

Plan du cours

- Introduction au data mining (1h)
- Apprentissage supervisé et non supervisé
- Focus sur l'apprentissage supervisé + mesures de performance et de validation (2h)
- Focus sur l'apprentissage non supervisé + mesures de performance et de validation (2h)
- Focus sur l'analyse de texte (2h)



Plan du jour

- [Rappel] Apprentissage supervisé et non supervisé
 - Motivation & Use cases
 - Formulation mathématique [Rappel]
 - > Apprentissage non supervisé
- Algorithmes d'apprentissage non supervisé
 - > Trois grandes famille d'algorithmes
 - K-moyenne (kmeans)
 - le clustering hiérarchique (HAC)
 - les algorithme à base de densité
 - dbscan
 - hdbscan
- Mesures de performances / détermination du nombre de clusters
 - Davies Bouldin
 - Silhouette



- Motivation & Use cases
- Marketing
 - Segmentation client : construire des regroupements de profils client. Rassembler les clients qui se ressemblent dans le même groupe pour :
 - faire des propositions commerciale les plus susceptible de les intéresser;
 - personnaliser le canal qu'on va utiliser pour communiquer avec eux;
 - Segmentation prospect : détecter les différents groupe de prospects qui se ressemblent dans le but :
 - de détecter les gammes produits proposées par l'entreprise couvre tous les groupes détectés

- Motivation & Use cases
- Usage de site Web
 - Clustering des logs laissé par les clients pour identifier les différents patterns
- Sécurité de site Web (ou d'applications)
 - Clustering des logs dans le but d'isoler les traces
 « anormale » potentiellement liées à des attaques
- Détection de fraudes (assurance, fiscale, etc.)
 - Clustering des profil et comportements clients (navigation web, type de demande, nombre d'appels, nombre de demande, nombre de réclamation, type de réclamation, ...etc.)

- Formulation mathématique
- Apprentissage <u>non</u> supervisé modélisation mathématique
 - Soit K(X1, ...Xn) les données d'apprentissage. Il s'agit d'un ensemble d'observations des variables explicatives Xi (X)
 - But :
 - Créer des regroupements (clusters) cohérents/homogène
 - Que veut dire alors cohérent et homogène ?

- Formulation mathématique
- Apprentissage <u>non</u> supervisé modélisation mathématique
 - − Il s'agit de définir un fonction $f: X \rightarrow D: \{1,...,k\}$
 - k étant le nombre de groupes qu'on souhaite créer à partir des observations X
 - Contrairement à un problème de classification
 - la cible n'est pas connue, pas de base de vérité
 - l'analyse se fait uniquement sur les données d'apprentissage

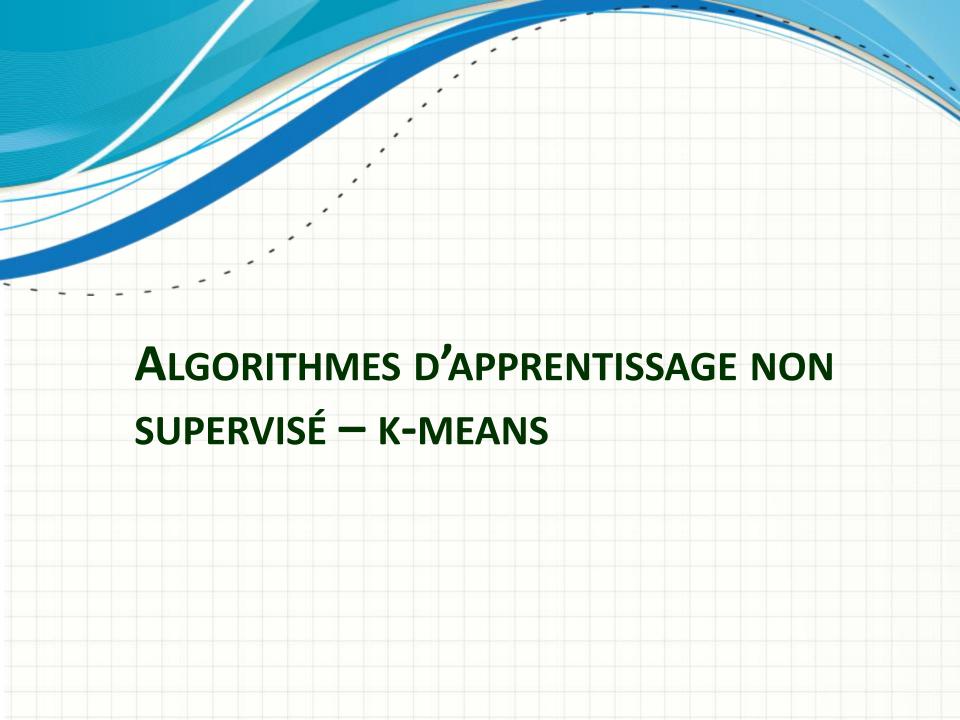
- Formulation mathématique
- Apprentissage <u>non</u> supervisé modélisation mathématique
 - L'absence de base de vérité
 nécessite de définir des mesures de qualité, qui permettraient de valider ou pas le résultat
 - Un bon regroupement (clustering) est souvent défini
 - Homogénéité intra-cluster
 - Distance (inhomogénéité) inter-clusters

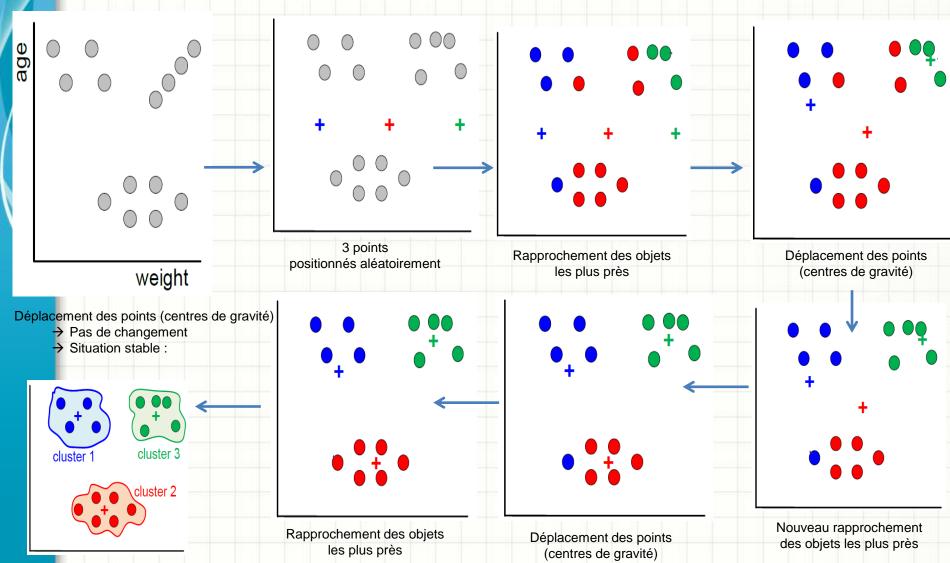
- Formulation mathématique
- Apprentissage <u>non</u> supervisé modélisation mathématique
 - Ces métriques sont souvent basées sur la notion de distance entre les individus ou encore entre les clusters
 - Exemple de distance
 - variance intra-cluster
 - variance inter-cluster



Trois grandes familles d'algorithmes

- Algorithmes à base de partitionnement
 - Intuition :
 - Créer K groupes qui minimisent un certain critère d'homogénéité.
 - À besoin du <u>nombre k</u> et du <u>critère d'homogénéité</u>.
 - e.g. k-means, k-medoid, etc.
- Algorithmes à base de densité
 - Intuition :
 - Créer K groupes, qui ont une densité forte à l'intérieur (intra-clusters), et une densité faible entre clusters (inter-clusters).
 - e.g. dbscan, hdbscan, etc.
- Algorithmes agglomératifs (« assembliste »)
 - Intuition :
 - Créer autant de groupes qu'il y'a d'individus
 - Regrouper itérativement les groupes les plus proches jusqu'à obtenir un seul groupe
 - Génère un arbre de clusters au lieu d'un ensemble de clusters
 - e.g. hiérarchique





- Chaque cluster est défini par son centroïde μ_k
- Chaque individu est associé (assigné) à son plus proche centroïde
- Chaque cluster est défini de sorte à minimiser la distance entre les individus et le centroïde correspondant

$$-\sum_{j=1}^{k} \sqrt{\sum_{i=1}^{n_j} \|X_{ji} - \mu_j\|^2}$$

- Algorithme détaillé
- K-means (K, X):
 - Placer aléatoirement K points (centroïdes) c_k
 - Répéter les deux points suivants jusqu'à convergence
 - Pour chaque point x_i dans X
 trouver le plus proche centroïde c_k en se basant sur une formule de distance (e.g. distance euclidienne

$$\sqrt{\sum_{i=1}^{n_j} \|X_{ji} - \mu_j\|^2})$$

2. Pour chaque cluster, calculer le centre de gravité $c_k = \frac{1}{|Sk|} \sum_{i=1}^{|Sk|} x_i$ (S_k représente l'ensemble des individus affectés au cluster k)

- Quelques remarques
 - Le choix de K est crucial dans la validité du résultat final
 - Le connaître à l'avance reste une question ouverte.
 - La convergence est détectée si on fait une itération sans aucun changement au niveau de l'affectation des points au clusters.
 - L'algorithme ne garantit pas la convergence → nécessité de définir le nombre d'itérations max.
 - Il n'est pas garantit non plus d'atteindre l'optimum global
 - L'initialisation joue un rôle crucial dans la performance de l'algorithme, et le résultat final
 - Complexité : O(K*N*I*D) → I représente le nombre d'itérations, et D représente la dimension des données.

- Quelques variantes
 - Algorithme détaillé
 - K-means (K, X):
 - Placer aléatoirement K points (centroïdes) c_k
 - Répéter les deux points suivants jusqu'à convergence
 - Pour chaque point x_i dans X trouver le plus proche centroïde c_k en se basant sur une formule de distance (e.g. distance euclidienne

 $\sqrt{\sum_{i=1}^{n_j} \|X_{ji} - \mu_j\|^2})$

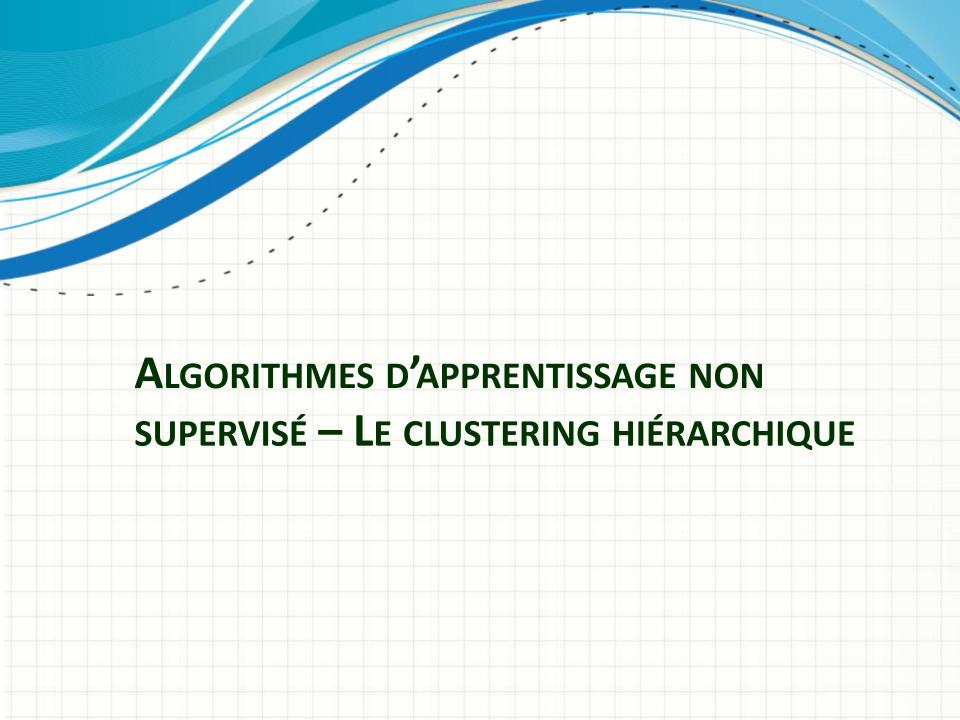
2. Pour chaque cluster, calculer le centre de gravité $c_k = \frac{1}{|S_k|} \sum_{i=1}^{|S_k|} x_i$ (S_k représente l'ensemble des individus affectés au cluster k)

k-means++ : placer les points les plus éloigner les uns des autres

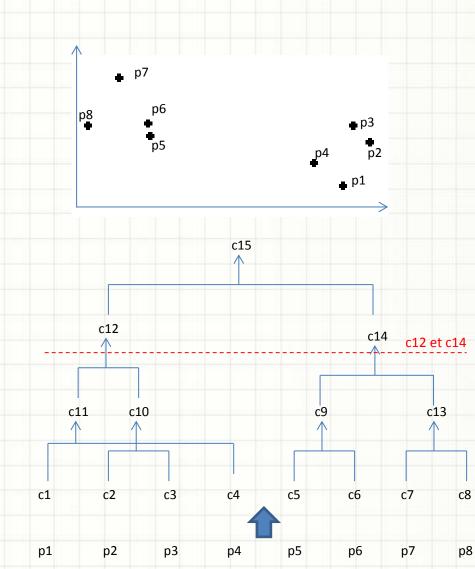
> D'autre distance peuvent être utilisée : distances scipy

k-medoid : Choisir un individu parmi les données comme centroïde. Choisir l'individu le plus proche du centre de gravité

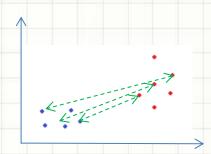
- Le clustering k-means en python
- <u>sklearn.cluster.KMeans</u>: <u>https://scikit-learn.org/stable/modules/generated/sklearn.cluster.KMeans.html</u>



- Associer à chaque point un cluster
- Répéter les étapes suivantes jusqu'à ce qu'il y'est un seul cluster
 - Calculer la matrice de distance entre les clusters
 - Détecter les deux clusters les plus proches
 - Fusionner ces deux points dans un cluster
- Couper horizontalement l'arbre pour avoir la liste des clusters à plat



- Plusieurs questions?
 - On connais la distance entre points, mais qu'en est il de la distance entre clusters?
 average, median, complete, ...etc.
 - Ou couper dans l'arbre pour avoir une liste de clusters ? → k (Number of clusters), max intracluster distance
 - Qu'en est il de la complexité ?



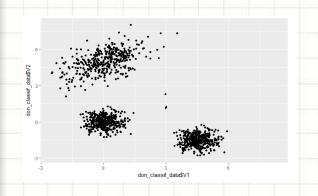
- Plusieurs questions?
 - On connais la distance entre points, mais qu'en est il de la distance entre clusters ? → Linkage
 - <u>Average</u>: la distance entre deux clusters (c1 et c2) est la distance moyenne entre tous les points du premier cluster (c1) et ceux du deuxième (c2).
 - <u>Single</u>: la distance entre deux clusters (c1 et c2) est la distance minimale entre les points du premier cluster (c1) et ceux du deuxième (c2).
 - <u>Complete</u>: la distance entre deux clusters (c1 et c2) est la distance maximale entre les points du premier cluster (c1) et ceux du deuxième (c2).
 - <u>Centroid</u>: la distance entre deux clusters (c1 et c2) est la distance entre le centroid du premier cluster (c1) et celui du deuxième (c2).
 - ...etc

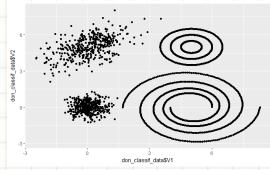
- Ou couper dans l'arbre pour avoir une liste de clusters ? → k (Number of clusters), max intracluster distance
 - k représente le nombre de cluster cible (difficile à évaluer à priori) → On descend dans l'arbre tant que k n'est pas atteint.
 - max intra-cluster distance définit le « rayon » de vos cluster. (difficile à évaluer à priori) → On descend dans l'arbre tant que la taille du cluster est supérieure à la distance max intra-cluster

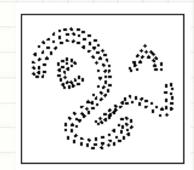
- Le clustering hiérarchique en python
- <u>sklearn.cluster.AgglomerativeClustering</u>: <u>https://scikit-learn.org/stable/modules/generated/sklearn.cluster.AgglomerativeClustering</u>.

```
In [25]: #Le clustering hiérarchique
    from sklearn.cluster import AgglomerativeClustering
    hacClustering = AgglomerativeClustering(n_clusters=4, affinity="euclidean", linkage="ward")
    hacClustering.fit(dataset)
```

ALGORITHMES D'APPRENTISSAGE NON SUPERVISÉ – DBSCAN



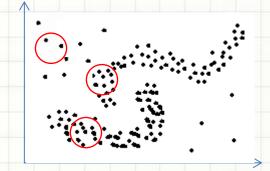




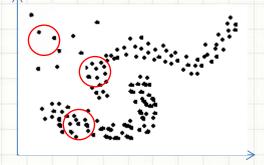
Autant qu'humain, quel seraient les cluster que vous créerait ?

Quel serait les cluster que k-means créerait ?

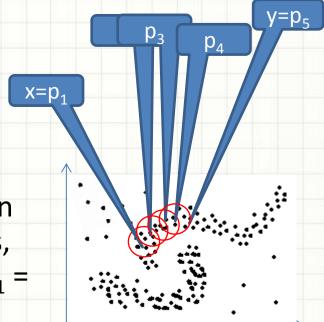
- Principe de densité
 - Le nombre de points (individus) contenu dans un rayon (distance).
 - Pour un rayon donné (eps), on peut comparer des zone en fonction de leur densité (nombre de points contenus dans ce rayon).
- Deux paramètres sont à donner à DBSCAN
 - Le rayon (eps)
 - MinPts (Minimum Points): Nombre minimum point dans le rayon pour considérer une zone dense ou pas.



- Soit x un point dans l'ensemble des individus X
- Soit N_{eps}(x) l'ensemble des points qui sont dans le rayon eps de x
 - $N_{eps}(x) = \{ y \in X \mid dist(x, y) \le eps \}$
- Soit DDR(x) (directly density-reachable)
 l'ensemble des points « directement
 atteignables par densité » à partir de x.
 - Un point y est directement atteignable par densité, sachant un rayon eps et un nombre minimum de point MinPts, ssi, y fait partie du voisinage de x, et le nombre de voisin de x est supérieur à minPts (la zone délimité par le rayon sur le point x est dense).
 - $y \in N_{eps}(x)$
 - et $|N_{eps}(x)| >= MinPts$



- Soit DR (density-reachable)
 l'ensemble des points
 « atteignables par densité ».
 - Un point y est atteignable par densité, sachant un rayon eps et un nombre minimum de point MinPts, ssi, il existe une chaine p₁, ..., pn (p₁ = x et pn = y) telque pi+1 ∈ DDR(pi)
- Points connectés sont des points mutuellement atteignables par densité



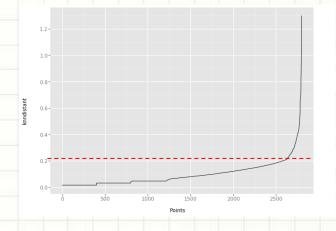
- Dans DBSCAN, on définit un cluster comme un ensemble maximal de points connectés par densité (mutuellement atteignables par densité).
- Algorithmes
 - Choisir un point x de l'ensemble X, de manière arbitraire
 - Calculer le voisinage de x (N_{eps}(x))
 - Si |N_{eps}(x)| < MinPts, marquer x comme bruit (ne faisant partie d'aucun cluster)
 - Sinon, définir un cluster C_i,
 - et pour chaque points p dans $N_{eps}(x)$
 - Ajouter p à C_i
 - Calculer le voisinage N_{eps}(p)
 - $N_{eps}(x) = N_{eps}(x) U N_{eps}(p)$
 - répéter jusqu'à ce que tous les points soit visités



- Animation DBSCAN
 - https://www.youtube.com/wat ch?v=h53WMIImUuc

- DBSCAN Avantages et inconvénients
 - Avantages
 - Permet de découvrir des clusters de différentes formes.
 - Permet de découvrir les outliers (les points isolés, qui souvent représentent du bruit).
 - Inconvénients
 - A besoin de deux paramètres eps et MinPts qui sont souvent difficiles à estimer en pratique
 - Ne permet de découvrir des clusters de différentes densités

- Estimation du rayon (eps)
 - Estimer la densité des cluster (en supposant que les clusters sont de même densité!!)
 - Pour chaque point (individu), calculer la distance qui le sépare de kème voisin (knn, ou kth nearest neighbor) → plus cette distance est petite, plus la zone est dense
 - Ordonner ces distances de manière ascendante, et les afficher sur un graphe
 - Repérer les points « vallée » ou « knee », qui représentent les changements de densité

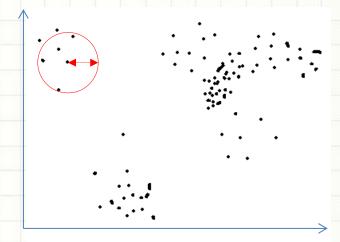


- Estimation du rayon (minPts)
 - Se baser sur les connaissances métier de vos données
 - Tester différentes valeurs!

Algorithmes d'apprentissage non supervisé – DBSCAN

- Découverte de clusters de différents densités → HDBSCAN
- Suppose qu'ils y'a des zones de différentes densités, avec potentiellement des zones incluses dans d'autres
- à besoin d'un paramètre important min_cluster_size
- Pour chaque point *p* calculer la *core_distance*. le rayon (eps) minimal pour avoir un nombre de voisin >= à *min_cluster_size*
- Construire le « mutual reachability graph » : Un graphe complet: les nœuds sont les points, et le arcs représente la distances entre ces point
- Construire le « Minimum Spanning Tree » (MST) ou en français « Arbre couvrant de poids minimal »
- Construire une hiérarchie de clusters, et choisir les clusters les plus stables
 - à l'élément racine on associe tous les points du dataset
 - Supprimer de manière itérative des liens dans le MST en commençant par celui de poids le plus grand (qui relie les deux points les plus éloignés)
 - Créer deux fils dans l'arbre de clusters, correspondant aux deux composants connectés dans le MST qu'on vient de déconnecter.

min cluster size = 4

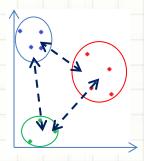


Algorithmes d'apprentissage non supervisé – DBSCAN en python, qlqs liens utile

- sklearn.neighbors.KDTree: permet de calculer, en autre, la distance aux plus proches voisins, https://scikit-learn.org/stable/modules/generated/sklearn.neighbors.K DTree.html
- sklearn.cluster.dbscan : https://scikit-learn.org/stable/modules/generated/sklearn.cluster.DBSC AN.html
- hdbscan : https://hdbscan.readthedocs.io/en/latest/



- Davies Bouldin
 - Permet d'évaluer le résultat d'un regroupement (clustering)
 - Est basé sur la notion de similarité entre clusters (plus la similarité est faible mieux est le partitionnement), et l'inertie intra-clusters
 - Ce n'est pas une validation métier une bonne valeur ne signifie pas un bon clustering du point de vu métier



Davies – Bouldin (forumule)

$$- DB = \frac{1}{N} \sum_{i=1}^{N} D_i$$

• D_i reflète la distance entre le cluster i et le cluster le plus proche

$$- D_i = Max_{i \neq j} R_{ij}$$

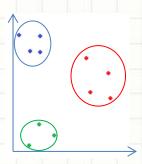
• R_{ii} reflète la similarité entre un cluster i et un cluster j différent

$$- R_{ij} = \frac{S_i + S_j}{M_{i,j}}$$

- S_i est une mesure qui reflète la proximité des points d'un cluster à son centroid
- $M_{i,j}$ est une mesure qui reflète la distance des points d'un cluster i a ceux du cluster j

$$- S_{i} = \left(\frac{1}{T_{i}} \sum_{j=1}^{T_{i}} |X_{j} - A_{i}|^{p}\right)^{1/p}$$

- T_i est la taille du cluster i
- A_i est le centroid du cluster i
- X_i représente les points associé au cluster
- Pour une distance euclidienne, p sera égal 2
- $-M_{i,j}=d(c_i,c_j)$ est la distance entre le cluster i et le cluster j (cf. Linkage pour la distance entre clusters)



Silhouette

- Soit, a(i) la distance moyenne entre le point i et tous les autres points du même cluster.
- Soit d(i, c_k), la distance moyenne entre le point i et tous les points du cluster k
- Soit, b(i) la plus petite distance moyenne d(i, c_k) pour tous k (à l'exception du cluster auquel appartient le point i)

•
$$b(i) = Min_k(d(i, c_k))$$

On peut définir la silhouette sur un point i Comme suit:

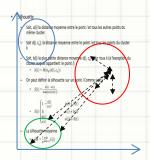
•
$$S(i) = \frac{b(i) - a(i)}{\max(a(i), b(i))}$$

•
$$S(i)$$

$$\begin{cases} 1 - \frac{a(i)}{b(i)}, & a(i) < b(i) \\ 0, & a(i) = b(i) \\ \frac{b(i)}{a(i)} - 1, & a(i) > b(i) \end{cases}$$

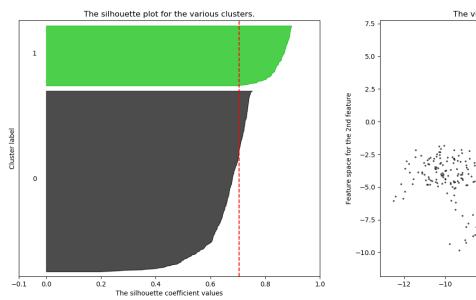
La silhouette moyenne

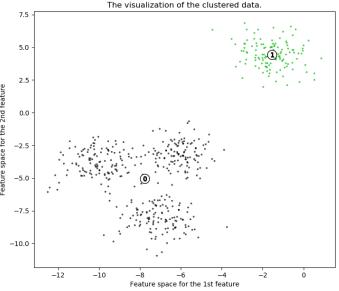
•
$$SM = \frac{1}{N} \sum_{i=1}^{N} S(i)$$



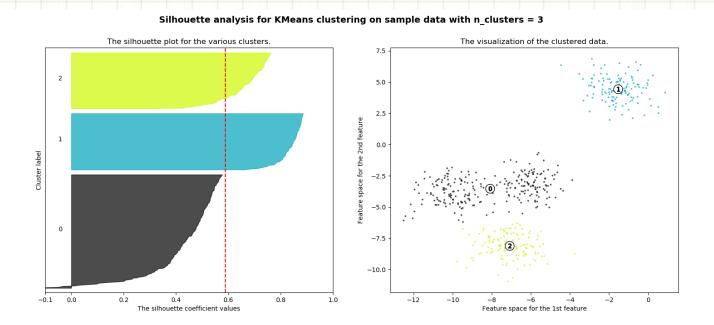
Silhouette





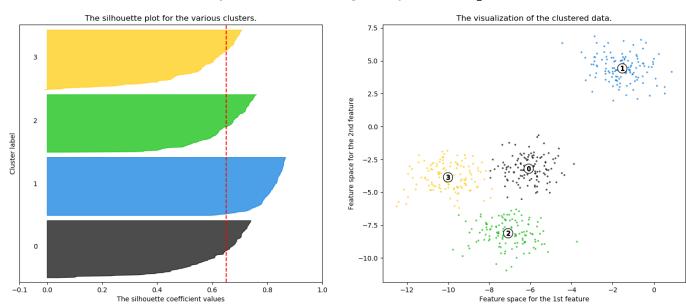


Silhouette



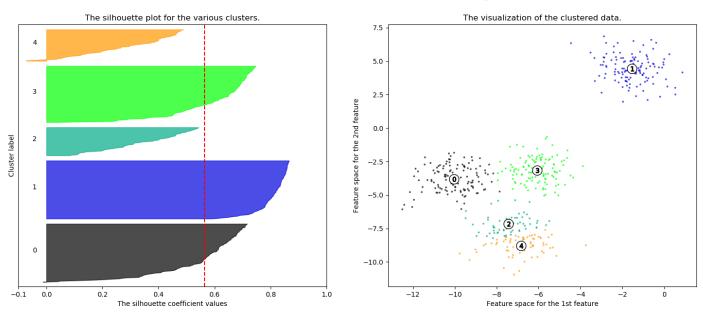
Silhouette

Silhouette analysis for KMeans clustering on sample data with n_c lusters = 4



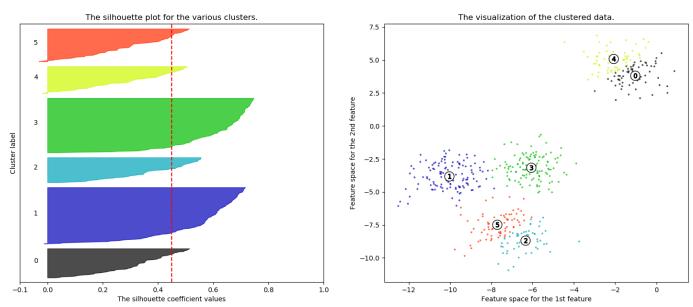
Silhouette

Silhouette analysis for KMeans clustering on sample data with n_c clusters = 5



Silhouette

Silhouette analysis for KMeans clustering on sample data with n_c lusters = 6



Davies-Bouldin et Silhouette en python

- sklearn.metrics.davies_bouldin_values : https://scikit-learn.org/stable/modules/generated/sklearn.metrics.davies-bouldin-score.html
- sklearn.metrics.silhouette_score : calcule la silhouette moyenne. https://scikit-learn.org/stable/modules/generated/sklearn.metrics.silhouette score.html#sklearn.metrics.silhouette score
- sklearn.metrics.silhouette_samples : calcule la silhouette pour chaque point. https://scikit-learn.org/stable/modules/generated/sklearn.metrics.silhouette samples.