

# Guida all'uso del servizio Tucc database

Data rilascio: mar 18 lug 2023, 15:13:25, CEST

Il servizio Tucc database è disponibile all'indirizzo:

[www.tucc-database.unito.it](http://www.tucc-database.unito.it)

## Table of Contents

<b>Menù Collections</b>	<b>1</b>
<b>Menù Search</b>	<b>2</b>
<b>Browse strains</b>	<b>2</b>
<b>Browse species</b>	<b>3</b>
<b>Administration tools</b>	<b>3</b>
<b>Internal use</b>	<b>7</b>
<b>Scheda ceppo</b>	<b>7</b>
<b>Richiesta di deposito</b>	<b>11</b>
<b>Super tools</b>	<b>14</b>
<b>Elenco dei campi</b>	<b>17</b>
<b>Menù admin</b>	<b>54</b>
<b>Aggiornamento del sito web MUT</b>	<b>55</b>

## Menù Collections

Questo menù permette di accedere alle collezioni per eseguire operazioni relative alla collezione selezionata.

Al momento la Tucc contiene 7 collezioni:

- Mycotheca Universitatis Taurinensis (MUT)
- Collection MiAGR - settore Microbiologia Alimentare, Agraria e Ambientale
- Collection MiAGR - settore Patologia Vegetale Agraria
- Collection MiAGR - settore Patologia vegetale forestale
- Collection MiBAT - settore microbiologia clinica umana
- Collection MiVET - settore Microbiologia Clinica Veterinaria
- Collection MiVET - settore Parassitologia

Quando una collezione è selezionata la pagina **Home** della collezione è visualizzata.



## The Mycotheca Universitatis Taurinensis (MUT)

Number of strains: **6812**

Number of species: **1552**

Authorization on this collection: **Administrator**

Un secondo menù (con sfondo chiaro) è visualizzato sotto il menù principale. Questo menù permette di accedere alle funzioni relative alla collezione selezionata:

- [Browse strains](#)
- [Browse species](#) \_
- [Search](#)
- [Administration tools](#)
- [Internal use](#)

## Menù Search

Questa funzione permette di ricercare ceppi in tutte le collezioni della TUCC.

La ricerca può essere eseguita specificando il nome del campo oppure su tutti i campi (*All fields*).

### Search

Field	Text
<input type="text" value="Accession Number"/>	<input type="text" value="MUT00001234"/>
Field	Text
<input type="text" value="--- Select a field ---"/>	<input type="text"/>
Field	Text
<input type="text" value="--- Select a field ---"/>	<input type="text"/>
<input type="button" value="Clear values"/>	<input type="button" value="Search"/>

I risultati sono presentati in una tabella dove il codice d'accesso è costituito da un link alla scheda ceppo.

## Browse strains

Questa funzione presenta un elenco di tutti i ceppi presenti nella collezione selezionata.

## List of strains

Number of strains: **6812**

Accession number	Genus	Specific epithet	Varietas / Formae Specialis
<a href="#">MUT00000002</a>	Penicillium	isariiforme	
<a href="#">MUT00000003</a>	Eurotium	amstelodami	
<a href="#">MUT00000004</a>	Epicoccum	rosae	
<a href="#">MUT00000005</a>	Aspergillus	terreus	
<a href="#">MUT00000006</a>	Eurotium	rubrum	
<a href="#">MUT00000007</a>	Umbelopsis	isabellina	
<a href="#">MUT00000008</a>	Penicillium	glabrum	

The strains of the selected collection are displayed in a table with 4 columns:

- Accession number
- Genus
- Specific epithet
- Varietas / Formae Specialis

A strain can be displayed by clicking on its **Accession number**

## Browse species

Questa funzione presenta un elenco di tutte le specie presenti nella collezione selezionata.

### List of species

Number of species: **1565**

	Genus	Specific epithet	Varietas / Formae Specialis	Number of strains
<a href="#">view</a> <a href="#">edit</a>	Aaosphaeria	arxii		1
<a href="#">view</a> <a href="#">edit</a>	Abortiporus	biennis		1
<a href="#">view</a> <a href="#">edit</a>	Absidia	coerulea		3
<a href="#">view</a> <a href="#">edit</a>	Absidia	cyindrospora		3
<a href="#">view</a> <a href="#">edit</a>	Absidia	glauca		4
<a href="#">view</a> <a href="#">edit</a>	Absidia	spinosa	var. spinosa	3

La colonna **Number of strains** indica il numero di ceppi di questa specie presenti nella collezione.

## Administration tools

### Insert a new strain

Questa opzione permette di inserire un nuovo ceppo nel database.

La prima tappa consiste nella scelta della specie.

## Select a new species for the strain MUT00000008

The current species is: *Penicillium glabrum* .

fusa	Submit
Fusarium commune id:1687	
Fusarium andiyazi id:1686	
Fusarium brachygibbosum id:1406	
Fusarium chlamydosporum id:99	
Fusarium culmorum id:96	
Fusarium dimerum id:919	
Fusarium equiseti id:327	
Fusarium fujikuroi id:874	

Digitare i primi carattere del genere e quindi selezionare la specie nell'elenco proposto. Premere il pulsante **Submit** per assegnare la nuova specie al ceppo.

**Se la specie non è presente nell'elenco delle specie una nuova specie dovrà essere creata**

Compilare i campi. I campi che presentano una stellina rossa sono obbligatori.

I campi con lo sfondo grigio (anche segnati come "read only") non sono modificabili.

Genus (read only)	Fusarium
	MDS
Specific epithet (read only)	commune
	MDS

I campi segnati con un asterisco rosso sono obbligatori e non possono essere lasciati vuoti.

Riferirsi alla sezione [elenco campi](#) per ottenere più informazione sui campi.

Al termine dell'immissione premere sul pulsante **Submit** in fondo a destra. Il sistema valida i campi e segnala se la scheda ceppo contiene errori o campi obbligatori non impostati.

Se l'immissione è andata a buon termine un messaggio su fondo verde comparirà.

## Insert a new species

Per inserire una nuova specie premere il menù **Administration tools > Insert a new species**

## Insert a new species

Genus	Epithet	Varietas	
<input type="text"/>	<input type="text"/>	<input type="text"/>	
Phylum	Class	Order	Family
<input type="text"/>	<input type="text"/>	<input type="text"/>	<input type="text"/>
Organism type			
<input type="text" value="Not known"/>			
Author			
<input type="text"/>			
<input type="button" value="Cancel"/>		<input type="button" value="Save"/>	

Immettere le informazioni nei vari campi selezionando il tipo di organismo tra le scelte proposte. Al termine premere il pulsante **Save**

## Strains quarantine

Questa funzione permette di accedere all'elenco dei depositi richiesti (quarantena).

## Species quarantine

Questa funzione permette di accedere all'elenco delle specie in quarantena.

## Export collection

I ceppi presenti nella collezione possono essere esportati in formato XLSX (Microsoft-Excel).

### ***Export collection to MIRRI***

I dati dei ceppi segnati (campo **Export to MIRRI** impostato a **Yes**) sono salvati in un file in formato XLSX (Microsoft-Excel) che può essere direttamente trasmesso a MIRRI.

### ***Export strains for Microsoft-Excel***

I dati dei ceppi sono esportati in un file in formato XLSX (Microsoft-Excel). Il file **non** contiene la letteratura, i documenti allegati, le sequenze nucleotidiche, i genomi e la letteratura legata alle sequenze.

### ***Export Species for Microsoft-Excel***

I dati delle specie presenti nella collezione sono esportati in un file in formato XLSX (Microsoft-Excel). I campi sono i seguenti:

- Id
- Genus
- Epithet
- varietas
- Phylum
- Class
- Species order
- Family
- Organism type
- Author

- Number of strains

## Growth media

Elenco dei terreni di coltura usati

## Deleted strains

Questa funzione permette di accedere all'elenco dei ceppi cancellati e di ripristinarli. Il privilegio **Administrator** è richiesto.

### Collection MUT

#### Deleted entries

Action	Genus	Specific epithet	Varietas / Formae Specialis
<a href="#">Undelete</a>	Absidia	coerulea	
<a href="#">Undelete</a>	Penicillium	chrysogenum	
<a href="#">Undelete</a>	sicuro	s	
<a href="#">Undelete</a>	Free number		

Premere il pulsante **Undelete** in corrispondenza del ceppo da ripristinare e dare conferma. Il ceppo sarà di nuovo visibile nell'elenco dei ceppi.

## Deleted species

Questa funzione permette di accedere all'elenco delle specie cancellate e di ripristinarli. Il privilegio **Administrator** è richiesto.

### Collection MUT

#### Deleted entries

Action	Genus	Specific epithet	Varietas / Formae Specialis
<a href="#">Undelete</a>	Absidia	coerulea	
<a href="#">Undelete</a>	Penicillium	chrysogenum	
<a href="#">Undelete</a>	sicuro	s	
<a href="#">Undelete</a>	Free number		

Premere il pulsante **Undelete** in corrispondenza della specie da ripristinare e dare conferma. La specie sarà di nuovo visibile nell'elenco delle specie.

## Super tools

Questa funzione permette di accedere a viste speciali sul database come l'elenco dei valori per un o più campi per tutti i ceppi oppure a tutti i valori distinti per un campo. Il privilegio **Administrator** o **Advanced user** è richiesto.

Riferirsi alla sezione [super tools](#)

## Internal use

### Browse strains - Detailed view

### Create labels for tubes/lyo

### Update transfert dates

## Scheda ceppo

La scheda ceppo permette di visualizzare tutti i campi relativi al ceppo selezionato.

I campi sono visibili secondo il livello di privilegio

Exempio di scheda ceppo:

## Accession number: MUT00002334

Go back

Edit

Sequences (2)

Genomes (0)

Attached documents (0)

Distribution (0)

Literature (1) ▾

Delete entry

Accession Number	MUT00002334
Accession Date	2014-02-08 11:33:59
Taxon name	Eutypella scoparia

View the species details

Select a new species for this strain

[Open/close all sections](#)

GENERAL INFORMATION

SECURITY INFORMATION

ECO-PHYSIOLOGICAL PROPERTIES

MIRRI

SEQUENCES

LITERATURE

Di default le sezioni di campi **GENERAL INFORMATION**, **SECURITY INFORMATION**, **ECO-PHYSIOLOGICAL PROPERTIES**, **MIRRI**, **SEQUENCES**, **LITERATURE** e **INTERNAL USER** sono ripiegate. Un click sul nome della categoria permette di aprirla o ripiegarla. Un click su **Open/Close all sections** permette di aprire o ripiegare tutte le sezioni.

Esempio di campi visualizzati. Vengono visualizzati i campi anche se non contengono valori

[Open/close all sections](#)

GENERAL INFORMATION	
Genus	Penicillium
Specific epithet	isariiforme
Varietas / Formae Specialis	
Phylum	
Class	Eurotiomycetes
Order	Eurotiales
Family	Aspergillaceae
Organism type	Fungus
Author	Stolk & J. A. Meyer
Original acronym	
Depositor	
Collector	

Varie funzioni sono accessibili dalla scheda ceppo:

## Edit

Funzione per editare i campi della scheda ceppo. Richiede un livello di privilegi adeguato.

## Sequences

Questa funzione permette di aggiungere, modificare o rimuovere le sequenze nucleotidiche relative al ceppo.

### Sequences for MUT00000084

#### Sequences list

		Marker	Description	INSDC accession number	Sequence
<a href="#">edit</a>	<a href="#">remove</a>	ITS1-ITS4		<a href="#">KT699117</a>	<a href="#">CCGTAGGTGA ...</a> (492 nucleotides)
<a href="#">edit</a>	<a href="#">remove</a>	LSU			<a href="#">TCTGGCTCTT ...</a> (1250 nucleotides)

[Add a new sequence](#)

La sequenza nucleotidica può essere visualizzata cliccando sul suo codice d'accesso (se fornito) oppure su i primi 10 nucleotidi della sequenza.

### Aggiungere/modificare una sequenza

Premere sul pulsante **Add a new sequence** o sul pulsante **Edit** corrispondente alla sequenza da modificare.



# Edit sequence for MUT00000084

Marker

ITS1-ITS4

Name of the sequences marker

Description

INSDC Accession number

KT699117

Accession number for the sequence in [INSDC](#).

Nucleotide sequence

```
CCGTAGGTGAACCTGCGGAAGGATCATTACAGAGTTCATGCCCTCACGGGTAGATCTCCCACCCTTGTGTAATTATAATTATCT
GTTGCTTTGGCGGGCCGCGAGTCTTCTCGCCCTGTGTGCCCGCCAGAGGACCAATAAACTCTGAATGTTAGTGTGCTCTGA
GTACTATATAATAGTTAAACTTTCAACAACGGATCTCTTGGTTCTGGCATCGATGAAGAACGCAGCGAAATGCGATAAGTAAT
GTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACATTGCGCCCTTGGTATTCCGGGGGGGCATGCCTGTTCTGA
GCGTCATTATGACCAATCCAGCTTGCTGGGTCTTGGGCTGCGCCTCCCTGGCGGGCCTTAAAAACAGTGGCGGTGCTCTCC
AGCTCTACGCGTAGTAATTATTCTCGCGATTGGGTCTGGAGGGATGCTTGCCAACAACCCCCCACTTTCTTAGGTTGACC
```

Only nucleotide (degenerated nucleotides allowed. See [IUPAC nucleotide code](#)).

Submit sequence

Immettere i dati nei vari campi.

Il campo **INSDC Accession number** deve contenere un codice d'accesso valido.

Nel campo **Nucleotide sequence** solo nucleotidi sono accettati. Vedere il [codice IUPAC per i nucleotidi](#)

Salvare la sequenza premendo il pulsante **Submit sequence**

## Genomes

Questa funzione permette di aggiungere, modificare o rimuovere i genomi relativi al ceppo.

## Attached documents

Questa funzione permette di allegare documenti al ceppo. Alcuni tipi di documento sono definiti (**PIC**, **MTA**, **MAA**, **MIRRI ABS related file**, **MIRRI MTA file**, **MALDI**) Per caricare un documento di tipo non predefinito scegliere **Other** il sistema richiederà il tipo di documento allegato **Other document type**.

Utilizzare il pulsante **Browse** per scegliere il documento e quindi premere **Upload file** per salvarlo.

## Pulsante Distribution

## Pulsante Literature

### Strain literature

### Literature linked to sequence

## Delete entry

Questa funzione richiede il livello di privilegio **Administrator** nella o nelle collezioni corrispondenti

Questa funzione permette di cancellare il ceppo, non sarà più visibile a nessun utente.

Un ceppo cancellato (*Deleted*) potrà essere ripristinato da un utente Administrator (vedere **Deleted entries**)

## View the species details

Questa funzione permette di visualizzare i dettagli della specie del ceppo:

### Species *Penicillium glabrum*

Edit

Browse species

Genus	Penicillium
Epithet	glabrum
Varietas	
Phylum	Ascomycota
Class	Eurotiomycetes
Order	Eurotiales
Family	Aspergillaceae
Author	(Wehmer) Westling
Organism type	Fungus
Number of strains	49
Number of strains in quarantine	0

La specie può essere modificata premendo sul pulsante **Edit**. Le modifiche apportate alla specie saranno applicate a tutti i ceppi di quella specie.

### Edit species *Penicillium glabrum*

Number of strains: 49

Number of strains in quarantine: 0

Genus

Penicillium

Epithet

glabrum

Varietas

Phylum

Ascomycota

Class

Eurotiomycetes

Order

Eurotiales

Family

Aspergillaceae

Organism type

Not known

Author

(Wehmer) Westling

Cancel

Save

## Select a new species for this strain

Questa funzione permette di modificare la specie del ceppo.

Digitare i primi carattere del genere e quindi selezionare la specie nell'elenco proposto. Premere il pulsante **Submit** per assegnare la nuova specie al ceppo.

## Select a new species for the strain MUT00000008

The current species is: *Penicillium glabrum* .

fusa	Submit
Fusarium commune id:1687	
Fusarium andiyazi id:1686	
Fusarium brachygibbosum id:1406	
Fusarium chlamydosporum id:99	
Fusarium culmorum id:96	
Fusarium dimerum id:919	
Fusarium equiseti id:327	
Fusarium fujikuroi id:874	

## Richiesta di deposito

> Selezionare la collezione e cliccare sul menù **Deposit a strain**

### Deposit Request

#### Kind of deposit

- ☐ Free for unrestricted distribution
- ☐ Not free for unrestricted distribution
- ☐ Safe deposit

Species\*

Search for  
species

Input the species name

Original  
acronym

\*

Unofficial names that are often used for the strain, e.g. in publications, or a name given to the strain by the isolator before its deposit at the collection.

## Scelta del tipo di deposito

Scegliere tra le 3 opzioni proposte

## Selezione della specie

Digitare l'inizio del nome della specie nella casella **Search for species** (con sfondo giallo). Quindi selezionare la specie corretta cliccando sul pulsante blu

Species\*

Search for species

x

Input the species name

**Species in database**

Fusarium andiyazi

Fusarium avenaceum

Fusarium brachygibbosum

Fusarium cerealis

Se la specie **non fosse disponibile** nell'elenco dovrà essere creata seguendo la procedura:

- Menù **Create a new species**
- Inserire le informazioni nei vari campi
- Premere il pulsante **Save**

La specie creata sarà aggiunta alle specie in quarantena e risulterà selezionabile per la richiesta di deposito.

## Compilazione dei campi

### Deposit Request

#### Kind of deposit

- ☒ Free for unrestricted distribution  
☐ Not free for unrestricted distribution  
☐ Safe deposit

Species\*

Fusarium cerealis

Search for  
species

Input the species name

Original  
acronym  
\*

Unofficial names that are often used for the strain, e.g. in publications, or a name given to the strain by the isolator before its deposit at the collection.

Depositor \*

MDS - Name, institute and town / country of the depositor.

Collector

Name, institute and town / country of the collector.

Compilare i campi. I campi contrassegnati con una stellina rossa sono obbligatori

Al termine premere il pulsante **Submit** (a destra in basso).

Verrà visualizzata la schermata di conferma della richiesta di deposito.

### MUT

#### Deposit requested successfully

The temporary accession code is **QUARANTINE\_20806** (id #20806).  
[View the deposit request](#)

Downloads:

Accession Form

Material Acquisition Agreement (MAA)

My deposit request(s)

2 documenti precompilati possono essere scaricati:

- Accession form
- Material Acquisition Agreement (MAA)

L'elenco di tutte le richieste di deposito è disponibile cliccando sul menù **My deposit request(s)**

I dati del ceppo con deposito richiesto possono essere modificati:

- Menù **My deposit request(s)**
- Click sul codice d'accesso provvisorio (QUARANTENA\_XXXXX)
- Pulsante **edit**

## Aggiunta di una sequenza

- Menù **My deposit request(s)**
- Click sul codice d'accesso provvisorio (QUARANTENA\_XXXXX)
- Pulsante **Sequences**

Riferirsi al capitolo [Sequences](#)

## Aggiunta di una genoma

- Menù **My deposit request(s)**
- Click sul codice d'accesso provvisorio (QUARANTENA\_XXXXX)
- Pulsante **Genomes**

Riferirsi al capitolo [Genomes](#)

## Aggiunta di documenti

- Menù **My deposit request(s)**
- Click sul codice d'accesso provvisorio (QUARANTENA\_XXXXX)
- Pulsante **Associated documents**

Riferirsi al capitolo [Documents](#)

## Aggiunta di letteratura

- Menù **My deposit request(s)**
- Click sul codice d'accesso provvisorio (QUARANTENA\_XXXXX)
- Pulsante **Literature**

Riferirsi al capitolo [Literature](#)

## Super tools

La pagina **Super tools** permette di accedere a funzioni utili per la manutenzione del database. Il privilegio **Administrator** o **Advanced user** è richiesto.

# MUT

## Super tools page

[Statistics](#)

[List of database fields](#)

[View all fields of a strain by accession number](#)

## Sequences

[Export sequences \*\*with\*\* nucleotides in FASTA format](#)

[List of sequences \*\*without\*\* nucleotides](#)

Update list of sequences **without** nucleotides

## Statistics

Questa pagina presenta dati statistici sulla collezione

Esempio:

- Number of strains with MDS: 3379
- Number of strains with MIRRI mandatory fields: 497
- Number of strains labeled to export to MIRRI: 334
- 3036 sequences
- 0 genomes

## List of database field

Questa funzione presenta una tabella contenente tutti i campi della record ceppo.

index	field name		
1	Accession Number	<a href="#">all values</a>	<a href="#">distinct values</a>
2	Accession Date	<a href="#">all values</a>	<a href="#">distinct values</a>
3	Type strain	<a href="#">all values</a>	<a href="#">distinct values</a>
4	Pathogenicity risk for animals and humans	<a href="#">all values</a>	<a href="#">distinct values</a>
5	Pathogenicity for vegetals	<a href="#">all values</a>	<a href="#">distinct values</a>
6	Toxins production	<a href="#">all values</a>	<a href="#">distinct values</a>
7	Kind of deposit	<a href="#">all values</a>	<a href="#">distinct values</a>
8	Genus	<a href="#">all values</a>	<a href="#">distinct values</a>
9	Specific epithet	<a href="#">all values</a>	<a href="#">distinct values</a>
10	Varietas / Formae Specialis	<a href="#">all values</a>	<a href="#">distinct values</a>
11	Author	<a href="#">all values</a>	<a href="#">distinct values</a>
12	Dual use organism	<a href="#">all values</a>	<a href="#">distinct values</a>
13	Quarantine condition	<a href="#">all values</a>	<a href="#">distinct values</a>
14	Condition	<a href="#">all values</a>	<a href="#">distinct values</a>
15	Known method of preservation	<a href="#">all values</a>	<a href="#">distinct values</a>

Per ogni campo 2 link sono disponibili:

### All values

Questo link permette di accedere ai valori del campo selezionato per tutti i ceppi del database. Cliccando sul codice d'accesso si accede alla scheda ceppo.

accession number	Value of Original acronym (field #44)
<a href="#">MUT00000002</a>	
<a href="#">MUT00000003</a>	Tq MEA 4Ae
<a href="#">MUT00000004</a>	
<a href="#">MUT00000005</a>	
<a href="#">MUT00000006</a>	
<a href="#">MUT00000007</a>	Tq PolyR 2Bb
<a href="#">MUT00000008</a>	T4 PolyR G8a
<a href="#">MUT00000009</a>	T4 PolyR E10b
<a href="#">MUT00000010</a>	
<a href="#">MUT00000011</a>	148
<a href="#">MUT00000012</a>	T4 PolyR E6a
<a href="#">MUT00000013</a>	T4 MEA F10a
<a href="#">MUT00000014</a>	
<a href="#">MUT00000015</a>	
<a href="#">MUT00000016</a>	T4 PolyR H5a

### Distinct values

questo link permette di visualizzare tutti i valori **distinti** del campo selezionato con il numero di ceppi corrispondenti.

Distinct values for 'Kind of deposit' (field #7):

Number of strains	Value
2325	
3831	Free for unrestricted distribution
263	Not free for unrestricted distribution
110	Safe deposit

### View all fields of a strain by accession

Questa funzione permette di visualizzare la scheda ceppo in un modo compatto.



[Super admin](#)

#### All fields of strain

Accession Number	MUT00000002
Accession Date	1960-01-01 12:00:00
Type strain	Not Known
Pathogenicity risk for animals and humans	H1
Pathogenicity for vegetals	Not Known
Toxins production	Not Known
Kind of deposit	Free for unrestricted distribution
Genus	Penicillium
Specific epithet	isariiiforme
Varietas / Formae Specialis	
Author	Stolk & J. A. Meyer
Dual use organism	No
Quarantine condition	No
Condition	Alive
Known method of preservation	Lyophilisation;Cryopreservation
Mode of preservation	Agar;Lyophilisation;Cryopreservation
Localisation of lyophilized	Armadio lio
Localisation cryopreserved -80	R01B21P20
Form of supply	AG; LY
Restricted item	None
Safety level	BSL-1
Precaution required	None
Deposited in other collection	No
Additional data and General remarks	Revisione sistematica effettuata 1999 Conds for sp

Per accedere a un ceppo particolare cambiare la URL e immettere il codice d'accesso del ceppo richiesto:

[https://www.tucc-database.unito.it/super\\_admin/strain\\_by\\_accession/MUT00000002](https://www.tucc-database.unito.it/super_admin/strain_by_accession/MUT00000002)

## Sequences

### *Export sequences with nucleotides in FASTA format*

Consente di esportare tutte le sequenze con nucleotidi in formato FASTA

### *List of sequences without nucleotides*

Consente di visualizzare le sequenze senza nucleotidi con relativo **codice d'accesso Genbank** e descrizione della sequenza depositata nel database Genbank.

## Elenco dei campi

Di seguito sono elencati i vari campi della tabella ceppi del database:

- **Indice del campo** è un valore ad uso interno, non interessa l'utente che carica i dati dei ceppi
- **tipo di campo** indica il tipo di valore atteso
- **campo automatico** (Y/N) se questo valore è impostato a Y il campo non sarà visibile all'utente.
- **Minimum data Set** (Y/N) se questo valore è impostato a Y il campo è inserito nel Minimum Data Set.

### Accession Number

indice del campo: 1

Tipo di campo: text

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Il sistema attribuisce un codice d'accesso costituito da **TUCC** seguito da 8 cifre in ordine progressivo. Un codice d'accesso già attribuito non sarà più reattribuito anche in caso di ceppo cancellato o morto.

Per la collezione **MUT** il codice d'accesso comincia con la stringa **MUT**

## Accession Date

indice del campo: 2

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono **AAAA-MM-GG**, **AAAA-MM** o **AAAA**

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## Genus

indice del campo: 8

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: Y

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: MDS

## Specific epithet

indice del campo: 9

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: Y

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:

## Varietas / Formae Specialis

indice del campo: 10

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Phylum

indice del campo: 60

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Class

indice del campo: 69

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Order

indice del campo: 70

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Family

indice del campo: 71

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Organism type

indice del campo: 73

Tipo di campo: select

valori autorizzati: **Not known Fungus Yeast Bacterium Alga Archaea Cyanobacteria Phage Virus Plasmid**

campo automatico: N

Minimum Data Set: Y

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:

## Author

indice del campo: 11

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:

## Original acronym

indice del campo: 44

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Unofficial names that are often used for the strain, e.g. in publications, or a name given to the strain by the isolator before its deposit at the collection.

## Depositor

indice del campo: 39

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: Y

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Name, institute and town / country of the depositor.

## Collector

indice del campo: 37

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Name, institute and town / country of the collector.

## Date of collection

indice del campo: 38

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono **AAAA-MM-GG**, **AAAA-MM** o **AAAA**

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Date when the sample was collected. Allowed formats: YYYY, YYYY-MM, YYYY-MM-DD

## Isolator

indice del campo: 31

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Name, institute and town / country of the isolator.

## Date of isolation

indice del campo: 32

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono **AAAA-MM-GG**, **AAAA-MM** o **AAAA**

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Original substrate

indice del campo: 33

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about the substrate and the host of isolation of the strain. It may include the detailed substrate from which the strain was isolated and the name of host plant/animal.

## Isolation method

indice del campo: 41

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:

## Habitat (ecological data)

indice del campo: 34

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about the biotope where the species was found. It should include environmental physical factors, such as humidity, range of temperature, pH and light intensity, as well as biotic factors, such as the availability of food and the presence or absence of predators. It may also include information already specified in the related fields Geographic origin, Geographic origin coordinates and Altitude.

## Geographical origin (country, province, place)

indice del campo: 35

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: Y

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:

## GPS coordinates

indice del campo: 36

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:

Questo campo è presente per motivi di retrocompatibilità con il database MUT. NON deve essere compilato.

## Latitude (decimal)

indice del campo: 101

Tipo di campo: numero a virgola

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Usare il punto (.) come separatore decimale

Esempio di valori validi:

- 45.45
- -20.9

## Longitude (decimal)

indice del campo: 100

Tipo di campo: numero a virgola

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Usare il punto (.) come separatore decimale

Esempio di valori validi:

- 7.45
- -20.9

## Altitude (m)

indice del campo: 103

Tipo di campo: numnero intero positivo o negativo

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Esempi di valori validi:

- 2890
- 1550
- -15

## Continent

indice del campo: 105

Tipo di campo: select

valori autorizzati: **Not known Africa Antartica Asia Europe North America Oceania South America**

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Questo campo è compilato automaticamente quando l'utente clicca sulla mappa. Può essere sovrascritto in caso di errore

## Country

indice del campo: 106

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Questo campo è compilato automaticamente quando l'utente clicca sulla mappa. Può essere sovrascritto in caso di errore

## State

indice del campo: 107

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: State or region

Questo campo è compilato automaticamente quando l'utente clicca sulla mappa. Può essere sovrascritto in caso di errore

## Town

indice del campo: 108

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Questo campo è compilato automaticamente quando l'utente clicca sulla mappa. Può essere sovrascritto in caso di errore

## Place

indice del campo: 109

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Questo campo è compilato automaticamente quando l'utente clicca sulla mappa. Può essere sovrascritto in caso di errore

## **Received from (if not name of collector or isolator)**

indice del campo: 43

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Indicare il nome, il cognome, l'istituto (se presente), il comune e paese.

## **Identified by**

indice del campo: 40

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Indicare il nome, il cognome, l'istituto (se presente), il comune e paese.

## **Location of herbarum specimen**

indice del campo: 42

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## **Growth condition medium**

indice del campo: 47

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: Y

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: The medium that is recommend for growing the strain.

Indicare il mezzo colturale raccomandato per la crescita del ceppo

L'immissione del o dei terreni di coltura può essere eseguita cercando il terreno di coltura per acronimo o parte della descrizione nel quadro giallo:



Growth condition  
medium

\*

MDS - The medium that is recommend for growing the strain.

Helper for Growth condition medium

Reset growth media

Search growth media by acronym or description

- digitare l'acronimo del terreno (ad esempio MEA) nel campo **Search growth media by acronym or description**

Growth condition  
medium

\*

MDS - The medium that is recommend for growing the strain.

Helper for Growth condition medium

Reset growth media

Search growth media by acronym or description

MEA

Acronym	Description	Collection name
<a href="#">Add</a> CMA	Corn Meal Agar	MUT
<a href="#">Add</a> CMASS	Corn Meal Sea Salt Agar	MUT
<a href="#">Add</a> MEA	Malt Extract Agar	MUT

- Premere il pulsante **Add** corrispondente al terreno desiderato

Growth condition  
medium

\*

MDS - The medium that is recommend for growing the strain.

Helper for Growth condition medium

MEA;

Reset growth media

Search growth media by acronym or description

- reiterare eventualmente la ricerca per un altro terreno

- Alla fine della ricerca copiare il contenuto del campo **Helper for Growth condition medium** nel campo **Growth condition medium**

Growth condition medium

\*

MDS - The medium that is recommend for growing the strain.

Helper for Growth condition medium

Reset growth media

Search growth media by acronym or description

Il campo **Helper for Growth condition medium** può essere resettato con il pulsante **Reset growth media**

## Growth condition temperature

indice del campo: 48

Tipo di campo: numero a virgola

campo automatico: N

Minimum Data Set: Y

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo:- The recommended growing temperature for the strain. Example: 24

Indicare la temperatura raccomandata per la crescita del ceppo in gradi Celsius. Usare il punto (.) come separatore decimale. Non immettere l'unità.

Esempi di valori validi:

- 25
- 37.5

## Sexual sporulation condition medium

indice del campo: 49

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Sexual sporulation condition temperature

indice del campo: 50

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Usare il punto (.) come separatore decimale. Non immettere l'unità.

Esempi di valori validi:

- 25
- 37.5

## Mating type

indice del campo: 51

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Self sporulation

indice del campo: 52

Tipo di campo: select

valori autorizzati: **Not known Yes No**

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Known method of preservation

indice del campo: 15

Tipo di campo: multiselect

valori autorizzati: **Lyophilisation Cryopreservation Agar Water Oil Other**

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Patented strain

indice del campo: 55

Tipo di campo: select

valori autorizzati:

- Not known
- Yes
- No

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Indicare se il ceppo è protetto da brevetto.

## Patent number

indice del campo: 85

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Se il ceppo è protetto da brevetto indicare il numero del brevetto

## Type strain

indice del campo: 3

Tipo di campo: select

valori autorizzati:

- No
- Holotype
- Isotype
- Lectotype
- Sintype
- Neotype
- Epitype
- Paratype

campo automatico: N

Minimum Data Set: Y

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo:

## Deposited in other collection

indice del campo: 23

Tipo di campo: select

valori autorizzati:

- Not known
- Yes
- No

campo automatico: N

Minimum Data Set: Y

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo:

Indicare se il ceppo è stato depositato in una altra collezione

## Collection and number

indice del campo: 83

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Se il ceppo è stato depositato in una altra collezione indicare la collezione e il codice d'accesso del ceppo.

## Additional Data

indice del campo: 96

Tipo di campo: textarea

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Pathogenicity risk for animals and humans

indice del campo: 4

Tipo di campo: select

valori autorizzati:

- Not known
- H0
- H1
- H2
- H3

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Pathogenic for species

indice del campo: 80

Tipo di campo: textarea

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Se il ceppo è patogeno per animali e/o umani indicare le specie seprate da virgola.

## Safety level

indice del campo: 21

Tipo di campo: select

valori autorizzati:

- Not known
- BSL-1
- BSL-2
- BSL-3

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Precaution required

indice del campo: 22

Tipo di campo: textarea

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Pathogenicity for vegetals

indice del campo: 5

Tipo di campo: select

valori autorizzati:

- Not known
- P0
- P1
- P2
- P3

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Phytopathogenic for species

indice del campo: 81

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Se il ceppo è patogeno per vegetali indicare le specie seprate da virgola.

## Toxins production

indice del campo: 6

Tipo di campo: select

valori autorizzati:

- Not known
- T0
- T1
- T2
- T3

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Specify toxins

indice del campo: 79

Tipo di campo: textarea

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Se il ceppo produce tossine indicare quali separate da virgola.

## Hallucinogenic toxins

indice del campo: 62

Tipo di campo: select

valori autorizzati: **Not known Yes No**

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Specify hallucinogenic

indice del campo: 63

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Se il ceppo produce tossine allucinogene indicare quali separate da virgola.

## Quarantine condition

indice del campo: 13

Tipo di campo: select

valori autorizzati: **Not known Yes No**

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Specify whether the strain is subject to quarantine according to European Directive 2000/29/CE and its amendments and corrections. The list of quarantine organisms is available in the Commission Implementing Regulation (EU) 2019/2072.

## Specify legislation for quarantine

indice del campo: 86

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Dual use organism

indice del campo: 12

Tipo di campo: select

valori autorizzati: **Not known Yes No**

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Specify whether the strain has the potential for a harmful use according to EU Council Regulation 2000/1334/CE and its amendments and corrections.

## Specify legislation for dual use

indice del campo: 87

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Biological interactions

indice del campo: 46

Tipo di campo: textarea

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Properties-Application

indice del campo: 45

Tipo di campo: textarea

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about applications of the strain.

## Contains plasmides

indice del campo: 56

Tipo di campo: select

valori autorizzati: **Not known Yes No**

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Specify plasmides

indice del campo: 82

Tipo di campo: textarea

campo automatico: N



Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about plasmids in the strain. It may include plasmid name and type (original plasmid, cloning vehicle, recombinant plasmid), restriction sites, relevant genes (e.g., origin of replication, transposons, promoters, terminators, structural genes).

Se il ceppo contiene plasmidi indicare quali

## Genetically modified

indice del campo: 57

Tipo di campo: select

valori autorizzati: **Not known Yes No**

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Specify modifications

indice del campo: 90

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Se il ceppo è stato geneticamente modificato indicare quali modifiche.

## Kind of deposit

indice del campo: 7

Tipo di campo: select

valori autorizzati: **Safe deposit Free for unrestricted distribution Not free for unrestricted distribution**

campo automatico: N

Minimum Data Set: Y

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo:

## Specify restriction for deposit

indice del campo: 68

Tipo di campo: textarea

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Condition

indice del campo: 14

Tipo di campo: select

valori autorizzati: **Not known Alive Dead**

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Mode of preservation

indice del campo: 16

Tipo di campo: multiselect

valori autorizzati: **Lyophilisation Cryopreservation Agar Water Oil Other**

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Date of lyophilization

indice del campo: 29

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono **AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA**

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Allowed formats: YYYY, YYYY-MM, YYYY-MM-DD

## Tube number of lyophilized

indice del campo: 164

Tipo di campo: numero intero

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Number of tubes of the lyophilized strain

## Localisation of lyophilized

indice del campo: 17

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## Date of cryopreservation -80

indice del campo: 30

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono **AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA**

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Allowed formats: YYYY, YYYY-MM, YYYY-MM-DD

## **Localisation cryopreserved -80**

indice del campo: 18

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## **Tube number -80**

indice del campo: 167

Tipo di campo: numero intero

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## **Date of cryopreservation -152**

indice del campo: 165

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono **AAAA-MM-GG**, **AAAA-MM** o **AAAA**

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Allowed formats: YYYY, YYYY-MM, YYYY-MM-DD

## **Localisation cryopreserved -152**

indice del campo: 166

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## **Tube number -152**

indice del campo: 168

Tipo di campo: numero intero

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## **Last transfert**

indice del campo: 27

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono **AAAA-MM-GG**, **AAAA-MM** o **AAAA**

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Allowed formats: YYYY, YYYY-MM, YYYY-MM-DD

## AG specify

indice del campo: 88

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## Last check

indice del campo: 28

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono **AAAA-MM-GG**, **AAAA-MM** o **AAAA**

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Allowed formats: YYYY, YYYY-MM, YYYY-MM-DD

## Next transfert date

indice del campo: 95

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono **AAAA-MM-GG**, **AAAA-MM** o **AAAA**

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Allowed formats: YYYY, YYYY-MM, YYYY-MM-DD

## Form of supply

indice del campo: 19

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: Y

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: MDS

## Restricted item

indice del campo: 20

Tipo di campo: select

valori autorizzati: **Not known Yes No**

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## Specify restriction

indice del campo: 89

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## Additional data and General remarks

indice del campo: 24

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## MUT sequences

indice del campo: 25

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## Deposited MUT sequences

indice del campo: 26

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## Attached documents type

indice del campo: 53

Tipo di campo: select

valori autorizzati: **Not known Yes No**

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## Distribution

indice del campo: 58

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

## MDS

indice del campo: 97

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## PIC

indice del campo: 54

Tipo di campo: file

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

N

## MTA

indice del campo: 74

Tipo di campo: file

valori autorizzati:

campo automatico: Y  
Minimum Data Set: N  
Campo obbligatorio: N  
N

## **MAA**

indice del campo: 75  
Tipo di campo: file  
valori autorizzati:  
campo automatico: Y  
Minimum Data Set: N  
Campo obbligatorio: N  
N

## **Tossine**

indice del campo: 76  
Tipo di campo: file  
valori autorizzati:  
campo automatico: N  
Minimum Data Set: N  
Campo obbligatorio: N

## **Patogeni**

indice del campo: 94  
Tipo di campo: file  
valori autorizzati:  
campo automatico: N  
Minimum Data Set: N  
Campo obbligatorio: N

## **Other (1)**

indice del campo: 77  
Tipo di campo: file  
valori autorizzati:  
campo automatico: N  
Minimum Data Set: N  
Campo obbligatorio: N

## **Other (2)**

indice del campo: 78  
Tipo di campo: file  
valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## **preservation\_lyo**

indice del campo: 150

Tipo di campo: select

valori autorizzati: **Not known Yes No**

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## **preservation\_cryo**

indice del campo: 151

Tipo di campo: select

valori autorizzati: **Not known Yes No**

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## **preservation\_agar**

indice del campo: 152

Tipo di campo: select

valori autorizzati: **Not known Yes No**

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## **preservation\_water**

indice del campo: 153

Tipo di campo: select

valori autorizzati: **Not known Yes No**

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## **preservation\_oil**

indice del campo: 154

Tipo di campo: select

valori autorizzati: **Not known Yes No**

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N



Campo obbligatorio: N

## **known\_preservation\_lyo**

indice del campo: 160

Tipo di campo: select

valori autorizzati: **Not known Yes No**

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## **known\_preservation\_cryo**

indice del campo: 161

Tipo di campo: select

valori autorizzati: **Not known Yes No**

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## **known\_preservation\_agar**

indice del campo: 162

Tipo di campo: select

valori autorizzati: **Not known Yes No**

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## **known\_preservation\_water**

indice del campo: 163

Tipo di campo: select

valori autorizzati: **Not known Yes No**

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## **Export to MIRRI**

indice del campo: 252

Tipo di campo: select

valori autorizzati: No|Yes

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Export this record to MIRRI

## MIRRI Other culture collection numbers

indice del campo: 200

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Accession numbers of the same strain in other CCs, when known.

Questo campo è compilato automaticamente con il contenuto del campo **Collection and number** (indice 83)

## MIRRI Restrictions on use

indice del campo: 201

Tipo di campo: select

valori autorizzati: **1:no restrictions apply 2:for research only 3:for commercial development a special agreement is requested**

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Report if the strain can be used for commercial development or not.

## MIRRI Nagoya protocol compliance conditions

indice del campo: 202

Tipo di campo: select

valori autorizzati: **1: Not known restrictions under the Nagoya protocol 2:Documents providing proof of legal access and terms of use available at the collection 3:Strain probably in scope, please contact the culture collection**

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Situation of the strain in relation to the Nagoya protocol.

## MIRRI ABS related files

indice del campo: 203

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

## MIRRI MTA file

indice del campo: 204

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y  
Minimum Data Set: N  
Campo obbligatorio: N

## MIRRI Strain from a Registered Collection

indice del campo: 205

Tipo di campo: select

valori autorizzati: **1:No 2:Yes**

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Strain included in the registered CC according to the EU Regulation 511/2014. Unregistered CCs can omit this information.

## MIRRI Risk Group

indice del campo: 251

Tipo di campo: select

valori autorizzati: **1:1 2:2 3:3 4:4**

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Risk group according to EU Directive 2000/54/EC and its amendments and corrections.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

## MIRRI Biosafety level

indice del campo: 206

Tipo di campo: select

valori autorizzati: **1:BSL-1 2:BSL-2 3:BSL-3 4:BSL-4**

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

## MIRRI Dual use

indice del campo: 207

Tipo di campo: select

valori autorizzati: **1:No 2:Yes**

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Specify whether the strain has the potential for a harmful use according to EU Council Regulation 2000/1334/CE and its amendments and corrections.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

## MIRRI Quarantine in Europe

indice del campo: 208

Tipo di campo: select

valori autorizzati: **1:No 2:Yes**

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Specify whether the strain is subject to quarantine according to European Directive 2000/29/CE and its amendments and corrections. The list of quarantine organisms is available in the Commission Implementing Regulation (EU) 2019/2072.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

## MIRRI Organism type

indice del campo: 209

Tipo di campo: select

valori autorizzati:

- 1:Algae
- 2:Archaea
- 3:Bacteria
- 4:Cyanobacteria
- 5:Filamentous Fungi
- 6:Phage
- 7:Plasmid
- 8:Virus
- 9:Yeast

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: The type of the resource.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

## MIRRI Taxon name

indice del campo: 210

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Taxon name including genus, species and variant names, as taken from an authoritative nomenclature reference, including Mycobank for fungi and yeasts, the Prokaryotic Nomenclature Up-to-date for bacteria and archaea, AlgaeBase for algae and cyanobacteria, and ICVT for viruses.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

## MIRRI Intrasubspecific names

indice del campo: 211

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Intrasubspecific names including biovar, chemovar, cultivar, morphovar, pathovar, phagovar, serovar, forma specialis, phase.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

## MIRRI Comment on taxonomy

indice del campo: 212

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Any comment and/or note on the taxonomy of the strain. It may be used, e.g., for information on new species or revised nomenclatures. It must be used when the Taxon name data field includes a name that is not present in the nomenclature reference.

## MIRRI Status

indice del campo: 213

Tipo di campo: textarea

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: For type strains, specify their type (type, neotype, holotype, epitype, etc). A list of allowed values is not defined and this information can be provided as free text. Future improvements of the dataset will likely foresee a list of values.

## MIRRI History of deposit

indice del campo: 214

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Transfers of the strain between isolation and deposit in the CC.

## MIRRI Depositor

indice del campo: 215

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Name, institute and town / country of the depositor.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

## MIRRI Date of deposit

indice del campo: 216

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono **AAAA-MM-GG**, **AAAA-MM** o **AAAA**

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Date when the strain was deposited at the CC (YYYY-MM-DD)

## MIRRI Collected by

indice del campo: 217

Tipo di campo: text

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Name, institute and town / country of the collector.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

## MIRRI Date of collection

indice del campo: 218

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono **AAAA-MM-GG**, **AAAA-MM** o **AAAA**

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Date when the sample was collected. (YYYY-MM-DD)

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

## MIRRI Isolated by

indice del campo: 219

Tipo di campo: text

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Name, institute and town / country of the isolator.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

## MIRRI Date of isolation

indice del campo: 220

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono **AAAA-MM-GG**, **AAAA-MM** o **AAAA**

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Date when the strain was isolated from the sample. (YYYY-MM-DD)

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

## MIRRI Date of inclusion in the catalogue

indice del campo: 221

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono **AAAA-MM-GG**, **AAAA-MM** o **AAAA**

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Date when the strain was included in the catalog and/or an accession number was assigned to it.

## MIRRI Tested temperature growth range

indice del campo: 222

Tipo di campo: 2 valori decimali separati da un segno meno (-)

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: The lowest and the highest temperature at which the strain was tested for growing. Example: 15;35

Usare il punto (.) come separatore decimale

Esempio di valori validi:

- 25-37.5
- 36-38

## MIRRI Recommended growth temperature

indice del campo: 223

Tipo di campo: numero a virgola

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: The recommended growing temperature for the strain. Example: 24

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo **Growth condition temperature**

## MIRRI Recommended medium for growth

indice del campo: 224

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: The medium that is recommend for growing the strain.

L'immissione del o dei terreni di coltura può essere eseguita cercando il terreno di coltura per acronimo o parte della descrizione nel quadro giallo sottostante. Vedere campo **Growth condition medium** per i dettagli

## MIRRI Form of supply

indice del campo: 225

Tipo di campo: multiselect

valori autorizzati:

- Agar
- Cryo
- Dry ice
- Liquid Culture Medium
- Lyo
- Oil
- Water

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: The forms of supply of the strain to users.

## MIRRI Other denomination

indice del campo: 226

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Unofficial names that are often used for the strain, e.g. in publications, or a name given to the strain by the isolator before its deposit at the collection.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del **acronym**

## MIRRI Coordinates of geographic origin

indice del campo: 227

Tipo di campo: 2 valori decimali separati da un punto virgola (;)



valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: The geographic coordinates of the location where the sample was collected. (decimal coordinates)

Questo campo è compilato automaticamente con i valori dei campi **latitude** e **longitude**

## MIRRI Altitude

indice del campo: 228

Tipo di campo: numero intero positivo o negativo

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: The altitude of the location where the sample was collected.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo **altitude**.

## MIRRI Geographic origin

indice del campo: 229

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: The locality where the sample was collected, defined with the highest possible precision.  
Example: Altafjorden, Alta, Troms og Finnmark, Norway

Questo campo è compilato automaticamente con i valori dei campi **continent**, **country**, **state**, **town**, **place**.

## MIRRI GMO

indice del campo: 230

Tipo di campo: select

valori autorizzati:

- 0:Not known
- 1:No
- 2:Yes

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Specify whether the strain is a Genetically Modified Organism (GMO).

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo **altitude**.

## MIRRI GMO construction information

indice del campo: 231

Tipo di campo: textarea

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information on the construction of the GMO.

## MIRRI Mutant information

indice del campo: 232

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information on mutant strains.

## MIRRI Genotype

indice del campo: 233

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information on the genotype of the strain.

## MIRRI Literature

indice del campo: 234

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information on literature linked to the identification and properties of the strain. Does not include literature related to the sequence of the strain. For publications indexed by Pubmed or having an official DOI number, collections should provide the relative identifiers, respectively PMIDs and DOIs.

## MIRRI Sexual state

indice del campo: 235

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known|Mata|Matalpha|Mata/Matalpha|Mata|Matb|Mata/Matb|MTLa|MTLalpha|MTLa/MTLalpha|MAT1-1|MAT1-2|MAT1|MAT2

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information on strain sexual state / mating type, for relevant resource types.

## MIRRI Ploidy

indice del campo: 236

Tipo di campo: select

valori autorizzati: 0:Aneuploid|1:Haploid|2:Diploid|3:Triploid|4:Tetraploid|9:Polyploid over 4n

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information on the ploidy level of the strain.

## MIRRI Interspecific hybrid

indice del campo: 237

Tipo di campo: select

valori autorizzati: 0:Not known|1:No|2:Yes

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: This field reports whether the strain is an interspecific hybrid.

## MIRRI Pathogenicity

indice del campo: 239

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about pathogenicity of the strain for plants, humans and animals. Can include specification for the Belgian plant pathogenicity code.

## MIRRI Enzyme production

indice del campo: 240

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about enzyme production by the strain.

## MIRRI Production of metabolites

indice del campo: 241

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about metabolite production by the strain.

## MIRRI Applications

indice del campo: 242

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about applications of the strain.

## MIRRI Remarks

indice del campo: 243

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Any further note that is not present in the other fields.

## MIRRI Plasmids

indice del campo: 244

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about plasmids in the strain. It may include plasmid name and type (original plasmid, cloning vehicle, recombinant plasmid), restriction sites, relevant genes (e.g., origin of replication, transposons, promoters, terminators, structural genes).

## MIRRI Plasmids collections fields

indice del campo: 245

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about availability of strain plasmids in CCs of plasmids.

## MIRRI Substrate/host of isolation

indice del campo: 246

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about the substrate and the host of isolation of the strain. It may include the detailed substrate from which the strain was isolated and the name of host plant/animal.

## MIRRI Isolation habitat

indice del campo: 247

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about the biotope where the species was found. It should include environmental physical factors, such as humidity, range of temperature, pH and light intensity, as well as biotic factors, such as the availability of food and the presence or absence of predators. It may also include information already specified in the related fields Geographic origin, Geographic origin coordinates and Altitude.

## MIRRI Ontobiotope term for the isolation habitat

indice del campo: 248

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about the habitat where the species was found provided by using the most specific term(s) of the Ontobiotope ontology of microorganism habitats. Note that this ontology is mainly for bacteria. See the Ontobiotope browser (<http://agroportal.lirmm.fr/ontologies/ONTOBIOTOPE?p=classes>)

## MIRRI Gene sequences and accession numbers

indice del campo: 249

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Known genomic sequences and related INSDC accession numbers of the strain. According to the resource type, these include, but are not limited to, the nuclear ribosomal Internal Transcribed Spacer (ITS), the nuclear ribosomal Large SubUnit (LSU) and the 16S rRNA gene. Any further gene or marker that is considered of relevance by the CC, such as Calmodulin (CaM) and  $\beta$ -Tubulin, can be included.

## MIRRI Literature linked to the sequence/genome

indice del campo: 250

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information on literature linked to the sequences or genome of the strain. Do not include here literature linked to the identification and properties of the strain. Include identifiers linking to a separate literature sheet in the same file. For publications indexed by Pubmed or having an official DOI number, collections should provide the relative identifiers, respectively PMIDs and DOIs.

## Menù admin

### Authorize an user

Questa funzione richiede il livello di privilegio **Administrator** nella o nelle collezioni corrispondenti

**Menu Admin > Authorize an user**

1. digitare l'indirizzo email dell'utente da abilitare e premere **Submit**
- 2) Impostare il livello di privilegio per il nuovo utente per ciascuna collezione (sono visibili solo le collezioni sulle quali si possiede il livello Administrator)

I livelli di privilegio sono i seguenti:

#### ***None***

Nessun livello di privilegio. L'utente sarà considerato come Guest su quella collezione

#### ***Administrator***

Livello di privilegio più elevato. L'utente può eseguire tutte le operazioni sulla collezione e abilitare e rimuovere utenti.

#### ***Advanced user***

Livello di privilegio simile a Administrator senza la possibilità di gestire gli utenti.

#### ***Internal user***

Gestione delle collezioni

#### ***User***

### List of authorized users

Questa funzione richiede il livello di privilegio **Administrator** nella o nelle collezioni corrispondenti

**Menu Admin > List of authorized users**

Questa funzione permette di accedere all'elenco degli utenti abilitati e di modificare il livello di privilegi (pulsante **roles**)

### Web service version

Questa funzione visualizza la versione del web service

## Web site analytics

Questa voce permette di accedere a statistiche di accesso del web service TUCC

## Aggiornamento del sito web MUT

Il contenuto del sito MUT è gestito tramite il seguente repository GitHub:

[www.tucc-database.unito.it/new\\_mut](https://github.com/olivierfriard/mut_site)

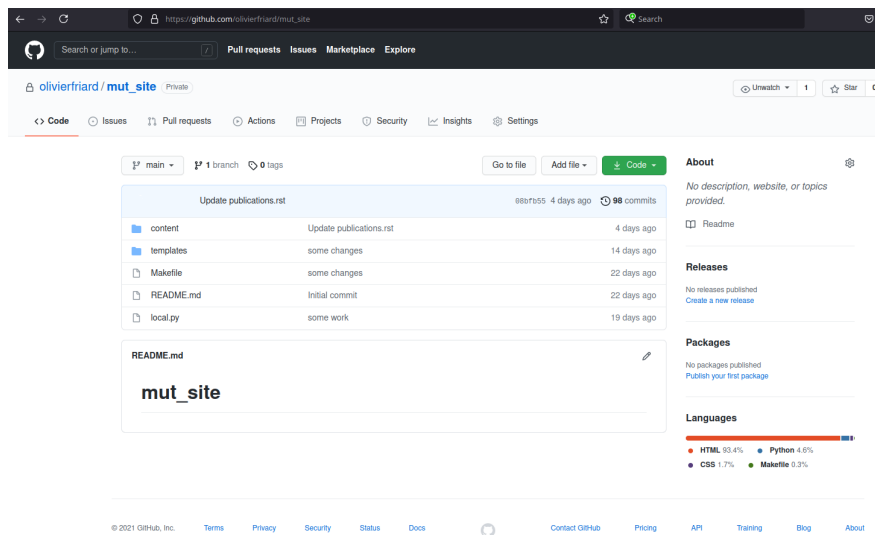
La procedura per apportare modifiche o aggiunte al sito si articola in 2 fasi:

1. Modifica e/o aggiunta del contenuto sul repository GitHub
2. Generazione del sito

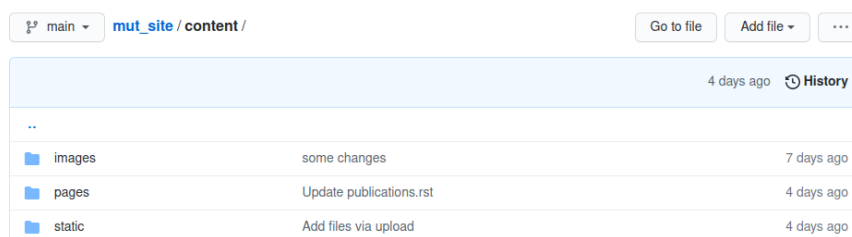
## Modifica / aggiunta del contenuto sul repository GitHub

- Collegarsi al repository GitHub: [https://github.com/olivierfriard/mut\\_site](https://github.com/olivierfriard/mut_site)

La pagina ha l'aspetto seguente, la parte centrale presenta un elenco di file.



- Aprire la cartella **content** cliccando sopra



- Aprire la cartella **pages** cliccando sopra

La cartella **pages** presenta un elenco di file con l'estensione **.rst**. Questi file sono file di testo e possono essere editati direttamente on-line.

main mut_site / content / pages /		Go to file	Add file	...
		4 days ago	History	
..				
it	some changes	7 days ago		
collection.rst	some work	19 days ago		
contacts.rst	some work	19 days ago		
events_news.rst	Update events_news.rst	4 days ago		
history.rst	Update history.rst	7 days ago		
homepage.rst	some changes	7 days ago		
links.rst	some work	18 days ago		
list_cultural_media.rst	some changes	7 days ago		
partners.rst	some work	19 days ago		
price_list.rst	some changes	7 days ago		
privacy_statement.rst	some changes	21 days ago		
projects.rst	some work	19 days ago		
public_deposit.rst	some work	19 days ago		
public_deposit_request.rst	Update public_deposit_request.rst	4 days ago		
publications.rst	Update publications.rst	4 days ago		
research.rst	some work	19 days ago		

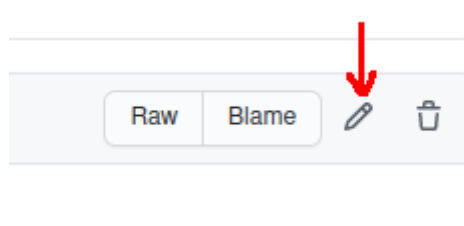
## Edizione di un file .rst (sito web versione inglese)

- Cliccare il sul file **.rst** desiderato. Nel esempio seguente il file **contacts.rst** verrà utilizzato.

main mut_site / content / pages / contacts.rst		Go to file	...										
		Latest commit b5a8cb1 19 days ago	History										
1 contributor													
47 lines (28 sloc)   1.15 KB		Raw	Blame										
<table border="1"> <tr> <td><b>title:</b></td> <td>Contacts</td> </tr> <tr> <td><b>slug:</b></td> <td>contacts</td> </tr> <tr> <td><b>Authors:</b></td> <td>MUT</td> </tr> <tr> <td><b>template:</b></td> <td>page</td> </tr> <tr> <td><b>link:</b></td> <td>homepage</td> </tr> </table> <p>Mycoteca Universitatis Taurinensis – MUT Department of Life Science and Systems Biology University of Turin</p> <p>Legal Head Office via Accademia Albertina 23 – I-10123 Torino</p> <p>Operational Head Office viale Mattioli, 25 – I-10125 Torino, Italia</p> <p>Tel: +39 011 670 59 84 Fax: +39 011 670 59 62 Email: <a href="mailto:info.mut@unito.it">info.mut@unito.it</a></p>				<b>title:</b>	Contacts	<b>slug:</b>	contacts	<b>Authors:</b>	MUT	<b>template:</b>	page	<b>link:</b>	homepage
<b>title:</b>	Contacts												
<b>slug:</b>	contacts												
<b>Authors:</b>	MUT												
<b>template:</b>	page												
<b>link:</b>	homepage												

- Cliccare sul pulsante **Penna**





La schermata presenta un editore che permette di modificare il file aperto (nel esempio seguente **contacts.rst**)

E' possibile modificare il testo e aggiungere o cancellare del testo già presente. Il formato utilizzato è il formato restructured text (rst). Permette di includere formatazione come grassetto, corsivo, elenchi puntati e immagini.

E' importante rispettare alcune regole:

- le righe **non possono cominciare con uno spazio**.
- Non modificare le parole chiavi (:title:, :slug:, :template: :link: ecc)

Per più informazione consultare per esempio il sito <https://learnxinyminutes.com/docs/rst> .

- Per salvare le modifiche premere il pulsante verde **Commit changes** in fondo alla pagina.

```
30 By plane: from the airport of Torino Caselle take the shuttle to Torino Porta Nuova train station, then bus N° 9, di
31 stop facing the Castello del Valentino (you can ask the driver)
32 By train: from Torino Porta Nuova train station take bus N°9, directed to Torino Esposizioni, until the bus stop fac:
33 the driver)
34 By car: from the highway follow indications for Tangenziale Sud, then exit at Moncalieri - Torino Centro - Corso Mas:
```

### Commit changes

Update contacts.rst

Add an optional extended description...

☒ Commit directly to the `main` branch.

☐ Create a **new branch** for this commit and start a pull request. [Learn more about pull requests.](#)

Commit changes

Cancel

- Per ritornare alla pagina iniziale con l'elenco dei file premere il link **pages**


`main` `mut_site / content / pages / contacts.rst`







### Edizione di un file .rst (sito web versione italiana)

Per l'edizione delle pagine del sito web in italiano procedere come sopra modificando i file presenti nella cartella `mut_site / content / pages / it`

`<> Code` `Issues` `Pull requests` `Actions` `Projects`

`main` `mut_site / content / pages / it /`

 **olivierfriard** some changes

..	
 collection.rst	some work
 contacts.rst	some work
 events_news.rst	some changes
 history.rst	some work
 homepage.rst	some changes
 links.rst	some work

I file devono avere lo stesso nome di quelli della versione inglese.

### Inserire una immagine

- Aprire la cartella **mut\_site / content / images**

main ▾ **mut\_site / content / images /**

..	
collection	some changes
contacts	some changes
history	some changes
homepage	some changes
partners	some changes
projects	some changes
research	some changes
eng.png	some work
ita.png	some work
mut_logo.png	some changes
staff.jpg	some changes
universita.jpg	some work

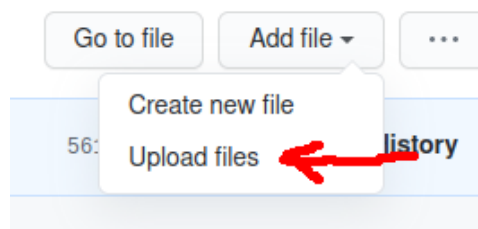
- Aprire la cartella corrispondente alla pagina desiderata. Ad esempio la cartella **contacts**

main ▾ **mut\_site / content / images / contacts /**

..	
esterno.png	some changes

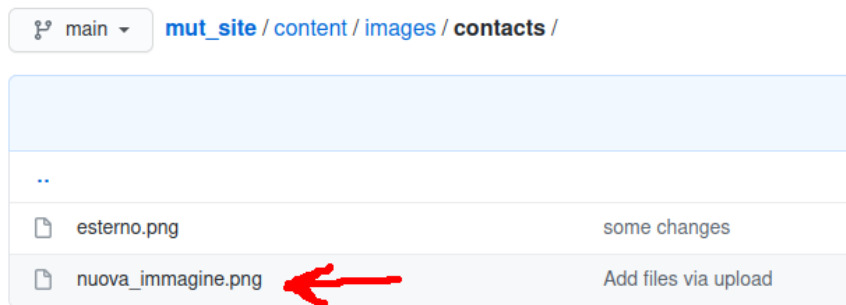
In questa cartella è presente una sola immagine **esterno.png**

- Aggiungere una nuova immagine cliccando sul pulsante **Add file > Upload files**

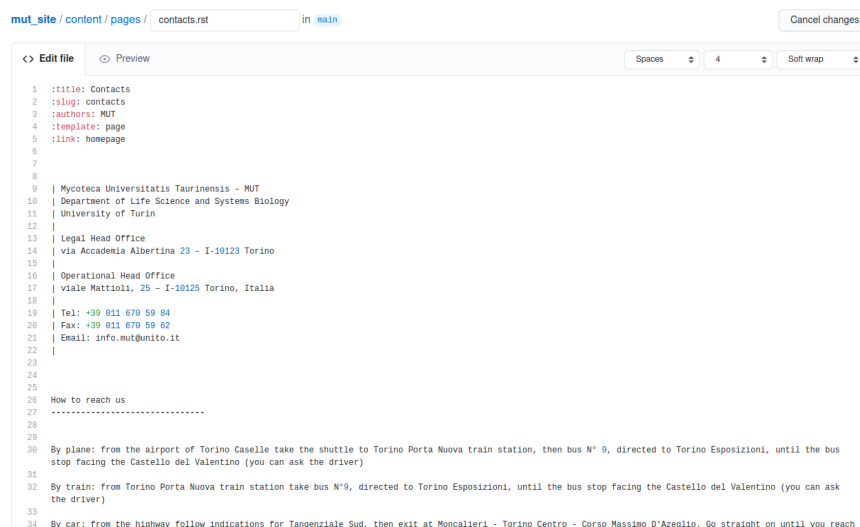


- Procedere all'upload del file contenente la nuova immagine.
- Premere il pulsante verde **Commit changes** in fondo alla pagina.

Il nuovo file compare nell'elenco dei file:



- Per aggiungere l'immagine sulla pagina ritornare all'edizione del file **contacts.rst** (vedere il capitolo **Edizione di un file .rst**):



- Inserire il codice seguente nel testo dove si vuole inserire la nuova immagine:

```
.. image:: {static}/images/contacts/nuova_immagine.png
:alt: vista dell'ortobotanico
:align: center
```

dove:

- **nuova\_immagine.png** è il nome del file contenente l'immagine
- **center** è la posizione dell'immagine nella pagina (i valori permessi sono: left, center, right)
- **vista dell'ortobotanico** è la descrizione dell'immagine per l'accessibilità

```
<> Edit file  Preview

1  :title: Contacts
2  :slug: contacts
3  :authors: MUT
4  :template: page
5  :link: homepage
6
7
8  .. image:: {static}/images/contacts/nuova_immagine.png
9     :alt: vista dell'ortobotanico
10    :align: center
11
12
13  | Mycoteca Universitatis Taurinensis - MUT
14  | Department of Life Science and Systems Biology
15  | University of Turin
16  |
17  | Legal Head Office
18  | via Accademia Albertina 23 - I-10123 Torino
19  |
20  | Operational Head Office
21  | viale Mattioli, 25 - I-10125 Torino, Italia
22  |
23  | Tel: +39 011 670 59 84
24  | Fax: +39 011 670 59 62
25  | Email: info.mut@unito.it
26  |
27
28
29
30  How to reach us
31  -----
32
33
34  By plane: from the airport of Torino Caselle take the shuttle to Torino Porta Nuova tra
35  stop facing the Castello del Valentino (you can ask the driver)
```

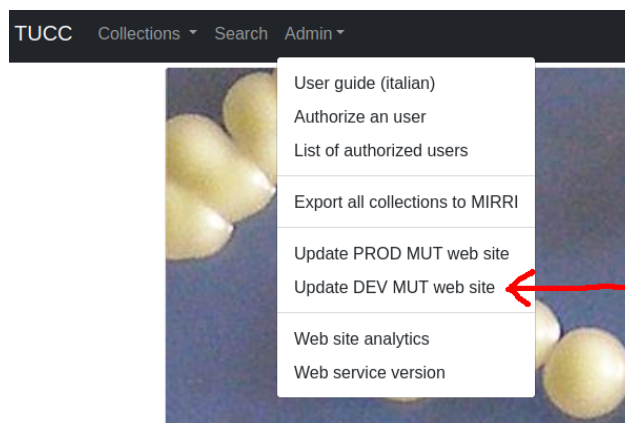
- Premere il pulsante verde **Commit changes** in fondo alla pagina.

## Generazione del sito

- Per rigenerare il sito collegarsi alla pagina [www.tucc-database.unito.it](http://www.tucc-database.unito.it)

### Generazione del sito di test (DEV)

- Menù **Admin > Update DEV MUT site**



Se il sito è stato correttamente generato comparirà un messaggio con sfondo **verde**:

dev web site updated!

[Collection menu](#)

Nel caso contrario verrà riportato un elenco di errori su sfondo **rosso**

Verificare che il sito di test generato non comporti errori collegandosi alla pagina [http://www.tucc-database.unito.it:8080/new\\_mut](http://www.tucc-database.unito.it:8080/new_mut)

Se il sito non comporta errori, procedere con la generazione del sito.

### ***Generazione del sito***

- Menù **Admin** > **Update PROD MUT site**

I messaggi sono identici a quelli della generazione del sito di test (DEV).