

# Guida all'uso del database TUCC

## Menù Collections

Questo menù permette di accedere alle collezioni per eseguire operazioni relative alla collezione selezionata.

Al momento la TUCC contiene 6 collezioni:

- Mycotheca Universitatis Taurinensis (MUT)
- Collection MiAGR - settore Microbiologia Alimentare, Agraria e Ambientale
- Collection MiAGR - settore Patologia vegetale forestale
- Collection MiBAT - settore microbiologia clinica umana
- Collection MiVET - settore Microbiologia Clinica Veterinaria
- Collection MiVET - settore Parassitologia

## Browse strains

Questa funzione permette di accedere all'elenco completo dei ceppi. I ceppi sono visibili secondo il livello di privilegio.

I risultati sono presentati in una tabella con 4 colonne: Accession number, Genus, Specific epithet, Varietas / Forma Specialis

Il codice d'accesso è un link che permette di aprire la [scheda ceppo](#)

## Menù Search

Questa funzione permette di ricercare dei ceppi in tutte le 6 collezioni della TUCC.

La ricerca può essere eseguita specificando il nome del campo oppure su tutti i campi (All fields).

I risultati sono presentati in una tabella dove il codice d'accesso è costituito da un link alla scheda ceppo.

## Menù Admin

### Authorize an user

Questa funzione richiede il livello di privilegio Administrator nella o nelle collezioni corrispondenti

Menu Admin > Authorize an user

1. digitare l'indirizzo email dell'utente da abilitare e premere Submit
- 2) Impostare il livello di privilegio per il nuovo utente per ciascuna collezioni (sono visibili solo le collezioni sulle quali si possiede il livello Administrator)

I livelli di privilegio sono i seguenti:

#### **None**

Nessun livello di privilegio. L'utente sarà considerato come Guest su quella collezione

#### **Administrator**

Livello di privilegio più elevato. L'utente può eseguire tutte le operazioni sulla collezione e abilitare e rimuovere utenti.

## ***Advanced user***

## ***Internal user***

## ***User***

### **List of authorized users**

Questa funzione richiede il livello di privilegio Administrator nella o nelle collezioni corrispondenti

Menu Admin > List of authorized users

Questa funzione permette di accedere all'elenco degli utenti abilitati e di modificare il livello di privilegi (pulsante roles)

### **Export all collections to MIRRI**

Questa funzione richiede il livello di privilegio Administrator nella o nelle collezioni corrispondenti

Menu Admin > Export all collections to MIRRI

Questa funzione permette di esportare i ceppi selezionati (campo Export to MIRRI impostato a Yes) in un formato Microsoft-Excel compatibile con il database MIRRI.

### **Web service version**

Questa funzione visualizza la versione del web service

### **Web site analytics**

Questa voce permette di accedere a statistiche di accesso del web service TUCC

### **Scheda ceppo**

La scheda ceppo visualizza tutti i campi relativi al ceppo selezionato.

I campi sono visibili secondo il livello di privilegio

Exempio di scheda ceppo:

# Accession number: MUT00000002

Go back

- Edit
- Manage sequences
- Manage attached documents
- Manage strain literature
- Manage literature linked to sequence
- Delete entry

Accession Number	MUT00000002
Accession Date	1960-01-01 12:00:00
Taxon name	Penicillium isariiforme

- View the species details
- Select a new species for this strain

Open/close all sections

<a href="#">GENERAL INFORMATION</a>
<a href="#">SECURITY INFORMATION</a>
<a href="#">ECO-PHYSIOLOGICAL PROPERTIES</a>
<a href="#">MIRRI</a>

Di default le sezioni di campi GENERAL INFORMATION, SECURITY INFORMATION, ECO-PHYSIOLOGICAL PROPERTIES e MIRRI sono ripiegate. Un click sul nome della categoria permette di aprirla o ripiegarla. Un click su Open/Close all sections permette di aprire o ripiegare tutte le sezioni.

Esempio di campi visualizzati. Vengono visualizzati i campi anche se non contengono valori

Open/close all sections

<a href="#">GENERAL INFORMATION</a>	
Genus	Penicillium
Specific epithet	isariiforme
Varietas / Formae Specialis	
Phylum	
Class	Eurotiomycetes
Order	Eurotiales
Family	Aspergillaceae
Organism type	Fungus
Author	Stolk & J. A. Meyer
Original acronym	
Depositor	
Collector	

Varie funzioni sono accessibili dalla scheda ceppo:

## Edit

Funzione per editare i campi della scheda ceppo. Richiede un livello di privilegi adeguato.

## Manage sequences

Questa funzione permette di aggiungere, modificare o rimuovere le sequenze nucleotidiche relative al ceppo.

### Sequences for MUT00000084

#### Sequences list

	Marker	Description	INSDC accession number	Sequence
<a href="#">edit</a> <a href="#">remove</a>	ITS1-ITS4		<a href="#">KT699117</a>	<a href="#">CCGTAGGTGA...</a> (492 nucleotides)
<a href="#">edit</a> <a href="#">remove</a>	LSU			<a href="#">TCTGGCTCTT...</a> (1250 nucleotides)

[Add a new sequence](#)

La sequenza nucleotidica può essere visualizzata cliccando sul suo codice d'accesso (se fornito) oppure su i primi 10 nucleotidi della sequenza.

#### **Aggiungere/modificare una sequenza**

Premere sul pulsante Add a new sequence o sul pulsante Edit corrispondente alla sequenza da modificare.

### Edit sequence for MUT00000084

Marker

ITS1-ITS4

Name of the sequences marker

Description

INSDC Accession number

KT699117

Accession number for the sequence in [INSDC](#).

Nucleotide sequence

```
CCGTAGGTGAACCTGCGGAAGGATCATTACAGAGTTCATGCCCTCACGGGTAGATCTCCACCCCTTGTAATTATAATTATCT
GTTGCTTTGGCGGGCCGCGAGTCTTCTCGCCCTGTGTGCCCGCCAGAGGACCAATAAACTCTGAATGTTAGTGTCGTCTGA
GTACTATATAATAGTTAAACTTTCAACAACGGATCTCTTGTTCTGGCATCGATGAAGAACGCAGCGAAATGCGATAAGTAAT
GTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACATTGCGCCCTTGGTATTCCGGGGGGCATGCCTGTTCTGA
GCGTCATTATGACCAATCCAGCTTGCTGGGTCTTGGGCTGCGCCTCCCTGGCGGGCCTTAAAAACAGTGGCGGTGCTCTCC
AGCTCTACGCGTAGTAATTATTCTCGCGATTGGGTCTGGAGGGATGCTTGCCAACAACCCCACTTTCTAGGTTGACC
```

Only nucleotide (degenerated nucleotides allowed. See [IUPAC nucleotide code](#)) .

[Submit sequence](#)

Immettere i dati nei vari campi.

Il campo INSDC Accession number deve contenere un codice d'accesso valido.

Nel campo Nucleotide sequence solo nucleotidi sono accettati. Vedere il [codice IUPAC per i nucleotidi](#)

Salvare la sequenza premendo il pulsante Submit sequence

## Manage attached documents

Questa funzione permette di allegare documenti al ceppo. Alcuni tipi di documento sono definiti (PIC, MTA, MAA, MIRRI ABS related file, MIRRI MTA file) Per caricare un documento di tipo non predefinito scegliere Other il sistema richiederà il tipo di documento allegato Other document type.

Utilizzare il pulsante Browse per scegliere il documento e quindi premere Upload file per salvarlo.

## Manage strain literature

## Manage strain literature linked to sequence

## Delete entry

Questa funzione richiede il livello di privilegio Administrator nella o nelle collezioni corrispondenti

Questa funzione permette di cancellare il ceppo, non sarà più visibile a nessun utente.

Un ceppo cancellato (Deleted) potrà essere ripristinato da un utente Administrator (vedere Deleted entries)

## View the species details

Questa funzione permette di visualizzare i dettagli della specie del ceppo:

### Species *Penicillium glabrum*

[Edit](#)[Browse species](#)

Genus	Penicillium
Epithet	glabrum
Varietas	
Phylum	Ascomycota
Class	Eurotiomycetes
Order	Eurotiales
Family	Aspergillaceae
Author	(Wehmer) Westling
Organism type	Fungus
Number of strains	49
Number of strains in quarantine	0

La specie può essere modificata premendo sul pulsante Edit. Le modifiche apportate alla specie saranno applicate a tutti i ceppi di quella specie.

## Edit species *Penicillium glabrum*

Number of strains: **49**

Number of strains in quarantine: **0**

Genus	Epithet	Varietas	
<input type="text" value="Penicillium"/>	<input type="text" value="glabrum"/>	<input type="text"/>	
Phylum	Class	Order	Family
<input type="text" value="Ascomycota"/>	<input type="text" value="Eurotiomycetes"/>	<input type="text" value="Eurotiales"/>	<input type="text" value="Aspergillaceae"/>
Organism type			
<input type="text" value="Not known"/>			
Author			
<input type="text" value="(Wehmer) Westling"/>			

## Select a new species for this strain

Questa funzione permette di modificare la specie del ceppo.

Digitare i primi carattere del genere e quindi selezionare la specie nell'elenco proposto. Premere il pulsante Submit per assegnare la nuova specie al ceppo.

## Select a new species for the strain MUT00000008

The current species is: *Penicillium glabrum* .

<input type="text" value="fusa "/>	<input type="button" value="Submit"/>
<b>Fusarium commune</b> id:1687	
<b>Fusarium andiyazi</b> id:1686	
<b>Fusarium brachygibbosum</b> id:1406	
<b>Fusarium chlamydosporum</b> id:99	
<b>Fusarium culmorum</b> id:96	
<b>Fusarium dimerum</b> id:919	
<b>Fusarium equiseti</b> id:327	
<b>Fusarium fujikuroi</b> id:874	

## Elenco dei campi

### Accession Number

indice del campo: 1

Tipo di campo: text

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Il sistema attribuisce un codice d'accesso costituito da Tucc seguito da 8 cifre in ordine progressivo. Un codice d'accesso già attribuito non sarà più reattribuito anche in caso di cippo cancellato o morto.

Per la collezione MUT il codice d'accesso comincia con la stringa MUT

## Accession Date

indice del campo: 2

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## Genus

indice del campo: 8

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: Y

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:MDS

## Specific epithet

indice del campo: 9

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: Y

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:

## Varietas / Formae Specialis

indice del campo: 10

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Phylum

indice del campo: 60

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Class

indice del campo: 69

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Order

indice del campo: 70

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Family

indice del campo: 71

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Organism type

indice del campo: 73

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Fungus Yeast Bacterium Alga Archaea Cyanobacteria Phage Virus Plasmid

campo automatico: N

Minimum Data Set: Y

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:

## Author

indice del campo: 11

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:



## Original acronym

indice del campo: 44

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Unofficial names that are often used for the strain, e.g. in publications, or a name given to the strain by the isolator before its deposit at the collection.

## Depositor

indice del campo: 39

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: Y

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Name, institute and town / country of the depositor.

## Collector

indice del campo: 37

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Name, institute and town / country of the collector.

## Date of collection

indice del campo: 38

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Date when the sample was collected. Allowed formats: YYYY, YYYY-MM, YYYY-MM-DD

## Isolator

indice del campo: 31

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Name, institute and town / country of the isolator.

## Date of isolation

indice del campo: 32

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Original substrate

indice del campo: 33

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about the substrate and the host of isolation of the strain. It may include the detailed substrate from which the strain was isolated and the name of host plant/animal.

## Isolation method

indice del campo: 41

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:

## Habitat (ecological data)

indice del campo: 34

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about the biotope where the species was found. It should include environmental physical factors, such as humidity, range of temperature, pH and light intensity, as well as biotic factors, such as the availability of food and the presence or absence of predators. It may also include information already specified in the related fields Geographic origin, Geographic origin coordinates and Altitude.

## Geographical origin (country, province, place)

indice del campo: 35

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: Y

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:

## GPS coordinates

indice del campo: 36

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:

Questo campo è presente per motivi di retrocompatibilità con il database MUT. NON deve essere compilato.

## Latitude (decimal)

indice del campo: 101

Tipo di campo: numero a virgola

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Usare il punto (.) come separatore decimale

Esempio di valori: \* 45.45 \* -20.9

## Longitude (decimal)

indice del campo: 100

Tipo di campo: numero a virgola

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Usare il punto (.) come separatore decimale

Esempio di valori: \* 7.45 \* -20.9

## Altitude (m)

indice del campo: 103

Tipo di campo: numero intero positivo o negativo

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Esempi di valori: \* 2890 \* 1550 \* -15

## Continent

indice del campo: 105

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Africa Antartica Asia Europe North America Oceania South America

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Questo campo è compilato automaticamente quando l'utente clicca sulla mappa. Può essere sovrascritto in caso di errore

## Country

indice del campo: 106

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Questo campo è compilato automaticamente quando l'utente clicca sulla mappa. Può essere sovrascritto in caso di errore

## State

indice del campo: 107

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: State or region

Questo campo è compilato automaticamente quando l'utente clicca sulla mappa. Può essere sovrascritto in caso di errore

## Town

indice del campo: 108

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Questo campo è compilato automaticamente quando l'utente clicca sulla mappa. Può essere sovrascritto in caso di errore

## Place

indice del campo: 109

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Questo campo è compilato automaticamente quando l'utente clicca sulla mappa. Può essere sovrascritto in caso di errore

## Received from (if not name of collector or isolator)

indice del campo: 43

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Indicare il nome, il cognome, l'istituto (se presente), il comune e paese.

## Identified by

indice del campo: 40

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Indicare il nome, il cognome, l'istituto (se presente), il comune e paese.

## Location of herbarum specimen

indice del campo: 42

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Growth condition medium

indice del campo: 47

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: Y

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: The medium that is recommend for growing the strain.

Indicare il mezzo colturale raccomandato per la crescita del ceppo

## Growth condition temperature

indice del campo: 48

Tipo di campo: numero a virgola

campo automatico: N

Minimum Data Set: Y

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo:- The recommended growing temperature for the strain. Example: 24

Indicare la temperatura raccomandata per la crescita del ceppo in gradi Celsius. Usare il punto (.) come separatore decimale. Non immettere l'unità.

Esempi di valori: \* 25 \* 37.5

## Sexual sporulation condition medium

indice del campo: 49

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Sexual sporulation condition temperature

indice del campo: 50

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Usare il punto (.) come separatore decimale. Non immettere l'unità.

Esempi di valori: \* 25 \* 37.5

## Mating type

indice del campo: 51

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Self sporulation

indice del campo: 52

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Known method of preservation

indice del campo: 15

Tipo di campo: multiselect

valori autorizzati: Lyophilisation Cryopreservation Agar Water Oil Other

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Patented strain

indice del campo: 55

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Indicare se il ceppo è protetto da brevetto.

## Patent number

indice del campo: 85

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Se il ceppo è protetto da brevetto indicare il numero del brevetto

## Type strain

indice del campo: 3

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Holotype Isotype Lectotype Sintype Neotype Epitype

campo automatico: N

Minimum Data Set: Y

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo:

## Deposited in other collection

indice del campo: 23

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: N

Minimum Data Set: Y

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo:

Indicare se il ceppo è stato depositato in una altra collezione

## Collection and number

indice del campo: 83

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Se il ceppo è stato depositato in una altra collezione indicare la collezione e il codice d'accesso del ceppo.

## Additional Data

indice del campo: 96

Tipo di campo: textarea

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Pathogenicity risk for animals and humans

indice del campo: 4

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known H0 H1 H2 H3

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Pathogenic for species

indice del campo: 80

Tipo di campo: textarea

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Se il ceppo è patogeno per animali e/o umani indicare le specie seprate da virgola.

## Safety level

indice del campo: 21

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known BSL-1 BSL-2 BSL-3

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Precaution required

indice del campo: 22

Tipo di campo: textarea

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Pathogenicity for vegetals

indice del campo: 5

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known P0 P1 P2 P3

campo automatico: N

Minimum Data Set: N



Campo obbligatorio: N

## Phytopathogenic for species

indice del campo: 81

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Se il ceppo è patogeno per vegetali indicare le specie seprate da virgola.

## Toxins production

indice del campo: 6

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known T0 T1 T2 T3

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Specify toxins

indice del campo: 79

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## Hallucinogenic toxins

indice del campo: 62

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## Specify hallucinogenic

indice del campo: 63

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N  
Campo obbligatorio: N  
N

## Quarantine condition

indice del campo: 13  
Tipo di campo: select  
valori autorizzati: Not known Yes No  
campo automatico: N  
Minimum Data Set: N  
Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Specify whether the strain is subject to quarantine according to European Directive 2000/29/CE and its amendments and corrections. The list of quarantine organisms is available in the Commission Implementing Regulation (EU) 2019/2072.

## Specify legislation for quarantine

indice del campo: 86  
Tipo di campo: text  
valori autorizzati:  
campo automatico: N  
Minimum Data Set: N  
Campo obbligatorio: N  
N

## Dual use organism

indice del campo: 12  
Tipo di campo: select  
valori autorizzati: Not known Yes No  
campo automatico: N  
Minimum Data Set: N  
Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Specify whether the strain has the potential for a harmful use according to EU Council Regulation 2000/1334/CE and its amendments and corrections.

## Specify legislation for dual use

indice del campo: 87  
Tipo di campo: text  
valori autorizzati:  
campo automatico: N  
Minimum Data Set: N  
Campo obbligatorio: N  
N

## Biological interactions

indice del campo: 46

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## Properties-Application

indice del campo: 45

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about applications of the strain.

## Contains plasmides

indice del campo: 56

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## Specify plasmides

indice del campo: 82

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about plasmids in the strain. It may include plasmid name and type (original plasmid, cloning vehicle, recombinant plasmid), restriction sites, relevant genes (e.g., origin of replication, transposons, promoters, terminators, structural genes).

## Genetically modified

indice del campo: 57

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: N  
Minimum Data Set: N  
Campo obbligatorio: N  
N

## Specify modifications

indice del campo: 90  
Tipo di campo: textarea  
valori autorizzati:  
campo automatico: N  
Minimum Data Set: N  
Campo obbligatorio: N  
N

## Kind of deposit

indice del campo: 7  
Tipo di campo: select  
valori autorizzati: Safe deposit|Free for unrestricted distribution|Not free for unrestricted distribution  
campo automatico: N  
Minimum Data Set: Y  
Campo obbligatorio: Y  
Descrizione del campo:MDS

## Specify restriction for deposit

indice del campo: 68  
Tipo di campo: textarea  
valori autorizzati:  
campo automatico: N  
Minimum Data Set: N  
Campo obbligatorio: N  
N

## Strain literature

indice del campo: 59  
Tipo di campo: text  
valori autorizzati:  
campo automatico: Y  
Minimum Data Set: N  
Campo obbligatorio: N  
N

## Condition

indice del campo: 14

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known|Alive|Dead

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## Mode of preservation

indice del campo: 16

Tipo di campo: multiselect

valori autorizzati: Lyophilisation|Cryopreservation|Agar|Water|Oil|Other

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## Date of lyophilization

indice del campo: 29

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Allowed formats: YYYY, YYYY-MM, YYYY-MM-DD

## Tube number of lyophilized

indice del campo: 164

Tipo di campo: int

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Number of tubes of the lyophilized strain

## Localisation of lyophilized

indice del campo: 17

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## Date of cryopreservation -80

indice del campo: 30

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Allowed formats: YYYY, YYYY-MM, YYYY-MM-DD

## Localisation cryopreserved -80

indice del campo: 18

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## Tube number -80

indice del campo: 167

Tipo di campo: int

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## Date of cryopreservation -152

indice del campo: 165

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Allowed formats: YYYY, YYYY-MM, YYYY-MM-DD

## Localisation cryopreserved -152

indice del campo: 166

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## Tube number -152

indice del campo: 168

Tipo di campo: int

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## Last transfert

indice del campo: 27

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Allowed formats: YYYY, YYYY-MM, YYYY-MM-DD

## AG specify

indice del campo: 88

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## Last check

indice del campo: 28

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Allowed formats: YYYY, YYYY-MM, YYYY-MM-DD

## Next transfert date

indice del campo: 95

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Allowed formats: YYYY, YYYY-MM, YYYY-MM-DD

## Form of supply

indice del campo: 19

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: Y

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: MDS

## Restricted item

indice del campo: 20

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## Specify restriction

indice del campo: 89

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## Additional data and General remarks

indice del campo: 24

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N



Campo obbligatorio: N

N

## MUT sequences

indice del campo: 25

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## Deposited MUT sequences

indice del campo: 26

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## Attached documents type

indice del campo: 53

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## Distribution

indice del campo: 58

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## Genus\_

indice del campo: 72

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## MDS

indice del campo: 97

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## PIC

indice del campo: 54

Tipo di campo: file

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

N

## MTA

indice del campo: 74

Tipo di campo: file

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## MAA

indice del campo: 75

Tipo di campo: file

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## Tossine

indice del campo: 76

Tipo di campo: file

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N  
N

## Patogeni

indice del campo: 94

Tipo di campo: file

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N  
N

## Other (1)

indice del campo: 77

Tipo di campo: file

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N  
N

## Other (2)

indice del campo: 78

Tipo di campo: file

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N  
N

## preservation\_lyo

indice del campo: 150

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## preservation\_cryo

indice del campo: 151

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## preservation\_agar

indice del campo: 152

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## preservation\_water

indice del campo: 153

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## preservation\_oil

indice del campo: 154

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## known\_preservation\_lyo

indice del campo: 160

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## known\_preservation\_cryo

indice del campo: 161

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## known\_preservation\_agar

indice del campo: 162

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## known\_preservation\_water

indice del campo: 163

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## Export to MIRRI

indice del campo: 252

Tipo di campo: select

valori autorizzati: No|Yes

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Export this record to MIRRI

## MIRRI Other culture collection numbers

indice del campo: 200

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Accession numbers of the same strain in other CCs, when known.

## MIRRI Restrictions on use

indice del campo: 201

Tipo di campo: select

valori autorizzati: 1:no restrictions apply|2:for research only|3:for commercial development a special agreement is requested

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Report if the strain can be used for commercial development or not.

## MIRRI Nagoya protocol compliance conditions

indice del campo: 202

Tipo di campo: select

valori autorizzati: 1:Not known restrictions under the Nagoya protocol|2:Documents providing proof of legal access and terms of use available at the collection|3:Strain probably in scope, please contact the culture collection

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Situation of the strain in relation to the Nagoya protocol.

## MIRRI ABS related files

indice del campo: 203

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## MIRRI MTA file

indice del campo: 204

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y  
Minimum Data Set: N  
Campo obbligatorio: N  
N

## MIRRI Strain from a Registered Collection

indice del campo: 205  
Tipo di campo: select  
valori autorizzati: 1:No|2:Yes  
campo automatico: N  
Minimum Data Set: N  
Campo obbligatorio: N  
Descrizione del campo: Strain included in the registered CC according to the EU Regulation 511/2014. Unregistered CCs can omit this information.

## MIRRI Risk Group

indice del campo: 251  
Tipo di campo: select  
valori autorizzati: 1:1|2:2|3:3|4:4  
campo automatico: Y  
Minimum Data Set: N  
Campo obbligatorio: Y  
Descrizione del campo: Risk group according to EU Directive 2000/54/EC and its amendments and corrections.

## MIRRI Biosafety level

indice del campo: 206  
Tipo di campo: select  
valori autorizzati: 1:BSL-1|2:BSL-2|3:BSL-3|4:BSL-4  
campo automatico: Y  
Minimum Data Set: N  
Campo obbligatorio: N  
N

## MIRRI Dual use

indice del campo: 207  
Tipo di campo: select  
valori autorizzati: 1:No|2:Yes  
campo automatico: Y  
Minimum Data Set: N  
Campo obbligatorio: N  
Descrizione del campo: Specify whether the strain has the potential for a harmful use according to EU Council Regulation 2000/1334/CE and its amendments and corrections.

## MIRRI Quarantine in Europe

indice del campo: 208

Tipo di campo: select

valori autorizzati: 1:No|2:Yes

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Specify whether the strain is subject to quarantine according to European Directive 2000/29/CE and its amendments and corrections. The list of quarantine organisms is available in the Commission Implementing Regulation (EU) 2019/2072.

## MIRRI Organism type

indice del campo: 209

Tipo di campo: select

valori autorizzati: 1:Algae|2:Archaea|3:Bacteria|4:Cyanobacteria|5:Filamentous Fungi|6:Phage|7:Plasmid|8:Virus|9:Yeast

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: The type of the resource.

## MIRRI Taxon name

indice del campo: 210

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Taxon name including genus, species and variant names, as taken from an authoritative nomenclature reference, including Mycobank for fungi and yeasts, the Prokaryotic Nomenclature Up-to-date for bacteria and archaea, AlgaeBase for algae and cyanobacteria, and ICVT for viruses.

## MIRRI Intrasubspecific names

indice del campo: 211

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Intrasubspecific names including biovar, chemovar, cultivar, morphovar, pathovar, phagovar, serovar, forma specialis, phase.



## MIRRI Comment on taxonomy

indice del campo: 212

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Any comment and/or note on the taxonomy of the strain. It may be used, e.g., for information on new species or revised nomenclatures. It must be used when the Taxon name data field includes a name that is not present in the nomenclature reference.

## MIRRI Status

indice del campo: 213

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: For type strains, specify their type (type, neotype, holotype, epitype, etc). A list of allowed values is not defined and this information can be provided as free text. Future improvements of the dataset will likely foresee a list of values.

## MIRRI History of deposit

indice del campo: 214

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Transfers of the strain between isolation and deposit in the CC.

## MIRRI Depositor

indice del campo: 215

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Name, institute and town / country of the depositor.

## MIRRI Date of deposit

indice del campo: 216

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Date when the strain was deposited at the CC (YYYY-MM-DD)

## MIRRI Collected by

indice del campo: 217

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Name, institute and town / country of the collector.

## MIRRI Date of collection

indice del campo: 218

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Date when the sample was collected. (YYYY-MM-DD)

## MIRRI Isolated by

indice del campo: 219

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Name, institute and town / country of the isolator.

## MIRRI Date of isolation

indice del campo: 220

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Date when the strain was isolated from the sample. (YYYY-MM-DD)

## MIRRI Date of inclusion in the catalogue

indice del campo: 221

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Date when the strain was included in the catalog and/or an accession number was assigned to it.

## MIRRI Tested temperature growth range

indice del campo: 222

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: The lowest and the highest temperature at which the strain was tested for growing. Example: 15;35

## MIRRI Recommended growth temperature

indice del campo: 223

Tipo di campo: numero a virgola

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: The recommended growing temperature for the strain. Example: 24

## MIRRI Recommended medium for growth

indice del campo: 224

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: The medium that is recommended for growing the strain.

## MIRRI Form of supply

indice del campo: 225

Tipo di campo: multiselect

valori autorizzati: Agar|Cryo|Dry ice|Liquid Culture Medium|Lyo|Oil|Water

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: The forms of supply of the strain to users.

## MIRRI Other denomination

indice del campo: 226

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Unofficial names that are often used for the strain, e.g. in publications, or a name given to the strain by the isolator before its deposit at the collection.

## MIRRI Coordinates of geographic origin

indice del campo: 227

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: The geographic coordinates of the location where the sample was collected. (decimal coordinates)

## MIRRI Altitude

indice del campo: 228

Tipo di campo: int

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: The altitude of the location where the sample was collected.

## MIRRI Geographic origin

indice del campo: 229

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: The locality where the sample was collected, defined with the highest possible precision. Example: Altafjorden, Alta, Troms og Finnmark, Norway

## MIRRI GMO

indice del campo: 230

Tipo di campo: select

valori autorizzati: 0:Not known|1:No|2:Yes

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Specify whether the strain is a Genetically Modified Organism (GMO).

## MIRRI GMO construction information

indice del campo: 231

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information on the construction of the GMO.

## MIRRI Mutant information

indice del campo: 232

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information on mutant strains.

## MIRRI Genotype

indice del campo: 233

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information on the genotype of the strain.

## MIRRI Literature

indice del campo: 234

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information on literature linked to the identification and properties of the strain. Does not include literature related to the sequence of the strain. For publications indexed by Pubmed or having an official DOI number, collections should provide the relative identifiers, respectively PMIDs and DOIs.

## MIRRI Sexual state

indice del campo: 235

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known|Mata|Matalpha|Mata/Matalpha|Mata|Matb|Mata/Matb|MTLa|MTLalpha|MTLa/MTLalpha|MAT1-1|MAT1-2|MAT1|MAT2

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information on strain sexual state / mating type, for relevant resource types.

## MIRRI Ploidy

indice del campo: 236

Tipo di campo: select

valori autorizzati: 0:Aneuploid|1:Haploid|2:Diploid|3:Triploid|4:Tetraploid|9:Polyploid over 4n

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information on the ploidy level of the strain.

## MIRRI Interspecific hybrid

indice del campo: 237

Tipo di campo: select

valori autorizzati: 0:Not known|1:No|2:Yes

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: This field reports whether the strain is an interspecific hybrid.

## MIRRI Pathogenicity

indice del campo: 239

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about pathogenicity of the strain for plants, humans and animals. Can include specification for the Belgian plant pathogenicity code.

## MIRRI Enzyme production

indice del campo: 240

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about enzyme production by the strain.

## MIRRI Production of metabolites

indice del campo: 241

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about metabolite production by the strain.

## MIRRI Applications

indice del campo: 242

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about applications of the strain.

## MIRRI Remarks

indice del campo: 243

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Any further note that is not present in the other fields.

## MIRRI Plasmids

indice del campo: 244

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about plasmids in the strain. It may include plasmid name and type (original plasmid, cloning vehicle, recombinant plasmid), restriction sites, relevant genes (e.g., origin of replication, transposons, promoters, terminators, structural genes).

## MIRRI Plasmids collections fields

indice del campo: 245

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about availability of strain plasmids in CCs of plasmids.

## MIRRI Substrate/host of isolation

indice del campo: 246

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about the substrate and the host of isolation of the strain. It may include the detailed substrate from which the strain was isolated and the name of host plant/animal.

## MIRRI Isolation habitat

indice del campo: 247

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about the biotope where the species was found. It should include environmental physical factors, such as humidity, range of temperature, pH and light intensity, as well as biotic factors, such as the availability of food and the presence or absence of predators. It may also include information already specified in the related fields Geographic origin, Geographic origin coordinates and Altitude.

## MIRRI Ontobiotope term for the isolation habitat

indice del campo: 248

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N



Descrizione del campo: Information about the habitat where the species was found provided by using the most specific term(s) of the Ontobiotope ontology of microorganism habitats. Note that this ontology is mainly for bacteria. See the Ontobiotope browser (<http://agroportal.lirmm.fr/ontologies/ONTOBIOTOPE?p=classes>)

## MIRRI Gene sequences and accession numbers

indice del campo: 249

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Known genomic sequences and related INSDC accession numbers of the strain. According to the resource type, these include, but are not limited to, the nuclear ribosomal Internal Transcribed Spacer (ITS), the nuclear ribosomal Large SubUnit (LSU) and the 16S rRNA gene. Any further gene or marker that is considered of relevance by the CC, such as Calmodulin (CaM) and  $\beta$ -Tubulin, can be included.

## MIRRI Literature linked to the sequence/genome

indice del campo: 250

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information on literature linked to the sequences or genome of the strain. Do not include here literature linked to the identification and properties of the strain. Include identifiers linking to a separate literature sheet in the same file. For publications indexed by Pubmed or having an official DOI number, collections should provide the relative identifiers, respectively PMIDs and DOIs.