	0,00101482	0,001361713	3,40428E-08	-0,1835007	-2,07746
85	10	4	59862000	59868949	6493	171	0,00877869	0,00117332	0,003451874	8,62969E-08	-1,8979832	-1,76678
86	10	5	72179774	72190667	1662	38	0,01083032	0,00033317	0,002996789	7,49197E-08	-2,2654005	-1,32661
87	10	6	85319031	85327160	8129	164	0,0082421	0,00124055	0,002644331	6,61083E-08	-1,4566789	-0,64955
88	10	7	91564793	91580773	3949	76	0,00633072	0,00166301	0,002522494	6,30624E-08	-0,9269842	-2,88463
89	10	8	94174861	94184786	7717	279	0,02565764	0,00066662	0,004738721	1,18468E-07	-2,5144975	0,790523
90	11	1	17392631	17403471	3308	69	0,00755744	0,00103261	0,003629888	9,07472E-08	-1,923392	-5,96461
91	11	2	45671555	45757548	56680	1258	0,00894495	0,00107769	0,003927077	9,81769E-08	-2,13633	-12,3259
92	11	3	73110077	73119689	1455	21	0,00618557	0,00041477	0,002674482	6,68621E-08	-2,082387	-5,19241
93	11	4	1,23E+08	122934526	4070	178	0,02088452	0,0020278	0,007293761	1,82344E-07	-2,170173	-6,96397
94	12	1	9462671	9525135	50358	1442	0,01072322	0,00179073	0,003753234	9,38309E-08	-1,486506	-0,97417
95	12	2	9544701	9557062	738	12	0,00406504	0,00177503	0,002131221	5,32805E-08	-0,3443661	1,307662
96	12	3	54621785	54637501	2939	50	0,00714529	0,00047209	0,002229842	5,57461E-08	-2,0708816	-2,03267
97	12	4	58210790	58222803	1223	29	0,0106296	0,00089929	0,003107958	7,7699E-08	-1,7461862	-0,61546
98	12	5	58320819	58333655	8189	149	0,00793748	0,00139911	0,002384861	5,96215E-08	-1,1326461	-1,16957
99	12	6	1,01E+08	100570873	4166	82	0,00600096	0,00075859	0,002579923	6,44981E-08	-1,8723021	-0,62844
100	12	7	1,21E+08	121140830	1163	29	0,01203783	0,00143684	0,0032683	8,17075E-08	-1,3769302	-0,61546
101	13	1	31905163	31955148	47948	1273	0,01086594	0,00136896	0,003479859	8,69965E-08	-1,770439	-0,27255
102	13	2	1,15E+08	114934504	9930	319	0,01711984	0,00117935	0,004210611	1,05265E-07	-2,07167	-1,23237
103	14	1	19581332	19605056	14978	471	0,02523701	0,00063641	0,004121681	1,03042E-07	-2,494635	2,29723
104	14	2	61578302	61587727	9425	267	0,01315165	0,00134466	0,003713074	9,28269E-08	-1,828944	-0,9339
105	14	3	71187038	71198306	2205	60	0,01451247	0,00085656	0,003566534	8,91634E-08	-2,029827	-1,38019
106	14	4	88594365	88638180	19951	550	0,01313217	0,00097553	0,003613285	9,03321E-08	-2,151705	-0,72407
107	15	1	24223168	24254145	5563	169	0,01294266	0,0031877	0,003981817	9,95454E-08	-0,5646766	0,024983
108	15	2	24269210	24279095	9885	309	0,01072332	0,00120398	0,004097184	1,0243E-07	-2,0308376	-2,64585
109	15	3	43029219	43039793	1608	37	0,00870647	0,00059264	0,003015917	7,53979E-08	-2,0411793	0,379141
110	15	4	62496215	62573211	30505	926	0,0134732	0,00102479	0,003978724	9,94681E-08	-2,2004405	-0,51618
111	15	5	79022376	79033249	5412	219	0,01607539	0,00213024	0,005303835	1,32596E-07	-1,7074598	-0,44897
112	15	6	89736386	89749195	3598	90	0,00722624	0,00112108	0,003278574	8,19644E-08	-1,8100511	-1,33889
113	15	7	91825325	91849238	4699	264	0,03341136	0,00182685	0,007363828	1,84096E-07	-2,1946383	1,201206
114	16	1	23677355	23690204	201	4	0,0199005	6,88E-05	0,002608361	6,5209E-08	-1,414027	0,770637
115	16	2	28381362	28391348	9538	204	0,01404907	0,0006056	0,002803361	7,0084E-08	-2,269775	0,159145
116	16	4	66647926	66658617	727	8	0,0082531	0,00020827	0,001442312	3,60578E-08	-1,574793	0,049952
117	16	5	68530944	68543883	12939	315	0,013525	0,00089119	0,003190902	7,97726E-08	-2,073485	-1,29865
118	17	1	7231762	7239463	1790	38	0,00726257	0,00203782	0,002782494	6,95624E-08	-0,6821171	-0,008495
119	17	2	18216209	18232206	303	15	0,04620462	0,00016545	0,00648862	1,62216E-07	-2,118027	0,713025
120	17	3	26586053	26605774	5396	168	0,01445515	0,00065231	0,00408076	1,02019E-07	-2,378295	-1,826491
121	17	4	34229674	34248832	1668	120	0,01918465	0,00512811	0,009429505	2,35738E-07	-1,274029	-2,597327
122	17	5	36552280	36562782	936	19	0,0042735	0,0013304	0,002660675	6,65169E-08	-1,003429	-0,532263
123	17	6	66117204	66135103	4714	122	0,0099703	0,00153901	0,003392141	8,48035E-08	-1,526945	-0,838900
124	17	7	73056106	73063992	2008	121	0,0502988	0,00092854	0,007898313	1,97458E-07	-2,490024	2,566319
125	17	8	74553469	74562102	114	4	0,01754386	0,00013638	0,004598952	1,14974E-07	-1,409268	-0,699257
126	17	9	76985085	76993110	2714	86	0,01326455	0,00127717	0,00415329	1,03832E-07	-1,899459	0,072124
127	17	10	79473027	79483935	3970	209	0,03073048	0,00187329	0,00690036	1,72509E-07	-2,0139283	0,466502
128	18	1	11633196	11698981	40357	1260	0,01350447	0,00159626	0,00409219	1,02305E-07	-1,815146	-1,30794
129	19	1	16120965	16155513	11564	384	0,01357662	0,00201896	0,004352429	1,08811E-07	-1,472212	0,167037
130	19	2	19848827	19869819	16805	479	0,01118715	0,00140599	0,003735959	9,3399E-08	-1,824584	-2,04836
131	19	3	22928738	22935512	6247	210	0,01472707	0,00167617	0,004427051	1,10152E-07	-1,771372	-0,60897
132	19	4	35374879	35387799	7293	128	0,00754148	0,00106535	0,002300422	5,75105E-08	-1,503868	-0,85437
133	19	5	35391755	35403584	6298	134	0,00905049	0,00109761	0,002788727	6,97182E-08	-1,701955	-0,67314
134	20	1	5171677	5179628	1095	28	0,0109589	0,00084705	0,003351647	8,37912E-08	-1,7527841	-0,96141
135	20	2	5473972	5486585	5154	118	0,01144742	0,0022211	0,003000829	7,50207E-08	-0,7251369	0,956402
136	20	3	31436063	31444827	2364	58	0,00930626	0,00086265	0,003215764	8,03941E-08	-1,9490753	-1,83965
137	20	4	47154559	47162369	7182	213	0,00932888	0,00208026	0,003887234	9,71809E-08	-1,3100362	-3,53655
138	21	1	45886885	45920909	20102	606	0,01377972	0,00131069	0,003951286	9,87822E-08	-1,96549	-1,64691
139	22	1	18208834	18217791	3283	82	0,01248858	0,00083539	0,003273759	8,1844E-08	-2,036783	-0,88961
140	22	2	21040679	21049277	3538	20	0,00861244	0,00036271	0,000740928	6,2713E-08	-1,177825	0,39237
141	22	3	31671114	31689434	1507	232	0,05059356	0,00460728	0,02017837	2,14873E-07	-2,210898	2,780327
142	22	4	39078331	39087131	122	33	0,00862641	0,00563478	0,035453393	7,17537E-08	-2,105009	-0,3217
143	22	6	18832651	18840619	1045	151	0,00812536	0,00750672	0,018939319	7,17919E-08	-1,702266	-2,19529

n.sites- number of sites; n.bial.sites- number of biallelic sites; n.polyal.sites – number of polyallelic sites; D- divergence with chimpanzee.

Supplementary Table S2 (continued): American population.

AMR												
Nº	Chromosome	Cluster	Start	End	n.sites	n. bial. sites	D	Pi	Theta_Wattter	Mut.rate	Tajima's D	Fu&Li's D
1	1	1	6675490	6687718	833	19	0,01320528	0,00063632	0,00324379	8,10948E-08	-1,920515	-0,8009868
2	1	2	10434145	10443830	2157	44	0,00973574	0,00153744	0,00290099	7,25248E-08	-1,264994	-0,2792491
3	1	3	20230789	20241453	2015	35	0,00744417	0,000264463	0,00247023	6,17557E-08	-2,342418	-0,4424323
4	1	4	27647875	27656513	761	8	0,00788436	5,77736E-05	0,00149503	3,73757E-08	-1,867418	-0,8511488
5	1	5	27728548	27736940	2182	38	0,01054079	0,00022705	0,0024767	6,19174E-08	-2,406072	-0,2452756
6	1	6	28293521	28302527	2248	34	0,00800712	0,000442824	0,00215093	5,37733E-08	-2,075761	-0,5128414
7	1	7	110044254	110044254	420	3	0,00238095	0,000177053	0,00101582	2,53955E-08	-1,141046	0,7001024
8	1	8	179551149	179562980	6190	139	0,01534733	0,000779011	0,00319351	7,98378E-08	-2,19376	2,0114756
9	1	9	222640351	222655359	7434	344	0,03336024	0,001425815	0,00658086	1,64522E-07	-2,416841	0,5174009
10	1	10	229796748	229805740	8992	190	0,011121	0,001070143	0,00300498	7,51245E-08	-1,887385	-1,6078619
11	2	1	90498900	91730960	12269118	3139	0,0022365	5,723E-05	0,00036385	9,09631E-09	-2,645484	-2,645484
12	2	2	95419856	95459749	2519	30	0,00158793	0,000381501	0,00169373	4,23432E-08	-1,988035	-1,988035
13	2	3	95521847	95541715	8893	110	0,00461037	0,000779229	0,00175913	4,39784E-08	-1,578392	-1,578392
14	2	4	121973698	121982558	465	10	0,01290323	0,000437126	0,00305838	7,64595E-08	-1,771821	-1,771821
15	2	5	130792797	130835551	22899	996	0,02965195	0,001739601	0,00618598	1,54649E-07	-2,157119	-2,157119
16	2	6	237030675	237041380	936	28	0,01816239	0,000619307	0,00425428	1,06357E-07	-2,175983	-2,175983
17	2	7	239352995	239363666	2658	86	0,02219714	0,00072135	0,00460137	1,15034E-07	-2,39189	-2,39189
18	3	1	12888513	12921417	1471	31	0,00475867	0,000571379	0,00299704	7,49261E-08	-2,090482	0,6554368
19	3	2	49758613	49768420	343	15	0,01749271	0,004151224	0,0062193	1,55482E-07	-0,757682	-2,7213911
20	3	3	124462898	124469870	1750	23	0,0057143	0,001660287	0,00195121	4,38648E-08	16,78643	0,407283
21	3	4	128551846	128584836	25037	734	0,01809322	0,00105523	0,00416953	1,04238E-07	-2,200069	1,4412679
22	3	5	181717081	181729733	1267	40	0,01973165	0,001396645	0,00448986	1,12246E-07	-1,891824	0,6269355
23	4	1	41981218	41989614	3619	111	0,00893283	0,001166118	0,00436202	4,70049E-08	-2,159493	1,894535
24	4	2	119547188	119563164	5265	185	0,02564103	0,000832852	0,00499711	1,24928E-07	-2,537644	0,987332
25	4	3	120323190	120336158	5932	295	0,02579231	0,004042434	0,00707241	1,7681E-07	-1,328284	0,131968
26	4	4	152584172	152591018	3592	60	0,00946548	0,0003932144	0,00237552	5,93881E-08	-2,310882	-1,069646
27	4	5	165928222	165938097	7073	157	0,01357274	0,000850955	0,00315675	7,89187E-08	-2,128584	0,518416
28	5	1	42989118	42997891	8773	179	0,01032723	0,001028333	0,00290168	7,25419E-08	-1,889202	-1,2019855
29	5	2	178250015	178259870	9666	312	0,010449	0,005757606	0,00459061	1,14765E-07	1,08276	0,8860041
30	5	3	179503103	179510993	4548	115	0,01693052	0,00051641	0,00359602	8,99004E-08	-2,477425	0,463289
31	5	4	180104021	180120384	7225	252	0,02186851	0,001121315	0,00496029	1,24007E-07	-2,284473	0,6234449
32	6	1	4185730	4194263	6187	179	0,01535478	0,001787162	0,0041145	1,02863E-07	-1,655206	-0,2171655
33	6	2	25723034	25734245	9794	220	0,01225524	0,001696116	0,00320917	7,98661E-08	-1,33001	0,493396
34	6	3	26103393	26113254	8710	182	0,01136625	0,001317177	0,00297165	7,42912E-08	-1,629988	0,122622
35	6	4	26153437	26161250	4184	93	0,01314532	0,000414974	0,00316108	7,9027E-08	-2,475043	-2,239481
36	6	5	26212797	26220651	6707	132	0,00993317	0,000790438	0,00279906	6,99765E-08	-2,036254	0,513353
37	6	6	26231685	26239237	6754	104	0,00769914	0,000506383	0,00218989	5,47472E-08	-2,249484	-1,433114
38	6	7	34245126	34257679	2330	144	0,00544662	0,000400203	0,00878923	6,9713E-08	-1,583049	-0,752410
39	6	8	36451822	36460692	1772	40	0,00944206	0,00058419	0,00321026	6,10363E-08	-2,179398	0,673599
40	6	9	39068783	39093690	13776	29	0,01128668	4,71934E-05	0,00029938	5,81869E-08	-2,212372	-0,502466
41	6	10	39094797	39108646	13835	340	0,01430023	0,001418158	0,00349501	8,77496E-08	-1,817112	0,0919753
42	6	11	40343104	40351746	4120	343	0,01185399	0,006883393	0,01184013	8,81484E-08	-1,168966	-1,5056315
43	6	12	42689739	42699763	8973	69	0,0092233	0,000502896	0,00109359	5,95437E-08	-1,510695	-0,0526491
44	6	13	42842946	42858545	4750	232	0,01916862	0,00143633	0,00694615	9,19264E-08	-2,419568	0,2349459
45	6	14	107383411	107395081	2975	105	0,01305263	0,001192131	0,0050194	7,85933E-08	-2,424891	-0,7489221
46	6	15	133133066	133141657	5468	61	0,01142857	0,000382166	0,00161253	7,28999E-08	-2,11724	-0,0551643
47	6	16	159049067	159058050	1046	129	0,00804682	0,00713075	0,01753889	8,38775E-08	-1,716883	-0,4798138
48	6	17	29493892	29505708	7344	46	0,03059273	0,000184972	0,00089078	1,56355E-07	-2,141989	0,5639451
49	7	1	6198867	6207568	212	3	0,001261272	0,00201247	5,03118E-08	-0,515827	-2,5818039	
50	7	2	6617659	6633659	643	12	0,00622084	0,002377239	0,00265408	6,63521E-08	-0,225853	-0,233236
51	7	3	27493034	27502607	7684	159	0,01249349	0,000941295	0,00294275	7,35688E-08	-1,982835	-0,368396
52	7	4	35732666	35739378	355	14	0,01408451	0,002957209	0,00440665	1,10166E-07	-0,696993	-0,362917
53	7	5	56870712	56905707	3383	56	0	0,00886966	0,00235426	5,88565E-08	-1,551303	-3,173229
54	7	6	63200389	63215405	15016	615	0,02430741	0,001935259	0,00582461	1,45615E-07	-2,073355	0,235847
55	7	7	64293379	64300618	4957	260	0,03046197	0,002779253	0,00746052	1,86513E-07	-1,32931	2,925745
56	7	8	66362919	66374773	8414	123	0,00748752	0,000472861	0,00207897	5,19743E-08	-2,295308	-2,382010
57	7	9	74437156	74447091	2423	16	0,00660338	4,14653E-05	0,0009391	2,34774E-08	-2,207807	1,545409
58	7	10	102908736	102923212	2355	43	0,01019108	0,00014435	0,00259697	6,49175E-08	-2,535679	-1,1004866
59	7	11	117852321	117869066	2402	56	0,01373855	0,00155852	0,00331558	8,28894E-08	-1,458524	1,279087
60	7	12	148943506	148956111	3411	104	0,02052184	0,000917852	0,00433606	1,08402E-07	-2,258953	0,3788558
61	8	1	156150	165015	7036	163	0	0,001314664	0,00329512	8,23781E-08	-1,142022	-4,454807
62	8	2	28605622	28614366	1250	30	0,0096	0,001607452	0,00341315	8,53288E-08	-1,360421	0,126403
63	8	3	28904563	28924544	2263	41	0,01148917	0,000560992	0,00257658	6,44145E-08	-2,08977	-1,245163
64	8	4	142215114	142224752	2151	70	0,0209205	0,00271967	0,00462842	1,1571E-07	-1,254292	1,681719
65	8	5	143736415	143749404	2459	64	0,01179341	0,003519169	0,0037014	9,25349E-08	-0,136943	-0,265608
66	9	1	26620003	26644650	22749	445	0,00953888	0,001021735	0,00278192	6,95479E-08	-1,943872	-2,0153541
67	9	2	33572015	33582959	5946	123	0,00958628	0,002193005	0,00294189	7,35472E-08	-0,789542	0,4434158
68	9	3	37435083	37445752	1123	18	0,00534283	0,000226236	0,0027949	5,69871E-08	-2,130113	-1,5522104
69	9	4	44017295	44031054	12695	4	0	4,64747E-05	4,4815E-05	1,12037E-09	0,496231	-0,9406014
70	9	5	67290040	67306943	8311	28	0	0,00010541	0,00047914	1,19785E-08	-1,952823	-5,8299426
71	9	6	69446439	69483196	34511</td							

Supplementary Table S2 (continued): American population.

AMR													
Nº	Chromosome	Cluster	Start	End	n.sites	n. bial. sites	D	Pi	Theta	Watters	Mut.rate	Tajima's D	Fu&Li's D
82	10	1	29074929	29088891	3188	65	0,01348808	0,00027275	0,002899607	7,24902E-08	-2,5228582	0,0713961	
83	10	2	45489591	45499469	1807	48	0,01770891	0,0006173	0,003777698	9,44424E-08	-2,2709502	1,0064045	
84	10	3	51765930	51773243	2984	24	0	0,00084484	0,001143924	2,85981E-08	-1,666745	-4,5028003	
85	10	4	59862000	59868949	6493	133	0,0103188	0,00049898	0,002913076	7,28269E-08	-2,4707211	1,0262321	
86	10	5	72179774	72190667	1662	32	0,01143201	0,00063323	0,002738187	6,84547E-08	-1,9939298	-0,6616574	
87	10	6	85319031	85327160	8129	145	0,00836511	0,00079284	0,002536789	6,34197E-08	-2,0145886	-0,9226985	
88	10	7	915647493	91580773	3949	65	0,000607749	0,00145149	0,002340833	5,85208E-08	-1,0580191	-1,6846222	
89	10	8	94174861	94184786	7717	258	0,02578722	0,00061549	0,004754664	1,18867E-07	-2,6663637	1,1579603	
90	11	1	17392631	17403471	3308	57	0,00755744	0,00106356	0,002733929	6,83482E-08	-1,681185	-2,7376537	
91	11	2	45671555	45757548	56680	976	0,00912138	0,00091453	0,002909083	7,27271E-08	-1,855212	-2,8655207	
92	11	3	73110077	73119689	1455	15	0,00549828	0,00024607	0,001891733	4,72933E-08	-1,818011	-2,6110635	
93	11	4	122924715	122934526	4070	151	0,02113022	0,00135696	0,005732305	1,43308E-07	-1,832924	0,2120438	
94	12	1	9462671	9525135	50358	1193	0,01096152	0,00150421	0,003313019	8,28255E-08	-1,668839	-0,6904538	
95	12	2	9544701	9557062	738	11	0,00406504	0,00025178	0,001808507	4,52127E-08	-1,867326	-0,362917	
96	12	3	54621785	54637501	2939	41	0,00714529	0,00050195	0,002088983	5,22246E-08	-1,995518	-2,0309518	
97	12	4	58210790	58222803	1223	26	0,0106296	0,00107872	0,003601339	9,00335E-08	-1,620238	-0,6719459	
98	12	5	58320819	58333655	8189	132	0,00805959	0,00112427	0,002444794	6,11199E-08	-1,494316	-0,3537438	
99	12	6	100545969	100570873	4166	70	0,00600096	0,00028969	0,002274706	5,68677E-08	-2,459569	-2,4013074	
100	12	7	121132912	121140830	1163	26	0,01203783	0,00102963	0,002639518	6,5988E-08	-1,703231	-1,1878665	
101	13	1	31905163	31955148	47948	1017	0,01128306	0,00116504	0,003016439	7,54111E-08	-1,841661	-1,6743679	
102	13	2	114924574	114934504	9930	280	0,01671702	0,00140252	0,004010079	1,00252E-07	-1,923504	-0,1154287	
103	14	1	19581332	19605056	14978	471	0,02523701	0,00074634	0,004149309	1,03042E-07	-2,549041	2,70814042	
104	14	2	61578302	61587727	9425	229	0,0131565	0,0010695	0,003455399	8,6385E-08	-2,03375	0,06551233	
105	14	3	71187038	71198306	2205	53	0,01451247	0,00085633	0,00341831	8,54577E-08	-2,053037	0,8483048	
106	14	4	88594365	88638180	19951	450	0,01323242	0,00090153	0,003207696	8,01924E-08	-2,218273	-0,157879	
107	15	1	24223168	24254145	5563	145	0,01330218	0,00258271	0,003706833	9,26708E-08	-0,881292	0,76502613	
108	15	2	24269210	24279095	9885	243	0,0132524	0,00078773	0,003496019	8,74005E-08	-2,2848295	-0,4887722	
109	15	3	43029219	43039793	1608	28	0,00995025	0,00065757	0,002476373	6,19093E-08	-1,8704673	-0,0088895	
110	15	4	62496215	62573211	30505	767	0,01422718	0,00081328	0,003575761	8,9394E-08	-2,3139731	-2,682172	
111	15	5	79022376	79033249	5412	188	0,01644494	0,00392729	0,004940196	1,23505E-07	-0,6008292	0,91176789	
112	15	6	89736386	89749195	3598	59	0,00750417	0,00097245	0,002332034	5,83009E-08	-1,6114632	-0,1900637	
113	15	7	91825325	91849238	4699	231	0,03426261	0,00123485	0,006991196	1,7478E-07	-2,5226485	1,693354529	
114	16	1	23677355	23690204	201	6	0,0199005	0,00015625	0,004245211	1,0613E-07	-1,711415	-1,3162815	
115	16	2	28381362	28391348	9538	184	0,01425875	0,00069136	0,002743511	6,85878E-08	-2,283325	1,5116963	
116	16	4	66647926	66658617	727	8	0,0082531	7,3398E-05	0,001564947	3,91237E-08	-1,851379	1,1230254	
117	16	5	68530944	68543883	12939	264	0,01367957	0,00040933	0,002901665	7,25416E-08	-2,537821	-0,0467879	
118	17	1	7231762	7239463	1790	30	0,00726257	0,00205635	0,002383458	5,95871E-08	-0,3529414	2,0240851	
119	17	2	18216209	18232206	303	18	0,04620462	0,00037284	0,008448391	2,1121E-07	-2,2604562	-0,2799785	
120	17	3	26586053	26605774	5396	139	0,01501112	0,00052534	0,003663422	9,15856E-08	-2,4854649	-1,4071261	
121	17	4	34229674	34248832	1668	88	0,01918465	0,00352202	0,007502927	1,87573E-07	-1,507022	-2,7354859	
122	17	5	36552280	36562782	936	13	0,0042735	0,00063595	0,001975475	4,93869E-08	-1,1311034	-0,66744	
123	17	6	66117204	66135103	4714	104	0,01018244	0,00129087	0,00313753	7,84383E-08	-1,6865602	-0,4675998	
124	17	7	73056106	73063992	2008	117	0,05079681	0,00107356	0,008286693	2,07167E-07	-2,5886831	3,1630874	
125	17	8	74553469	74562102	114	3	0,01754386	0,00016525	0,003742489	9,35622E-08	-1,3208899	0,7001024	
126	17	9	76985085	76993110	2714	68	0,01326455	0,00111904	0,003563225	8,90806E-08	-1,9165038	1,6105241	
127	17	10	79473027	79483935	3970	184	0,03098237	0,00137452	0,006591482	1,64787E-07	-2,3778096	2,3993272	
128	18	1	11633196	11698981	40357	997	0,01377704	0,003513353	8,78338E-08	-2,149759	0,7082373		
129	19	1	16120965	16155513	11564	346	0,01383604	0,00146115	0,004255206	1,0638E-07	-1,976885	-0,5870752	
130	19	2	19848827	19869819	16805	392	0,01154418	0,00132342	0,003317376	8,29344E-08	-1,842594	-1,2705657	
131	19	3	22928738	22935512	6247	186	0,01472707	0,00118158	0,004257104	1,05859E-07	-2,116737	-1,5503198	
132	19	4	35374879	35387799	7293	108	0,0076786	0,00077073	0,002106015	5,26504E-08	-1,820152	0,2799062	
133	19	5	35391755	35403584	6298	110	0,00905049	0,00071339	0,0024839	6,20975E-08	-2,048014	-0,2756486	
134	20	1	5171677	5179628	1095	22	0,0109589	0,00066759	0,002857512	7,14378E-08	-1,760947	-0,2795779	
135	20	2	5473972	5486585	5154	101	0,01105937	0,00174309	0,002786898	6,96725E-08	-1,071698	1,5912685	
136	20	3	31436063	31444827	2364	47	0,00972927	0,00103199	0,002827447	7,06862E-08	-1,720266	-1,5573708	
137	20	4	47154559	47162369	7182	176	0,01002506	0,00137144	0,003485131	8,71283E-08	-1,787848	-2,3481388	
138	21	1	45886885	45920909	20102	502	0,0140782	0,00082969	0,003551492	8,87873E-08	-2,361701	-2,234042	
139	22	1	18208834	18217791	3283	68	0,01309778	0,00083262	0,002945657	7,36414E-08	-2,004216	0,190457	
140	22	2	21040679	21049277	3538	19	0,00861244	0,00035396	0,00076373	6,4643E-08	-1,281892	1,0504022	
141	22	3	31671114	31689434	1507	221	0,05059356	0,00404038	0,020856045	2,22089E-07	-2,457931	2,5932271	
142	22	4	39078331	39087131	122	25	0,00862641	0,0108751	0,029142332	5,89808E-08	-1,569503	-1,818026	
143	22	6	18832651	18840619	1045	118	0,00812536	0,00469598	0,01605868	6,08725E-08	-2,039462	1,1162468	
144	22	5	50272669	50290618	6892	3	0,00819672	5,1293E-07	4,83961E-05	1,2099E-09	-1,1406856	0,6108735	
145	22	6	18832651	18840619	1045	235	0,00754498	0,00747581	0,025002664	6,25067E-07	-1,8955506	-8,5173149	

n/sites- number of sites; n.bial.sites- number of biallelic sites; n.polyal.sites – number of polyallelic sites; D- divergence with chimpanzee.

Supplementary Table S2 (continued): East Asian population.

EAS	Nº	Chromosome	Cluster	Start	End	n.sites	n. bial. sites	D	Pj	Theta_Watterson	Mut.rate	Tajima's D	Fu&Li's D
	1	1	1	6675490	6687718	833	23	0,013205	0,00049913	0,003685186	9,21296E-08	-2,065609	-1,6932264
	2	1	2	10434145	10443830	2157	41	0,010663	0,00121039	0,00253694	6,34235E-08	-1,356007	1,0241372
	3	1	3	20230789	20241453	2015	34	0,00794	8,6255E-05	0,002252062	5,63016E-08	-2,437503	-2,5262974
	4	1	4	27647875	27656513	761	11	0,007884	4,9497E-05	0,001929233	4,82308E-08	-1,984752	-1,3208675
	5	1	5	27728548	27736940	2182	39	0,010082	0,00030854	0,002385538	5,96385E-08	-2,244809	-1,1926495
	6	1	6	28293521	28302527	2248	41	0,008007	0,00071394	0,002434244	6,08561E-08	-1,832697	-3,9470399
	7	1	7	110036254	110044254	420	4	0,002381	5,6417E-05	0,001271122	3,17781E-08	-1,406307	-2,1373028
	8	1	8	179551149	179562980	6190	153	0,015186	0,00058372	0,003298962	8,24741E-08	-2,338066	-0,7961716
	9	1	9	222640351	222655359	7434	350	0,034033	0,0011822	0,00628381	1,57095E-07	-2,415978	0,8521237
	10	1	10	229796748	229805740	8992	198	0,011232	0,00114331	0,002938908	7,34727E-08	-1,793186	-2,9775606
	11	2	1	90498900	91730960	1226918	3210	0,002236	4,5389E-05	0,000349196	8,72991E-09	-2,628285	0,007127
	12	2	2	95419856	95459749	2519	23	0,001588	0,00030827	0,001218656	3,04664E-08	-1,764142	0,0171698
	13	2	3	95521847	95541715	8893	118	0,004723	0,00075723	0,00177099	4,42748E-08	-1,574332	0,0290303
	14	2	4	121973698	121982558	465	9	0,012903	0,00061992	0,002583247	6,45812E-08	-1,465303	0,0165499
	15	2	5	130792797	130835551	22899	1007	0,029172	0,00165466	0,005869535	1,46738E-07	-2,057709	0,0197754
	16	2	6	237030675	237041380	936	26	0,018162	0,00071187	0,003707439	9,26868E-08	-1,969991	0,0128519
	17	2	7	239352995	239363666	2658	88	0,021821	0,0007042	0,004418799	1,1047E-07	-2,325953	0,0106391
	18	3	1	12888513	12921417	1471	33	0,004759	0,00042367	0,002994179	7,48545E-08	-2,167347	-4,0451033
	19	3	2	4975813	49768420	343	12	0,017493	0,00275702	0,004669429	1,16736E-07	-0,853093	-0,3280046
	20	3	3	124462898	124469870	1750	23	0,000571	0,00144249	0,001754594	4,38648E-08	14,650591	0,3925206
	21	3	4	128551846	128584836	25037	789	0,018093	0,00084147	0,00420622	1,05156E-07	-2,273906	0,0194741
	22	3	5	181717081	181729733	1267	41	0,02131	0,00113762	0,004319034	1,07976E-07	-1,940371	0,1426772
	23	4	1	41981218	41989614	3619	124	0,008933	0,00055454	0,004573197	4,92806E-08	-2,490159	0,6658815
	24	4	2	119547188	119563146	5265	184	0,025451	0,00062185	0,004664416	1,1661E-07	-2,538477	0,8087218
	25	4	3	120323190	120336158	5932	296	0,026635	0,00443219	0,006659903	1,66498E-07	-1,008808	-1,0224685
	26	4	4	152584172	152591018	3592	69	0,009187	0,00038921	0,00256383	6,40958E-08	-2,308804	-2,3399915
	27	4	5	165928222	165938097	7073	167	0,013431	0,00080768	0,003151297	7,87824E-08	-2,119144	-1,0935869
	28	5	1	42989118	42997891	8773	179	0,010373	0,00095023	0,002723212	6,80803E-08	-1,859384	-0,6357038
	29	5	2	178250015	178259870	9666	338	0,010656	0,00604986	0,004667203	1,1668E-07	1,184461	0,4150642
	30	5	3	179503105	179510993	4548	115	0,016491	0,0004121	0,003374846	8,43712E-08	-2,464211	0,7143733
	31	5	4	180104021	180120384	7225	270	0,02173	0,00124988	0,00498773	1,24693E-07	-2,217896	0,7779722
	32	6	1	4185730	4194263	6187	201	0,015193	0,0013575	0,004336032	1,08401E-07	-1,968632	-2,5740056
	33	6	2	25723034	25734245	9794	260	0,01215	0,00140022	0,00355687	8,85811E-08	-1,672488	-1,0620845
	34	6	3	26103393	26113254	8710	215	0,01366	0,00119221	0,00329456	8,2364E-08	-1,87052	-1,8126712
	35	6	4	26153437	26161250	4184	112	0,011472	0,00045824	0,003572761	8,9319E-08	-2,482448	-4,4125621
	36	6	5	26212797	26220651	6707	138	0,009095	0,00056793	0,002746264	6,86566E-08	-2,188651	-0,6172781
	37	6	6	26231685	26239237	6754	122	0,007403	0,0004768	0,002410894	6,02724E-08	-2,279281	-3,9806376
	38	6	7	34245126	34257679	2330	161	0,00531	0,00420476	0,009222454	7,31492E-08	-1,54837	-2,2624869
	39	6	8	36451822	36460692	1772	51	0,009442	0,00032267	0,003841343	7,3035E-08	-2,4303	-3,7009335
	40	6	9	39068783	39093690	13776	32	0,01287	4,9638E-05	0,000310032	6,02569E-08	-2,138403	0,067351
	41	6	10	39094797	39108646	13835	359	0,014228	0,0012678	0,003463334	8,69542E-08	-1,868718	-2,1868337
	42	6	11	40343104	40351746	4120	352	0,011782	0,00558788	0,011403376	8,48968E-08	-1,369468	-1,2500263
	43	6	12	42689739	42699763	8973	84	0,009223	0,00052906	0,001249448	6,80297E-08	-1,590744	-1,7934555
	44	6	13	42842946	42858545	4750	249	0,019057	0,0012583	0,006996576	9,25937E-08	-2,409757	0,1597262
	45	6	14	107383411	107395081	2975	114	0,012842	0,00094966	0,005114409	8,00809E-08	-2,326748	-1,2774485
	46	6	15	133133066	133141657	5468	71	0,011092	0,00026352	0,00175744	7,96321E-08	-2,321088	-0,9907602
	47	6	16	159049067	159058050	1046	133	0,008047	0,00640933	0,016970607	8,11597E-08	-1,785507	-2,0082551
	48	6	17	29493892	29505708	7344	48	0,030593	4,1314E-05	0,000872339	1,53118E-07	-2,512513	-0,2236345
	49	7	1	6198867	6207568	212	4		0,00028359	0,002518261	6,29565E-08	-1,305899	-2,1373028
	50	7	2	6617659	6633659	643	11	0,006221	0,00187604	0,002283275	5,70819E-08	-0,36331	1,2659342
	51	7	3	27493034	27502607	7684	166	0,012233	0,00090409	0,002883349	7,20837E-08	-1,955599	-0,6292722
	52	7	4	35732666	35739378	355	15	0,014085	0,00234834	0,005639485	1,40987E-07	-1,28158	-2,9206746
	53	7	5	56870712	56905707	3383	59	0	0,0117558	0,00232776	5,81948E-08	-1,167777	-5,2918506
	54	7	6	63200389	63215405	15016	617	0,024241	0,00197672	0,005484138	1,37104E-07	-1,916453	0,4311951
	55	7	7	64293379	64300618	4957	270	0,030664	0,0026315	0,00270539	1,81764E-07	-1,225784	3,2849301
	56	7	8	66362919	66374773	8414	133	0,00725	0,00045861	0,002109724	5,27431E-08	-2,211061	-2,9347068
	57	7	9	74437156	74447091	2423	16	0,006603	2,61786E-05	0,000881339	2,20335E-08	-2,161147	1,5065281
	58	7	10	102908736	102923212	2355	49	0,010191	0,00011894	0,002770737	6,94259E-08	-2,529662	-2,7757111
	59	7	11	117852321	117869066	2402	63	0,013739	0,00136299	0,003500613	8,75153E-08	-1,650516	-1,4614431
	60	7	12	148943506	148956111	3411	101	0,020229	0,0007859	0,003951993	9,87998E-08	-2,234096	0,1120681
	61	8	1	156150	165015	7036	172	0	0,00172279	0,003263017	8,15754E-08	-0,530888	-3,4869476
	62	8	2	28605622	28614366	1250	26	0,0096	0,00157383	0,00277613	6,94033E-08	-1,055924	0,2536018
	63	8	3	28904563	28924544	2263	51	0,011047	0,00065064	0,003007892	7,51973E-08	-2,079257	-2,2486105
	64	8	4	142215114	142224752	2151	74	0,020921	0,00173716	0,004591821	1,14796E-07	-1,563114	0,1303544
	65	8	5	143736415	143749404	2459	65	0,011793	0,00411497	0,003528023	8,82006E-08	0,4507974	0,2107551
	66	9	1	26620003	26644650	22749	476	0,009363	0,00078659	0,002792688	6,98172E-08	-2,127835	-2,8303118
	67	9	2	33572015	33582959	5946	135	0,00925	0,00221311	0,003030304	7,57576E-08	-0,790401	-1,7442249
	68	9	3	37435083	37445725	1123	20	0,005343	0,00015534	0,002376987	5,94247E-08	-2,177538	-3,3287123
	69	9	4	44017295	44031054	12695	3	0	0,0011814	3,1543E-05	7,88576E-10	5,1280369	0,5534836
	70	9	5	67290040	67306943	8311	33	0	8,335E-05	0,000529966	1,32491E-08	-2,061886	-6,460

Supplementary Table S2 (continued): East Asian population.

EAS													
Nº	Chromosome	Cluster	Start	End	n.sites	n. bial. sites	D	Pi	Theta_Watters	Mut.rate	Tajima's D	Fu&Li's D	
82	10	1	29074929	29088891	3188	79	0,01348808	0,00025065	0,003307389	8,26847E-08	-2,5398098	-3,9767878	
83	10	2	45489591	45499469	1807	49	0,01770891	0,0009465	0,003619216	9,04804E-08	-1,9516935	-0,1711833	
84	10	3	51765930	51773243	2984	23	0	0,00068951	0,001028787	2,57197E-08	-0,4397082	-3,5092886	
85	10	4	59862000	59868949	6493	151	7,7598E-08	0,00050449	0,003103908	6,42444E-08	-2,4176679	-2,1125093	
86	10	5	72179774	72190667	1662	32	0,01083032	0,00058266	0,002569777	6,48551E-08	-1,9440399	-0,8283092	
87	10	6	85319031	85327160	8129	158	0,0082421	0,00074342	0,002594202	5,74564E-08	-2,0095031	-2,8933366	
88	10	7	91564793	91580773	3949	68	0,00633072	0,0016507	0,002298256	1,18041E-07	-0,766116	-2,0992872	
89	10	8	94174861	94184786	7717	273	0,02565764	0,00040366	0,004721648	6,50678E-08	-2,69832	0,6258549	
90	11	1	17392631	17403471	3308	59	0,00755744	0,00065657	0,002450512	6,12628E-08	-1,599594	-1,3015221	
91	11	2	45671555	45757548	56680	1070	0,00910374	0,00088373	0,002448877	6,12196E-08	-1,941931	-1,5622698	
92	11	3	73110077	73119689	1455	16	0,00618557	0,00011653	0,00146613	3,66532E-08	-1,896144	0,7975448	
93	11	4	122924715	122934526	4070	155	0,02039312	0,0012554	0,005276266	1,31907E-07	-2,161792	-1,5289918	
94	12	1	9462671	9525135	50358	1250	0,01100123	0,00130753	0,003313019	8,28255E-08	-1,763707	-1,3982861	
95	12	2	9544701	9557062	738	10	0,00406504	0,00014613	0,001808507	4,512127E-08	-1,825257	-0,6033208	
96	12	3	54621785	54637501	2939	46	0,00714529	0,00049553	0,002088983	5,22446E-08	-2,003064	-2,2658295	
97	12	4	58210790	58222803	1223	33	0,0106296	0,00129064	0,003601339	9,00335E-08	-1,619822	-2,1626885	
98	12	5	58320819	58333655	8189	150	0,00793748	0,00095227	0,002444794	6,11199E-08	-1,720326	-1,9927565	
99	12	6	100545969	100570873	4166	71	0,006241	0,00018822	0,002274706	5,68677E-08	-2,49972	-3,8450326	
100	12	7	1211132912	121140830	1163	23	0,01203783	0,00117345	0,002639518	6,5988E-08	-1,327039	0,618156	
101	13	1	31905163	31955148	47948	1132	0,01094936	0,00120406	0,00315103	7,87757E-08	-1,813551	-3,4186198	
102	13	2	114924574	114934504	9930	281	0,01661631	0,00131205	0,003776887	9,44222E-08	-1,937768	-0,9404081	
103	14	1	19581332	19605056	14978	452	0,02517025	0,0006245	0,004027766	1,00694E-07	-2,522687	2,747452	
104	14	2	61578302	61587727	9425	260	0,0130504	0,00089283	0,003681871	9,20468E-08	-2,185011	-3,275747	
105	14	3	71187038	71198306	2205	54	0,0154195	0,00090719	0,0032686	8,1715E-08	-1,927067	-0,2778704	
106	14	4	88594365	88638180	19951	492	0,01313217	0,00074686	0,003291377	8,22844E-08	-2,298119	-3,1901788	
107	15	1	24223168	24254145	5563	148	0,01330218	0,00258271	0,003550825	8,87706E-08	-1,053125	-0,5783749	
108	15	2	24269210	24279095	9885	237	0,0132524	0,00078773	0,003199897	7,99997E-08	-2,279797	-0,9180123	
109	15	3	43029219	43039793	1608	27	0,00995025	0,00065757	0,002241064	5,60266E-08	-1,658151	-0,7372664	
110	15	4	62496215	62573211	30505	819	0,01393214	0,00081328	0,003583353	8,95838E-08	-2,291833	-4,6522706	
111	15	5	79022376	79033249	5412	198	0,01662971	0,0039273	0,004882969	1,22074E-07	-1,33627	0,4909769	
112	15	6	89736386	89749195	3598	72	0,00722624	0,00097245	0,00267084	6,6771E-08	-1,823906	-3,3286186	
113	15	7	91825325	91849238	4699	242	0,03426261	0,00123485	0,006873643	1,71841E-07	-2,593663	1,1273549	
114	16	1	23677355	23690204	201	4	0,0199005	7,8892E-05	0,002656076	6,64019E-08	-1,427912	0,7782703	
115	16	2	28381362	28391348	9538	188	0,01446844	0,00052879	0,002630739	6,57685E-08	-2,347482	1,3411106	
116	16	4	66647926	66658617	727	9	0,0082531	4,9071E-05	0,001652284	4,13071E-08	-1,870711	0,1928547	
117	16	5	68530944	68543883	12939	298	0,01383414	0,00033848	0,003073917	7,68479E-08	-2,574153	-1,8897233	
118	17	1	7231762	7239463	1790	39	0,00726257	0,00208026	0,002907958	7,2699E-08	-0,7338593	-2,0461408	
119	17	2	18216209	18232206	303	15	0,04620462	0,00019625	0,006607317	1,65183E-07	-2,1308057	1,4625478	
120	17	3	26586053	26605774	5396	158	0,01538176	0,00058897	0,003908064	9,77016E-08	-2,4153868	-2,3621523	
121	17	4	34229674	34248832	1668	112	0,01918465	0,0046787	0,008961868	2,24047E-07	-1,3398339	-2,8360087	
122	17	5	36552280	36562782	936	16	0,0042735	0,00079744	0,002281539	5,70385E-08	-1,401818	-3,6507691	
123	17	6	66117204	66135103	4714	115	0,01039457	0,00116804	0,003256003	8,14001E-08	-1,800068	-2,2721382	
124	17	7	73056106	73063992	2008	122	0,0502988	0,00117228	0,008109347	2,02734E-07	-2,4196245	2,5437759	
125	17	8	74553469	74562102	114	4	0,01754386	0,00012173	0,004683082	1,17077E-07	-1,4337078	-0,6795162	
126	17	9	76985085	76993110	2714	71	0,01326455	0,00141271	0,003491605	8,72901E-08	-1,6241046	-0,1544556	
127	17	10	79473027	79483935	3970	195	0,03073048	0,00110109	0,006555876	1,63897E-07	-2,3958126	0,1181181	
128	18	1	11633196	11698981	40357	1101	0,01362837	0,00089788	0,003641207	9,10E-08	-2,258925	-2,250869	
129	19	1	16120965	16155513	11564	346	0,01383604	0,00121601	0,003993453	9,98363E-08	-2,033152	0,05513438	
130	19	2	19848827	19869819	16805	414	0,01136566	0,00124618	0,00328806	8,22015E-08	-1,838166	-1,624469	
131	19	3	22928738	22935512	6247	181	0,01456699	0,00126197	0,003888449	9,66771E-08	-1,930058	-1,6360113	
132	19	4	35374879	35387799	7293	119	0,00781571	0,00073951	0,002177797	5,44449E-08	-1,856778	-2,1071257	
133	19	5	35391755	35403584	6298	118	0,00873293	0,00063672	0,002500667	6,25167E-08	-2,094794	-2,3571284	
134	20	1	5171677	5179628	1095	24	0,0104566	0,00046664	0,002925386	7,31347E-08	-1,996816	-2,406686	
135	20	2	5473972	5486585	5154	114	0,01144742	0,00181607	0,00295214	7,38035E-08	-1,079754	-0,597667	
136	20	3	31436063	31448427	2364	47	0,00972927	0,00082389	0,002653548	6,63387E-08	-1,814664	-2,1855784	
137	20	4	47154559	47162369	7182	184	0,00988583	0,00180641	0,003419422	8,54856E-08	-1,335601	-5,0078922	
138	21	1	45886885	45920909	20102	544	0,01402845	0,00072161	0,003611918	9,03E-08	-2,377297	-2,234042	
139	22	1	18208834	18217791	3283	76	0,01279318	0,00054672	0,003089721	7,7243E-08	-2,255909	-2,498859	
140	22	2	21040679	21049277	3538	17	0,00861244	0,0003126	0,000641309	5,42812E-08	-1,156368	1,548819	
141	22	3	31671114	31689434	1507	219	0,0508762	0,00376677	0,019395999	2,06542E-07	-2,363631	2,742716	
142	22	4	39078331	39087131	122	28	0,00862641	0,00572003	0,030631959	6,19957E-08	-2,005715	-2,721909	
143	22	6	18832651	18840619	1045	130	0,00827046	0,00504712	0,016603652	6,29383E-08	-1,964519	-2,278836	
144	22	5	50272669	50290618	6892	3	0,00819672	5,1293E-07	4,83961E-05	1,2099E-09	-1,1406856	0,6108735	
145	22	6	18832651	18840619	1045	235	0,00754498	0,00747581	0,025002664	6,25067E-07	-1,8955506	-8,5173149	

n.sites- number of sites; n.bial.sites- number of biallelic sites; n.polyal.sites – number of polyallelic sites; D- divergence with chimpanzee.

Supplementary Table S2 (continued): European population.

Nº	Chromosome	Cluster	Start	End	n.sites	n. bial. sites	D	Pi	Theta_Watterson	Mut.rate	Tajima's D	Fu&Li's D
1	1	1	6675490	6687718	833	16	0,0120048	0,00066795	0,002573288	6,43322E-08	-1,6526756	0,10104793
2	1	2	10434145	10443830	2157	38	0,00973574	0,00154185	0,002360189	5,90047E-08	-0,8927563	1,76761329
3	1	3	20230789	20241453	2015	36	0,00794045	0,0001942	0,00239354	5,98385E-08	-2,3502639	-0,9710771
4	1	4	27647875	27656513	761	8	0,00788436	4,0188E-05	0,001408376	3,52094E-08	-1,8137366	0,07302939
5	1	5	27728548	27736940	2182	41	0,01054079	0,00023787	0,002517343	6,29336E-08	-2,3523043	-1,4485324
6	1	6	28293521	28302527	2248	32	0,00800712	0,00035119	0,00190702	4,76768E-08	-2,0548333	-0,8183418
7	1	7	110036254	110044254	420	5	0,00238095	0,00028164	0,001594902	3,98726E-08	-1,3180393	-1,7264455
8	1	8	179551149	179562980	6190	135	0,01534733	0,00072707	0,00292184	7,3046E-08	-2,1265645	0,58476706
9	1	9	222640351	222655359	7434	324	0,03389831	0,0014234	0,005838974	1,45974E-07	-2,2617815	2,33366432
10	1	10	229796748	229805740	8992	172	0,01134342	0,00100884	0,002562628	6,40657E-08	-1,7318483	-1,1030683
11	2	1	90498900	91730960	1226918	3147	0,00223813	4,8075E-05	0,000343636	8,59089E-09	-2,605356	3,6718024
12	2	2	95419856	95459749	2519	27	0,00158793	0,00035297	0,001435982	3,58996E-08	-1,853244	-2,3080951
13	2	3	95521847	95541715	8893	107	0,00461037	0,00068392	0,001611965	4,02991E-08	-1,575935	-3,5932006
14	2	4	121973698	121982558	465	7	0,01290323	0,00010897	0,00201678	5,04195E-08	-1,69491	1,0229427
15	2	5	130792797	130835551	22899	906	0,02991397	0,00158371	0,005300733	1,32518E-07	-2,045322	3,2476402
16	2	6	237030675	237041380	936	24	0,01816239	0,000801	0,003435174	8,58794E-08	-1,848983	-0,4416573
17	2	7	239352995	239363666	2658	86	0,02219714	0,00088382	0,004334678	1,08367E-07	-2,203021	0,9121896
18	3	1	12888513	12921417	1471	25	0,01019714	0,00039554	0,002276883	5,69221E-08	-2,00578549	-0,3579354
19	3	2	49758123	49768420	343	11	0,01749721	0,00445123	0,004296472	1,07412E-07	0,07354075	-0,4529116
20	3	3	124462898	124469870	1750	25	0,00057143	0,00126077	0,001914386	4,78597E-08	12,6883058	0,3933773
21	3	4	128551846	128584836	25037	708	0,01837281	0,00084867	0,003788641	9,4716E-08	-2,21542497	2,2045729
22	3	5	181717081	181729733	1267	40	0,02052029	0,00111532	0,004229604	1,0574E-07	-1,93993301	-1,1803708
23	4	1	41981218	41989614	3619	111	0,00893283	0,00110669	0,003924056	4,70049E-08	-2,04106	1,999902
24	4	2	119547188	119563146	5265	176	0,02564103	0,00075375	0,004478456	1,11961E-07	-2,444663	1,478559
25	4	3	120323190	120336158	5932	278	0,02697235	0,00390649	0,006278541	1,56964E-07	-1,125719	1,071201
26	4	4	152584172	152591018	3592	60	0,00946548	0,00042641	0,002237836	5,59459E-08	-2,182666	-2,604182
27	4	5	165928222	165938097	7073	142	0,01371412	0,00066984	0,002689664	6,72416E-08	-2,130294	0,917747
28	5	1	42989118	42997891	8773	157	0,01025875	0,00095471	0,002397534	5,99384E-08	-1,713564	-0,6731453
29	5	2	178250015	178259870	9666	311	0,01055245	0,00628255	0,004310599	1,07765E-07	1,700197	0,4210490
30	5	3	179503105	179510993	4548	114	0,01649077	0,00047425	0,003358131	8,39533E-08	-2,413103	-0,1553700
31	5	4	180104021	180120384	7225	257	0,02256055	0,00108903	0,004765502	1,19138E-07	-2,227788	0,5145310
32	6	1	4185730	4194263	6187	168	0,01567803	0,0013575	0,004336032	9,09458E-08	-1,968632	-2,5740056
33	6	2	25723034	25734245	9794	233	0,01204819	0,00140022	0,00355687	7,96819E-08	-1,672488	-1,062085
34	6	3	26103393	26113254	8710	182	0,01136625	0,00119221	0,00329456	6,99853E-08	-1,87052	-1,812671
35	6	4	26153437	26161250	4184	91	0,01314532	0,00045824	0,003572761	7,28458E-08	-2,482448	-4,412562
36	6	5	26212797	26220651	6707	121	0,00924407	0,00056793	0,002746264	6,04261E-08	-2,188651	-0,617278
37	6	6	26231685	26239237	6754	110	0,00740320	0,0004768	0,002410894	5,45492E-08	-2,279281	-3,980638
38	6	7	34245126	34257679	2330	146	0,00531046	0,00420476	0,009222454	6,65846E-08	-1,54837	-2,262487
39	6	8	36451822	36460692	1772	47	0,00944206	0,000323267	0,003841343	6,75609E-08	-2,4303	-3,700934
40	6	9	39068783	39093690	13776	30	0,01128668	4,9638E-05	0,000310032	5,67042E-08	-2,138403	0,067351
41	6	10	39094797	39108646	13835	327	0,01459059	0,0012678	0,003463334	7,95023E-08	-1,868718	-2,1886337
42	6	11	40343104	40351746	4120	311	0,01178171	0,00558788	0,011043376	7,52911E-08	-1,369468	-1,2500263
43	6	12	42689739	42699763	8973	69	0,00898058	0,00052906	0,001249448	5,60926E-08	-1,590744	-1,7934555
44	6	13	42842946	42858454	4750	225	0,01939151	0,0012583	0,006996576	8,3985E-08	-2,409757	0,15972618
45	6	14	107383411	107395081	2975	104	0,01305263	0,00094966	0,005114409	7,33323E-08	-2,326748	-1,2774485
46	6	15	133133066	133141657	5468	53	0,01142857	0,00026352	0,00175744	5,96681E-08	-2,321088	-0,9907602
47	6	16	159049067	159058050	1046	117	0,00841258	0,000640933	0,016970607	7,16656E-08	-1,785507	-2,0082551
48	6	17	29493892	29505708	7344	47	0,03059273	4,1314E-05	0,000872339	1,50494E-07	-2,512513	-0,2236345
49	7	1	6198867	6207568	212							
50	7	2	6617659	6633659	643	16	0,00622084	0,00223049	0,003333669	8,33417E-08	-0,7386341	-0,602880
51	7	3	27493034	27502607	7684	144	0,01236335	0,00080232	0,002510663	6,27666E-08	-1,9312809	0,414436
52	7	4	35732666	35739378	355	10	0,01408451	0,00318533	0,003773854	9,43463E-08	-0,3103983	-0,597575
53	7	5	56870172	56905707	3383	42	0	0,00097088	0,001663294	4,15824E-08	-1,0664723	-4,583986
54	7	6	63200389	63215405	15016	543	0,02424081	0,00167833	0,004844621	1,21116E-07	-1,9666657	0,698518
55	7	7	64293379	64300618	4957	237	0,03126891	0,0024928	0,006405882	1,60147E-07	-1,3356882	3,124911
56	7	8	66362919	66374773	8414	129	0,00760637	0,0003732	0,002054001	5,135E-08	-2,3122604	-2,293875
57	7	9	74437156	74447091	2423	16	0,00603388	2,6925E-05	0,000884667	2,21167E-08	-2,1641181	1,508904
58	7	10	102908736	102923212	2355	36	0,01104034	8,0244E-05	0,002047976	5,11994E-08	-2,4575675	-0,0789594
59	7	11	117852321	117869066	2402	60	0,01373855	0,00107675	0,003346505	8,36627E-08	-1,8288689	-0,3145591
60	7	12	148943506	148956111	3411	102	0,02052184	0,000885934	0,004006193	1,00155E-07	-2,1949072	0,3842709
61	8	1	156150	165015	7036	117	0	0,00140656	0,002228036	5,57009E-08	0,1925282	-1,721824
62	8	2	28605622	28614366	1250	27	0,0096	0,00176259	0,00289379	7,23448E-08	-0,9605504	0,851687
63	8	3	28904563	28924544	2263	39	0,01148917	0,00051684	0,002308838	5,77209E-08	-2,0046316	-1,606267
64	8	4	142215114	142224752	2151	72	0,0218503	0,00209038	0,004484565	1,12114E-07	-1,3277038	1,091334
65	8	5	143736415	143749404	2459	64	0,01179341	0,00382815	0,003486892	8,71723E-08	0,3083388	-0,221882
66	9	1	26644650	26644650	22749	396	0,000940701	0,000964868	0,002332106	5,83027E-08	-1,7384805	-0,4849761
67	9	2	33572015	33582959	5946	118	0,0094992	0,00208934	0,002658713	6,64678E-08	-0,6350304	0,141980
68	9	3	37435083	37445725	1123	16	0,00445236	0,00018765	0,00190877	4,77193E-08	-2,0126233	0,804976
69	9	4	44017295	44031054	12695	4	0	5,03083E-05	4,22154E-05	1,05538E-09	0,8724401	0,677371
70	9	5	67290040	67306943	8311	21	0	5,79772E-05	0,000338525	8,46312E-09	-1,7117625	-4,135880
71	9	6	69446439	69483196	34511	1646	0,04360928	0,00075058	0,006389783	1,57457E-07	-2,680188	3,860345
72	9	7	8									

Supplementary Table S2 (continued): European population.

Nº	Chromosome	Cluster	Start	End	n.sites	n. bial. sites	D	Pi	Theta_Watters	Mut.rate	Tajima's D	Fu&Li's D
82	10	1	29074929	29088891	3188	54	0,0131744	0,00017977	0,002269284	5,67321E-08	-2,4601235	0,4312588
83	10	2	45489591	45499469	1807	49	0,01826231	0,00031285	0,003632882	9,08221E-08	-2,4193076	-0,9032275
84	10	3	51765930	51773243	2984	20	0	0,00061236	0,000897984	2,24496E-08	-0,3300188	-2,0103813
85	10	4	59862000	59868949	6493	120	0,0115509	0,00027018	0,002475992	6,18998E-08	-2,509316	-1,2207145
86	10	5	72179774	72190667	1662	34	0,01083032	0,00051652	0,002740699	6,85175E-08	-2,0606071	-0,6664476
87	10	6	85319031	85327160	8129	126	0,00836511	0,00078084	0,002076589	5,19147E-08	-1,7745274	-1,1513551
88	10	7	91564793	91580773	3949	54	0,00633072	0,00133848	0,001831977	4,57994E-08	-0,7197242	-0,9661229
89	10	8	94174861	94184786	7717	241	0,02552805	0,00050085	0,004183933	1,04598E-07	-2,6052377	2,1895129
90	11	1	17392631	17403471	3308	51	0,00785973	0,00093422	0,002065477	5,16369E-08	-1,476065	-0,8426357
91	11	2	45671555	45757548	56680	952	0,00917431	0,00080706	0,002250206	5,62552E-08	-1,920684	-1,7557079
92	11	3	73110077	73119689	1455	19	0,00618557	0,00033495	0,00174946	4,37365E-08	-1,869165	-0,2912909
93	11	4	122924715	122934526	4070	137	0,02088452	0,00106468	0,004509615	1,1274E-07	-2,163949	-0,8710023
94	12	1	9462671	9525135	50358	1114	0,01123953	0,00139013	0,002963715	7,40929E-08	-1,537857	-1,1785953
95	12	2	9544701	9557062	738	10	0,00406504	7,4308E-05	0,001815336	4,53834E-08	-1,908922	-1,5026057
96	12	3	54621785	54637501	2939			0,00042138	0,001732197	5,75104E-08	-1,948461	-2,1211179
97	12	4	58210790	58222803	1223	21	0,0106296	0,00112299	0,002300415	5,75104E-08	-1,205712	-0,7195412
98	12	5	58320819	58333655	8189	124	0,00805959	0,0008714	0,002028659	5,07165E-08	-1,611995	0,6103994
99	12	6	100545969	100570873	4166	61	0,00672108	0,00024168	0,001961696	4,90424E-08	-2,371643	-2,84244696
100	12	7	121132912	121140830	1163	23	0,01207383	0,00084532	0,002649485	6,62371E-08	-1,630122	-0,5295429
101	13	1	31905163	31955148	47948	948	0,01130391	0,00094558	0,002648812	6,62203E-08	-1,887868	-0,5607858
102	13	2	114942574	114934504	9930	261	0,01711984	0,00129005	0,003521313	8,80328E-08	-1,830398	-0,1185262
103	14	1	19581332	19605065	14978	437	0,02503078	0,00061562	0,003908797	9,77199E-08	-2,525667	2,6173367
104	14	2	61578302	61587727	9425	234	0,0131565	0,00068584	0,003326196	8,31549E-08	-2,287251	-1,4575741
105	14	3	71187038	71198306	2205	46	0,01496599	0,00085961	0,002794876	6,98719E-08	-1,821391	1,9897812
106	14	4	88594365	88638180	19951	415	0,01338279	0,00083962	0,002786748	6,96687E-08	-2,088347	-0,3768568
107	15	1	24223168	24254145	5563	147	0,01330218	0,00318584	0,00354015	8,85037E-08	-0,2842873	0,4798372
108	15	2	24269210	24279095	9885	222	0,01305008	0,00075275	0,003008775	7,52194E-08	-2,1567403	0,227104
109	15	3	43029219	43039793	1608	33	0,00932836	0,00072184	0,002749421	6,87355E-08	-1,8651354	-3,5568195
110	15	4	62496215	62573211	30505	735	0,0143583	0,00075903	0,003227971	8,06993E-08	-2,2415226	-1,7715303
111	15	5	79022376	79033249	5412	193	0,01662971	0,00321063	0,004777634	1,19441E-07	-0,9401798	-0,3114513
112	15	6	89736386	89741959	3598	58	0,0077821	0,00107581	0,002159634	5,39909E-08	-1,3493504	-1,7473734
113	15	7	91825325	91849238	4699	222	0,03426261	0,00047924	0,006329384	1,58235E-07	-2,7280423	0,3417086
114	16	1	23677355	23690204	201	4	0,0199005	8,1144E-05	0,002666105	6,66526E-08	-1,430774	0,7798653
115	16	2	28381362	28391348	9538	185	0,01425875	0,00053367	0,002598538	6,49635E-08	-2,336398	-0,5264688
116	16	4	666474926	66658617	727	8	0,0082531	3,9266E-05	0,001474243	3,68561E-08	-1,817284	-0,944457
117	16	5	68530944	68543883	12939	274	0,01367957	0,00041357	0,002837025	7,09256E-08	-2,470165	-1,0248667
118	17	1	7231762	7239463	1790	31	0,00726257	0,00191642	0,002320182	5,80046E-08	-0,4363786	0,561105
119	17	2	18216209	18232206	303	18	0,04620462	0,0028194	0,00795872	1,98968E-07	-2,206239	-0,388505
120	17	3	26586053	26605774	5396	135	0,01556709	0,00053577	0,003351778	8,37944E-08	-2,3785114	-0,931061
121	17	4	34229674	34248832	1668	100	0,01918465	0,0022176	0,008031882	2,00797E-07	-2,0206536	-2,480324
122	17	5	36552280	36562782	936	9	0,0042735	0,00060334	0,001288229	3,22057E-08	-0,9238872	-0,944246
123	17	6	66117204	66135013	4714	89	0,01018244	0,00113511	0,002529378	6,32345E-08	-1,52856	-0,019369
124	17	7	73056106	73063992	2008	116	0,0502988	0,00073142	0,007739571	1,93489E-07	-2,5963259	3,200840
125	17	8	74553469	74562102	114	3	0,01754386	0,0001073	0,003525574	8,81393E-08	-1,2796321	0,677319
126	17	9	76985085	76993110	2714	70	0,01326455	0,00077514	0,003455426	8,63856E-08	-2,1169915	0,408558
127	17	10	79473027	79483935	3970	175	0,03123426	0,00108469	0,005905687	1,47642E-07	-2,3550703	2,926750
128	18	1	11633196	11698981	40357	978	0,0141735	0,0011188	0,003246636	8,12E-08	-1,981518	-1,42155
129	19	1	16120965	16155513	11564	301	0,01383604	0,00136321	0,003487191	8,71798E-08	-1,782292	-0,316007
130	19	2	19848827	19869819	16805	382	0,01136566	0,00129258	0,003045368	7,61342E-08	-1,707841	-2,328718
131	19	3	22928738	22935512	6247	175	0,01504722	0,00111247	0,003774458	9,38253E-08	-2,015939	-0,377285
132	19	4	35374879	35387799	7293	107	0,00754148	0,00078143	0,001965581	4,91395E-08	-1,687565	-1,711489
133	19	5	35391755	35403584	6298	102	0,00905049	0,00072463	0,002169755	5,42439E-08	-1,86108	-1,231164
134	20	1	5171677	5179628	1095	20	0,0109589	0,00069672	0,002447074	6,11769E-08	-1,554038	0,1892157
135	20	2	5473972	5486585	5154	98	0,0112534	0,00137538	0,002547387	6,36847E-08	-1,28284	0,2678342
136	20	3	31436063	31444827	2364	43	0,00972927	0,00100591	0,002436881	6,0922E-08	-1,533564	0,3053912
137	20	4	47154559	47162369	7182	151	0,00974659	0,00107939	0,002816754	7,04188E-08	-1,762368	-1,1522379
138	21	1	45886885	45920909	20102	452	0,01452592	0,00061923	0,003012418	7,53E-08	-2,365544	-0,3533711
139	22	1	18208834	18217791	3283	65	0,01340238	0,00089023	0,002652503	6,63126E-08	-1,8031058	0,2201779
140	22	2	21040679	21049277	3538	20	0,00861244	0,00043728	0,000757331	6,41013E-08	-0,9865586	1,0462731
141	22	3	31671114	31689434	1507	216	0,05115885	0,0033056	0,01920257	2,04482E-07	-2,4326784	2,8467642
142	22	4	39078331	39087131	122	20	0,00862641	0,0117461	0,021962589	4,44498E-08	-1,1467077	0,4232823
143	22	6	18832651	18840619	1045	109	0,00783517	0,00563773	0,013974091	5,29706E-08	-1,6726339	-0,3079666
144	22	5	50272669	50290618	6892	3	0,00819672	5,1293E-07	4,83961E-05	1,2099E-09	-1,1406856	0,6108735
145	22	6	18832651	18840619	1045	235	0,00754498	0,00747581	0,025002664	6,25067E-07	-1,8955506	-8,5173149

n.sites- number of sites; n.bial.sites- number of biallelic sites; n.polyal.sites – number of polyallelic sites; D- divergence with chimpanzee.

Supplementary Table S2 (continued): South Asian population.

Nº	Chromosome	Cluster	Start	End	n.sites	n. bial. sites	D	Pi	Theta_Watterson	Mut.rate	Tajima's D	Fu&Li's D
1	1	1	6675490	6687718	833	17	0,0144058	0,0005918	0,002812519	7,0313E-08	-1,813602	-1,1096793
2	1	2	10434145	10443830	2157	41	0,0097357	0,0014294	0,002619541	6,5489E-08	-1,195839	-0,9483036
3	1	3	20230789	20241453	2015	32	0,0079404	0,0002519	0,0021886	5,4715E-08	-2,259712	-1,2116731
4	1	4	27647875	27656513	761	6	0,0078844	3,957E-05	0,001086571	2,7164E-08	-1,674644	0,96376437
5	1	5	27728548	27736940	2182	43	0,0114574	0,0002927	0,002715847	6,7896E-08	-2,360598	-1,5973324
6	1	6	28293521	28302527	2248	35	0,0080071	0,0004851	0,002145672	5,3642E-08	-1,999311	-0,0783342
7	1	7	110042654	110044254	420	3	0,002381	8,327E-05	0,000984382	2,461E-08	-1,234531	0,68801684
8	1	8	179551149	179562980	6190	136	0,0153473	0,0006322	0,003027888	7,5697E-08	-2,265335	1,04239497
9	1	9	222640351	222655359	7434	331	0,0338983	0,001301	0,006136177	1,534E-07	-2,392359	1,65749447
10	1	10	229796748	229805740	8992	173	0,0114546	0,000997	0,002651437	6,6286E-08	-1,801823	-0,6300848
11	2	1	90498900	91730960	1226918	3158	0,0022373	4,829E-05	0,00354726	8,8681E-09	-2,659009	3,5679484
12	2	2	95419856	95459749	2519	29	0,0015879	0,0002307	0,001586578	3,9664E-08	-2,15273	-2,4790661
13	2	3	95521847	95541715	8893	131	0,0046104	0,0007077	0,002030119	5,0753E-08	-1,848157	-4,5881245
14	2	4	121973698	121982558	465	9	0,0129032	0,0002209	0,002074611	6,4581E-08	-1,631761	1,0377209
15	2	5	130792797	130835551	22899	903	0,030045	0,0016354	0,00543473	1,3587E-07	-2,065329	3,003537
16	2	6	237030675	237041380	936	24	0,0181624	0,0009606	0,003533677	8,8342E-08	-1,781726	1,2744396
17	2	7	239352995	239363666	2658	85	0,0221971	0,0007282	0,004407126	1,1018E-07	-2,335336	0,1807046
18	3	1	12888513	12921417	1471	25	0,0101971	0,0004283	0,002342173	5,8554E-08	-2,012699	0,77992444
19	3	2	49758613	49768420	343	14	0,0174927	0,0043378	0,005625038	1,4063E-07	-0,504105	-0,0525703
20	3	3	124462898	124469870	1750	21	0,0005714	0,0014296	0,001654308	4,1358E-08	14,415774	0,39988264
21	3	4	128551846	128584836	25037	713	0,018213	0,0009322	0,003924843	9,8121E-08	-2,208738	1,86607223
22	3	5	181717081	181729733	1267	37	0,0213102	0,001307	0,004024582	1,0061E-07	-1,799479	0,85614312
23	4	1	41981218	41989614	3619	112	0,0089328	0,0010259	0,004265099	4,5961E-08	-2,188873	1,001302
24	4	2	119547188	119563146	5265	179	0,0252612	0,0007214	0,004685404	1,1714E-07	-2,526587	1,116867
25	4	3	120323190	120336158	5932	290	0,0271409	0,0030793	0,006737363	1,6843E-07	-1,642713	-0,348309
26	4	4	152584172	152591018	3592	54	0,0091871	0,0002318	0,002071806	5,1795E-08	-2,402613	-1,551737
27	4	5	165928222	165938097	7073	144	0,0134314	0,0008943	0,002805759	7,0144E-08	-1,954853	-0,374969
28	5	1	42989118	42979891	8773	171	0,0103727	0,0010176	0,002686208	6,7155E-08	-1,793089	-0,8307301
29	5	2	178250015	178259870	9666	329	0,0106559	0,0064354	0,004690886	1,1727E-07	1,456874	0,1055356
30	5	3	179503105	179510993	4548	111	0,0167106	0,0004296	0,00336352	8,4088E-08	-2,475554	-0,1477307
31	5	4	180104021	180120384	7225	272	0,022699	0,001305	0,00518827	1,2971E-07	-2,186705	-1,0069198
32	6	1	4185730	4194263	6187	180	0,0158397	0,001666	0,004009442	1,0024E-07	-1,689878	-0,3224106
33	6	2	25723034	25734245	9794	226	0,0121503	0,0015382	0,003180181	7,9505E-08	-1,442939	-0,831043
34	6	3	26103393	26113254	8710	195	0,0113663	0,0012974	0,003085381	7,7135E-08	-1,73238	-0,451984
35	6	4	26153437	26161250	4184	95	0,0133843	0,0003903	0,003129129	7,8228E-08	-2,464326	-2,088584
36	6	5	26212797	26220651	6707	123	0,0089459	0,0009367	0,002527453	6,3186E-08	-1,732353	-0,357345
37	6	6	26231685	26239237	6754	94	0,0076991	0,0007145	0,001918064	4,7952E-08	-1,790407	-1,076270
38	6	7	34245126	34257679	2330	138	0,0053105	0,0041088	0,008162341	6,4741E-08	-1,422714	-1,612922
39	6	8	36451822	36460692	1772	42	0,0094421	0,0005796	0,003266458	6,2105E-08	-2,170798	-0,084254
40	6	9	39068783	39093690	13776	26	0,0112867	4,236E-05	0,00026101	5,0552E-08	-2,074705	0,835354
41	6	10	39094797	39108646	13835	329	0,0144454	0,0014082	0,003277258	8,2282E-08	-1,724222	-0,4886985
42	6	11	40343104	40351746	4120	318	0,011854	0,0067768	0,010637312	7,9194E-08	-0,989091	-0,9078292
43	6	12	42689739	42699763	8973	75	0,0092233	0,0005078	0,001151901	6,2718E-08	-1,551847	-0,7332094
44	6	13	42842946	42858545	4750	247	0,0192801	0,0014458	0,007166389	9,4841E-08	-2,382715	0,80255351
45	6	14	107383411	107395081	2975	101	0,0130526	0,0011443	0,004678724	7,3259E-08	-2,192075	-0,2751523
46	6	15	13313066	133141657	5468	49	0,0114286	0,0003286	0,001260181	5,6747E-08	-1,98589	0,67547176
47	6	16	159049067	159058050	1046	104	0,0091441	0,0075228	0,013702292	6,5529E-08	-1,275806	-0,8073096
48	6	17	29493892	29505708	7344	48	0,0305927	0,000154	0,000806914	1,4163E-07	-2,140743	1,14720999
49	7	1	6198867	6207568	212		0,0002836		0,002518261	3,2503E-08	-1,305899	-2,1373028
50	7	2	6617659	6633659	643	13	0,0062208	0,001876	0,002283275	6,9657E-08	-0,36331	1,265934
51	7	3	27493034	27502607	7684	156	0,0123634	0,0009041	0,002883349	6,9947E-08	-1,955599	-0,629272
52	7	4	35732666	35739378	355	9	0,0140845	0,0023483	0,005639485	8,7347E-08	-1,28158	-2,920675
53	7	5	56870712	56905707	3383	53	0	0,0011756	0,00232776	5,3978E-08	-1,167777	-5,291851
54	7	6	63200389	63215405	15016	580	0,0242408	0,0019767	0,005484138	1,3308E-07	-1,916453	0,431195
55	7	7	64293379	64300618	4957	261	0,030462	0,0026315	0,007270539	1,8143E-07	-1,225784	3,284930
56	7	8	66362919	66374773	8414	122	0,0074875	0,0004586	0,002109724	4,9956E-08	-2,211061	-2,934707
57	7	9	74437156	74447091	2423	16	0,0066034	2,618E-05	0,000881339	2,2751E-08	-2,161147	1,506528
58	7	10	102908736	102923212	2355	35	0,011465	0,0001189	0,002777037	5,1205E-08	-2,529662	-2,7757111
59	7	11	117852321	117869066	2402	53	0,0133222	0,001363	0,003500613	7,6021E-08	-1,650516	-1,4614431
60	7	12	148943506	148956111	3411	102	0,020815	0,0007859	0,003951993	1,0303E-07	-2,234099	0,1120681
61	8	1	156150	165015	7036	138	0	0,0015019	0,002703346	6,7584E-08	-0,302975	-3,2994944
62	8	2	28605622	28614366	1250	26	0,0096	0,0015182	0,002866519	7,1663E-08	-1,165686	-0,2199527
63	8	3	28904563	28924544	2263	43	0,0114892	0,000675	0,002618638	6,5466E-08	-1,96381	-0,4211
64	8	4	142215114	142224752	2151	69	0,0209205	0,0020925	0,004420993	1,1052E-07	-1,322725	1,0410363
65	8	5	143736415	143749404	2459	67	0,0117934	0,004127	0,003754982	9,3875E-08	0,2727442	-0,5236814
66	9	1	26620003	26644650	22749	402	0,0096708	0,0009507	0,002435324	6,0883E-08	-1,846071	-1,0861999
67	9	2	33572015	33582959	5946	118	0,0095863	0,0021746	0,002734953	6,8374E-08	-0,625764	-0,176743
68	9	3	37435083	37445725	1123	18	0,0044524	0,0002	0,002208942	5,5224E-08	-2,060452	-2,283527
69	9	4	44017295	44031054	12695	6	0	9,446E-05	6,51381E-05	1,6285E-09	1,1958298	0,882660
70	9	5	67290040	67306943	8311	23	0	8,569E-05	0,000381393	9,5348E-09	-1,847961	-3,461744
71	9	6	69446439	69483196	34511	1663	0,0435803	0,0008835	0,006640905	1,6602E-07	-2,696883	3,596948
72	9	7	82495927	82518848	14249	260	0,0115096	0,0010376	0,002514677	6,2867E-08	-1,773841	-0,063814
73	9	8	82522045	82532928	8416	157	0,0					

Supplementary Table S2 (continued): South Asian population.

SAS													
Nº	Chromosome	Cluster	Start	End	n.sites	n. bial. sites	D	Pi	Theta_Watters	Mut.rate	Tajima's D	Fu&Li's D	
82	10	1	29074929	29088891	3188	64	0,01348808	0,00022603	0,002766644	6,91661E-08	-2,5195272	-1,2766036	
83	10	2	45489591	45499469	1807	45	0,01770891	0,00041721	0,003431989	8,57997E-08	-2,3352433	1,22084367	
84	10	3	51765930	51773243	2984	18	0	0,00082202	0,000831378	2,07845E-08	0,5930692	-0,0523164	
85	10	4	59862000	59868949	6493	127	0,01185892	0,00032573	0,002695565	6,73891E-08	-2,5101679	-1,2400089	
86	10	5	72179774	72190667	1662	37	0,01083032	0,00060731	0,003068049	7,67012E-08	-2,0862072	-2,9625907	
87	10	6	85319031	85327160	8129	125	0,00836511	0,00083976	0,002119193	5,29798E-08	-1,7345509	-0,0913514	
88	10	7	91564793	91580773	3949	62	0,00633072	0,00176593	0,002163695	5,40924E-08	-0,503142	-2,0124618	
89	10	8	94174861	94184786	7717	251	0,02604639	0,00047716	0,004482501	1,12063E-07	-2,6860857	1,93203389	
90	11	1	17392631	17403471	3308	58	0,00785973	0,00093073	0,002416332	6,04083E-08	-1,703409	-1,0339409	
91	11	2	45671555	45757548	56680	957	0,0090861	0,00083501	0,002326888	5,81722E-08	-1,954286	-0,9737528	
92	11	3	73110077	73119689	1455	21	0,00618557	0,00022099	0,00198906	4,97265E-08	-2,125885	-1,2540889	
93	11	4	122924715	122934526	4070	135	0,02088452	0,0015699	0,004571207	1,1428E-07	-1,879323	0,2928885	
94	12	1	9462671	9525135	50358	1091	0,01175583	0,00136317	0,002963715	7,40929E-08	-1,537857	-1,1785953	
95	12	2	9544701	9557062	738	9	0,00542005	0,00019181	0,001815336	4,53834E-08	-1,908922	-1,5026057	
96	12	3	54621785	54637501	2939	43	0,00646478	0,00051855	0,001732197	5,75104E-08	-1,948461	-2,1211179	
97	12	4	58210790	58222803	1223	24	0,00981194	0,00154319	0,002300415	5,75104E-08	-1,205712	-0,7195412	
98	12	5	58320819	58333655	8189	135	0,00830382	0,00135779	0,002028659	5,07165E-08	-1,611995	0,6103994	
99	12	6	100545969	100570873	4166	62	0,00672108	0,00025345	0,001961696	4,90424E-08	-2,371643	-2,8244696	
100	12	7	1211132912	121140830	1163	24	0,01203783	0,00121834	0,002649485	6,62371E-08	-1,630122	-0,5295429	
101	13	1	31905163	31955148	47948	1036	0,01138734	0,00119369	0,002977699	7,44425E-08	-1,777571	-1,206583	
102	13	2	114924574	114934504	9930	261	0,01691843	0,00129438	0,003622287	9,05572E-08	-1,875942	1,310173	
103	14	1	19581332	19605056	14978	447	0,02530378	0,00070327	0,004112901	1,02823E-07	-2,524668	2,571524	
104	14	2	61578302	61587727	9425	229	0,0128382	0,00126656	0,003348464	8,37116E-08	-1,809481	-0,905227	
105	14	3	71187038	71198306	2205	54	0,0154195	0,0007755	0,003375023	8,43756E-08	-2,083679	0,1504477	
106	14	4	88594365	88638180	19951	431	0,01323242	0,00079555	0,002977181	7,44295E-08	-2,221184	0,2159957	
107	15	1	24223168	24254145	5563	152	0,01330218	0,00288438	0,00376553	9,41382E-08	-0,6728008	-0,0087506	
108	15	2	24269210	24279095	9885	220	0,01335357	0,00071576	0,003067168	7,66792E-08	-2,2289439	-0,085547	
109	15	3	43029219	43039793	1608	29	6,2136E-08	0,00100368	0,002485442	6,2136E-08	-1,50117908	-0,0016898	
110	15	4	62496215	62573211	30505	683	0,01442386	0,00085999	0,003085613	7,71403E-08	-2,2072315	-0,6670346	
111	15	5	79022376	79033249	5412	197	0,01718404	0,00398255	0,005016491	1,25412E-07	-0,5974905	0,15748952	
112	15	6	89736386	89749195	3598	57	0,0077821	0,0011024	0,002183259	5,45815E-08	-1,3456141	-1,3634958	
113	15	7	91825325	91849238	4699	225	0,03468823	0,00078165	0,006598876	1,64972E-07	-2,6438288	1,20983232	
114	16	1	23677355	23690204	201	4	0,0199005	9,9877E-05	0,002742556	6,85639E-08	-1,451907	0,791915	
115	16	2	28381362	28391348	9538	181	0,01404907	0,00048472	0,002615253	6,53813E-08	-2,43637	0,7069521	
116	16	4	66647926	66658617	727	7	0,0082531	4,8324E-05	0,001326952	3,31738E-08	-1,75975	1,0377209	
117	16	5	68530944	68543883	12939	284	0,01398872	0,00048086	0,003024887	7,56222E-08	-2,459254	-2,130629	
118	17	1	7231762	7239463	1790	36	0,00726257	0,00205093	0,002771667	6,92917E-08	-0,6741356	-2,635163	
119	17	2	18216209	18232206	303	19	0,04620462	0,00030642	0,008641767	2,16044E-07	-2,2645869	0,389442	
120	17	3	26586053	26605774	5396	130	0,01519644	0,00060225	0,00332019	8,30408E-08	-2,3395577	-0,578668	
121	17	4	34229674	34248832	1668	80	0,01918465	0,00290103	0,006609757	1,65244E-07	-1,5638101	-1,311449	
122	17	5	36552280	36562782	936	9	0,0042735	0,00059491	0,001325129	3,31282E-08	-1,0845398	0,226573	
123	17	6	66117204	66135103	4714	91	0,0106067	0,00141833	0,002660378	6,65095E-08	-1,3113274	0,613719	
124	17	7	73056106	73063992	2008	122	0,05079681	0,00135582	0,008373318	2,09333E-07	-2,4427802	2,622057	
125	17	8	74553469	74562102	114	4	0,01754386	0,00013213	0,004835559	1,20889E-07	-1,4656084	-2,081227	
126	17	9	76985085	76993110	2714	68	0,01326455	0,00105489	0,003452953	8,63238E-08	-1,9141926	-0,771772	
127	17	10	79473027	79483935	3970	188	0,03148615	0,00120666	0,006526371	1,6131597E-07	-2,3886722	1,325108	
128	18	1	11633196	11698981	40357	917	0,0141735	0,00110694	0,003131439	7,83E-08	-2,006306	-0,1723165	
129	19	1	16120965	16155513	11564	296	0,01478727	0,00130449	0,003527595	8,81899E-08	-1,887029	0,788612	
130	19	2	19848827	19869819	16805	374	0,01160369	0,00129026	0,003067091	7,66773E-08	-1,74819	-0,748972	
131	19	3	22928738	22935512	6247	180	0,0152073	0,00116605	0,003970933	9,92733E-08	-2,042263	-1,351264	
132	19	4	35374879	35387799	7293	108	0,00781571	0,00088225	0,002040841	5,1021E-08	-1,609018	-1,525367	
133	19	5	35391755	35403584	6298	98	0,00920927	0,00084647	0,002144446	5,36111E-08	-1,707022	-0,572356	
134	20	1	5171677	5179628	1095	19	0,0109589	0,00080134	0,002391371	5,97843E-08	-1,49738	0,2298161	
135	20	2	5473972	5486585	5154	100	0,01105937	0,00130914	0,002673912	6,68478E-08	-1,441	0,6293071	
136	20	3	31436063	31448827	2364	41	0,00972927	0,00079244	0,002390165	5,97541E-08	-1,759438	-0,5447099	
137	20	4	47154559	47162369	7182	150	0,01002506	0,00146072	0,002878342	7,19586E-08	-1,423192	-1,0408845	
138	21	1	45886885	45920909	20102	477	0,01462541	0,00071572	0,003270187	8,17547E-08	-2,36557	-0,4696621	
139	22	1	18208834	18217791	3283	66	0,01340238	0,00080062	0,002770541	6,92635E-08	-1,9554041	0,02864581	
140	22	2	21040679	21049277	3538	18	0,00861244	0,0004066	0,000701142	5,93455E-08	-0,9760188	1,60955822	
141	22	3	31671114	31689434	1507	213	0,0508762	0,00313149	0,019478735	2,07423E-07	-2,5224	2,59079881	
142	22	4	39078831	39087131	122	24	0,00862641	0,00976384	0,027110839	5,48693E-08	-1,5656582	-1,4870494	
143	22	6	18832651	18840619	1045	127	0,00798027	0,00849622	0,016748618	6,34878E-08	-1,4068107	-1,0491706	
144	22	5	50272669	50290618	6892	3	0,00819672	5,1293E-07	4,83961E-05	1,2099E-09	-1,1406856	0,6108735	
145	22	6	18832651	18840619	1045	235	0,00754498	0,00747581	0,025002664	6,25067E-07	-1,8955506	-8,5173149	

n.sites- number of sites; n.bial.sites- number of biallelic sites; n.polyal.sites – number of polyallelic sites; D- divergence with chimpanzee.

Supplementary Table S3: Differentiation between populations in piRNA clusters.

Nº	Chromosome	Clusters	AFR/AMR	AFR/EUR	AFR/SAS	AMR/EAS	AMR/EUR	AMR/SAS	EAS/EUR	EAS/SAS	EUR/SAS	AFR/all	AMR/all	EAS/all	EUR/all	SAS/all
1	1	0.02955125	0.0620182	0.0258537	0.028294	0.031732	0.0085536	0.0015042	0.050024	0.0342759	-0.0002693	0.03598705	0.01502971	0.04297135	0.02105847	0.0167082
2	1	2	0.08584585	0.1104373	0.0958406	0.075062	0.040631	0.0047672	0.0543429	0.04210293	0.00329909	0.05195337	0.03446291	0.06202261	0.04066641	0.0311704
3	1	3	0.10777388	0.1564466	0.1229526	0.095421	0.041716	0.0049369	0.0001335	0.02412	0.0229102	0.00828191	0.1196318	0.06356242	0.1079748	0.07564735
4	1	4	0.03039835	0.030395	0.033136	0.03581	0.000877	0.0010932	0	0.001578	0.00133067	0.0019569	0.00324661	0.00205836	0.00217695	0.002460035
5	1	5	0.37838163	0.1697339	0.3466588	0.250958	0.236194	0.0098284	0.0911981	0.171011	0.04984762	0.04443731	0.2090128	0.2426087	0.1598485	0.14040057
6	1	6	0.06732372	0.0489295	0.0973331	0.073355	0.061106	0.0023899	-0.9876-05	0.094329	0.05170758	0.00748957	0.07010983	0.0385979	0.06273503	0.05886155
7	1	7	0.110327	0.1642495	0.1258568	0.155237	0.151996	0.0240407	0.0094685	0.091516	0.00275482	0.04284061	0.1373087	0.06942584	0.1192357	0.0482621
8	1	8	0.05306365	0.0910198	0.0572931	0.05953	0.022797	0.0185	0.0060644	0.05261	0.04019922	0.02847936	0.06738656	0.02676763	0.05405376	0.0428566
9	1	9	0.12392716	0.1559238	0.0511709	0.100426	0.022902	0.0341899	0.0138181	0.07365	0.035025	0.01664585	0.1081146	0.05159529	0.07990545	0.04451444
10	1	10	0.06609671	0.1009444	0.09966	0.050072	0.0303292	0.0434634	0.10124	0.07629669	0.01465861	0.09197723	0.04084987	0.08268344	0.06440424	0.06074573
11	2	1	0.20962446	0.222195	0.2037409	0.243562	0.01496	0.038783	0.032313	0.024596	0.02204227	0.0154427	0.2197176	0.08316822	0.09622489	0.08298976
12	2	2	0.20776904	0.2702765	0.2210641	0.266812	0.024223	0.0064479	0.075189	0.030132	0.02231604	0.00710476	0.2415	0.1047241	0.1484034	0.1131631
13	2	3	0.01461788	0.0228318	0.0982183	0.142661	0.000743	0.0404149	0.0757864	0.038113	0.07334463	0.00510555	0.07099122	0.0327029	0.03365074	0.0477928
14	2	4	0.00536016	0.0562727	0.0134144	-0.002164	0.022629	0.0365263	0.0047589	0.109833	0.05583373	0.01335844	0.02528388	0.01723036	0.05825064	0.06001411
15	2	5	0.12262565	0.12546	0.1189399	0.0511709	0.100426	0.022902	0.0341899	0.0138181	0.005567	0.020217183	0.120797	0.06178345	0.05177884	0.04436421
16	2	6	0.33818645	0.4186368	0.3222635	0.351244	0.078781	0.0043476	0.0566494	0.05733	0.00657796	0.03321743	0.15932097	0.16668283	0.2110609	0.1508366
17	2	7	0.1668891	0.1089797	0.1262563	0.028218	0.049099	0.015937	0.03382247	0.13124	0.1243623	0.0204474	0.07326605	0.05817181	0.0428474	
18	3	1	0.09588284	0.2011022	0.0811296	0.10321	0.053632	0.0101442	0.0008837	0.121994	0.07219693	0.01012362	0.1223659	0.05333787	0.135314	0.0618857
19	3	2	0.16108564	0.33071	0.0455323	0.06813	0.050779	0.0419608	0.0017194	0.174133	0.07977451	0.02004986	0.1679392	0.0958182	0.1781794	0.06870848
20	3	3	0.074722	0.1070707	0.0878558	0.071125	0.081136	0.020391	0.004089	0.050822	0.02357476	0.08511161	0.0314703	0.04321338	0.03647112	0.033147
21	3	4	0.14203445	0.1580596	0.2076702	0.150174	0.090164	0.0165693	0.0131491	0.146089	0.07716191	0.03774777	0.1647221	0.07540512	0.1221355	0.1169087
22	3	5	0.05712008	0.0724773	0.1270632	0.082358	-0.00041	0.0310523	0.0049053	0.027795	0.00509467	0.00891246	0.04891246	0.02963157	0.05954449	0.0301624
23	4	1	0.37910807	0.6456471	0.398085	0.478209	0.143625	-0.00091	0.0154903	0.129528	0.07371891	0.01120077	0.480112	0.1820375	0.3917478	0.1892519
24	4	2	0.05286141	0.083324	0.0650635	0.038011	0.00339	0.0524278	0.120167	0.085929	0.03511597	0.02762629	0.05988291	0.0322255	0.05481087	0.0580788
25	4	3	0.1976273	0.0488936	0.0182332	0.02023	0.016244	0.0006353	0.012666	0.05309263	0.01740404	0.02692646	0.01100434	0.03263857	0.01211529	0.0255133
26	4	4	0.13109678	0.0856713	0.1091373	0.164441	0.025006	0.0067289	0.008442	0.016163	0.04371421	0.1217699	0.06393771	0.05088492	0.0570614	0.0891424
27	4	5	0.05304787	0.29074477	0.0901987	0.112476	0.079903	0.0195321	0.0602645	0.347429	0.10618603	0.05105406	0.1436442	0.1124141	0.2633946	0.153444
28	5	1	0.0722198	0.1243802	0.087510	0.08736	0.022959	0.1126439	0.017869	0.18571	0.06279083	0.05181199	0.1028894	0.1391439	0.0574049	
29	5	2	0.0087195	0.0545572	0.0401405	0.031113	0.031993	0.032783	0.0188321	0.021114	0.02270752	0.03063085	0.03415607	0.02340478	0.032392	0.0242154
30	5	3	0.15661143	0.1525122	0.1225527	0.165836	0.03616	0.005754	0.0439396	0.0340664	0.05351387	0.04723246	0.139127	0.05981379	0.0821688	0.02965339
31	5	4	0.06253967	0.086927	0.066841	0.047514	0.012515	0.0161484	0.032934	0.052304	0.03266275	0.01050050	0.0650950	0.02827972	0.04884356	0.0382134
32	6	1	0.06074116	0.1768732	0.0690207	0.090422	0.064207	0.003734	0.00550408	0.063057	0.04790487	0.01847992	0.00989441	0.03390429	0.0925167	0.03904517
33	6	2	0.1668682	0.4055738	0.1007083	0.127824	0.097073	0.023357	0.0039379	0.198341	0.05954475	0.02084504	0.218197	0.07464065	0.2249155	0.085001
34	6	3	0.04221001	0.1142287	0.0523173	0.0694929	0.090204	0.0066495	0.0461949	0.135779	0.01051966	0.04178973	0.0697614	0.03664831	0.1116794	0.0427307
35	6	4	0.0585045	0.2557466	0.0613895	0.126056	0.132437	0.0174301	0.02677	0.176601	0.0703231	0.05238158	0.1323029	0.05878773	0.163501	0.08035856
36	6	5	0.06889228	0.0509588	0.1063166	0.038474	0.066315	0.0204521	0.0226914	0.139227	0.07209858	0.02423856	0.0671852	0.04171237	0.08278446	0.07260094
37	6	6	0.05844331	0.1703318	0.0412167	0.056156	0.068274	0.009285	0.0321634	0.079033	0.05696782	0.01121684	0.08148446	0.04177911	0.09851001	0.03470312
38	6	7	0.07414192	0.0890924	0.1211484	0.104048	0.010978	0.0203307	0.0294391	0.050815	0.02637331	0.09914655	0.04707564	0.0378263	0.04756917	0.07665081
39	6	8	0.06612666	0.0395934	0.051169	0.056228	0.030319	0.0067334	0.007698	0.016799	0.03191958	-1.319-131958	0.01659895	0.02716694	0.04131397	0.02620903
40	6	9	0.03079304	0.1002628	0.0422166	0.0396172	0.0407495	0.0047095	0.0052811	0.047254	0.03959268	0.00400808	0.04538969	0.01982047	0.05794841	0.0267498
41	6	10	0.05515931	0.0477331	0.1553363	0.058086	0.0406061	0.0045133	0.140044	0.03614112	0.04084749	0.03667104	0.06821078	0.08956289	0.0373703	
42	6	11	0.03105657	0.0689349	0.0308835	0.0409595	0.0505045	0.011146	0.022576	0.056029	0.14315545	0.0491929	0.04049167	0.02575988	0.03864395	0.061941
43	6	12	0.06629581	0.0507814	0.0506377	0.07843	0.064149	0.0319957	0.0572145	0.0323027	0.0120087	0.0340839	0.07942159	0.05867733	0.07376077	0.0505038
44	6	13	0.0414086	0.0590535	0.0575831	0.045751	0.017893	0.0205308	0.0156267	0.012392	0.03724785	0.01345684	0.05912619	0.02047503	0.0426949	0.02330395
45	6	14	0.22918462	0.2735753	0.2802447	0.20473	0.01625	0.0097718	0.0181159	0.046831	0.0404315	0.03675703	0.2462916	0.10374773	0.1363523	0.1378236
46	6	15	0.07400362	0.0976496	0.0521200	0.046934	0.086383	0.0119886	0.0202216	0.088399	0.04061984	0.00935828	0.05424556	0.04157039	0.07685573	0.03153841
47	6	16	0.05497116	0.1356664	0.1011802	0.059493	0.127521	0.0863184	0.0367971	0.0401425	0.03613203	0.0130126	0.08811363	0.07451096	0.08442404	0.05876045
48	6	17	0.02433116	0.1609419	0.0510507	0.038228	0.088956	0.0081874	0.036884	0.018062	0.0324649	0.01137363	0.05978439	0.02246759	0.03159587	0.0305807
49	7	1	0.07654397	0.3094344	0.0863876	0.230734	0.141323	-0.001929	0.0652964	0.135468	0.02680592	0.05914576	0.17063294	0.0492022	0.2133873	0.0658513
50	7	2	0.01127333	0.1018896	0.0736206	0.07843	0.064149	0.0319957	0.0572145</							

Supplementary Table S3 (continued).

81	10	1	0.0644844	0.0868402	0.0854735	0.078052	0.004543	0.0269912	0.0088154	0.050693	0.02212287	0.00434065	0.07863152	0.03503487	0.05161006	0.05340036	0.0409433
82	10	2	0.08552072	0.1281914	0.0163958	0.017156	0.036692	0.0946849	0.0397072	0.110991	0.06999958	0.01348992	0.0814133	0.05917522	0.08405695	0.07581963	0.0436905
83	10	3	0.03418805	0.0537938	0.0834143	0.017495	0.019565	0.1326479	0.0076752	0.127001	0.01469556	0.09387047	0.04640854	0.04850042	0.05267324	0.1083779	0.0324775
84	10	4	0.06584487	0.0973692	0.1165045	0.097046	0.05826	0.0273427	0.0124335	0.134698	0.06380261	0.0226335	0.09382365	0.0482867	0.08994377	0.08943924	0.06312128
85	10	5	0.13132659	0.03137005	0.0144364	0.060027	0.060393	0.0143392	0.0179731	0.074811	0.13281836	0.03810526	0.1738037	0.05390272	0.1479695	0.06552549	0.0648891
86	10	6	0.14963807	0.0976527	0.1133829	0.086735	0.05982	0.0211389	0.0338424	0.015491	0.01480502	0.00357108	0.1125235	0.07153833	0.05190473	0.04602554	0.039823
87	10	7	0.12794898	0.0158608	0.1698285	0.015647	0.01187	0.0136487	0.1131354	0.045159	0.10025017	0.15203799	0.1082607	0.07162117	0.07142558	0.1013324	0.0964398
88	10	8	0.0636809	0.1173613	0.083323	0.073327	0.086944	0.0341361	0.0406074	0.19322	0.03452661	0.11883932	0.08405013	0.05755826	0.1161166	0.1046598	0.0719646
89	11	1	0.0744181	0.2956223	0.1518795	0.119354	0.167742	0.0382839	0.0194898	0.071245	0.11949078	0.00671775	0.1616552	0.07467759	0.1769423	0.07191726	0.0676376
90	11	2	0.06301477	0.0861783	0.0860132	0.09118	0.087696	0.0160858	0.0129445	0.113989	0.11352661	0.00763206	0.08562565	0.04707727	0.1041027	0.0594749	0.0601325
91	11	3	0.27758032	0.3719914	0.1984494	0.307655	0.017319	0.011196	0.0034758	0.044619	0.00630434	0.02252185	0.2839184	0.1254914	0.1885558	0.09372121	0.1432584
92	11	4	0.11673233	0.1974944	0.1474485	0.052735	0.057551	0.0067843	0.0263651	0.087393	0.04064844	0.0261052	0.125978	0.0587234	0.07872504	0.0585825	
93	12	1	0.08071197	0.1387022	0.0774919	0.093688	0.067379	0.0135336	0.023188	0.056013	0.13152895	0.05374099	0.09775066	0.0482865	0.1012933	0.05158521	0.0769568
94	12	2	0.13485456	0.1767168	0.1761221	0.155307	0.010311	0.010758	0.013325	0.00374735	0.02754988	0.1603226	0.09612366	0.1396441	0.1389338	0.072969	
95	12	3	0.19124793	0.3448595	0.2468208	0.149269	0.055862	0.0073858	0.0229792	0.057965	0.08749041	0.06315516	0.2393151	0.07554574	0.15627229	0.1029371	0.0829051
96	12	4	0.07412528	0.406857	0.1506381	0.262348	0.25806	0.0223852	0.1297177	0.152203	0.03665504	0.05747955	0.249795	0.1330905	0.2258278	0.09759598	0.126893
97	12	5	0.06280981	0.108635	0.1368647	0.059933	0.032261	0.0461281	0.0143827	0.04808754	0.0848012	0.09107669	0.04167281	0.08371092	0.1048694	0.0540837	
98	12	6	0.14469216	0.2074095	0.1583176	0.148389	0.0297	0.002828	0.0191196	0.044525	0.03973205	0.02186749	0.1643685	0.07908081	0.12833492	0.085751	
99	12	7	0.07463577	0.1134828	0.0998706	0.054063	0.12976	0.0116875	0.0096045	0.125701	0.07417612	0.0128266	0.08559029	0.06121112	0.1102243	0.0673779	0.0404183
100	13	1	0.0850328	0.1309729	0.1466669	0.100065	0.096315	0.0261402	0.0081867	0.187361	0.06281647	0.04788742	0.1190384	0.06074479	0.1204873	0.1086067	0.0572969
101	13	2	0.14860327	0.0831429	0.138614	0.106220	0.051637	0.0247341	0.017044	0.080593	0.01747325	0.03065198	0.120464	0.06292613	0.05872504	0.06993989	0.0437352
102	14	1	0.05374381	0.05354635	0.0597063	0.036295	0.009851	0.0050719	0.028129	0.00297	0.01461204	0.01757708	0.0507532	0.02501899	0.02096088	0.02223698	0.0244191
103	14	2	0.11702994	0.1059825	0.2559037	0.071421	0.015286	0.0426995	0.0080906	0.080145	0.01701353	0.08577662	0.1376522	0.05039536	0.05589121	0.130207	0.0464677
104	14	3	0.05426318	0.0302642	0.1056703	0.129019	0.074906	0.0150812	0.0181816	0.123264	0.15203856	0.0262198	0.07412845	0.04201584	0.09027474	0.0813112	
105	14	4	0.10492116	0.1460813	0.1080722	0.110963	0.032446	0.0303504	0.0141502	0.034126	0.0468534	0.1630936	0.11731	0.04245165	0.06598009	0.04303287	0.0503713
106	15	1	0.02500663	0.06465655	0.0079168	0.018067	0.010446	0.0327715	-0.001035	0.082823	0.0193093	0.0216153	0.02805216	0.01762401	0.04678495	0.03538097	0.0147619
107	15	2	0.08575219	0.119264	0.0722379	0.085049	0.017663	0.0137711	0.0050121	0.031	0.01773531	0.0083232	0.09020106	0.03656113	0.0549858	0.03538571	0.035501
108	15	3	0.05788312	0.05524039	0.05366207	0.315128	0.02233	0.03013243	0.1108416	0.0295769	0.11106597	0.07506479	0.5044466	0.2588215	0.2465494	0.2279439	0.1627706
109	15	4	0.06616245	0.10952511	0.0598143	0.0555884	0.084978	0.0161932	0.0311615	0.099341	0.03591521	0.02863486	0.073119363	0.05085762	0.08418816	0.05220406	0.0385452
110	15	5	0.17768223	0.0780492	0.461905	0.269034	0.102598	0.1465327	0.0412325	0.387464	0.15920647	0.08132019	0.2784389	0.1158892	0.214971	0.2854097	0.1468221
111	15	6	0.09021201	0.0999669	0.0991492	0.089734	0.0463962	0.0407629	0.085714	0.08615014	0.00102066	0.05920005	0.050484219	0.07344236	0.05943433	0.0538023	
112	15	7	0.10073337	0.1291759	0.1394252	0.131449	0.017913	0.0390279	0.0236595	0.033677	0.00319277	0.02141019	0.1241977	0.0598929	0.07107555	0.08619432	0.0726691
113	16	2	0.09397161	0.032029	0.0314593	0.022154	0.010406	0.0410522	0.1053288	0.029177	0.01810418	0.01792693	0.04760357	0.08298385	0.04484659	0.03060015	0.043871
114	16	4	0.05451449	0.069024	0.0708634	0.070133	0.001443	0.0017045	0.015917	0	0	0.06592605	0.03830122	0.05203532	0.05526844	0.0539575	
115	16	5	0.24159809	0.3118156	0.2827749	0.197695	0.029475	0.0415505	0.0279488	0.112101	0.07984619	0.03023319	0.24465654	0.1298984	0.1818461	0.1298278	0.1075221
116	17	1	0.14631206	0.1794536	0.1741652	0.194988	0.006833	0.0274933	0.009972	0.04754	0.00557133	0.06498448	0.1741213	0.05101398	0.06558673	0.08189875	0.0750111
117	17	2	0	0.0066376	-2.22-16	0	0.002709	-0.001009	0.006509	0	0.00171609	0.00279395	0.00506051	0.00272583	0.03886756	0.0004315	
118	17	3	0.02616267	0.0445407	0.0311532	0.031966	0.0848278	0.0016099	0.0530716	0.088005	0.02194786	0.0497176	0.0369265	0.04249444	0.05920104	0.04386111	
119	17	4	0.04945109	0.0377426	0.0895974	0.044997	0.004194	0.0370377	0.0521234	0.046665	0.04538479	0.03052834	0.0518658	0.03510039	0.03281207	0.05441418	0.0442638
120	17	5	0.23871523	0.184693	0.2023487	0.224184	0.024736	0.0021046	0.0048927	0.012311	0.00821241	0.03084628	0.2123356	0.1021334	0.0794669	0.08271976	0.092294
121	17	6	0.08846597	0.09565911	0.1055099	0.051998	0.217526	0.08295192	0.169886	0.2176	0.13470497	0.04638568	0.08512987	0.09352327	0.166792	0.1034134	0.0634677
122	17	7	0.02105186	0.3740321	0.0238082	0.0585050	0.374779	0.008974	0.0637597	0.443789	0.02302812	0.0983054	0.1679694	0.1657921	0.3467781	0.2095846	0.1153741
123	17	8	0.00203626	0.0018317	0.0027109	0.002126	0.00174	-0.002363	0	-0.00101	0	0.00114892	0.00218056	-0.0004445	-0.0001258	0.000239417	0.000892
124	17	9	0.04592713	0.0733656	0.0256036	0.0385157	0.047994	0.0576073	0.1215706	0.03423784	0.05055794	0.07421471	0.0481671	0.08486723	0.08669352	0.0495171	
125	17	10	0.05479376	0.1336243	0.0785989	0.083878	0.092851	0.02092092	0.2048	0.04829272	0.08031226	0.08933504	0.1241323	0.0891125	0.0613162		
126	18	1	0.1294675	0.1448413	0.1439898	0.093736	0.021079	0.0128574	0.031266	0.05767	0.03384222	0.04251089	0.1281261	0.05087897	0.07352975	0.0730457	0.0550533
127	19	1	0.15524389	0.2101807	0.1527211	0.146772	0.112531	0.0099812	0.1067887	0.136985	0.05932214	0.01349342	0.1663377	0.0834688	0.1466539	0.08775193	0.0766409
128	19	2	0.05780981	0.068849													

Supplementary Table S4: Differentiation F_{ST} between populations in piRNA clusters per chromosome.

Differentiation between populations, F_{ST}																		
Chromosome	AFR/AMR	AFR/EAS	AFR/EUR	AFR/SAS	AMR/EAS	AMR/EUR	AMR/SAS	EAS/EUR	EAS/SAS	EUR/SAS	AFR/all	AMR/all	EAS/all	EUR/all	SAS/all			
1	0.0957058	0.1182786	0.0879088	0.094349	0.041677	0.02473	0.022636	0.080793	0.053304	0.016033	0.0990483	0.04926147	0.07645338	0.05483059	0.04937413			
2	0.1666587	0.1744098	0.1663632	0.190348	0.030183	0.01509	0.022433	0.019126	0.018311	0.003544	0.1744349	0.07169542	0.07464856	0.06551136	0.07600079			
3	0.1317821	0.1601055	0.1840322	0.137688	0.075384	0.01908	0.011141	0.128061	0.068332	0.033029	0.1533154	0.06772041	0.1132771	0.1024673	0.07076793			
4	0.0899453	0.1935235	0.0988775	0.123848	0.074716	0.00743	0.018723	0.087584	0.061934	0.03283	0.1283398	0.05035386	0.1105698	0.05942759	0.06276106			
5	0.0275219	0.070165	0.0647524	0.044786	0.029148	0.04016	0.018732	0.044697	0.028764	0.011498	0.05224	0.02892423	0.04346939	0.04044387	0.02608412			
6	0.0662301	0.1441757	0.0891395	0.07337	0.065374	0.02178	0.020294	0.096961	0.085002	0.033974	0.0933825	0.04408525	0.09983144	0.06147736	0.05384285			
7	0.0936065	0.0907895	0.113014	0.138872	0.038179	0.01549	0.01998	0.079089	0.073927	0.023493	0.1089413	0.04402978	0.07099214	0.06077196	0.06806368			
8	0.1421457	0.093392	0.1365527	0.073215	0.057517	0.00607	0.053038	0.06429	0.028345	0.053642	0.1117593	0.06771123	0.0614964	0.06809996	0.05223023			
9	0.0959426	0.1353695	0.1228609	0.104856	0.083413	0.01909	0.027357	0.104833	0.061255	0.023849	0.1148455	0.05815303	0.09765948	0.07057951	0.05631831			
10	0.1039695	0.1080894	0.1196527	0.061475	0.041286	0.0375	0.054231	0.076244	0.05833	0.078531	0.0985319	0.06349258	0.07402434	0.08174767	0.06282816			
11	0.0711684	0.1252917	0.0972831	0.059048	0.089337	0.01665	0.014669	0.10949	0.113311	0.010964	0.096355	0.05022951	0.1101055	0.0622085	0.06087238			
12	0.0823813	0.1467034	0.0901962	0.095212	0.068789	0.01655	0.025064	0.067733	0.118234	0.056532	0.1037728	0.05035182	0.1037753	0.05963962	0.07525822			
13	0.1075476	0.1236839	0.1452455	0.10108	0.08843	0.025852	0.00987	0.1689833	0.051591	0.04456	0.1192785	0.06115332	0.1101796	0.1014283	0.05488015			
14	0.0969605	0.1090608	0.1445591	0.085566	0.025494	0.01446	0.015597	0.04537	0.037552	0.036253	0.109291	0.04127757	0.05718416	0.06523509	0.04558866			
15	0.1030614	0.1095117	0.1843169	0.117084	0.063137	0.06034	0.027039	0.183469	0.082386	0.039336	0.1300722	0.06484784	0.1118944	0.1216948	0.06841882			
16	0.189756	0.2258752	0.1682031	0.148065	0.063928	0.04125	0.064422	0.07217	0.05296	0.025258	0.1830923	0.1047386	0.1234754	0.08960268	0.08312689			
17	0.075248	0.1108463	0.0938007	0.078411	0.101059	0.02961	0.029535	0.145367	0.068005	0.05351	0.0899961	0.06186305	0.1065674	0.08423631	0.05883531			
18	0.1294675	0.1448413	0.1439898	0.093736	0.021079	0.01286	0.033127	0.05767	0.033842	0.042511	0.1282161	0.05807897	0.07352975	0.0730457	0.05505327			
19	0.1488009	0.1715646	0.145825	0.127843	0.04725	0.01485	0.023672	0.060908	0.051834	0.016772	0.148613	0.06627434	0.09035262	0.06688643	0.06069261			
20	0.0949943	0.0621224	0.1315662	0.108054	0.039454	0.03478	0.049734	0.060451	0.03375	0.020006	0.0986123	0.05739416	0.04959873	0.067635	0.05705912			
21	0.1097133	0.1364779	0.1604759	0.143383	0.01246	0.01423	0.00489	0.015974	0.014385	0.009466	0.137349	0.04728754	0.06040745	0.06998529	0.06048091			
22	0.2581333	0.2675125	0.2376059	0.153162	0.024649	0.01054	0.062926	0.054945	0.076369	0.04471	0.2295923	0.1080389	0.1235233	0.1027081	0.08871212			

Supplementary Table S5: Overall McDonald and Kreitman test for piRNA clusters per chromosome.

MKT per chromosome										Alpha	Chi-square	P-values	
Chr.	P(non-neutr)	P(neutr)	D(non-neutr)	D(neutr)	NI								
1	1395	13201	511	4110	0,84994	0,1500599	8,8482	0,003498					
2	5901	6965	3515	2200	0,530276	0,4697242	387,25	0,0005					
3	1407	6182	469	2044	0,991912	0,008088	0,018875	0,908					
4	1289	3054	466	892	0,80791	0,1920903	10,432	0,001499					
5	1513	1333	406	386	1,079121	-0,079121	0,8971	0,3598					
6	4500	8622	1245	2498	1,047195	-0,047195	1,3795	0,2384					
7	2409	12186	795	4852	1,206505	-0,206505	18,007	0,0005					
8	750	8559	104	2484	2,092939	-1,092939	49,56	0,0005					
9	6545	15720	3516	5043	0,597169	0,4028311	383,85	0,0005					
10	1337	15997	424	4807	0,947548	0,0524522	0,85977	0,3713					
11	2412	4915	607	1510	1,220793	-0,220793	13,62	0,001999					
12	2693	4531	660	1300	1,170689	-0,170689	8,6439	0,004998					
14	1881	2919	786	968	0,793611	0,2063893	16,838	0,0005					
15	2916	10749	835	3524	1,144903	-0,144903	9,56	0,001					
16	804	3370	316	1087	0,82067	0,1793299	6,9578	0,009495					
18	1789	2937	528	1306	1,506661	-0,506661	47,525	0,0005					
20	617	7382	152	2424	1,332908	-0,332908	9,4965	0,002499					
21	891	232	268	81	1,160753	-0,160753	1,0343	0,3348					
22	710	2253	293	686	0,737825	0,2621745	13,808	0,001					

P(non-neutr)- number of polymorphic sites in piRNA clusters; P(neutr) – number of polymorphic sites in intergenic regions; D(non-neutr)- number of divergent sites in piRNA clusters; D(neutr)- number of divergent sites in intergenic regions. P-value < 0.05 is marked in red.

Supplementary Table S5 (continued): African and American populations.

AFR									
Chr.	P(non-neutr)	P(neutr)	D(non-neutr)	D(neutr)	NI	Alpha	Chi-square	P-values	
1	981	8848	529	4240	0,88865682	0,111343181	4,2799	0,03948	
2	4831	4770	3532	2265	0,64948058	0,35051942	163,99	0,0005	
3	973	4053	482	2102	1,04694028	-0,046940282	0,5502	0,4493	
4	951	2043	485	916	0,87915588	0,120844119	3,5354	0,06397	
5	1059	912	424	405	1,10915001	-0,109150012	1,563	0,2204	
6	2967	5769	1299	2586	1,0238501	-0,0238501	0,33329	0,5782	
7	1696	8804	818	4973	1,17114581	-0,171145812	11,751	0,001499	
8	484	8559	107	2484	1,31277455	-0,312774551	45,155	0,0005	
9	5083	12699	3586	6118	0,68288846	0,31711154	203,63	0,0005	
10	901	10897	438	4981	0,94028665	0,059713347	1,0289	0,3073	
11	1526	3349	626	1567	1,14060179	-0,140601791	5,4299	0,02549	
12	1793	2912	681	1327	1,1998107	-0,199810698	0,078265	0,7936	
14	1348	2919	796	997	0,57841279	0,42158721	5,3267	0,02049	
15	2014	7634	873	3649	1,10272426	-0,102724263	4,6731	0,02999	
16	532	2217	320	1124	0,84287325	0,157126748	4,611	0,02749	
18	1260	2179	545	1349	1,43129371	-0,431293709	33,729	0,0005	
20	417	5043	160	2498	1,29098007	-0,290980071	7,0867	0,009495	
21	606	160	277	82	1,12120939	-0,121209386	0,55249	0,5032	
22	519	1521	299	715	0,81596776	0,184032244	5,6541	0,01799	
AMR									
Chr.	P(non-neut)	P(neutr)	D(non-neutr)	D(neutr)	NI	Alpha	Chi-square	P-values	
1	854	7463	538	4311	0,91693843	0,083062	2,2155	0,1464	
2	4399	3921	3550	2304	0,72813388	0,271866	84,222	0,0004998	
3	844	3410	492	2123	1,0680042	-0,068	1,0873	0,3073	
4	808	1739	493	930	0,8764917	0,123508	3,5368	0,07146	
5	858	760	427	407	1,07606927	-0,07607	0,7384	0,3708	
6	2450	4859	1309	2621	1,00959353	-0,00959	0,051812	0,8306	
7	1458	7648	827	5023	1,15789003	-0,15789	9,6705	0,002499	
8	368	4715	112	2641	1,84041812	-0,84042	31,237	0,0004998	
9	4654	10589	3606	6198	0,75543531	0,244565	105,41	0,0004998	
10	770	9267	452	5100	0,93752596	0,062474	1,0911	0,3003	
11	1199	2700	636	1598	1,11577102	-0,11577	3,5284	0,06747	
12	1499	2427	694	1349	1,20056129	-0,20056	10,256	0,002499	
14	1169	1604	798	1010	0,92241983	0,07758	1,7523	0,1799	
15	1661	6368	932	3742	1,04725984	-0,04726	1,0158	0,3223	
16	464	1855	324	1134	0,8754717	0,124528	2,6567	0,1089	
18	997	1918	556	1382	1,29205145	-0,29205	16,259	0,0004998	
20	346	4348	164	2545	1,23489634	-0,2349	4,6462	0,02849	
21	502	138	283	84	1,07973575	-0,07974	0,23856	0,6372	
22	453	1249	301	728	0,87720409	0,122796	2,2294	0,1429	

P(non-neutr)- number of polymorphic sites in piRNA clusters; P(neutr) – number of polymorphic sites in intergenic regions; D(non-neutr)- number of divergent sites in piRNA clusters; D(neutr)- number of divergent sites in intergenic regions. P-value < 0.05 is marked in red.

Supplementary Table S5 (continued): East Asian and European populations.

EAS									
Chr.	P(non-neutr)	P(neutr)	D(non-neutr)	D(neutr)	NI	Alpha	Chi-square	P-values	
1	894	7812	545	4304	0,903756	0,096244	3,0923	0,07696	
2	4481	4087	3539	2305	0,714103	0,285897	96,009	0,0005	
3	898	3542	494	2121	1,088533	-0,08853	1,8498	0,1899	
4	840	1787	495	925	0,878398	0,121602	3,467	0,05947	
5	902	814	426	411	1,06909	-0,06909	0,6272	0,4508	
6	2704	5254	1290	2605	1,039285	-0,03928	0,86368	0,3643	
7	1504	7949	822	4994	1,149508	-0,14951	8,8038	0,004498	
8	388	5067	111	2635	1,817768	-0,81777	30,135	0,0005	
9	4788	11219	3583	6150	0,732535	0,267465	131,35	0,0005	
10	833	9974	442	5053	0,954779	0,045221	0,56945	0,4688	
11	1300	2968	633	1576	1,090516	-0,09052	2,2619	0,1359	
12	1583	2578	696	1345	1,186618	-0,18662	9,1584	0,002999	
14	1258	1702	796	1006	0,934127	0,065873	1,2784	0,2614	
15	1743	6692	923	3736	1,054257	-0,05426	1,3461	0,2424	
16	501	2017	328	1138	0,861788	0,138212	3,4501	0,06397	
18	1101	2017	550	1371	1,360681	-0,36068	24,079	0,0005	
20	369	4607	164	2546	1,243434	-0,24343	5,0573	0,02649	
21	544	140	282	84	1,157447	-0,15745	0,87588	0,3708	
22	471	1368	302	716	0,816283	0,183717	5,4574	0,01349	
EUR									
Chr.	P(non-neutr)	P(neutr)	D(non-neutr)	D(neutr)	NI	Alpha	Chi-square	P-values	
1	807	7091	544	4348	0,90961	0,09039	2,604	0,1154	
2	4304	3706	3558	2330	0,76053	0,23947	61,914	0,0005	
3	809	3315	508	2131	1,02373	-0,02373	0,13834	0,7261	
4	762	1634	501	944	0,87869	0,12131	3,3601	0,05797	
5	839	729	430	411	1,10004	-0,10004	1,2418	0,2759	
6	2704	4650	1290	2630	1,18555	-0,18555	16,662	0,0005	
7	1336	7388	832	5037	1,09478	-0,09478	3,5915	0,06847	
8	319	4485	114	2652	1,65461	-0,65461	20,651	0,0005	
9	4480	10102	3607	6229	0,76585	0,23415	93,837	0,0005	
10	698	8946	458	5130	0,87393	0,12607	4,6344	0,03548	
11	1159	4915	640	1510	0,55636	0,44364	3,3869	0,07996	
12	1391	2191	712	1360	1,21267	-0,21267	11,228	0,002499	
14	1132	1481	803	1020	0,9709	0,0291	0,23041	0,6427	
15	1610	6117	935	3770	1,06125	-0,06125	1,6677	0,1989	
16	473	1815	324	1138	0,91534	0,08466	1,1806	0,3023	
18	978	1894	572	1379	1,24488	-0,24488	11,941	0,001	
20	312	4101	163	2568	1,19859	-0,19859	3,2978	0,07696	
21	452	131	292	86	1,01621	-0,01621	0,010383	0,9325	
22	432	1184	302	739	0,89283	0,10717	1,6431	0,2244	

P(non-neutr)- number of polymorphic sites in piRNA clusters; P(neutr) – number of polymorphic sites in intergenic regions; D(non-neutr)- number of divergent sites in piRNA clusters; D(neutr)- number of divergent sites in intergenic regions. P-value < 0.05 is marked in red.

Supplementary Table S5 (continued): South Asian population.

SAS	Chr.	P(non-neutr)	P(neutr)	D(non-neutr)	D(neutr)	NI	Alpha	Chi-square	P-values
	1	817	7033	549	4356	0,921716	0,078284	1,9454	0,1669
	2	4337	3717	3560	2340	0,766942	0,233058	58,388	0,0005
	3	810	3240	505	2171	1,074752	-0,07475	1,3048	0,2559
	4	779	1629	497	949	0,913117	0,086883	1,6649	0,1979
	5	883	750	434	408	1,106802	-0,1068	1,4264	0,2349
	6	2386	4679	1317	2674	1,035364	-0,03536	0,68389	0,4103
	7	1402	7445	828	5011	1,139665	-0,13967	7,5867	0,009495
	8	343	4565	112	2669	1,790539	-0,79054	27,96	0,0005
	9	4541	10335	3620	6247	0,758235	0,241765	101,91	0,0005
	10	729	9068	464	5111	0,885531	0,114469	3,8596	0,06397
	11	1171	2544	635	1603	1,161982	-0,16198	6,5461	0,01299
	12	1388	2343	737	1357	1,090761	-0,09076	2,3292	0,1374
	14	1161	1582	798	1018	0,936204	0,063796	1,1655	0,2704
	15	1563	6115	945	3778	1,021863	-0,02186	0,21999	0,6477
	16	477	1834	326	1144	0,912699	0,087301	1,268	0,2699
	18	917	1892	572	1381	1,170162	-0,17016	6,0402	0,01299
	20	310	4165	164	2570	1,166369	-0,16637	2,3836	0,1254
	21	477	142	294	86	0,98261	0,01739	0,01273	0,9335
	22	450	1223	302	737	0,897939	0,102061	1,5042	0,2234

P(non-neutr)- number of polymorphic sites in piRNA clusters; P(neutr) – number of polymorphic sites in intergenic regions; D(non-neutr)- number of divergent sites in piRNA clusters; D(neutr)- number of divergent sites in intergenic regions. P-value < 0.05 is marked in red.

Supplementary Table S6: McDonald and Kreitman test for each piRNA clusters per population and for joint dataset.

MKT per cluster										
Chr.	Clusters	Cluster coordinates	P(non-neutr)	P(neutr)	D(non-neutr)	D(neutr)	NI	Alpha	Chi-square	P-value
1	1	1589488 - 1598460	33	67	10	15	0,73880597	0,26119403	0,43427	0,6232
1	2	2330653 - 2340397	70	219	21	44	0,66971081	0,330289193	1,8168	0,2229
1	3	6675490 - 6687718	74	2865	15	1041	1,79253054	-0,792530541	4,2953	0,04348
1	4	10434145 - 10443830	19	307	6	97	1,00054289	-0,000542888	0,000001265	1
1	5	20230789 - 20241453	77	227	21	58	0,93685756	0,063142438	0,051732	0,8916
1	6	24082785 - 24091256	75	738	18	207	1,16869919	-0,168699187	0,32426	0,6032
1	7	27647875 - 27656513	8	45	1	12	2,13333333	-1,133333333	0,48568	0,6807
1	8	27728548 - 27736940	209	238	89	71	0,70054763	0,299452365	3,7083	0,06897
1	9	28293521 - 28302527	491	488	234	149	0,6406666	0,359333403	13,243	0,0004998
1	10	36383977 - 36395547	339	702	96	237	1,19217415	-0,19217415	1,6276	0,2289
2	1	90498900 - 91730960	3935	15	2742	4	0,38268903	0,617310965	3,137	0,1029
2	2	95419856 - 95459749	82	15	3	4	7,28888889	-6,288888889	7,5956	0,02149
2	3	95521847 - 95541715	304	15	38	4	2,13333333	-1,133333333	1,7304	0,2399
2	4	109109513 - 109132449	14	1523	6	481	0,73692274	0,26307726	0,3899	0,6032
2	5	111431722 - 111476470	1389	297	652	104	0,74598748	0,254012518	5,6637	0,01799
2	6	118670582 - 118680425	46	892	17	300	0,91005012	0,089949881	0,10457	0,7801
2	7	121973698 - 121982558	131	2184	57	624	0,6566416	0,343358396	6,5772	0,01099
3	1	11593927 - 11604472	57	604	6	224	3,52317881	-2,52317880	9,394	0,003998
3	2	12888513 - 12921417	25	78	6	28	1,4957265	-0,495726496	39,544	0,0004998
3	3	14982534 - 14991527	44	845	1	428	22,2863905	-21,2863905	9,4006	0,003998
3	4	49758613 - 49768420	1215	722	432	141	0,54925554	0,45074446	31,448	0,0004998
3	5	75437154 - 75449116	66	3793	24	1189	0,86204851	0,13795149	0,3811	0,6462
4	1	10114669 - 10167627	182	39	73	9	0,57534247	0,424657534	1,9967	0,1984
4	2	41981218 - 41989614	278	646	126	284	0,96997395	0,030026046	0,055981	0,8426
4	3	119547188 - 119563146	446	264	142	54	0,64244558	0,357554417	6,2557	0,01449
4	4	120323190 - 120336158	121	1278	32	370	1,09472809	-0,094728091	0,19061	0,6742
4	5	152584172 - 152591018	262	827	93	175	0,59614359	0,403856405	12,611	0,001499
5	1	42989118 - 42997891	343	667	90	174	0,9942029	0,005797101	0,0016	1
5	2	178250015 - 178259870	531	219	96	34	0,85873288	0,141267123	0,5019	0,5277
5	3	179503105 - 179510993	193	178	71	65	0,99264124	0,007358759	0,0014	1
5	4	180104021 - 180120384	446	269	149	113	1,25740376	-0,257403757	2,4424	0,1264
6	1	4185730 - 4194263	311	1133	87	351	1,10743525	-0,10743525	0,56501	0,4563
6	2	25723034 - 25734245	426	137	114	32	0,87283903	0,127160968	0,37279	0,6047
6	3	26103393 - 26113254	333	165	97	50	1,04029991	-0,040299906	0,039648	0,926
6	4	26153437 - 26161250	209	433	47	115	1,18102305	-0,181023046	0,74787	0,4088
6	5	26212797 - 26220651	251	232	59	55	1,00854763	-0,008547633	0,0016682	1
6	6	26231685 - 26239237	251	124	47	37	1,59351407	-0,59351407	3,6338	0,05747
6	7	29493892 - 29505708	277	558	37	159	2,13324615	-1,133246149	15,317	0,0004998
6	8	33829822 - 33894785	91	558	22	159	1,17864125	-0,178641251	0,41941	0,5592
6	9	34245126 - 34257679	49	1950	20	585	0,735	0,265	1,3148	0,2909
6	10	36451822 - 36460692	577	400	192	122	0,91658854	0,083411458	0,43021	0,5487
6	11	39068783 - 39093690	598	536	157	180	1,27911398	-0,279113984	3,9283	0,04798
6	12	39094797 - 39108646	140	231	37	81	1,32678133	-0,326781327	1,5779	0,2139
6	13	40343104 - 40351746	378	529	165	199	0,86179756	0,13820244	105,82	0,0004998
6	14	41754742 - 41766722	192	173	60	31	0,5734104	0,426589595	5,2362	0,02599
6	15	42689739 - 42699763	107	515	30	117	0,81029126	0,189708738	0,83447	0,4093
6	16	42842946 - 42858545	241	591	42	191	1,85444364	-0,854443639	11,167	0,001499
6	17	107383411 - 107395081	67	202	32	79	0,81884282	0,181157178	2,9	0,09795
7	1	6198867 - 6207568	8	438	1	124	2,26484018	-1,264840183	2,2559	0,2039
7	2	6617659 - 6633659	24	1078	4	241	1,34137291	-0,341372913	0,29271	0,6272
7	3	27493034 - 27502607	279	1302	89	393	0,94622793	0,053772071	0,16851	0,6982
7	4	32789788 - 32801547	19	442	5	102	0,87692308	0,123076923	0,065252	1
7	5	35732666 - 35739378	155	1894	1	264	21,6050686	-20,60506864	21,405	0,0004998
7	6	44034600 - 44051584	915	1604	352	787	1,27540701	-0,275407008	10,176	0,001999
7	7	47995597 - 48005031	399	1661	147	1341	2,19136493	-1,191364926	59,755	0,0004998
7	8	56558080 - 56568648	257	37	60	8	0,92612613	0,073873874	0,03414	1
7	9	56870712 - 56905707	16	1246	16	826	0,66292135	0,337078652	1,3486	0,2764
7	10	63200389 - 63215405	82	488	24	185	1,295252732	-0,295252732	1,0961	0,3483
7	11	64293379 - 64300618	95	555	31	133	0,73437954	0,265620459	1,8397	0,1849
7	12	66102024 - 66109739	160	136	67	48	0,8428446	0,157155399	0,59278	0,5082
8	1	156150 - 165015	361	78	1	1	4,62820513	-3,628205128	1,4066	0,235616
8	2	28605622 - 28614366	51	427	12	131	1,30386417	-0,303864169	0,62651	0,4363
8	3	28904563 - 28924544	100	264	22	79	1,36019284	-0,360192837	1,3228	0,2954
8	4	42556169 - 42563569	113	361	43	102	0,74251111	0,257488887	1,9921	0,1959
8	5	42976160 - 42989101	125	446	27	73	0,75776449	0,242235509	1,2675	0,2914
9	1	26620003 - 26644650	842	257	205	60	0,95890671	0,04109329	0,066143	0,7986
9	2	33572015 - 33582959	221	53	51	18	1,47169811	-0,471698113	1,5272	0,2444
9	3	37435083 - 37445725	42	1555	5	337	1,82045016	-0,820450161	1,6245	0,2514
9	4	37771083 - 37784016	7	85	1	62	5,10588235	-4,105882353	4,942	0,03648
9	6	38539024 - 38572019	2007	257	1474	1	0,00529806	0,994701941	179,68	0,0004998
9	7	42447328 - 42458192	520	880	154	297	1,13961039	-0,13961039	1,3228	0,2459
9	8	44017295 - 44031054	314	675	86	236	1,27655469	-0,276554694	2,9116	0,09195
9	9	67290040 - 67306943	1022	760	894	266	0,40011186	0,599888143	120,28	0,0004998
9	10	69446439 - 69483196	11	677	4	677	2,75	-1,75	3,231	0,1119
9	11	71678163 - 71688943	552	998	375	297	0,43806012	0,56193988	78,595	0,0004998
9	12	82495927 - 82518848	406	2209	123	645	0,96379556	0,036204441	0,10797	0,7761
9	13	82522045 - 82532928	259	849	52	205	1,20265924	-0,202659237	148,62	0,0004998
9	14	84523917 - 84548943	87	68	21	18	1,09663866	-0,096638655	0,065802	0,8656
9	15	84587919 - 84596471	60	680	13	244	1,6561086	-0,656108597	2,6145	0,1309
9	16	90528916 - 90548943	97	1475	59	573	0,63867854	0,361321459	6,8654	0,01449

P(non-neutr)- number of polymorphic sites in piRNA clusters; P(neutr) – number of polymorphic sites in intergenic regions; D(non-neutr)- number of divergent sites in piRNA clusters; D(neutr)- number of divergent sites in intergenic regions. P-value < 0.05 is marked in red.

Supplementary Table S6 (continued): Overall dataset.

10	1	29074929 - 29088891	133	962	39	234	0,82952183	0,17047817	0,91005	0,3728	
10	2	43131450 - 43151464	75	164	31	16	0,23603462	0,763965382	20,13	0,0004998	
10	3	45489591 - 45499469	52	164	1	16	5,07317073	-0,073170732	4,9646	0,02549	
10	4	51765930 - 51773243	259	3140	55	953	1,42922409	-0,429224088	5,4994	0,01849	
10	5	59862000 - 59868949	72	48	17	16	1,41176471	-0,411764706	0,76578	0,4238	
10	6	70624775 - 70653782	258	10003	66	3058	1,19504149	-0,195041488	1,6361	0,2034	
10	7	72179774 - 72190667	125	585	24	157	1,39779202	-0,397792023	1,9561	0,1849	
10	8	81266826 - 81276783	363	662	192	288	0,82250755	0,177492447	2,9528	0,09795	
11	1	203003 - 208937	108	72	24	21	1,3125	-0,3125	0,65982	0,5002	
11	2	5948358 - 5962026	2002	2840	494	906	1,29284655	-0,292846553	16,624	0,0004998	
11	3	12957595 - 12966248	35	50	8	13	1,1375	-0,1375	0,066311	0,8166	
11	4	17392631 - 17403471	267	106	81	38	1,18169113	-0,181691125	0,53829	0,4963	
12	1	3549195 - 3602193	2084	61	523	17	1,11049118	-0,110491176	0,14165	0,7876	
12	2	9462671 - 9525135	19	69	3	13	1,19323671	-0,193236715	0,065511	1	
12	3	9544701 - 9557062	91	1319	19	301	1,09297315	-0,092973146	0,11681	0,8046	
12	4	54621785 - 54637501	47	816	12	316	1,51674837	-0,516748366	1,613	0,2404	
12	5	58210790 - 58222803	259	984	64	310	1,27493013	-0,274930132	2,4947	0,1344	
12	6	58320819 - 58333655	152	237	25	52	1,33400844	-0,334008439	1,1911	0,2989	
12	7	100545969 - 100570873	41	943	14	258	0,80124224	0,198757764	0,48916	0,4998	
14	1	19581332 - 19605056	569	202	377	101	0,75464191	0,24535809	4,1279	0,04648	
14	2	61578302 - 61587727	415	1136	120	315	0,95895687	0,041043134	0,1187	0,7456	
14	3	71187038 - 71198306	83	276	31	77	0,7469612	0,253038803	1,4029	0,2464	
14	4	88594365 - 88638180	814	1305	258	475	1,148385756	-0,148385755	2,4018	0,1279	
15	1	24223168 - 24254145	250	725	72	272	1,30268199	-0,302681992	3,0581	0,09695	
15	2	24269210 - 24279095	435	3718	102	1271	1,45789166	-0,457891656	10,908	0,0009995	
15	3	34813351 - 34827063	59	80	14	12	0,63214286	0,367857143	1,1539	0,3858	
15	4	41590243 - 41601181	1402	160	386	62	1,40744819	-0,407448187	4,5822	0,03448	
15	5	43029219 - 43039793	305	679	84	226	1,20853496	-0,20853496	1,7046	0,2009	
15	6	51538199 - 51600225	137	132	23	35	1,57938076	-0,579380764	2,427	0,1554	
15	7	62496215 - 62573211	328	4555	154	1459	0,68221307	0,317786933	14,139	0,0004998	
16	1	1721787 - 1730027	6	1660	4	539	0,48704819	0,512951807	1,2882	0,2844	
16	2	2811804 - 2818587	271	82	132	47	1,17673688	-0,176736881	315,97	0,0004998	
16	3	21513376 - 21530322	3	255	1	69	0,81176471	0,188235294	3,3455	0,1024	
16	4	23677355 - 23690204	13	562	6	201	0,77491103	0,225088968	0,26108	0,7911	
16	5	28381362 - 28391348	511	656	173	164	0,73843931	0,261560694	0,7911	0,01349	
18	1	6924291 - 6929859	1789	2937	528	1306	1,50666135	-0,506661353	47,525	0,0004998	
20	1	2122793 - 2129142	44	3852	11	1304	1,35410177	-0,354101765	0,80745	0,4298	
20	2	5171677 - 5179628	157	64	56	64	2,80357143	-1,803571429	730,38	0,0004998	
20	3	5473972 - 5486585	80	375	22	74	0,71757576	0,282424242	159,09	0,0004998	
20	4	31436063 - 31444827	336	1784	63	641	1,91629297	-0,916292975	20,74	0,0004998	
21	1	45886885 - 45920909	891	232	268	81	1,16075335	-0,160753345	1,0343	0,3348	
22	1	18208834 - 18217791	127	117	41	30	0,7942464	0,205753596	0,71725	0,4183	
22	2	18832651 - 18840619	21	35	9	23	1,53333333	-0,533333333	0,79655	0,4893	
22	3	21040679 - 21049277	274	999	177	305	0,47261951	0,527380488	42,293	0,0004998	
22	4	31317615 - 31325981	50	999	13	305	1,17425117	-0,174251174	0,25546	0,6597	
22	5	31671114 - 31689434	3	148	1	49	0,99324324	0,006756757	3,38E-05	1	
22	6	37739052 - 37774984	235	177	52	52	1,32768362	-0,327683616	1,6667	0,2389	

P(non-neutr)- number of polymorphic sites in piRNA clusters; P(neutr) – number of polymorphic sites in intergenic regions; D(non-neutr)- number of divergent sites in piRNA clusters; D(neutr)- number of divergent sites in intergenic regions. P-value < 0.05 is marked in red.

Supplementary Table S6 (continued): African population.

AFR												
MKT per cluster												
Chr.	Clusters	Cluster coordinates	P(non-neutr)	P(neutr)	D(non-neutr)	D(neutr)	NI	Alpha	Chi-square	P-value		
1	1	15894888 - 1598460	20	39	11	17	0,792541	0,207459	0,24029	0,6457		
1	2	2330653 - 2340397	55	131	21	47	0,939658	0,060342	0,040907	0,8736		
1	3	6675490 - 6687718	45	2060	15	1079	1,571359	-0,57136	2,299	0,1359		
1	4	10434145 - 10443830	12	182	6	99	1,087912	-0,08791	0,026745	1		
1	5	20230789 - 20241453	41	134	24	63	0,803172	0,196828	0,53848	0,5592		
1	6	24082785 - 24091256	41	530	18	209	0,898218	0,101782	0,13313	0,7576		
1	7	27647875 - 27656513	4	29	1	12	1,655172	-0,65517	0,18882	1		
1	8	27728548 - 27736940	158	165	91	73	0,768165	0,231835	1,8798	0,1739		
1	9	28293521 - 28302527	397	336	243	150	0,72935	0,27065	6,1367	0,01099		
1	10	36383977 - 36395547	208	498	99	244	1,029411	-0,02941	0,039983	0,8856		
2	1	90498900 - 91730960	3383	10	2743	4	0,493328	0,506672	1,4836	0,2744		
2	2	95419856 - 95459749	44	10	4	4	4,4	-3,4	3,9502	0,06747		
2	3	95521847 - 95541715	137	10	41	4	1,336585	-0,33659	0,22181	0,7426		
2	4	109109513 - 109132449	9	1052	6	499	0,711502	0,288498	0,41658	0,5822		
2	5	111431722 - 111476470	1131	236	664	108	0,779482	0,220518	3,9197	0,04948		
2	6	118670582 - 118680425	36	637	17	307	1,020593	-0,02059	0,0045446	1		
2	7	121973698 - 121982558	91	1412	57	639	0,722491	0,277509	3,4546	0,07396		
3	1	11593927 - 11604472	40	431	6	231	3,573086	-2,57309	9,2218	0,003998		
3	2	12888513 - 12921417	14	53	6	28	1,232704	-0,2327	0,14987	0,7846		
3	3	14982534 - 14991527	25	674	1	431	15,98665	-14,9866	13,301	0,001499		
3	4	49758613 - 49768420	848	456	445	145	0,605953	0,394047	20,255	0,0004998		
3	5	75437154 - 75449116	46	2349	24	1232	1,00525	-0,00525	0,0004242	1		
4	1	10114669 - 10167627	131	27	73	9	0,598174	0,401826	1,5822	0,2359		
4	2	41981218 - 41989614	210	470	134	287	0,95697	0,04303	0,10846	0,7736		
4	3	119547188 - 119563146	339	177	148	57	0,737632	0,262368	2,8254	0,1014		
4	4	120323190 - 120336158	73	806	33	381	1,04568	-0,04568	0,041687	0,9125		
4	5	152584172 - 152591018	198	563	97	182	0,659867	0,340133	7,69	0,003498		
5	1	42989118 - 42997891	230	446	91	187	1,059725	-0,05973	0,1468	0,7076		
5	2	178250015 - 178259870	380	137	100	34	0,943066	0,056934	0,0697	0,8331		
5	3	179503105 - 179510993	130	120	75	67	0,967778	0,032222	0,0242	0,9175		
5	4	180104021 - 180120384	319	209	158	117	1,130247	-0,13025	0,6579	0,4313		
6	1	4185730 - 4194263	225	751	97	364	1,124274	-0,12427	0,72906	0,4193		
6	2	25723034 - 25734245	256	74	119	35	1,017488	-0,01749	0,0055258	1		
6	3	26103393 - 26113254	203	100	97	51	1,06732	-0,06732	0,094667	0,8306		
6	4	26153437 - 26161250	121	251	55	126	1,104382	-0,10438	0,25703	0,6367		
6	5	26212797 - 26220651	153	163	62	57	0,862953	0,137047	0,46913	0,5112		
6	6	26231685 - 26239237	151	89	51	38	1,264155	-0,26416	0,86313	0,3758		
6	7	29493892 - 29505708	148	373	39	163	1,658349	-0,65835	5,591	0,02799		
6	8	33829822 - 33894785	51	373	22	163	1,013039	-0,01304	0,0022717	1		
6	9	34245126 - 34257679	34	1383	20	609	0,74859	0,25141	1,032	0,3793		
6	10	36451822 - 36460692	411	261	196	123	0,988213	0,011787	0,0072115	0,953		
6	11	39068783 - 39093690	416	383	161	183	1,234582	-0,23458	2,6643	0,09295		
6	12	39094797 - 39108646	93	155	38	83	1,310526	-0,31053	1,3194	0,3073		
6	13	40343104 - 40351746	264	361	170	201	0,864657	0,135343	1,215	0,2734		
6	14	41754742 - 41766722	140	105	61	33	0,721311	0,278689	1,6909	0,2174		
6	15	42689739 - 42699763	82	340	33	121	0,884314	0,115686	0,28167	0,6307		
6	16	42842946 - 42858545	167	415	46	196	1,714615	-0,71461	8,3661	0,002999		
6	17	107383411 - 107395081	50	147	32	83	0,882228	0,117772	1,58	0,2054		
7	1	6198867 - 6207568	6	268	1	126	2,820896	-1,8209	2,8011	0,1864		
7	2	6617659 - 6633659	14	679	4	246	1,268041	-0,26804	0,17326	0,7851		
7	3	27493034 - 27502607	191	867	94	412	0,96557	0,03443	0,063105	0,8306		
7	4	32789788 - 32801547	14	261	5	106	1,137165	-0,13716	0,058106	1		
7	5	35732666 - 35739378	84	1153	1	282	20,54467	-19,5447	20,271	0,0004998		
7	6	44034600 - 44051584	690	1262	362	803	1,212821	-0,21282	5,9643	0,01849		
7	7	47995597 - 48005031	287	1561	150	1369	1,677997	-0,678	23,609	0,0004998		
7	8	56550800 - 56568648	155	21	62	8	0,952381	0,047619	0,012197	1		
7	9	56870712 - 56905707	16	1056	16	832	0,787879	0,212121	0,44905	0,6087		
7	10	63200389 - 63215405	58	336	24	192	1,380952	-0,38095	1,5623	0,2119		
7	11	64293379 - 64300618	68	367	32	139	0,804837	0,195163	0,8458	0,3908		
7	12	66102024 - 66109739	113	87	69	48	0,903548	0,096452	0,18484	0,7256		
8	1	156150 - 165015	222	78	1	1	2,846154	-1,84615	0,5924	0,441475		
8	2	28605622 - 28614366	38	427	12	131	0,971507	0,028493	1,7001	0,1969		
8	3	28904563 - 28924544	61	264	23	79	0,793643	0,206357	0,40953	0,5897		
8	4	42556169 - 42563569	84	361	45	102	0,527424	0,472576	0,80776	0,3668		
8	5	42976160 - 42989101	79	446	27	73	0,478907	0,521093	1,3918	0,2774		
9	1	26620003 - 26644650	531	257	214	60	0,579294		0,4054	0,5582		
9	2	33572015 - 33582959	157	38	56	20	1,475564	-0,47556	1,5159	0,2684		
9	3	37435083 - 37445725	25	1023	6	353	1,437765	-0,43776	0,63299	0,5477		
9	4	37771083 - 37784016	6	74	1	62	5,027027	-4,02703	4,8551	0,03398		
9	5	38539024 - 38572019	1748	115	1494	1	0,010174	0,989826	95,494	0,0004998		
9	7	42447328 - 42458192	347	605	163	313	1,101364	-0,10136	0,67255	0,4323		
9	8	44017295 - 44031054	192	459	92	246	1,1185	-0,1185	0,56212	0,4713		
9	9	67290040 - 67306943	954	514	903	274	0,563181	0,436819	43,002	0,0004998		
9	10	69446439 - 69483196	7	677	4	677	1,75	-0,75	0,81159	0,5502		
9	11	71678163 - 71688943	460	658	382	309	0,565493	0,434507	34,305	0,0004998		
9	12	82495927 - 82518848	270	8463	125	4098	1,045927	-0,04593	0,16714	0,6982		
9	13	82522045 - 82532928	166	554	52	214	1,23313	-0,23313	1,387	0,2764		
9	14	84523917 - 84548943	54	46	21	18	1,006211	-0,00621	0,0002673	1		
9	15	84587919 - 84596471	37	471	15	253	1,324982	-0,32498	0,79811	0,4403		
9	16	90528916 - 90548943	76	1123	59	586	0,67217	0,32783	4,876	0,02799		

P(non-neutr) - number of polymorphic sites in piRNA clusters; P(neutr) - number of polymorphic sites in intergenic regions; D(non-neutr) - number of divergent sites in piRNA clusters; D(neutr) - number of divergent sites in intergenic regions. P-value < 0.05 is marked in red.

Supplementary Table S6 (continued): African population.

10	1 29074929 - 29088891	89	962	42	246	0,541877	0,458123	0,91349	0,3548
10	2 43131450 - 43151464	53	106	31	17	0,274194	0,725806	14,932	0,0004998
10	3 45489591 - 45499469	31	106	1	17	4,971698	-3,9717	4,8162	0,03898
10	4 51765930 - 51773243	171	2105	57	992	1,413777	-0,41378	4,8613	0,02999
10	5 59862000 - 59868949	38	32	18	16	1,055556	-0,055556	0,016647	1
10	6 70624775 - 70653782	164	6861	67	3155	1,125592	-0,12559	0,65218	0,4343
10	7 72179774 - 72190667	76	390	25	166	1,293949	-0,29395	1,0797	0,3473
10	8 81266826 - 81276783	279	494	198	294	0,838609	0,161391	2,2052	0,1549
11	1 203003 - 208937	69	72	25	23	0,881667	0,118333	0,56747	0,4833
11	2 5948358 - 5962026	1258	1972	507	940	1,182752	-0,18275	6,5	0,01549
11	3 12957595 - 12966248	21	31	9	13	0,978495	0,021505	0,0017641	1
11	4 17392631 - 17403471	178	73	85	40	1,147462	-0,14746	0,33761	0,6207
12	1 3549195 - 3602193	1442	38	540	17	1,194639	-0,19464	0,3616	0,6537
12	2 9462671 - 9525135	12	45	3	13	1,155556	-0,155556	0,040574	1
12	3 9544701 - 9557062	50	841	21	311	0,880471	0,119529	0,22526	0,6747
12	4 54621785 - 54637501	29	527	13	321	1,35878	-0,35878	0,81299	0,3973
12	5 58210790 - 58222803	149	637	65	316	1,137157	-0,13716	0,61625	0,4558
12	6 58320819 - 58333655	82	141	25	54	1,25617	-0,25617	0,66993	0,4943
12	7 100545969 - 100570873	29	625	14	262	0,868343	0,131657	0,17927	0,7246
14	1 19581332 - 19605056	471	202	378	101	0,623016	0,376984	0,5208	0,5177
14	2 61578302 - 61587727	267	1136	124	333	0,631183	0,368817	0,0001261	1
14	3 71187038 - 71198306	60	276	32	77	0,523098	0,476902	0,62471	0,4333
14	4 88594365 - 88638180	550	1305	262	486	0,781785	0,218215	1,6938	0,2139
15	1 24223168 - 24254145	169	546	72	279	1,199405	-0,1994	1,3128	0,2739
15	2 24269210 - 24279095	309	2730	106	1325	1,414835	-0,41484	8,8021	0,003998
15	3 34813351 - 34827063	37	55	14	14	0,672727	0,327273	0,84065	0,3868
15	4 41590243 - 41601181	926	112	411	65	1,307569	-0,30757	2,5955	0,1179
15	5 43029219 - 43039793	219	494	87	232	1,182186	-0,18219	1,2522	0,2549
15	6 51538199 - 51600225	90	95	26	35	1,275304	-0,2753	0,66842	0,4798
15	7 62496215 - 62573211	264	3111	157	1497	0,809144	0,190856	4,0354	0,05397
16	1 1721787 - 1730027	4	1113	4	557	0,500449	0,499551	0,99138	0,4633
16	2 2811804 - 2818587	204	59	134	48	1,238553	-0,23855	0,91436	0,3813
16	3 21513376 - 21530322	1	161	1	71	0,440994	0,559006	0,35022	1
16	4 23677355 - 23690204	8	394	6	206	0,697124	0,302876	0,4397	0,5912
16	5 28381362 - 28391348	315	381	175	173	0,817323	0,182677	2,3556	0,1144
18	1 6924291 - 6929859	1260	2179	545	1349	1,431294	-0,43129	33,729	0,0004998
20	1 2122793 - 2129142	28	3852	12	1340	0,8117	0,1883	0,25403	0,7361
20	2 5171677 - 5179628	118	644	59	300	0,931677	0,068323	0,16528	0,7361
20	3 5473972 - 5486585	58	209	22	74	0,933449	0,066551	0,058572	0,8741
20	4 31436063 - 31444827	213	1298	67	663	1,623842	-0,62384	10,891	0,0009995
21	1 45886885 - 45920909	606	160	277	82	1,121209	-0,12121	0,55249	0,5032
22	1 18208834 - 18217791	82	79	41	31	0,78481	0,21519	0,72171	0,4558
22	2 18832651 - 18840619	20	28	9	23	1,825397	-0,8254	1,5236	0,2424
22	3 21040679 - 21049277	232	689	179	314	0,590671	0,409329	19,253	0,0004998
22	4 31317615 - 31325981	33	689	13	314	1,156861	-0,15686	0,1901	0,7521
22	5 31671114 - 31689434	1	105	1	49	0,466667	0,533333	0,29969	1
22	6 37739052 - 37774984	151	127	56	57	1,210208	-0,21021	0,73038	0,4428

P(non-neutr)- number of polymorphic sites in piRNA clusters; P(neutr) – number of polymorphic sites in intergenic regions; D(non-neutr)- number of divergent sites in piRNA clusters; D(neutr)- number of divergent sites in integenic regions. P-value < 0.05 is marked in red.

Supplementary Table S6 (continued): American population.

MKT per cluster												
Chr.	Clusters	Cluster coordinates	P(non-neutr)	P(neutr)	D(non-neutr)	D(neutr)	NI	Alpha	Chi-square	P-value		
1	1	15894888 - 1598460	19	32	11	20	1,07954545	-0,079545455	0,026066	1		
1	2	2330653 - 2340397	44	100	21	46	0,96380952	0,036190476	0,013311	1		
1	3	6675490 - 6687718	35	1796	15	1097	1,42520416	-0,425204157	1,3112	0,2919		
1	4	10434145 - 10443830	8	155	6	100	0,86021505	0,139784946	0,073702	1		
1	5	20230789 - 20241453	38	115	23	65	0,93383743	0,066162571	0,049925	0,8691		
1	6	24082785 - 24091256	34	467	18	213	0,86152748	0,13847252	0,24236	0,6327		
1	7	27647875 - 27656513	3	29	1	12	1,24137931	-0,24137931	0,03232	1		
1	8	27728548 - 27736940	139	141	95	80	0,83016051	0,169839492	0,92933	0,3913		
1	9	28293521 - 28302527	344	266	248	156	0,81348533	0,186514674	2,4934	0,1079		
1	10	36383977 - 36395547	190	415	100	249	1,14	-0,14	0,79205	0,3993		
2	1	90498900 - 91730960	3139	6	2744	4	0,76263362	0,237366375	0,17701	0,7641		
2	2	95419856 - 95459749	30	6	4	4	5	-4	4,1412	0,05797		
2	3	95521847 - 95541715	110	6	41	4	1,78861789	-0,788617886	0,76874	0,4653		
2	4	109109513 - 109132449	10	873	6	509	0,97174494	0,028255059	0,0030453	1		
2	5	111431722 - 111476470	996	203	679	111	0,8020782	0,197922183	2,9714	0,1054		
2	6	118670582 - 118680425	28	543	17	315	0,95547611	0,044523887	0,02084	1		
2	7	121973698 - 121982558	86	1165	59	651	0,81451953	0,185480468	1,3628	0,2334		
3	1	11593927 - 11604472	31	355	7	236	2,94406439	-1,944064386	6,9688	0,01099		
3	2	12888513 - 12921417	15	51	6	29	1,42156863	-0,421568627	0,43309	0,5992		
3	3	14982534 - 14991527	23	592	1	436	16,9391892	-15,93918919	14,126	0,0004998		
3	4	49758613 - 49768420	734	350	453	147	0,6805298	0,319470199	11,26	0,0009995		
3	5	75437154 - 75449116	40	1996	25	1240	0,99398798	0,006012024	0,0005484	1		
4	1	10114669 - 10167627	111	20	75	9	0,666	0,334	0,90919	0,4088		
4	2	41981218 - 41989614	185	415	135	289	0,95430611	0,045693887	0,1171	0,7836		
4	3	119547188 - 119563146	295	149	153	57	0,73759705	0,262402948	2,7197	0,09745		
4	4	120323190 - 120336158	60	690	34	390	0,99744246	0,002557545	0,00013092	1		
4	5	152584172 - 152591018	157	465	96	185	0,65064964	0,349350358	7,6406	0,006997		
5	1	42989118 - 42997891	179	377	91	190	0,99134287	0,008657125	0,0031	1		
5	2	178250015 - 178259870	312	105	101	34	0,00028289	-0,000282885	0	1		
5	3	179503105 - 179510993	115	93	77	67	1,07596704	-0,075967044	0,1132	0,7461		
5	4	180104021 - 180120384	252	185	158	116	1,00006842	-6,84229E-05	0	1		
6	1	4185730 - 4194263	179	637	95	368	1,08852351	-0,088523507	0,4447	0,504859		
6	2	25723034 - 25734245	220	75	120	35	0,85555556	0,144444444	0,44471	0,5817		
6	3	26103393 - 26113254	182	87	99	52	1,09880413	-0,98804133	0,19172	0,6677		
6	4	26153437 - 26161250	93	219	55	125	0,96513076	0,03486924	0,030354	0,9045		
6	5	26212797 - 26220651	132	122	63	57	0,97892272	0,021077283	0,0092257	1		
6	6	26231685 - 26239237	104	66	52	40	1,21212121	-0,212121212	0,5369	0,5162		
6	7	29493892 - 29505708	144	323	40	167	1,86130031	-0,86130031	9,5762	0,004998		
6	8	33829822 - 33894785	40	323	22	167	0,94005066	0,059949339	0,048062	0,8891		
6	9	34245126 - 34257679	29	1147	20	617	0,77999128	0,220008718	0,71322	0,4538		
6	10	36451822 - 36460692	340	218	197	126	0,99753178	0,002468216	0,00029732	1		
6	11	39068783 - 39093690	343	321	164	184	1,198845073	-0,198845073	1,8744	0,1759		
6	12	39094797 - 39108646	69	139	38	82	0,70118516	-0,071185157	0,078565	0,8261		
6	13	40343104 - 40351746	232	310	172	205	0,89197299	0,108027007	0,71719	0,4333		
6	14	41754742 - 41766722	105	76	62	31	0,69078947	0,309210526	1,9338	0,1844		
6	15	42689739 - 42699763	61	276	34	127	0,82555413	0,174445865	0,64245	0,4643		
6	16	42842946 - 42858545	129	358	44	200	1,63788725	-0,637887252	6,4339	0,01299		
6	17	107383411 - 107395081	46	124	32	83	0,96219758	-0,037802419	0,79348	0,3963		
7	1	6198867 - 6207568	3	221	1	128	1,73755565	-0,737555651	1,729	0,3058		
7	2	6617659 - 6633659	12	531	4	252	1,42372881	-0,423728814	0,37163	0,6112		
7	3	27493034 - 27502607	159	721	96	412	0,94642857	0,053571429	0,14776	0,7171		
7	4	32789788 - 32801547	14	214	5	109	1,42616822	-0,426168224	0,042557	1		
7	5	35732666 - 35739378	56	869	1	286	1,84303797	-17,43037975	18,154	0,0004998		
7	6	44034600 - 44051584	615	1148	365	812	1,19178082	-0,191780822	4,7634	0,03248		
7	7	47995579 - 48005031	260	1533	151	1375	1,54438987	-0,544389869	16,117	0,0004998		
7	8	56558080 - 56568648	123	21	63	8	0,74376417	0,256235828	0,44803	0,5182		
7	9	56870712 - 56905707	16	994	16	834	0,83903421	0,160965795	0,24273	0,7056		
7	10	63200389 - 63215405	43	284	24	203	1,28066315	-0,280663146	0,83707	0,4323		
7	11	64293379 - 64300618	56	322	33	140	0,73781291	0,262187088	1,5905	0,2169		
7	12	66102024 - 66109739	104	77	70	50	0,96474954	0,035250464	0,022639	0,912		
8	1	156150 - 165015	163	24	1	1	6,79166667	-5,791666667	2,3814	0,122786		
8	2	28605622 - 28614366	30	245	12	143	1,45918367	-0,459183673	1,1282	0,3298		
8	3	28904563 - 28924544	41	134	26	83	0,97675086	0,023249139	0,0067188	1		
8	4	42556169 - 42563569	70	206	45	111	0,8381877	0,161812298	0,61926	0,4908		
8	5	42976160 - 42989101	64	226	29	78	0,76167226	0,238327739	1,1041	0,3483		
9	1	26620003 - 26644650	445	257	217	62	0,49471929	0,050528072	0,14952	0,7096		
9	2	33572015 - 33582959	123	30	57	20	1,43859649	-0,438596491	1,2202	0,2929		
9	3	37435083 - 37445725	18	779	6	356	1,37098845	-0,370988447	0,44341	0,6487		
9	4	37771083 - 37784016	4	63	1	62	3,93650794	-2,936507937	3,8199	0,1289		
9	5	6 38539024 - 38572019	1674	61	1504	1	0,01824642	0,981753575	53,893	0,0004998		
9	7	42447328 - 42458192	293	525	160	310	1,08130952	-0,081309524	0,41316	0,5497		
9	8	44017295 - 44031054	165	410	94	248	1,06175402	-0,061754022	0,15499	0,6987		
9	9	67290040 - 67306943	934	414	904	280	0,69877303	0,301226968	15,807	0,0004998		
9	10	69446439 - 69483196	6	677	4	677	1,5	-0,5	0,39707	0,7426		
9	11	71678163 - 71688943	448	545	387	317	0,67333286	0,326667141	16,01	0,0004998		
9	12	82495927 - 82518848	238	7065	126	4137	1,10606275	-0,106062751	0,8122	0,3793		
9	13	82522045 - 82532928	132	457	53	215	1,1717105	-0,171710499	0,75538	0,4208		
9	14	84523917 - 84548943	43	40	21	19	0,97261905	0,027380952	0,0051903	1		
9	15	84587919 - 84596471	34	400	14	259	1,5725	-0,5725	1,939	0,1849		
9	16	90528916 - 90548943	69	901	59	606	0,78658365	0,213416355	1,6913	0,2359		

P(non-neutr)- number of polymorphic sites in piRNA clusters; P(neutr) – number of polymorphic sites in intergenic regions; D(non-neutr)- number of divergent sites in piRNA clusters; D(neutr)- number of divergent sites in intergenic regions. P-value < 0.05 is marked in red.

Supplementary Table S6 (continued): American population.

10	1 29074929 - 29088891	65	962	43	249	0,39126336	0,608736644	2,3571	0,1349
10	2 43131450 - 43151464	48	82	32	18	0,32926829	0,670731707	10,722	0,0004998
10	3 45489591 - 45499469	24	82	1	18	5,26829268	-0,268292683	5,0536	0,04498
10	4 51765930 - 51773243	133	1732	67	1043	1,19540002	-0,195400021	1,3313	0,2439
10	5 59862000 - 59868949	32	24	19	16	1,12280702	-0,122807018	0,071373	0,8341
10	6 70624775 - 70653782	145	5941	68	3210	1,15213818	-0,152138182	0,90967	0,3468
10	7 72179774 - 72190667	65	307	24	168	1,48208469	-0,482084691	2,3567	0,1274
10	8 81266826 - 81276783	258	421	199	299	0,92077967	0,07922033	0,46599	0,4978
11	1 203003 - 208937	57	72	25	22	0,69666667	0,303333333	0,84394	0,3808
11	2 5948358 - 5962026	976	1629	517	959	1,11136521	-0,11136521	2,4164	0,1239
11	3 12957595 - 12966248	15	30	8	13	0,8125	0,1875	0,143	0,7861
11	4 17392631 - 17403471	151	56	86	39	1,222799	-0,222799003	0,65612	0,4438
12	1 3549195 - 3602193	1193	31	552	17	1,18519168	-0,185191678	0,30867	0,6467
12	2 9462671 - 9525135	11	35	3	13	1,36190476	-0,361904762	0,18101	0,7396
12	3 9544701 - 9557062	41	646	21	312	0,9429456	0,057054401	0,04497	0,8941
12	4 54621785 - 54637501	26	485	13	326	1,3443299	-0,344329897	0,73119	0,4283
12	5 58210790 - 58222803	132	523	66	321	1,22753346	-0,227533461	1,5174	0,2424
12	6 58320819 - 58333655	70	134	25	54	1,12835821	-0,128358209	0,1818	0,6787
12	7 100545969 - 100570873	26	519	14	273	0,97687861	0,023121387	0,0047389	1
14	1 19581332 - 19605056	471	202	378	101	0,62301587	0,376984127	6,34E-05	1
14	2 61578302 - 61587727	229	574	124	335	1,07782118	-0,077821176	0,32738	0,5952
14	3 71187038 - 71198306	53	148	32	78	0,87288851	0,127111486	0,26536	0,7016
14	4 88594365 - 88638180	450	756	264	496	1,11832612	-0,118326118	1,3382	0,2514
15	1 24223168 - 24254145	145	457	74	282	1,2091194	-0,209119404	1,3814	0,2709
15	2 24269210 - 24279095	243	2354	131	1367	1,07720171	-0,07720171	0,42869	0,5257
15	3 34813351 - 34827063	28	45	16	13	0,50555556	0,494444444	2,3928	0,1719
15	4 41590243 - 41601181	767	99	434	66	1,1781874	-0,178187404	0,93312	0,3368
15	5 43029219 - 43039793	188	431	89	240	1,1762559	-0,176255898	1,1448	0,3063
15	6 51538199 - 51600225	59	74	27	37	1,09259259	-0,092592593	0,082977	0,8706
15	7 62496215 - 62573211	231	2499	161	1535	0,88130905	0,118690955	1,3785	0,2419
16	1 1721787 - 1730027	6	944	4	559	0,88824153	0,111758475	0,033518	1
16	2 2811804 - 2818587	184	55	136	49	1,20534759	-0,205347594	0,67982	0,4143
16	3 21513376 - 21530322	2	123	1	74	1,20325203	-0,203252033	0,022561	1
16	4 23677355 - 23690204	8	318	6	209	0,87631027	0,123689727	0,058268	1
16	5 28381362 - 28391348	264	317	177	173	0,81398706	0,186012939	2,3079	0,1364
18	1 6924291 - 6929859	997	1918	556	1382	1,29205145	-0,292051447	16,259	0,0004998
20	1 2122793 - 2129142	22	3852	12	1363	0,64871063	0,351289373	0,074332	0,8491
20	2 5171677 - 5179628	101	583	57	305	0,92699588	0,073004123	0,17721	0,7181
20	3 5473972 - 5486585	47	182	23	74	0,83086479	0,169135213	0,41052	0,5662
20	4 31436063 - 31444827	176	1107	72	686	1,51480478	-0,514804778	7,9462	0,006497
21	1 45886885 - 45920909	502	138	283	84	1,07973575	-0,07973575	0,23856	0,6372
22	1 18208834 - 18217791	68	64	43	31	0,76598837	0,234011628	0,82944	0,3948
22	2 18832651 - 18840619	19	30	9	24	1,68888889	-0,688888889	1,1603	0,3548
22	3 21040679 - 21049277	221	562	179	321	0,70519295	0,294807054	8,1607	0,005497
22	4 31317615 - 31325981	25	562	13	321	1,09841226	-0,098412264	0,072375	0,8606
22	5 31671114 - 31689434	2	81	1	50	1,2345679	-0,234567901	0,029078	1
22	6 37739052 - 37774984	118	100	56	58	1,22214286	-0,222142857	0,75199	0,4348

P(non-neutr)- number of polymorphic sites in piRNA clusters; P(neutr) – number of polymorphic sites in intergenic regions; D(non-neutr)- number of divergent sites in piRNA clusters; D(neutr)- number of divergent sites in intergenic regions. P-value < 0.05 is marked in red.

Supplementary Table S6 (continued): East Asian population.

EAS											
MKT per cluster											
Chr.	Clusters	Cluster coordinates	P(non-neutr)	P(neutr)	D(non-neutr)	D(neutr)	NI	Alpha	Chi-square	P-value	
1	1	1589488 - 1598460	23	35	11	17	1,015584	-0,01558	0,001078	1	
1	2	2330653 - 2340397	41	103	23	49	0,848037	0,151963	0,27755	0,6427	
1	3	6675490 - 6687718	34	1882	16	1101	1,243159	-0,24316	0,5094	0,5647	
1	4	10434145 - 10443830	11	164	6	99	1,106707	-0,10671	0,037575	1	
1	5	20230789 - 20241453	39	128	22	66	0,914063	0,085938	0,08587	0,8866	
1	6	24082785 - 24091256	41	454	18	213	1,068649	-0,06865	0,050777	0,8806	
1	7	27647875 - 27656513	4	28	1	12	1,714286	-0,71429	0,21635	1	
1	8	27728548 - 27736940	153	142	94	75	0,859679	0,140321	0,60916	0,4413	
1	9	28293521 - 28302527	350	292	253	156	0,739076	0,260924	5,5053	0,02049	
1	10	36383977 - 36395547	198	430	101	249	1,135206	-0,13521	0,75569	0,3923	
2	1	90498900 - 91730960	3210	7	2744	4	0,668471	0,331529	0,41778	0,5542	
2	2	95419856 - 95459749	23	7	4	4	3,285714	-2,28571	2,1836	0,1819	
2	3	95521847 - 95541715	118	7	42	4	1,605442	-0,60544	0,53537	0,4798	
2	4	109109513 - 109132449	9	942	6	512	0,815287	0,184713	0,14902	0,7786	
2	5	111431722 - 111476470	1007	191	668	112	0,88397	0,11603	0,91406	0,3553	
2	6	118670582 - 118680425	26	576	17	311	0,825776	0,174224	0,3594	0,6362	
2	7	121973698 - 121982558	88	1164	58	655	0,853774	0,146226	0,80778	0,3648	
3	1	11593927 - 11604472	33	361	7	233	3,042738	-2,04274	7,5192	0,004996	
3	2	12888513 - 12921417	12	44	6	28	1,272727	-0,27273	0,18908	0,7901	
3	3	14982534 - 14991527	23	627	1	434	15,92026	-14,9203	13,188	0,0005	
3	4	49758613 - 49768420	789	361	453	146	0,704408	0,295592	9,4217	0,003998	
3	5	75437154 - 75449116	41	2068	27	1245	0,914195	0,085805	0,12841	0,7946	
4	1	10114669 - 10167627	124	20	75	9	0,744	0,256	0,48162	0,5442	
4	2	41981218 - 41989614	184	416	134	287	0,947331	0,052669	0,15586	0,7321	
4	3	119547188 - 119563146	296	145	158	58	0,749367	0,250633	2,4674	0,1259	
4	4	120323190 - 12036158	69	729	33	387	1,109989	-0,10999	0,22352	0,6537	
4	5	152584172 - 152591018	167	477	95	184	0,678098	0,321902	6,3116	0,01449	
5	1	42989118 - 42997891	179	386	91	193	0,983516	0,016484	0,0113	0,9465	
5	2	178250015 - 178259870	338	124	103	34	0,899781	0,100219	0,2225	0,6657	
5	3	179503105 - 179510993	115	115	75	66	0,88	0,12	0,3563	0,5962	
5	4	180104021 - 180120384	270	189	157	118	1,073703	-0,0737	0,2122	0,7121	
6	1	4185730 - 4194263	201	709	94	368	1,109864	-0,10986	0,55067	0,4768	
6	2	25723034 - 25734245	260	85	119	36	0,925358	0,074642	0,11622	0,7251	
6	3	26103393 - 26113254	215	94	99	51	1,178272	-0,17827	0,59863	0,4443	
6	4	26153437 - 26161250	112	248	48	118	1,110215	-0,11022	0,25873	0,6912	
6	5	26212797 - 26220651	138	137	61	56	0,924734	0,075266	0,1255	0,7516	
6	6	26231685 - 26239237	122	81	50	40	1,204938	-0,20494	0,53085	0,5182	
6	7	29493892 - 29505708	161	339	39	164	1,997126	-0,99713	11,965	0,001	
6	8	33829822 - 33894785	51	339	22	164	1,12148	-0,12148	0,1775	0,6977	
6	9	34245126 - 34257679	32	1217	20	615	0,808546	0,191454	0,54149	0,5562	
6	10	36451822 - 36460692	359	226	196	125	1,013071	-0,01307	0,008303	0,941	
6	11	39068783 - 39093690	352	327	163	184	1,215137	-0,21514	2,1758	0,1389	
6	12	39094797 - 39108646	84	142	38	84	1,307635	-0,30764	1,2614	0,2844	
6	13	40343104 - 40351746	249	334	171	206	0,898099	0,101901	0,65233	0,4198	
6	14	41754742 - 41766722	114	91	61	32	0,657179	0,342821	2,6297	0,1239	
6	15	42689739 - 42699763	71	322	33	123	0,821852	0,178148	0,69337	0,4763	
6	16	42842946 - 42858545	133	389	44	199	1,546331	-0,54633	5,067	0,03098	
6	17	107383411 - 107395081	48	126	32	83	0,988095	0,011905	1,1798	0,3343	
7	1	6198867 - 6207568	4	234	1	129	2,205128	-1,20513	2,192	0,3023	
7	2	6617659 - 6633659	11	564	4	248	1,20922	-0,20922	0,10439	0,7926	
7	3	27493034 - 27502607	166	760	94	412	0,957335	0,042665	0,093177	0,7611	
7	4	32789788 - 32801547	15	234	5	107	1,371795	-0,37179	0,35916	0,6202	
7	5	35732666 - 35739378	59	981	1	285	17,14067	-16,1407	16,922	0,0005	
7	6	44034600 - 44051584	617	1138	364	811	1,207987	-0,20799	5,5161	0,02499	
7	7	47995597 - 48005031	270	1544	152	1369	1,574985	-0,57498	17,905	0,0005	
7	8	56550800 - 56568648	133	16	61	8	1,090164	-0,09016	0,035267	1	
7	9	56870712 - 56905707	16	1011	16	831	0,821958	0,178042	0,30315	0,5882	
7	10	63200389 - 63215405	49	318	24	193	1,239125	-0,23912	0,65474	0,4538	
7	11	64293379 - 64300618	63	303	33	140	0,882088	0,117912	0,27824	0,6392	
7	12	66102024 - 66109739	101	85	69	50	0,86104	0,13896	0,39882	0,5377	
8	1	156150 - 165015	172	26	1	1	6,615385	-5,61538	2,3048	0,129	
8	2	28605622 - 28614366	26	247	12	144	1,263158	-0,26316	0,41248	0,5842	
8	3	28904563 - 28924544	51	137	25	83	1,235912	-0,23591	0,56924	0,4948	
8	4	42556169 - 42563569	74	219	45	109	0,818468	0,181532	0,8123	0,3583	
8	5	42976160 - 42989101	65	259	29	75	0,649048	0,350952	2,8111	0,09595	
9	1	26620003 - 26644650	476	257	213	63	0,547816	0,452184	0,029383	0,9305	
9	2	33572015 - 33582959	135	33	55	20	1,487603	-0,4876	1,5	0,2434	
9	3	37435083 - 37445725	20	839	6	352	1,39849	-0,39849	0,51427	0,5112	
9	4	37710183 - 37784016	3	68	1	62	2,735294	-1,73529	2,6802	0,2449	
9	6	38539024 - 38572019	1705	70	1491	1	0,016336	0,983664	60,088	0,0005	
9	7	42447328 - 42458192	306	560	161	307	1,041948	-0,04195	0,11628	0,7596	
9	8	44017295 - 44031054	178	438	94	246	1,063538	-0,06354	0,065675	0,8186	
9	9	67290040 - 67306943	942	450	899	278	0,647327	0,352673	23,815	0,0005	
9	10	69446439 - 69483196	7	677	4	677	1,75	-0,75	0,81159	0,5527	
9	11	71678163 - 71688943	447	571	386	313	0,634788	0,365212	21,232	0,0005	
9	12	82495927 - 82518848	245	7490	126	4113	1,067757	-0,06776	0,34688	0,5782	
9	13	82522045 - 82532928	137	477	53	212	1,148847	-0,14885	0,58435	0,4823	
9	14	84523917 - 84548943	49	38	21	19	1,166667	-0,16667	0,16179	0,7116	
9	15	84587919 - 84596471	30	418	15	256	1,22488	-0,22488	0,38819	0,6437	
9	16	90528916 - 90548943	75	962	59	592	0,782269	0,217731	1,8338	0,2174	

P(non-neutr)- number of polymorphic sites in piRNA clusters; P(neutr) – number of polymorphic sites in intergenic regions; D(non-neutr)- number of divergent sites in piRNA clusters; D(neutr)- number of divergent sites in intergenic regions. P-value < 0.05 is marked in red.

Supplementary Table S6 (continued): East Asian population

10	1	29074929 - 29088891	79	962	43	250	0,477445	0,522555	0,89364	0,3388
10	2	43131450 - 43151464	49	90	32	17	0,289236	0,710764	13,345	0,0005
10	3	45489591 - 45499469	23	90	1	17	4,344444	-3,34444	4,204	0,03398
10	4	51765930 - 51773243	151	1880	59	1006	1,36951	-0,36951	3,9673	0,05197
10	5	59862000 - 59868949	32	25	18	16	1,137778	-0,13778	0,088048	0,8351
10	6	70624775 - 70653782	158	6409	67	3207	1,180024	-0,18002	1,2642	0,2879
10	7	72179774 - 72190667	68	345	25	167	1,316638	-0,31664	1,1951	0,2939
10	8	81266826 - 81276783	273	443	198	299	0,930604	0,069396	9,3274	0,001999
11	1	203003 - 208937	59	72	25	24	0,786667	0,213333	0,62422	0,4773
11	2	5948358 - 5962026	1070	1781	516	945	1,100277	-0,10028	2,0334	0,1714
11	3	12957595 - 12966248	16	26	9	13	0,888889	0,111111	0,048023	1
11	4	17392631 - 17403471	155	64	83	40	1,167169	-0,16717	0,40448	0,5387
12	1	3549195 - 3602193	1250	36	554	17	1,065483	-0,06548	0,045114	0,8801
12	2	9462671 - 9525135	10	40	3	13	1,083333	-0,08333	0,011974	1
12	3	9544701 - 9557062	46	691	21	312	0,989043	0,010957	0,00164	1
12	4	54621785 - 54637501	33	515	13	324	1,597013	-0,59701	1,9837	0,1724
12	5	58210790 - 58222803	150	572	65	320	1,291017	-0,29102	2,4311	0,1384
12	6	58320819 - 58333655	71	140	26	54	1,053297	-0,0533	0,034479	0,8791
12	7	100545969 - 100570873	23	534	14	272	0,836811	0,163189	0,26411	0,7571
14	1	19581332 - 19605056	452	202	377	101	0,599469	0,400531	0,010666	0,93
14	2	61578302 - 61587727	260	621	123	335	1,140306	-0,14031	1,0409	0,3078
14	3	71187038 - 71198306	54	138	34	78	0,897698	0,102302	0,17136	0,6862
14	4	88594365 - 88638180	492	820	262	492	1,126718	-0,12672	1,5647	0,2154
15	1	24223168 - 24254145	148	467	74	282	1,207709	-0,20771	1,3743	0,2689
15	2	24269210 - 24279095	237	2366	131	1379	1,054451	-0,05445	0,21627	0,6377
15	3	34813351 - 34827063	27	40	16	14	0,590625	0,409375	1,4266	0,2589
15	4	41590243 - 41601181	819	106	425	64	1,163507	-0,16351	0,80203	0,3733
15	5	43029219 - 43039793	198	457	90	238	1,145733	-0,14573	0,82129	0,3953
15	6	51538199 - 51600225	72	73	26	37	1,403583	-0,40358	1,2393	0,2974
15	7	62496215 - 62573211	242	2736	161	1523	0,836707	0,163293	2,8023	0,09945
16	1	1721787 - 1730027	4	1043	4	562	0,53883	0,46117	0,78472	0,4558
16	2	2811804 - 2818587	188	58	138	47	1,103948	-0,10395	0,19152	0,7436
16	3	21513376 - 21530322	2	147	1	72	0,979592	0,020408	0,00028	1
16	4	23677355 - 23690204	9	314	6	211	1,007962	-0,00796	0,00022	1
16	5	28381362 - 28391348	298	350	179	175	0,832402	0,167598	1,923	0,2044
18	1	6924291 - 6929859	1101	2017	550	1371	1,360681	-0,36068	24,079	0,0005
20	1	2122793 - 2129142	24	3852	11	1369	0,775418	0,224582	0,34707	0,5782
20	2	5171677 - 5179628	114	580	59	307	1,022735	-0,02274	0,016461	0,934
20	3	5473972 - 5486585	47	195	23	74	0,775474	0,224526	0,77772	0,4538
20	4	31436063 - 31444827	184	1188	71	674	1,47029	-0,47029	6,8639	0,01149
21	1	45886885 - 45920909	544	140	282	84	1,157447	-0,15745	0,87588	0,3708
22	1	18208834 - 182177	76	73	42	31	0,768428	0,231572	0,83839	0,3983
22	2	18832651 - 188406	17	29	9	24	1,563218	-0,56322	0,8161	0,4723
22	3	21040679 - 210492	219	627	180	316	0,613184	0,386816	16,2	0,0005
22	4	31317615 - 313259	28	627	13	316	1,085511	-0,08551	0,057376	0,8631
22	5	31671114 - 316894	1	79	1	50	0,632911	0,367089	0,10466	1
22	6	37739052 - 377749	130	106	57	56	1,204899	-0,2049	0,66209	0,4298

P(non-neutr)- number of polymorphic sites in piRNA clusters; P(neutr) – number of polymorphic sites in intergenic regions; D(non-neutr)- number of divergent sites in piRNA clusters; D(neutr)- number of divergent sites in intergenic regions. P-value < 0.05 is marked in red.

Supplementary Table S6 (continued): European population.

MKT per cluster												
Chr.	Clusters	Cluster coordinates	P(non-neutr)	P(neutr)	D(non-neutr)	D(neutr)	Nl	Alpha	Chi-square	P-value		
1	1	1589488 - 1598460	16	34	10	19	0.894118	0.105882353	0.051241	1		
1	2	2330653 - 2340397	38	92	21	48	0.944099	0.055900621	0.031328	0.8581		
1	3	6675490 - 6687718	36	1639	16	1123	1.541641	-0.541641245	2,072	0.1579		
1	4	10434145 - 10443830	8	159	6	100	0.838574	0.161425577	0.10087	0.7746		
1	5	20230789 - 20241453	41	111	23	67	1.075989	-0.075989033	0.058443	0.8801		
1	6	24082785 - 24091256	32	428	18	214	0.888889	0.111111111	0.14801	0.7436		
1	7	27647875 - 27656513	5	29	1	12	2.068966	-1.068965517	0.4154	0.6657		
1	8	27728548 - 27736940	135	133	95	81	0.865453	0.134546894	0.5527	0.5007		
1	9	28293521 - 28302527	324	240	252	158	0.846429	0.153571429	1,585	0.2184		
1	10	36383977 - 36395547	172	401	102	249	1.047088	-0.047088162	0.095688	0.7746		
2	1	90498900 - 91730960	3147	7	2746	4	0.654875	0.345125377	0.46214	0.5472		
2	2	95419856 - 95459749	27	7	4	4	3.857143	-2.857142857	2,8981	0.1649		
2	3	95521847 - 95541715	107	7	41	4	1.491289	-0.491289199	0.3785	0.7186		
2	4	109109513 - 109132449	7	823	6	512	0.7258	0.274200081	0.3312	0.5807		
2	5	111431722 - 111476470	906	177	685	115	0.859334	0.140665594	1,3608	0.2469		
2	6	118670582 - 118680425	24	502	17	317	0.891493	0.108507148	0,125	0.7366		
2	7	121973698 - 121982558	86	1125	59	660	0.855141	0.144858757	0,79173	0.4308		
3	1	11593927 - 11604472	25	345	15	237	1.144928	-0.144927536	0.16119	0.7286		
3	2	12888513 - 12921417	11	46	6	29	1.155797	-0.155797101	0.066876	1		
3	3	14982534 - 14991527	25	582	1	434	18.64261	-17.64261168	15,751	0.0004998		
3	4	49758613 - 49768420	708	347	460	146	0.647588	0.352411978	14,277	0.0004995		
3	5	75437154 - 75449116	40	1930	26	1250	0.996413	0.003587086	0,0001994	1		
4	1	10114669 - 10167627	111	16	75	9	0.8325	0,1675	0,17185	0.8416		
4	2	41981218 - 41989614	176	375	135	289	1.004721	-0.004720988	0,0011544	1		
4	3	119547188 - 119563146	278	130	160	58	0.775192	0.224807692	1,8689	0.1959		
4	4	120323190 - 120336158	60	668	34	402	1.061994	-0.06199366	0,072282	0.8256		
4	5	152584172 - 152591018	142	445	97	186	0.611885	0.388115371	9,7466	0.002999		
5	1	42989118 - 42997891	157	346	90	195	0.983141	0,016859345	0,0113	0.932		
5	2	178250015 - 178259870	311	115	102	34	0.901449	0.098550725	0,2107	0.6577		
5	3	179503105 - 179510993	114	98	75	67	1.039184	-0.039183673	0,0313	0.922		
5	4	180104021 - 180120384	257	170	163	115	1.066582	-0.066582461	0,1689	0,7126		
6	1	4185730 - 4194263	168	600	97	374	1.079588	-0.079587629	0.28472	0.6142		
6	2	25723034 - 25734245	233	78	118	34	0.860713	0.139287266	0,40948	0.5622		
6	3	26103393 - 26113254	182	84	99	51	1.116162	-0.116161616	0,25647	0.6557		
6	4	26153437 - 26161250	91	222	55	125	0.931613	0.068386568	0,12043	0.7441		
6	5	26212797 - 26220651	121	123	62	57	0.904406	0.09559402	0,2017	0.6657		
6	6	26231685 - 26239237	110	67	50	37	1.214925	-0.214925373	0,5341	0,5047		
6	7	29493892 - 29505708	146	315	39	166	1.972812	-0.972812373	11,311	0.0004995		
6	8	33829822 - 33894785	47	315	22	166	1.12583	-0.125829726	0,18515	0,7061		
6	9	34245126 - 34257679	30	1104	20	621	0.84375	0,15625	0,33698	0,6612		
6	10	36451822 - 36460692	327	199	201	126	1.030076	-0.030075752	0,041824	0,8791		
6	11	39068783 - 39093690	311	305	163	188	1.176064	-0.176063562	1,4663	0,2399		
6	12	39094797 - 39108646	69	126	37	84	1.243243	-0.243243243	0,77369	0,3988		
6	13	40343104 - 40351746	225	299	174	204	0.882251	0.117748818	0,85152	0,3573		
6	14	41754742 - 41766722	104	79	62	32	0.679461	0.320538996	2,1541	0,1524		
6	15	42689739 - 42699763	53	253	34	125	0.77017	0.229830272	1,1359	0,3233		
6	16	42842946 - 42858545	117	341	46	202	1.506964	-0.506969867	4,4362	0.04248		
6	17	107383411 - 107395081	47	113	32	83	1.078816	-0.078816372	0,32112	0,5987		
7	1	6198867 - 6207568	1	215	1	128	0.595349	0,404651163	0,59432	1		
7	2	6617659 - 6633659	16	480	4	255	2,125	-1,125	1,8653	0,2404		
7	3	27493034 - 27502607	144	706	95	414	0.888862	0,111137617	0,652	0,4578		
7	4	32789788 - 32801547	10	200	5	110	1,1	-0,1	0,028941	1		
7	5	35732666 - 35739378	42	865	1	291	14,12948	-13,12947977	13,965	0.0004998		
7	6	44034600 - 44051584	543	1063	364	810	1,136711	-0,13671136	2,4286	0,1094		
7	7	47995597 - 48005031	237	1488	155	1382	1.420109	-0,420109261	10,267	0.0004995		
7	8	56550800 - 56568648	129	15	64	8	1,075	-0,075	0,02433	1		
7	9	56870712 - 56905707	16	978	16	834	0.852761	0.147239264	0,19981	0,7096		
7	10	63200389 - 63215405	36	292	26	203	0.962592	0.037407798	0,019489	0,8986		
7	11	64293379 - 64300618	60	290	33	140	0.877743	0,122257053	0,29567	0,6302		
7	12	66102024 - 66109739	102	77	70	50	0,946197	0,05380334	0,053592	0,9		
8	1	156150 - 165015	117	17	1	1	6,882353	-5,882352941	2,3892	0.122177		
8	2	28605622 - 28614366	27	234	12	146	1.403846	-0,403846154	0,88165	0,3838		
8	3	28904563 - 28924544	39	121	26	85	1,053719	-0,053719008	0,032548	0,8706		
8	4	42556169 - 42563569	72	181	47	108	0,914071	0,085929235	0,16166	0,7316		
8	5	42976160 - 42989101	64	225	29	78	0,765057	0,234942529	1,068	0,3548		
9	1	26620003 - 26644650	396	257	214	63	0,453616	0,546383505	0,066065	0,8551		
9	2	33572015 - 33582959	118	31	55	19	1,314956	-0,314956012	0,67425	0,4963		
9	3	37435083 - 37445725	16	828	5	357	1,37971	-0,379710145	0,39198	0,6262		
9	4	37771083 - 37784016	4	66	1	62	3,757576	-2,757575758	3,6536	0,1124		
9	6	38539024 - 38572019	1646	46	1505	1	0,023776	0,97622418	41,513	0.0004998		
9	7	42447328 - 42458192	259	465	159	310	1,085954	-0,085953878	0,43801	0,5262		
9	8	44017295 - 44031054	168	373	94	249	1,193087	-0,193086532	1,3398	0,2814		
9	9	67290040 - 67306943	928	403	904	280	0,713235	0,28676519	13,921	0.0004998		
9	10	69446439 - 69483196	5	677	4	677	1,25	-0,25	0,11038	1		
9	11	71678163 - 71688943	438	524	387	320	0,691165	0,308834842	13,823	0.0004995		
9	12	82495927 - 82518848	216	6725	131	4161	1,020206	-0,020206022	0,03163	0,8646		
9	13	82522045 - 82532928	119	433	54	220	1,119665	-0,119664699	0,37847	0,6092		
9	14	84523917 - 84548943	41	30	21	19	1,236508	-0,236507937	0,28562	0,6872		
9	15	84587919 - 84596471	34	390	15	258	1,499487	-0,499487179	1,6192	0,2214		
9	16	90528916 - 90548943	71	886	59	601	0,816295	0,183705092	1,2213	0,2994		

P(non-neutr)- number of polymorphic sites in piRNA clusters; P(neutr) – number of polymorphic sites in intergenic regions; D(non-neutr)- number of divergent sites in piRNA clusters; D(neutr)- number of divergent sites in intergenic regions. P-value < 0.05 is marked in red.

Supplementary Table S6 (continued): European population.

10	1	29074929 - 29088891	54	962	42	250	0,334125	0,665874666	3,7503	0,05847
10	2	43131450 - 43151464	49	71	33	21	0,439181	0,560819462	6,1456	0,01249
10	3	45489591 - 45499469	20	71	1	21	5,915493	-4,915492958	5,6187	0,01849
10	4	51765930 - 51773243	120	1650	75	1053	1,021091	-0,021090909	0,018759	0,9335
10	5	59862000 - 59868949	34	29	18	16	1,042146	-0,042145594	0,0093666	1
10	6	70624775 - 70653782	126	5767	68	3226	1,036516	-0,03651608	0,055628	0,8326
10	7	72179774 - 72190667	54	308	25	168	1,178182	-0,178181818	0,39765	0,6187
10	8	81266826 - 81276783	241	425	197	300	0,863541	0,136458644	1,4443	0,2574
11	1	203003 - 208937	51	72	26	21	0,572115	0,427884615	0,040848	0,8511
11	2	5948358 - 5962026	952	2840	520	906	0,584041	0,41595883	3,1538	0,07246
11	3	12957595 - 12966248	19	50	9	13	0,548889	0,451111111	0,12555	0,7941
11	4	17392631 - 17403471	137	106	85	38	0,577802	0,422197558	0,035305	0,8936
12	1	3549195 - 3602193	1114	30	566	17	1,115312	-0,115312132	0,12572	0,7676
12	2	9462671 - 9525135	10	24	3	13	1,805556	-0,805555556	0,64281	0,5107
12	4	54621785 - 54637501	21	527	13	321	0,983944	0,01605605	0,0020223	1
12	5	58210790 - 58222803	124	501	66	323	1,211274	-0,211274421	1,3001	0,2729
12	6	58320819 - 58333655	61	108	28	56	1,12963	-0,12962963	0,18763	0,6987
12	7	100545969 - 100570873	23	475	14	273	0,944211	0,055789474	0,027315	1
14	1	19581332 - 19605056	437	202	379	101	0,576517	0,42348285	0,019259	0,9345
14	2	61578302 - 61587727	234	542	124	339	1,180306	-0,180305916	1,6056	0,2249
14	3	71187038 - 71198306	46	139	33	78	0,782211	0,217789405	0,83915	0,4208
14	4	88594365 - 88638180	415	686	267	502	1,137408	-0,137408414	1,7267	0,1919
15	1	24223168 - 24254145	147	452	74	283	1,243751	-0,243751495	1,8294	0,1874
15	2	24269210 - 24279095	222	2266	129	1370	1,040456	-0,040456495	0,11715	0,7746
15	3	34813351 - 34827063	33	40	15	14	0,77	0,23	0,354	0,6667
15	4	41590243 - 41601181	735	96	438	66	1,153682	-0,153681507	0,70044	0,4448
15	5	43029219 - 43039793	193	430	90	240	1,196899	-0,196899225	1,4195	0,2724
15	6	51538199 - 51600225	58	67	28	37	1,143923	-0,143923241	0,1906	0,7601
15	7	62496215 - 62573211	222	2378	161	1555	0,901666	0,098334108	0,91023	0,3543
16	1	1721787 - 1730027	4	902	4	559	0,619734	0,380266075	0,46382	0,6997
16	2	2811804 - 2818587	185	60	136	49	1,110907	-0,110906863	0,22207	0,6617
16	3	21513376 - 21530322	2	114	1	73	1,280702	-0,280701754	0,040402	1
16	4	23677355 - 23690204	8	310	6	213	0,916129	0,083870968	0,025628	1
16	5	28381362 - 28391348	274	326	177	172	0,816748	0,18325188	2,2561	0,1444
18	1	6924291 - 6929859	978	1894	572	1379	1,244879	-0,244878933	11,941	0,0009995
20	1	2122793 - 2129142	20	3852	12	1381	0,597525	0,402474905	0,034084	0,8546
20	2	5171677 - 5179628	98	511	58	310	1,025035	-0,025035427	0,01874	0,9305
20	3	5473972 - 5486585	43	175	23	74	0,790559	0,209440994	0,64416	0,4563
20	4	31436063 - 31444827	151	1052	70	682	1,398452	-0,398451928	4,8551	0,03098
21	1	45886885 - 45920909	452	131	292	86	1,016208	-0,016208303	0,010383	0,9325
22	1	18208834 - 18217791	65	57	44	32	0,829346	0,170653907	0,40324	0,5557
22	2	18832651 - 18840619	20	29	9	24	1,83908	-0,83908046	1,5824	0,2424
22	3	21040679 - 21049277	216	532	181	323	0,724546	0,275453828	6,8833	0,009495
22	4	31317615 - 31325981	20	532	13	323	0,934066	0,065934066	0,035285	0,8671
22	5	31671114 - 31689434	2	84	1	50	1,190476	-0,19047619	0,019891	1
22	6	37739052 - 37774984	109	92	54	57	1,250604	-0,250603865	0,89248	0,4043

P(non-neutr)- number of polymorphic sites in piRNA clusters; P(neutr) – number of polymorphic sites in intergenic regions; D(non-neutr)- number of divergent sites in piRNA clusters; D(neutr)- number of divergent sites in intergenic regions. P-value < 0.05 is marked in red.

Supplementary Table S6 (continued): South Asian population.

SAS

MKT per cluster												
Chr.	Clusters	Cluster coordinates	P(non-neutr)	P(neutr)	D(non-neutr)	D(neutr)	Nl	Alpha	Chi-square	P-value		
1	1	1589488 - 1598460	17	34	12	19	0,791667	0,208333	0,087912	0,8206		
1	2	2330653 - 2340397	41	92	21	50	1,061077	-0,06108	0,000396	1		
1	3	6675490 - 6687718	32	1639	16	1120	1,366687	-0,36669	0,93046	0,3883		
1	4	10434145 - 10443830	6	159	6	99	0,622642	0,377358	0,5658	0,5522		
1	5	20230789 - 20241453	43	111	25	70	1,084685	-0,08468	0,000129	1		
1	6	24082785 - 24091256	35	428	18	214	0,972222	0,027778	0,01304	1		
1	7	27647875 - 27656513	3	29	1	12	1,241379	-0,24138	0,13929	1		
1	8	27728548 - 27736940	136	133	95	80	0,8611	0,1389	0,99915	0,3318		
1	9	28293521 - 28302527	331	240	252	156	0,85377	0,14623	1,744	0,1954		
1	10	36383977 - 36395547	173	401	103	255	1,068082	-0,06808	0,46765	0,4963		
2	1	90498900 - 91730960	3158	5	2745	4	0,920364	0,079636	0,015289	1		
2	2	95419856 - 95459749	29	5	4	4	5,8	-4,8	4,7914	0,05647		
2	3	95521847 - 95541715	131	5	41	4	2,556098	-1,5561	1,9442	0,2129		
2	4	109109513 - 109132449	9	840	6	514	0,917857	0,082143	0,026169	1		
2	5	111431722 - 111476470	903	166	688	121	0,956702	0,043298	0,11629	0,7426		
2	6	118670582 - 118680425	24	508	17	317	0,880963	0,119037	0,15227	0,7401		
2	7	121973698 - 121982558	85	1085	59	663	0,880341	0,119659	0,5221	0,4623		
3	1	11593927 - 11604472	25	347	15	239	1,147935	-0,14793	0,16758	0,7471		
3	2	12888513 - 12921417	14	41	6	29	1,650407	-0,65041	0,85492	0,4428		
3	3	14982534 - 14991527	21	602	1	434	15,13953	-14,1395	12,41	0,001499		
3	4	49758613 - 49768420	713	342	456	148	0,676644	0,323356	11,558	0,001999		
3	5	75437154 - 75449116	37	1844	27	1282	0,95272	0,04728	0,035884	0,91		
4	1	10114669 - 10167627	112	16	75	9	0,84	0,16	0,15548	0,8251		
4	2	41981218 - 41989614	179	400	133	290	0,975752	0,024248	0,031625	0,8936		
4	3	119547188 - 119563146	290	138	161	59	0,770096	0,229904	2,021	0,1789		
4	4	120323190 - 120336158	54	680	33	402	0,96738	0,03262	0,02084	0,9085		
4	5	152584172 - 152591018	144	395	95	189	0,725726	0,274724	4,0937	0,04048		
5	1	42989118 - 42997891	171	366	91	193	0,990903	0,009097	0,0034	1		
5	2	178250015 - 178259870	329	111	103	35	1,007172	-0,00717	0,001	1		
5	3	179503105 - 179510993	111	94	76	66	0,125476	-0,02548	0,0132	0,9165		
5	4	180104021 - 180120384	272	179	164	114	1,056275	-0,05627	0,1242	0,7631		
6	1	4185730 - 4194263	180	611	98	373	1,12128	-0,12128	0,65303	0,4343		
6	2	25723034 - 25734245	226	75	119	35	0,886275	0,113725	0,26647	0,6372		
6	3	26103393 - 26113254	195	88	99	52	1,163912	-0,16391	0,50316	0,5212		
6	4	26153437 - 26161250	95	225	56	125	0,94246	0,05754	0,086028	0,8326		
6	5	26212797 - 26220651	123	128	60	58	0,928906	0,071094	0,10912	0,8186		
6	6	26231685 - 26239237	94	65	52	39	1,084615	-0,08462	0,093078	0,7981		
6	7	29493892 - 29505708	138	315	39	165	1,85348	-0,85348	9,1994	0,005997		
6	8	33829822 - 33894785	42	315	22	165	1	0	0	1		
6	9	34245126 - 34257679	26	1053	20	655	0,808642	0,191358	0,49782	0,5527		
6	10	36451822 - 36460692	329	204	199	128	1,037344	-0,03734	0,064692	0,8261		
6	11	39068783 - 39093690	318	327	164	187	1,108861	-0,10886	1,614	0,2139		
6	12	39094797 - 39108646	75	123	38	84	1,347882	-0,34788	1,4973	0,2184		
6	13	40343104 - 40351746	247	305	173	205	0,959632	0,040368	0,094404	0,7911		
6	14	41754742 - 41766722	101	88	62	32	0,592375	0,407625	4,0281	0,05847		
6	15	42689739 - 42699763	49	288	34	128	0,640523	0,359477	3,28	0,07296		
6	16	42842946 - 42858545	104	345	50	206	1,241971	-0,24197	1,2593	0,2924		
6	17	107383411 - 107395081	48	116	32	81	1,047414	-0,04741	0,78102	0,4713		
7	1	6198867 - 6207568	2	216	1	128	1,185185	-0,18519	1,1811	0,5342		
7	2	6617659 - 6633659	13	493	4	252	1,661258	-0,66126	0,7898	0,4588		
7	3	27493034 - 27502607	156	710	95	416	0,962135	0,037865	0,071817	0,8141		
7	4	32789788 - 32801547	9	209	5	112	0,964593	0,035407	0,004001	1		
7	5	35732666 - 35739378	53	868	1	274	16,73041	-15,7304	16,499	0,0005		
7	6	44034600 - 44051584	580	1074	364	808	1,198764	-0,19876	4,9545	0,02449		
7	7	47995597 - 48005031	261	1495	151	1374	1,58858	-0,58858	18,299	0,0005		
7	8	56550800 - 56568648	122	18	63	8	0,86067	0,13933	0,11017	0,8316		
7	9	56870712 - 56907507	16	988	16	831	0,841093	0,158907	0,23596	0,7261		
7	10	63200389 - 63215405	35	278	27	203	0,946576	0,053424	0,040671	0,8836		
7	11	64293379 - 64300618	53	294	32	141	0,794324	0,205676	0,87717	0,3888		
7	12	66102024 - 66109739	102	81	71	50	0,886802	0,113198	0,25673	0,6477		
8	1	156150 - 165015	138	26	1	1	5,307692	-4,30769	1,6916	0,193393		
8	2	28605622 - 28614366	26	229	12	148	1,400291	-0,40029	0,85911	0,3908		
8	3	28904563 - 28924544	43	131	26	83	1,047857	-0,04786	0,026849	0,8906		
8	4	42556169 - 42563569	69	194	45	111	0,87732	0,12268	0,33691	0,5827		
8	5	42976160 - 42989101	67	230	29	79	0,793553	0,206447	0,80707	0,4298		
9	1	266620003 - 26644650	402	257	220	63	0,447931	0,552069	0,041584	0,8531		
9	2	33572015 - 33582959	118	30	57	21	1,449123	-0,44912	1,2938	0,3213		
9	3	37435083 - 37445725	18	806	5	356	1,590074	-0,59007	0,8429	0,3813		
9	4	37771083 - 37784016	6	64	1	62	5,8125	-4,8125	5,5673	0,03348		
9	6	38539024 - 38572019	1663	58	1504	1	0,019064	0,980936	51,615	0,0005		
9	7	42447328 - 42458192	260	501	164	322	1,018938	-0,01894	0,023394	0,913		
9	8	44017295 - 44031054	157	399	98	260	1,043936	-0,04394	0,080651	0,8146		
9	9	67290040 - 67306943	946	419	905	281	0,701027	0,298973	15,631	0,0005		
9	10	69446439 - 69483196	7	677	4	677	1,75	-0,75	0,81159	0,5582		
9	11	71678163 - 71688943	449	535	387	319	0,691787	0,308213	13,876	0,0005		
9	12	82495927 - 82518848	229	6852	127	4190	1,102627	-0,10263	0,75651	0,3823		
9	13	8252045 - 82532928	118	454	54	218	1,049274	-0,04927	0,068488	0,8591		
9	14	84523917 - 84548943	39	35	21	19	1,008163	-0,00816	0,000428	1		
9	15	84587919 - 84596471	32	395	15	259	1,398819	-0,39882	1,0884	0,3528		
9	16	90528916 - 90548943	74	897	59	601	0,840353	0,159647	0,91188	0,3628		

P(non-neutr)- number of polymorphic sites in piRNA clusters; P(neutr) – number of polymorphic sites in intergenic regions; D(non-neutr)- number of divergent sites in piRNA clusters; D(neutr)- number of divergent sites in intergenic regions. P-value < 0.05 is marked in red.

Supplementary Table S6 (continued): South Asian population.

10	1 29074929 - 29088891	64	962	43	249	0,385244	0,614756	1,7691	0,1969
10	2 43131450 - 43151464	45	70	32	18	0,361607	0,638393	8,6599	0,001499
10	3 45489591 - 45499469	18	70	1	18	4,628571	-3,62857	4,4349	0,03798
10	4 51765930 - 51773243	127	1724	77	1046	1,000708	-0,00071	2,24E-05	1
10	5 59862000 - 59868949	37	28	18	17	1,248016	-0,24802	0,2775	0,6817
10	6 70624775 - 70653782	125	5828	68	3226	1,017527	-0,01753	0,01302	0,939
10	7 72179774 - 72190667	62	302	25	163	1,338543	-0,33854	1,3027	0,2794
10	8 81266826 - 81276783	251	428	201	296	0,863626	0,136374	1,4657	0,2469
11	1 203003 - 208937	58	72	26	22	0,681624	0,318376	0,034116	0,8611
11	2 5948358 - 5962026	957	1511	515	964	1,185543	-0,18554	6,1873	0,01149
11	3 12957595 - 12966248	21	29	9	13	1,045977	-0,04598	0,007481	1
11	4 17392631 - 17403471	135	64	85	40	0,992647	0,007353	0,000911	1
12	1 3549195 - 3602193	1091	38	592	17	0,824458	0,175542	0,42586	0,5552
12	2 9462671 - 9525135	9	33	4	13	0,886364	0,113636	0,031091	1
12	3 9544701 - 9557062	43	631	19	316	1,133372	-0,13337	0,1946	0,6847
12	4 54621785 - 54637501	24	462	12	326	1,411255	-0,41126	0,91921	0,3878
12	5 58210790 - 58222803	135	527	68	321	1,209259	-0,20926	1,3332	0,2494
12	6 58320819 - 58333655	62	105	28	56	1,180952	-0,18095	0,34949	0,5872
12	7 100545969 - 100570873	24	489	14	275	0,964067	0,035933	0,011276	1
14	1 19581332 - 19605056	447	202	379	101	0,58971	0,41029	0,34001	0,6207
14	2 61578302 - 61587727	229	581	121	338	1,101009	-0,10101	0,53508	0,4678
14	3 71187038 - 71198306	54	137	34	78	0,904251	0,095749	0,14892	0,7891
14	4 88594365 - 88638180	431	734	264	501	1,114333	-0,11433	1,2384	0,268
15	1 24223168 - 24254145	152	454	74	283	1,280391	-0,28039	2,3714	0,1299
15	2 24269210 - 24279095	220	2255	132	1381	1,020695	-0,02069	0,031574	0,8776
15	3 34813351 - 34827063	29	42	15	13	0,598413	0,401587	1,3172	0,2884
15	4 41590243 - 41601181	683	92	440	67	1,130459	-0,13046	0,50961	0,5007
15	5 4302919 - 43039793	197	429	93	244	1,204802	-0,2048	1,5616	0,2369
15	6 51538199 - 51600225	57	73	28	37	1,0318	-0,0318	0,010428	1
15	7 62496215 - 62573211	225	2372	163	1548	0,900847	0,099153	0,93681	0,3693
16	1 1721787 - 1730027	4	925	4	566	0,611892	0,388108	0,48939	0,6957
16	2 2811804 - 2818587	181	61	134	49	1,085026	-0,08503	0,13378	0,7331
16	3 21513376 - 21530322	1	114	1	74	0,649123	0,350877	0,09374	1
16	4 23677355 - 23690204	7	320	6	212	0,772917	0,227083	0,21014	0,7811
16	5 28381362 - 28391348	284	313	181	172	0,862231	0,137769	1,2177	0,2879
18	1 6924291 - 6929859	917	1892	572	1381	1,170162	-0,17016	6,0402	0,01299
20	1 2122793 - 2129142	19	3852	12	1382	0,56806	0,43194	1,06E-06	1
20	2 5171677 - 5179628	100	531	57	307	1,014306	-0,01431	0,006173	1
20	3 5473972 - 5486585	41	173	23	74	0,762503	0,237497	0,84637	0,3673
20	4 31436063 - 31444827	150	1045	72	686	1,367624	-0,36762	4,2926	0,04698
21	1 45886885 - 45920909	477	142	294	86	0,98261	0,01739	0,012734	0,9335
22	1 18208834 - 18217791	66	53	44	32	0,90566	0,09434	0,11161	0,7711
22	2 18832651 - 18840619	18	27	9	24	1,777778	-0,77778	1,3626	0,3418
22	3 21040679 - 21049277	213	526	180	329	0,740146	0,259854	5,9768	0,01149
22	4 31317615 - 31325981	24	526	13	329	1,154724	-0,15472	0,1678	0,7456
22	5 31671114 - 31689434	2	96	1	50	1,041667	-0,04167	0,001089	1
22	6 37739052 - 37774984	127	99	55	56	1,306152	-0,30615	1,3233	0,2839

P(non-neutr)- number of polymorphic sites in piRNA clusters; P(neutr) – number of polymorphic sites in intergenic regions; D(non-neutr)- number of divergent sites in piRNA clusters; D(neutr)- number of divergent sites in intergenic regions. P-value < 0.05 is marked in red.