

Guida all'uso del database TUCC

Data rilascio:

Menù Collections

Questo menù permette di accedere alle collezioni per eseguire operazioni relative alla collezione selezionata.

Al momento la TUCC contiene 6 collezioni:

- Mycotheca Universitatis Taurinensis (MUT)
- Collection MiAGR - settore Microbiologia Alimentare, Agraria e Ambientale
- Collection MiAGR - settore Patologia vegetale forestale
- Collection MiBAT - settore microbiologia clinica umana
- Collection MiVET - settore Microbiologia Clinica Veterinaria
- Collection MiVET - settore Parassitologia

Browse strains

Questa funzione permette di accedere all'elenco completo dei ceppi. I ceppi sono visibili secondo il livello di privilegio.

I risultati sono presentati in una tabella con 4 colonne: Accession number, Genus, Specific epithet, Varietas / Forma Specialis

Il codice d'accesso è un link che permette di aprire la [scheda ceppo](#)

Menù Search

Questa funzione permette di ricercare dei ceppi in tutte le 6 collezioni della TUCC.

La ricerca può essere eseguita specificando il nome del campo oppure su tutti i campi (All fields).

I risultati sono presentati in una tabella dove il codice d'accesso è costituito da un link alla scheda ceppo.

Menù Admin

Authorize an user

Questa funzione richiede il livello di privilegio Administrator nella o nelle collezioni corrispondenti

Menu Admin > Authorize an user

1. digitare l'indirizzo email dell'utente da abilitare e premere Submit
- 2) Impostare il livello di privilegio per il nuovo utente per ciascuna collezioni (sono visibili solo le collezioni sulle quali si possiede il livello Administrator)

I livelli di privilegio sono i seguenti:

None

Nessun livello di privilegio. L'utente sarà considerato come Guest su quella collezione

Administrator

Livello di privilegio più elevato. L'utente può eseguire tutte le operazioni sulla collezione e abilitare e rimuovere utenti.

Advanced user

Internal user

User

List of authorized users

Questa funzione richiede il livello di privilegio Administrator nella o nelle collezioni corrispondenti

Menu Admin > List of authorized users

Questa funzione permette di accedere all'elenco degli utenti abilitati e di modificare il livello di privilegi (pulsante roles)

Export all collections to MIRRI

Questa funzione richiede il livello di privilegio Administrator nella o nelle collezioni corrispondenti

Menu Admin > Export all collections to MIRRI

Questa funzione permette di esportare i ceppi selezionati (campo Export to MIRRI impostato a Yes) in un formato Microsoft-Excel compatibile con il database MIRRI.

Web service version

Questa funzione visualizza la versione del web service

Web site analytics

Questa voce permette di accedere a statistiche di accesso del web service TUCC

Administration tools

Insert a new strain

Questa opzione permette di inserire un nuovo ceppo nel database.

La prima tappa consiste nella scelta della specie.

Select a new species for the strain MUT00000008

The current species is: *Penicillium glabrum* .

fusa	Submit
Fusarium commune id:1687	
Fusarium andiyazi id:1686	
Fusarium brachygibbosum id:1406	
Fusarium chlamydosporum id:99	
Fusarium culmorum id:96	
Fusarium dimerum id:919	
Fusarium equiseti id:327	
Fusarium fujikuroi id:874	

Digitare i primi carattere del genere e quindi selezionare la specie nell'elenco proposto. Premere il pulsante Submit per assegnare la nuova specie al ceppo.

Se la specie non è presente nell'elenco delle specie una nuova specie dovrà essere creata

Compilare i campi

I campi con lo sfondo grigio (anche segnati come "read only") non sono modificabili.

Genus (read only)	Fusarium
	MDS
Specific epithet (read only)	commune
	MDS

I campi segnati con un asterisco rosso sono obbligatori e non possono essere lasciati vuoti.

Riferirsi alla sezione [elenco campi](#) per ottenere più informazione sui campi.

Al termine dell'immissione premere sul pulsante Submit in fondo a destra. Il sistema valida i campi e segnala se la scheda ceppo contiene errori o campi obbligatori non impostati.

Se l'immissione è andata a buon termine un messaggio su fondo verde comparirà.

Species management

Questa opzione permette di gestire le specie presenti nel database e di inserire nuove specie.

L'elenco della specie presenti nel database si presenta come segue:

List of species

[Insert a new species](#)

		Genus	Specific epithet	Varietas / Formae Specialis	Number of strains
view	edit	Metarhizium	robertsii		0
view	edit	Aaosphaeria	arxii		1
view	edit	Abortiporus	biennis		1
view	edit	Absidia	coerulea		3
view	edit	Absidia	cylindrospora		0

La colonna Number of strains indica il numero di ceppi di questa specie presenti nella collezione.

Inserire una nuova specie

Per inserire una nuova specie premere il pulsante Insert a new specie ed immettere le informazioni nei vari campi. Al termine premere il pulsante Save

Modificare una specie

Dall'elenco delle specie premere il pulsante edit in corrispondenza delle specie da modificare ed immettere le informazioni nei vari campi. Al termine premere il pulsante Save

Le modifiche eseguite sulla specie vengono riportate per ogni ceppo di questa specie nella collezione.

Cancellare una specie

Per cancellare una specie premere il pulsante view in corrispondenza delle specie da cancellare. Quando le informazioni sulla specie compaiono premere il pulsante Delete species e dare conferma. Il privilegio Administrator è richiesto.

Species *Metarhizium robertsii*

[Edit](#)

[Browse species](#)

[Delete species](#)

Genus	Metarhizium
Epithet	robertsii
Varietas	

Strains quarantine

Species quarantine

Export collection

I ceppi presenti nella collezione possono essere esportati in un formato Excel (.xlsx)

Export to MIRRI

Export to Microsoft-Excel

Create labels for tubes/lyo

Deleted entries

Questa funzione permette di accedere all'elenco dei ceppi cancellati e di ripristinarli. Il privilegio Administrator è richiesto.

Super admin

Questa funzione permette di accedere a viste speciali sul database come l'elenco dei valori per un o più campi per tutti i ceppi oppure a tutti i valori distinti per un campo. Il privilegio Administrator è richiesto.

Riferirsi alla sezione [super admin](#)

Scheda ceppo

La scheda ceppo visualizza tutti i campi relativi al ceppo selezionato.

I campi sono visibili secondo il livello di privilegio

Exempio di scheda ceppo:

Accession number: MUT00000002

[Go back](#)

[Edit](#)

[Manage sequences](#)

[Manage attached documents](#)

[Manage strain literature](#)

[Manage literature linked to sequence](#)

[Delete entry](#)

Accession Number	MUT00000002
Accession Date	1960-01-01 12:00:00
Taxon name	Penicillium isariiforme

[View the species details](#)

[Select a new species for this strain](#)

[Open/close all sections](#)

[GENERAL INFORMATION](#)

[SECURITY INFORMATION](#)

[ECO-PHYSIOLOGICAL PROPERTIES](#)

[MIRRI](#)

Di default le sezioni di campi GENERAL INFORMATION, SECURITY INFORMATION, ECO-PHYSIOLOGICAL PROPERTIES e MIRRI sono ripiegate. Un click sul nome della categoria permette di aprirla o ripiegarla. Un click su Open/Close all sections permette di aprire o ripiegare tutte le sezioni.

Esempio di campi visualizzati. Vengono visualizzati i campi anche se non contengono valori

[Open/close all sections](#)

GENERAL INFORMATION	
Genus	Penicillium
Specific epithet	isariiforme
Varietas / Formae Specialis	
Phylum	
Class	Eurotiomycetes
Order	Eurotiales
Family	Aspergillaceae
Organism type	Fungus
Author	Stolk & J. A. Meyer
Original acronym	
Depositor	
Collector	

Varie funzioni sono accessibili dalla scheda ceppo:

Edit

Funzione per editare i campi della scheda ceppo. Richiede un livello di privilegi adeguato.

Manage sequences

Questa funzione permette di aggiungere, modificare o rimuovere le sequenze nucleotidiche relative al ceppo.

Sequences for MUT00000084

Sequences list

		Marker	Description	INSDC accession number	Sequence
edit	remove	ITS1-ITS4		KT699117	CCGTAGGTGA... (492 nucleotides)
edit	remove	LSU			TCTGGCTCTT... (1250 nucleotides)

[Add a new sequence](#)

La sequenza nucleotidica può essere visualizzata cliccando sul suo codice d'accesso (se fornito) oppure su i primi 10 nucleotidi della sequenza.

Aggiungere/modificare una sequenza

Premere sul pulsante Add a new sequence o sul pulsante Edit corrispondente alla sequenza da modificare.

Edit sequence for MUT00000084

Marker

ITS1-ITS4

Name of the sequences marker

Description

INSDC Accession number

KT699117

Accession number for the sequence in [INSDC](#).

Nucleotide sequence

```
CCGTAGGTGAACCTGCGGAAGGATCATTACAGAGTTCATGCCCTCACGGGTAGATCTCCCACCCTTGTGTAATTATAATTATCT
GTTGCTTTGGCGGGCCGCGAGTCTTCTCGCCCTGTGTGCCCGCCAGAGGACCAATAAACTCTGAATGTTAGTGTCTGTCTGA
GTACTATATAATAGTTAAACTTTCAACAACGGATCTCTTGGTTCTGGCATCGATGAAGAACGCAGCGAAATGCGATAAGTAAT
GTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACATTGCGCCCTTGGTATTCCGGGGGGCATGCCTGTTCTGA
GCGTCATTATGACCAATCCAGCTTGCTGGGTCTTGGGCTGCGCCTCCCTGGCGGGCCTTAAAAACAGTGGCGGTGCTCTCC
AGCTCTACGCGTAGTAATTATTCTCGCGATTGGGTCTGGAGGGATGCTTGCCAACAACCCCCCACTTTCTTAGGTTGACC
```

Only nucleotide (degenerated nucleotides allowed. See [IUPAC nucleotide code](#)).

Submit sequence

Immettere i dati nei vari campi.

Il campo INSDC Accession number deve contenere un codice d'accesso valido.

Nel campo Nucleotide sequence solo nucleotidi sono accettati. Vedere il [codice IUPAC per i nucleotidi](#)

Salvare la sequenza premendo il pulsante Submit sequence

Manage attached documents

Questa funzione permette di allegare documenti al ceppo. Alcuni tipi di documento sono definiti (PIC, MTA, MAA, MIRRI ABS related file, MIRRI MTA file) Per caricare un documento di tipo non predefinito scegliere Other il sistema richiederà il tipo di documento allegato Other document type.

Utilizzare il pulsante Browse per scegliere il documento e quindi premere Upload file per salvarlo.

Manage strain literature

Manage strain literature linked to sequence

Delete entry

Questa funzione richiede il livello di privilegio Administrator nella o nelle collezioni corrispondenti

Questa funzione permette di cancellare il ceppo, non sarà più visibile a nessun utente.

Un ceppo cancellato (Deleted) potrà essere ripristinato da un utente Administrator (vedere Deleted entries)

View the species details

Questa funzione permette di visualizzare i dettagli della specie del ceppo:

Species *Penicillium glabrum*

[Edit](#)[Browse species](#)

Genus	Penicillium
Epithet	glabrum
Varietas	
Phylum	Ascomycota
Class	Eurotiomycetes
Order	Eurotiales
Family	Aspergillaceae
Author	(Wehmer) Westling
Organism type	Fungus
Number of strains	49
Number of strains in quarantine	0

La specie può essere modificata premendo sul pulsante Edit. Le modifiche apportate alla specie saranno applicate a tutti i ceppi di quella specie.

Edit species *Penicillium glabrum*

Number of strains: **49**

Number of strains in quarantine: **0**

Genus	Epithet	Varietas	
<input type="text" value="Penicillium"/>	<input type="text" value="glabrum"/>	<input type="text"/>	
Phylum	Class	Order	Family
<input type="text" value="Ascomycota"/>	<input type="text" value="Eurotiomycetes"/>	<input type="text" value="Eurotiales"/>	<input type="text" value="Aspergillaceae"/>
Organism type	<input type="text" value="Not known"/>		
Author	<input type="text" value="(Wehmer) Westling"/>		

[Cancel](#) [Save](#)

Select a new species for this strain

Questa funzione permette di modificare la specie del ceppo.

Digitare i primi carattere del genere e quindi selezionare la specie nell'elenco proposto. Premere il pulsante Submit per assegnare la nuova specie al ceppo.

Select a new species for the strain MUT00000008

The current species is: *Penicillium glabrum* .

<input type="text" value="fusa "/>	Submit
Fusarium commune id:1687	
Fusarium andiyazi id:1686	
Fusarium brachygibbosum id:1406	
Fusarium chlamydosporum id:99	
Fusarium culmorum id:96	
Fusarium dimerum id:919	
Fusarium equiseti id:327	
Fusarium fujikuroi id:874	

Pagina Super admin

La pagina Super admin permette di accedere a funzioni utili per la manutenzione del database. Il privilegio Administrator è richiesto.

MUT

Super Admin page

[Database fields](#)

[View all fields of a strain by accession](#)

Database fields

Questa funzione presenta una tabella contenente tutti i campi della record ceppo.

index	field name		
1	Accession Number	all values	distinct values
2	Accession Date	all values	distinct values
3	Type strain	all values	distinct values
4	Pathogenicity risk for animals and humans	all values	distinct values
5	Pathogenicity for vegetals	all values	distinct values
6	Toxins production	all values	distinct values
7	Kind of deposit	all values	distinct values
8	Genus	all values	distinct values
9	Specific epithet	all values	distinct values
10	Varietas / Formae Specialis	all values	distinct values
11	Author	all values	distinct values
12	Dual use organism	all values	distinct values
13	Quarantine condition	all values	distinct values
14	Condition	all values	distinct values
15	Known method of preservation	all values	distinct values

Per ogni campo 2 link sono disponibili:

All values

Questo link permette di accedere ai valori del campo selezionato per tutti i ceppi del database. Cliccando sul codice d'accesso si accede alla scheda ceppo.

accession number	Value of Original acronym (field #44)
MUT00000002	
MUT00000003	Tq MEA 4Ae
MUT00000004	
MUT00000005	
MUT00000006	
MUT00000007	Tq PolyR 2Bb
MUT00000008	T4 PolyR G8a
MUT00000009	T4 PolyR E10b
MUT00000010	
MUT00000011	148
MUT00000012	T4 PolyR E6a
MUT00000013	T4 MEA F10a
MUT00000014	
MUT00000015	
MUT00000016	T4 PolyR H5a

Distinct values

questo link permette di visualizzare tutti i valori distinti del campo selezionato con il numero di ceppi corrispondenti.

Distinct values for 'Kind of deposit' (field #7):

Number of strains	Value
2325	
3831	Free for unrestricted distribution
263	Not free for unrestricted distribution
110	Safe deposit

View all fields of a strain by accession

Questa funzione permette di visualizzare la scheda ceppo in un modo compatto.

[Super admin](#)

All fields of strain

Accession Number	MUT00000002
Accession Date	1960-01-01 12:00:00
Type strain	Not Known
Pathogenicity risk for animals and humans	H1
Pathogenicity for vegetals	Not Known
Toxins production	Not Known
Kind of deposit	Free for unrestricted distribution
Genus	Penicillium
Specific epithet	isariiforme
Varietas / Formae Specialis	
Author	Stolk & J. A. Meyer
Dual use organism	No
Quarantine condition	No
Condition	Alive
Known method of preservation	Lyophilisation;Cryopreservation
Mode of preservation	Agar;Lyophilisation;Cryopreservation
Localisation of lyophilized	Armadio lio
Localisation cryopreserved -80	R01B21P20
Form of supply	AG; LY
Restricted item	None
Safety level	BSL-1
Precaution required	None
Deposited in other collection	No
Additional data and General remarks	Revisione sistematica effettuata 1999 Conds for sp

Per accedere a un ceppo particolare cambiare la URL e immettere il codice d'accesso del ceppo richiesto:

https://www.tucc-database.unito.it/super_admin/strain_by_accession/MUT00000002

Elenco dei campi

Accession Number

indice del campo: 1

Tipo di campo: text

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Il sistema attribuisce un codice d'accesso costituito da Tucc seguito da 8 cifra in ordine progressivo. Un codice d'accesso già attribuito non sarà più reattribuito anche in caso di cappelletto cancellato o morto.

Per la collezione MUT il codice d'accesso comincia con la stringa MUT

Accession Date

indice del campo: 2

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N
N

Genus

indice del campo: 8
Tipo di campo: text
valori autorizzati:
campo automatico: N
Minimum Data Set: Y
Campo obbligatorio: N
Descrizione del campo:MDS

Specific epithet

indice del campo: 9
Tipo di campo: text
campo automatico: N
Minimum Data Set: Y
Campo obbligatorio: N
Descrizione del campo:

Varietas / Formae Specialis

indice del campo: 10
Tipo di campo: text
campo automatico: N
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

Phylum

indice del campo: 60
Tipo di campo: text
campo automatico: N
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

Class

indice del campo: 69
Tipo di campo: text
valori autorizzati:
campo automatico: N
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

Order

indice del campo: 70

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Family

indice del campo: 71

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Organism type

indice del campo: 73

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Fungus Yeast Bacterium Alga Archaea Cyanobacteria Phage Virus Plasmid

campo automatico: N

Minimum Data Set: Y

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:

Author

indice del campo: 11

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:

Original acronym

indice del campo: 44

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Unofficial names that are often used for the strain, e.g. in publications, or a name given to the strain by the isolator before its deposit at the collection.

Depositor

indice del campo: 39

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: Y

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Name, institute and town / country of the depositor.

Collector

indice del campo: 37

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Name, institute and town / country of the collector.

Date of collection

indice del campo: 38

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Date when the sample was collected. Allowed formats: YYYY, YYYY-MM, YYYY-MM-DD

Isolator

indice del campo: 31

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Name, institute and town / country of the isolator.

Date of isolation

indice del campo: 32

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Original substrate

indice del campo: 33

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about the substrate and the host of isolation of the strain. It may include the detailed substrate from which the strain was isolated and the name of host plant/animal.

Isolation method

indice del campo: 41

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:

Habitat (ecological data)

indice del campo: 34

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about the biotope where the species was found. It should include environmental physical factors, such as humidity, range of temperature, pH and light intensity, as well as biotic factors, such as the availability of food and the presence or absence of predators. It may also include information already specified in the related fields Geographic origin, Geographic origin coordinates and Altitude.

Geographical origin (country, province, place)

indice del campo: 35

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: Y

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:

GPS coordinates

indice del campo: 36

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:

Questo campo è presente per motivi di retrocompatibilità con il database MUT. NON deve essere compilato.

Latitude (decimal)

indice del campo: 101

Tipo di campo: numero a virgola

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Usare il punto (.) come separatore decimale

Esempio di valori validi:

- 45.45
- -20.9

Longitude (decimal)

indice del campo: 100

Tipo di campo: numero a virgola

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Usare il punto (.) come separatore decimale

Esempio di valori validi:

- 7.45
- -20.9

Altitude (m)

indice del campo: 103

Tipo di campo: numero intero positivo o negativo

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Esempi di valori validi:

- 2890
- 1550
- -15

Continent

indice del campo: 105

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Africa Antartica Asia Europe North America Oceania South America

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Questo campo è compilato automaticamente quando l'utente clicca sulla mappa. Può essere sovrascritto in caso di errore

Country

indice del campo: 106

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Questo campo è compilato automaticamente quando l'utente clicca sulla mappa. Può essere sovrascritto in caso di errore

State

indice del campo: 107

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: State or region

Questo campo è compilato automaticamente quando l'utente clicca sulla mappa. Può essere sovrascritto in caso di errore

Town

indice del campo: 108

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Questo campo è compilato automaticamente quando l'utente clicca sulla mappa. Può essere sovrascritto in caso di errore

Place

indice del campo: 109

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Questo campo è compilato automaticamente quando l'utente clicca sulla mappa. Può essere sovrascritto in caso di errore

Received from (if not name of collector or isolator)

indice del campo: 43

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Indicare il nome, il cognome, l'istituto (se presente), il comune e paese.

Identified by

indice del campo: 40

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Indicare il nome, il cognome, l'istituto (se presente), il comune e paese.

Location of herbarum specimen

indice del campo: 42

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Growth condition medium

indice del campo: 47

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: Y

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: The medium that is recommend for growing the strain.

Indicare il mezzo colturale raccomandato per la crescita del ceppo

Growth condition temperature

indice del campo: 48

Tipo di campo: numero a virgola

campo automatico: N

Minimum Data Set: Y

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo:- The recommended growing temperature for the strain. Example: 24

Indicare la temperatura raccomandata per la crescita del ceppo in gradi Celsius. Usare il punto (.) come separatore decimale. Non immettere l'unità.

Esempi di valori validi:

- 25
- 37.5

Sexual sporulation condition medium

indice del campo: 49

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Sexual sporulation condition temperature

indice del campo: 50

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Usare il punto (.) come separatore decimale. Non immettere l'unità.

Esempi di valori validi:

- 25
- 37.5

Mating type

indice del campo: 51

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Self sporulation

indice del campo: 52

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Known method of preservation

indice del campo: 15

Tipo di campo: multiselect

valori autorizzati: Lyophilisation Cryopreservation Agar Water Oil Other

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Patented strain

indice del campo: 55

Tipo di campo: select

valori autorizzati:

- Not known
- Yes
- No

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Indicare se il ceppo è protetto da brevetto.

Patent number

indice del campo: 85

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Se il ceppo è protetto da brevetto indicare il numero del brevetto

Type strain

indice del campo: 3

Tipo di campo: select

valori autorizzati:

- Not known
- Holotype
- Isotype
- Lectotype
- Sintype
- Neotype
- Epitype

campo automatico: N

Minimum Data Set: Y

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo:

Deposited in other collection

indice del campo: 23

Tipo di campo: select

valori autorizzati:

- Not known

- Yes
- No

campo automatico: N

Minimum Data Set: Y

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo:

Indicare se il ceppo è stato depositato in una altra collezione

Collection and number

indice del campo: 83

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Se il ceppo è stato depositato in una altra collezione indicare la collezione e il codice d'accesso del ceppo.

Additional Data

indice del campo: 96

Tipo di campo: textarea

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Pathogenicity risk for animals and humans

indice del campo: 4

Tipo di campo: select

valori autorizzati:

- Not known
- H0
- H1
- H2
- H3

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Pathogenic for species

indice del campo: 80

Tipo di campo: textarea

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Se il ceppo è patogeno per animali e/o umani indicare le specie seprate da virgola.

Safety level

indice del campo: 21

Tipo di campo: select

valori autorizzati:

- Not known
- BSL-1
- BSL-2
- BSL-3

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Precaution required

indice del campo: 22

Tipo di campo: textarea

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Pathogenicity for vegetals

indice del campo: 5

Tipo di campo: select

valori autorizzati:

- Not known
- P0
- P1
- P2
- P3

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Phytopathogenic for species

indice del campo: 81

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Se il ceppo è patogeno per vegetali indicare le specie seprate da virgola.

Toxins production

indice del campo: 6

Tipo di campo: select

valori autorizzati:

- Not known
- T0
- T1
- T2
- T3

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Specify toxins

indice del campo: 79

Tipo di campo: textarea

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Se il ceppo produce tossine indicare quali separate da virgola.

Hallucinogenic toxins

indice del campo: 62

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Specify hallucinogenic

indice del campo: 63

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Se il ceppo produce tossine allucinogene indicare quali separate da virgola.

Quarantine condition

indice del campo: 13

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Specify whether the strain is subject to quarantine according to European Directive 2000/29/CE and its amendments and corrections. The list of quarantine organisms is available in the Commission Implementing Regulation (EU) 2019/2072.

Specify legislation for quarantine

indice del campo: 86

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Dual use organism

indice del campo: 12

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Specify whether the strain has the potential for a harmful use according to EU Council Regulation 2000/1334/CE and its amendments and corrections.

Specify legislation for dual use

indice del campo: 87

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Biological interactions

indice del campo: 46

Tipo di campo: textarea

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Properties-Application

indice del campo: 45

Tipo di campo: textarea

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about applications of the strain.

Contains plasmides

indice del campo: 56

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Specify plasmides

indice del campo: 82

Tipo di campo: textarea

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about plasmids in the strain. It may include plasmid name and type (original plasmid, cloning vehicle, recombinant plasmid), restriction sites, relevant genes (e.g., origin of replication, transposons, promoters, terminators, structural genes).

Se il ceppo contiene plasmidi indicare quali

Genetically modified

indice del campo: 57

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Specify modifications

indice del campo: 90

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Se il ceppo è stato geneticamente modificato indicare quali modifiche.

Kind of deposit

indice del campo: 7

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Safe deposit Free for unrestricted distribution Not free for unrestricted distribution

campo automatico: N

Minimum Data Set: Y

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo:

Specify restriction for deposit

indice del campo: 68

Tipo di campo: textarea

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Condition

indice del campo: 14

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Alive Dead

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Mode of preservation

indice del campo: 16

Tipo di campo: multiselect

valori autorizzati: Lyophilisation Cryopreservation Agar Water Oil Other

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Date of lyophilization

indice del campo: 29

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Allowed formats: YYYY, YYYY-MM, YYYY-MM-DD

Tube number of lyophilized

indice del campo: 164

Tipo di campo: numero intero

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Number of tubes of the lyophilized strain

Localisation of lyophilized

indice del campo: 17

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Date of cryopreservation -80

indice del campo: 30

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Allowed formats: YYYY, YYYY-MM, YYYY-MM-DD

Localisation cryopreserved -80

indice del campo: 18

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Tube number -80

indice del campo: 167

Tipo di campo: numero intero

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Date of cryopreservation -152

indice del campo: 165

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Allowed formats: YYYY, YYYY-MM, YYYY-MM-DD

Localisation cryopreserved -152

indice del campo: 166

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Tube number -152

indice del campo: 168

Tipo di campo: numero intero

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Last transfert

indice del campo: 27

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Allowed formats: YYYY, YYYY-MM, YYYY-MM-DD

AG specify

indice del campo: 88

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

Last check

indice del campo: 28

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Allowed formats: YYYY, YYYY-MM, YYYY-MM-DD

Next transfert date

indice del campo: 95

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Allowed formats: YYYY, YYYY-MM, YYYY-MM-DD

Form of supply

indice del campo: 19

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: Y

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: MDS

Restricted item

indice del campo: 20

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

Specify restriction

indice del campo: 89

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

Additional data and General remarks

indice del campo: 24

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

MUT sequences

indice del campo: 25

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

Deposited MUT sequences

indice del campo: 26

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

Attached documents type

indice del campo: 53

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

Distribution

indice del campo: 58

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

MDS

indice del campo: 97

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

PIC

indice del campo: 54

Tipo di campo: file

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

N

MTA

indice del campo: 74

Tipo di campo: file

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

MAA

indice del campo: 75

Tipo di campo: file

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

N

Tossine

indice del campo: 76

Tipo di campo: file

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Patogeni

indice del campo: 94

Tipo di campo: file

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Other (1)

indice del campo: 77

Tipo di campo: file

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Other (2)

indice del campo: 78

Tipo di campo: file

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

preservation_lyo

indice del campo: 150

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

preservation_cryo

indice del campo: 151

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

preservation_agar

indice del campo: 152

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

preservation_water

indice del campo: 153

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

preservation_oil

indice del campo: 154

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

known_preservation_lyo

indice del campo: 160

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

known_preservation_cryo

indice del campo: 161

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

known_preservation_agar

indice del campo: 162

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: Y
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

known_preservation_water

indice del campo: 163
Tipo di campo: select
valori autorizzati: Not known Yes No
campo automatico: Y
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

Export to MIRRI

indice del campo: 252
Tipo di campo: select
valori autorizzati: No|Yes
campo automatico: N
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N
Descrizione del campo: Export this record to MIRRI

MIRRI Other culture collection numbers

indice del campo: 200
Tipo di campo: text
valori autorizzati:
campo automatico: Y
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N
Descrizione del campo: Accession numbers of the same strain in other CCs, when known.
Questo campo è compilato automaticamente con il contenuto del campo Collection and number (indice 83)

MIRRI Restrictions on use

indice del campo: 201
Tipo di campo: select
valori autorizzati: 1:no restrictions apply 2:for research only 3:for commercial development a special agreement is requested
campo automatico: N
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: Y
Descrizione del campo: Report if the strain can be used for commercial development or not.

MIRRI Nagoya protocol compliance conditions

indice del campo: 202

Tipo di campo: select

valori autorizzati: 1: Not known restrictions under the Nagoya protocol 2: Documents providing proof of legal access and terms of use available at the collection 3: Strain probably in scope, please contact the culture collection

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Situation of the strain in relation to the Nagoya protocol.

MIRRI ABS related files

indice del campo: 203

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

MIRRI MTA file

indice del campo: 204

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

MIRRI Strain from a Registered Collection

indice del campo: 205

Tipo di campo: select

valori autorizzati: 1: No 2: Yes

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Strain included in the registered CC according to the EU Regulation 511/2014. Unregistered CCs can omit this information.

MIRRI Risk Group

indice del campo: 251

Tipo di campo: select

valori autorizzati: 1: 1 2: 2 3: 3 4: 4

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Risk group according to EU Directive 2000/54/EC and its amendments and corrections.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

MIRRI Biosafety level

indice del campo: 206

Tipo di campo: select

valori autorizzati: 1:BSL-1 2:BSL-2 3:BSL-3 4:BSL-4

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

MIRRI Dual use

indice del campo: 207

Tipo di campo: select

valori autorizzati: 1:No 2:Yes

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Specify whether the strain has the potential for a harmful use according to EU Council Regulation 2000/1334/CE and its amendments and corrections.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

MIRRI Quarantine in Europe

indice del campo: 208

Tipo di campo: select

valori autorizzati: 1:No 2:Yes

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Specify whether the strain is subject to quarantine according to European Directive 2000/29/CE and its amendments and corrections. The list of quarantine organisms is available in the Commission Implementing Regulation (EU) 2019/2072.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

MIRRI Organism type

indice del campo: 209

Tipo di campo: select

valori autorizzati:

- 1:Algae
- 2:Archaea
- 3:Bacteria

- 4:Cyanobacteria
- 5:Filamentous Fungi
- 6:Phage
- 7:Plasmid
- 8:Virus
- 9:Yeast

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo:The type of the resource.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

MIRRI Taxon name

indice del campo: 210

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Taxon name including genus, species and variant names, as taken from an authoritative nomenclature reference, including Mycobank for fungi and yeasts, the Prokaryotic Nomenclature Up-to-date for bacteria and archaea, AlgaeBase for algae and cyanobacteria, and ICVT for viruses.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

MIRRI Intrasubspecific names

indice del campo: 211

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:Intrasubspecific names including biovar, chemovar, cultivar, morphovar, pathovar, phagovar, serovar, forma specialis, phase.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

MIRRI Comment on taxonomy

indice del campo: 212

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Any comment and/or note on the taxonomy of the strain. It may be used, e.g., for information on new species or revised nomenclatures. It must be used when the Taxon name data field includes a name that is not present in the nomenclature reference.

MIRRI Status

indice del campo: 213

Tipo di campo: textarea

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: For type strains, specify their type (type, neotype, holotype, epitype, etc). A list of allowed values is not defined and this information can be provided as free text. Future improvements of the dataset will likely foresee a list of values.

MIRRI History of deposit

indice del campo: 214

Tipo di campo: text

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Transfers of the strain between isolation and deposit in the CC.

MIRRI Depositor

indice del campo: 215

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Name, institute and town / country of the depositor.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

MIRRI Date of deposit

indice del campo: 216

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Date when the strain was deposited at the CC (YYYY-MM-DD)

MIRRI Collected by

indice del campo: 217

Tipo di campo: text

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Name, institute and town / country of the collector.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

MIRRI Date of collection

indice del campo: 218

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Date when the sample was collected. (YYYY-MM-DD)

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

MIRRI Isolated by

indice del campo: 219

Tipo di campo: text

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Name, institute and town / country of the isolator.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

MIRRI Date of isolation

indice del campo: 220

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Date when the strain was isolated from the sample. (YYYY-MM-DD)

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

MIRRI Date of inclusion in the catalogue

indice del campo: 221

Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Date when the strain was included in the catalog and/or an accession number was assigned to it.

MIRRI Tested temperature growth range

indice del campo: 222

Tipo di campo: 2 valori decimali separati da un segno meno (-)

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: The lowest and the highest temperature at which the strain was tested for growing. Example: 15;35

Usare il punto (.) come separatore decimale

Esempio di valori validi:

- 25-37.5
- 36-38

MIRRI Recommended growth temperature

indice del campo: 223

Tipo di campo: numero a virgola

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: The recommended growing temperature for the strain. Example: 24

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

MIRRI Recommended medium for growth

indice del campo: 224

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: The medium that is recommend for growing the strain.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

MIRRI Form of supply

indice del campo: 225

Tipo di campo: multiselect

valori autorizzati:

- Agar
- Cryo

- Dry ice
- Liquid Culture Medium
- Lyo
- Oil
- Water

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: The forms of supply of the strain to users.

MIRRI Other denomination

indice del campo: 226

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Unofficial names that are often used for the strain, e.g. in publications, or a name given to the strain by the isolator before its deposit at the collection.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del acronym

MIRRI Coordinates of geographic origin

indice del campo: 227

Tipo di campo: 2 valori decimali separati da un punto virgola (;)

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: The geographic coordinates of the location where the sample was collected. (decimal coordinates)

Questo campo è compilato automaticamente con i valori dei campi latitude e longitude

MIRRI Altitude

indice del campo: 228

Tipo di campo: numero intero positivo o negativo

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: The altitude of the location where the sample was collected.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo altitude.

MIRRI Geographic origin

indice del campo: 229

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: The locality where the sample was collected, defined with the highest possible precision. Example: Altafjorden, Alta, Troms og Finnmark, Norway

Questo campo è compilato automaticamente con i valori dei campi continent, country, state, town, place.

MIRRI GMO

indice del campo: 230

Tipo di campo: select

valori autorizzati:

- 0:Not known
- 1:No
- 2:Yes

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Specify whether the strain is a Genetically Modified Organism (GMO).

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo altitude.

MIRRI GMO construction information

indice del campo: 231

Tipo di campo: textarea

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:Information on the construction of the GMO.

MIRRI Mutant information

indice del campo: 232

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:Information on mutant strains.

MIRRI Genotype

indice del campo: 233

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information on the genotype of the strain.

MIRRI Literature

indice del campo: 234

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information on literature linked to the identification and properties of the strain. Does not include literature related to the sequence of the strain. For publications indexed by Pubmed or having an official DOI number, collections should provide the relative identifiers, respectively PMIDs and DOIs.

MIRRI Sexual state

indice del campo: 235

Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known|Mata|Matalpha|Mata/Matalpha|Mata|Matb|Mata/Matb|MTLa|MTLalpha|MTLa/MTLalpha|MAT1-1|MAT1-2|MAT1|MAT2

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information on strain sexual state / mating type, for relevant resource types.

MIRRI Ploidy

indice del campo: 236

Tipo di campo: select

valori autorizzati: 0:Aneuploid|1:Haploid|2:Diploid|3:Triploid|4:Tetraploid|9:Polyploid over 4n

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information on the ploidy level of the strain.

MIRRI Interspecific hybrid

indice del campo: 237

Tipo di campo: select

valori autorizzati: 0:Not known|1:No|2:Yes

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: This field reports whether the strain is an interspecific hybrid.

MIRRI Pathogenicity

indice del campo: 239

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about pathogenicity of the strain for plants, humans and animals. Can include specification for the Belgian plant pathogenicity code.

MIRRI Enzyme production

indice del campo: 240

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about enzyme production by the strain.

MIRRI Production of metabolites

indice del campo: 241

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about metabolite production by the strain.

MIRRI Applications

indice del campo: 242

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about applications of the strain.

MIRRI Remarks

indice del campo: 243

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:Any further note that is not present in the other fields.

MIRRI Plasmids

indice del campo: 244

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:Information about plasmids in the strain. It may include plasmid name and type (original plasmid, cloning vehicle, recombinant plasmid), restriction sites, relevant genes (e.g., origin of replication, transposons, promoters, terminators, structural genes).

MIRRI Plasmids collections fields

indice del campo: 245

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:Information about availability of strain plasmids in CCs of plasmids.

MIRRI Substrate/host of isolation

indice del campo: 246

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:Information about the substrate and the host of isolation of the strain. It may include the detailed substrate from which the strain was isolated and the name of host plant/animal.

MIRRI Isolation habitat

indice del campo: 247

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:Information about the biotope where the species was found. It should include environmental physical factors, such as humidity, range of temperature, pH and light intensity, as well

as biotic factors, such as the availability of food and the presence or absence of predators. It may also include information already specified in the related fields Geographic origin, Geographic origin coordinates and Altitude.

MIRRI Ontobiotope term for the isolation habitat

indice del campo: 248

Tipo di campo: text

valori autorizzati:

campo automatico: N

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about the habitat where the species was found provided by using the most specific term(s) of the Ontobiotope ontology of microorganism habitats. Note that this ontology is mainly for bacteria. See the Ontobiotope browser (<http://agroportal.lirmm.fr/ontologies/ONTOBIOTOPE?p=classes>)

MIRRI Gene sequences and accession numbers

indice del campo: 249

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Known genomic sequences and related INSDC accession numbers of the strain. According to the resource type, these include, but are not limited to, the nuclear ribosomal Internal Transcribed Spacer (ITS), the nuclear ribosomal Large SubUnit (LSU) and the 16S rRNA gene. Any further gene or marker that is considered of relevance by the CC, such as Calmodulin (CaM) and β -Tubulin, can be included.

MIRRI Literature linked to the sequence/genome

indice del campo: 250

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: Y

Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information on literature linked to the sequences or genome of the strain. Do not include here literature linked to the identification and properties of the strain. Include identifiers linking to a separate literature sheet in the same file. For publications indexed by Pubmed or having an official DOI number, collections should provide the relative identifiers, respectively PMIDs and DOIs.