#### Guida all'uso del database TUCC

Data rilascio: Tue 22 Jun 2021 03:39:44 PM CEST

Questo documento è la guida all'uso per il servizio TUCC database:

www.tucc-database.unito.it

#### **Table of Contents**

Menù Collections	1
Menù Search	1
Menù Admin	1
Administration tools	2
Scheda ceppo	5
Pagina Super admin	ç
Elenco dei campi	12
Aggiornamento del sito web MUT	47

### **Menù Collections**

Questo menù permette di accedere alle collezione per eseguire operazioni relative alla collezione selezionata.

Al momento la TUCC contiene 6 collezioni:

- Mycotheca Universitatis Taurinensis (MUT)
- Collection MiAGR settore Microbiologia Alimentare, Agraria e Ambientale
- Collection MiAGR settore Patologia vegetale forestale
- Collection MiBAT settore microbiologia clinica umana
- Collection MiVET settore Microbiologia Clinica Veterinaria
- Collection MiVET settore Parassitologia

#### **Browse strains**

Questa funzione permette di accedere all'elenco completo dei ceppi. I ceppi sono visibili secondo il livello di privileggio.

I risultati sono presentati in una tabella con 4 colonne: Accession number, Genus, Specific epithet, Varietas I Forma Specialis

Il codice d'accesso è un link che permette di aprire la scheda ceppo

# Menù Search

Questa funzione permette di ricercare dei ceppi in tutte le 6 collezioni della TUCC.

La ricerca può essere eseguita specificando il nome del campo oppure su tutti i campi (All fields).

I risultati sono presentati in una tabella dove il codice d'accesso è costituito da un link alla scheda ceppo.

# Menù Admin

#### Authorize an user

Questa funzione richiede il livello di privileggio Administrator nella o nelle collezioni corrispondenti

Menu Admin > Authorize an user

- 1. digitare l'indirizzo email dell'utente da abilitare e premere Submit
- 2) Impostare il livello di privileggio per il nuovo utente per ciascuna collezioni (sono visibili solo le collezioni sulle quali si possiede il livello Administrator)

I livelli di privileggio sono i seguenti:

#### None

Nessun livello di privileggio. L'utente sarà considerato come Guest su quella collezione

#### Administrator

Livello di privileggio più elevato. L'utente può eseguire tutte le operazioni sulla collezione e abilitare e rimuover utenti.

#### Advanced user

#### Internal user

#### User

#### List of authorized users

Questa funzione richiede il livello di privileggio Administrator nella o nelle collezioni corrispondenti

#### Menu Admin > List of authorized users

Questa funzione permette di accedere all'elenco degli utenti abilitati e di modificare il livello di privileggi (pulsante roles)

### **Export all collections to MIRRI**

Questa funzione richiede il livello di privileggio Administrator nella o nelle collezioni corrispondenti

#### Menu Admin > Export all collections to MIRRI

Questa funzione permette di esportare i ceppi selezionati (campo **Export to MIRRI** impostato a **Yes**) in un formato Microsoft-Excel compatibile con il database MIRRI.

#### Web service version

Questa funzione visualizza la versione del web service

# Web site analytics

Questa voce permette di acceddere a statistiche di accesso del web service TUCC

### **Administration tools**

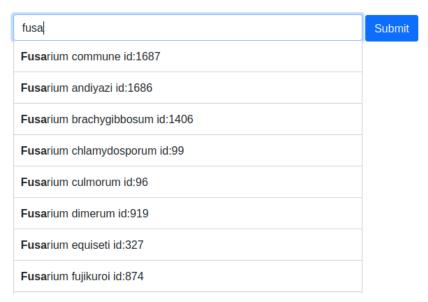
#### Insert a new strain

Questa opzione permette di inserire un nuovo ceppo nel database.

La prima tappa cosiste nella scelta della specie.

# Select a new species for the strain MUT00000008

The current species is: Penicillium glabrum .



Digitare i primi carattere del genere e quindi selezionare la specie nell'elenco proposto. Premere il pulsante **Submit** per assegnare la nuova specie al ceppo.

Se la specie non è presente nell'elenco delle specie una nuova specie dovrà essere creata

Compilare i campi

I campi con lo sfondo grigio (anche segnati come "read only") non sono modificabili.

Genus (read only)	Fusarium
	MDS
Specific epithet (read only)	commune
Offiy)	MDS

I campi segnati con un asterisco rosso sono obbligatori e non possono essere lasciati vuoti.

Riferirsi alla sezione elenco campi per ottenere più informazione sui campi.

Al termine dell'immissione premere sul pulsante **Submit** in fondo a destra. Il sistema valida i campi e segnala se la scheda ceppo contiene errori o campi obbligatori non impostati.

Se l'immissione è andata a buon termine un messaggio su fondo verde comparirà.

# Species management

Questa opzione permette di gestire le specie presenti nel database e di inserire nuove specie.

L'elenco della specie presenti nel database si presenta come segue:

#### List of species



		Genus	Specific epithet	Varietas / Formae Specialis	Number of strains
view	edit	Metarhizium	robertsii		0
view	edit	Aaosphaeria	arxii		1
view	edit	Abortiporus	biennis		1
view	edit	Absidia	coerulea		3
view	edit	Absidia	cylindrospora		0

La colonna Number of strains indica il numero di ceppi di questa specie presenti nella collezione.

#### Inserire una nuova specie

Per inserire una nuova specie premere il pulsante **Insert a new specie** ed immettere le informazion nei vari campi. Al termine premere il pulsante **Save** 

#### Modificare una specie

Dall'elenco delle specie premere il pulsante **edit** in corrispondenza delle specie da modificare ed immettere le informazion nei vari campi. Al termine premere il pulsante **Save** 

Le modifiche eseguite sulla specie vengono riportate per ogni ceppo di questa specie nella collezione.

#### Cancellare una specie

Per cancellare una specie premere il pulsante **view** in corrispondenza delle specie da cancellare. Quando le informazioni sulla specie compaiono premere il pulsante **Delete species** e dare conferma. Il privileggio **Administrator** è richiesto.

# Species Metarhizium robertsii



#### Strains quarantine

Questa funzione permette di accedere all'elenco dei depositi richiesti (quarantena)

### Species quarantine

#### **Export collection**

I ceppi presenti nella collezioni possono essere esportati in un formato Excel (.xlsx)

#### Export to MIRRI

I dati dei ceppi segnati (campo **Export to MIRRI** impostato a **Yes**) sono salvati in un file in formato XLSX (Microsoft-Excel) che può essere direttamente trasmesso a MIRRI.

#### **Export to Microsoft-Excel**

I dati dei ceppi sono salvati in un file in formato XLSX (Microsoft-Excel). Il file **non** contiene la letteratura, i documenti allegati, le sequenze nucleotidiche e la letteratura legata alle sequenze.

# Create labels for tubes/lyo

#### **Deleted entries**

Questa funzione permette di accedere all'elenco dei ceppi cancellati e di ripristinarli. Iil privileggio **Administrator** è richiesto.

#### Collection MUT

#### Deleted entries

Action	Genus	Specific epithet	Varietas / Formae Specialis
Undelete	Absidia	coerulea	
Undelete	Penicillium	chrysogenum	
Undelete	sicuro	s	
Undelete	Free number		

Premere il pulsante **Undelete** in corrispondenza del ceppo da ripristinare e dare conferma. Il ceppo sarà di nuovo visibile nell'elenco dei ceppi.

### Super admin

Questa funzione permette di accedere a viste speciali sul database come l'elenco dei valori per un o più campi per tutti i ceppi oppure a tutti i valori distinti per un campo. Il privileggio **Administrator** è richiesto.

Riferirsi alla sezione super admin

# Scheda ceppo

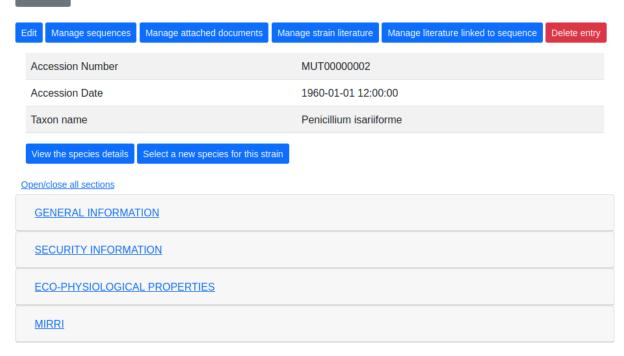
La scheda ceppo permette di visualizzare tutti i campi relativi al ceppo selezionato.

I campi sono visibili secondo il livello di privileggio

Exempio di scheda ceppo:

# Accession number: MUT00000002

Go back



Di default le sezioni di campi **GENERAL INFORMATION**, **SECURITY INFORMATION**, **ECO-PHYSIOLOGICAL PROPERTIES** e **MIRRI** sono ripiegate. Un click sul nome della categoria permette di aprirela o ripiegarla. Un click su **Open/Close all sections** permette di aprire o ripiegare tutte le sezioni.

Esempio di campi visualizzati. Vengono visualizzati i campi anche se non contengono valori

Open/close all sections

GENERAL INFORMATION	
Genus	Penicillium
Specific epithet	isariiforme
Varietas / Formae Specialis	
Phylum	
Class	Eurotiomycetes
Order	Eurotiales
Family	Aspergillaceae
Organism type	Fungus
Author	Stolk & J. A. Meyer
Original acronym	
Depositor	
Collector	

Varie funzioni sono accessibili dalla scheda ceppo:

#### **Edit**

Funzione per editare i campi della scheda ceppo. Richiede un livello di privilegi adeguato.

#### Manage sequences

Questa funzione permette di aggiungere, modificare o rimuovere le sequenze nucleotidiche relative al ceppo.

# Sequences for MUT00000084

#### Sequences list



La sequenza nucleotidica può essere visualizzata cliccando sul suo codice d'accesso (se fornito) oppure su i primi 10 nucleotidi della sequenza.

#### Aggiungere/modificare una sequenza

Premere sul pulsante Add a new sequence o sul pulsante Edit corrispondente alla sequenza da modificare.

# Edit sequence for MUT00000084

rker	
TS1-ITS4	
me of the sequences marker	
scription	
SDC Accession number	
7699117	
session number for the sequence in INSDC.	
CGTAGGTGAACCTGCGGAAGGATCATTACAGAGTTCATGCCCTCACGGGTAGATCTCCCACCCTTGTGTAATTATAATTA STTGCTTTGGCGGGCCGCGAGTCTTCTCGCCCTGTGTGCCCCGCCAGAGGACCAATAAACTCTGAATGTTAGTGTCGTCT STACTATATAATAGTTAAAACTTTCAACAACGGATCTCTTGGTTCTGGCATCGATGAAGAACGCAGCGAAATGCGATAAGTA STGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACATTGCGCCCCTTGGTATTCCGGGGGGCATGCCTGTTC SCGTCATTATGACCAATCCAGCTTGCTGGGTCTTGGGCTGCCCCCTGGCGGGCCTTAAAAACAGTGGCGGTGCTC SCGTCTACGCGTAGTAATTATTCTCGCGATTGGGTCTGGAGGGATGCTTGCCAACAACCCCCAACTTTCTTAGGTTGACC	GA AT GA TCC
y nucleotide (degenerated nucleotides allowed. See <u>IUPAC nucleotide code</u> ) .  submit sequence	

Immettere i dati nei vari campi.

Il campo  ${f INSDC}$  Accession number deve contenere un codice d'accesso valido.

Nel campo Nucleotide sequence solo nucleotidi sono accettati. Vedere il codice IUPAC per i nucleotidi

Salvare la sequenza premendo il pulsante Submit sequence

### Manage attached documents

Questa funzione permette di allegare documenti al ceppo. Alcuni tipi di documento sono definiti (PIC, MTA, MAA, MIRRI ABS related file, MIRRI MTA file) Per caricare un documento di tipo non predefinito scegliere Other il sistema richiederà il tipo di documento allegato Other document type.

Utilizzare il pulsante Browse per scegliere il documento e quindi premere Upload file per salvarlo.

### Manage strain literature

# Manage strain literature linked to sequence

### **Delete entry**

Questa funzione richiede il livello di privileggio Administrator nella o nelle collezioni corrispondenti

Questa funzione permette di cancellare il ceppo, non sarà più visibile a nessun utente.

Un ceppo cancellato (*Deleted*) potrà essere ripristinao da un utente Administrator (vedere **Deleted entries**)

#### View the species details

Questa funzione permette di visualizzare i dettagli della specie del ceppo:

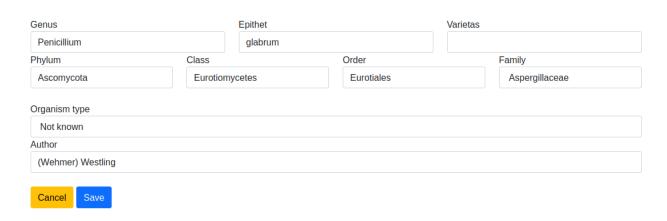
### Species Penicillium glabrum

Edit Browse species	
Genus	Penicillium
Epithet	glabrum
Varietas	
Phylum	Ascomycota
Class	Eurotiomycetes
Order	Eurotiales
Family	Aspergillaceae
Author	(Wehmer) Westling
Organism type	Fungus
Number of strains	49
Number of strains in quarantine	0

La specie può essere modificata premendo sul pulsante **Edit**. Le modifiche apportate alla specie saranno applicate a tutti i ceppi di quella specie.

### Edit species Penicillium glabrum

Number of strains: **49** Number of strains in quarantine: **0** 



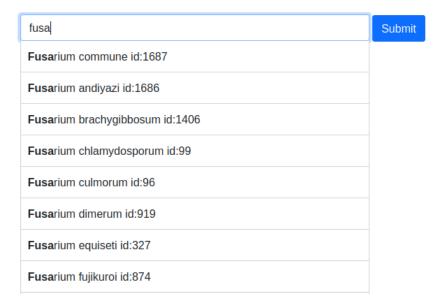
# Select a new species for this strain

Questa funzione permette di modificare la specie del ceppo.

Digitare i primi carattere del genere e quindi selezionare la specie nell'elenco proposto. Premere il pulsante **Submit** per assegnare la nuova specie al ceppo.

# Select a new species for the strain MUT00000008

The current species is: Penicillium glabrum .



# Pagina Super admin

La pagina **Super admin** permette di accedere a funzioni utili per la manutenzpone del database. Il privileggio **Administrator** è richiesto.

# MUT Super Admin page

Database fields

View all fields of a strain by accession

#### **Database fields**

Questa funzione presenta una tabella contenente tutti i campi della record ceppo.

index	field name		
inuex			
1	Accession Number	<u>all values</u>	<u>distinct values</u>
2	Accession Date	<u>all values</u>	<u>distinct values</u>
3	Type strain	<u>all values</u>	<u>distinct values</u>
4		<u>all values</u>	<u>distinct values</u>
5	Pathogenicity for vegetals	<u>all values</u>	<u>distinct values</u>
6	Toxins production	<u>all values</u>	<u>distinct values</u>
7	Kind of deposit	<u>all values</u>	<u>distinct values</u>
8	Genus	<u>all values</u>	<u>distinct values</u>
9	Specific epithet	<u>all values</u>	<u>distinct values</u>
10	Varietas / Formae Specialis	<u>all values</u>	<u>distinct values</u>
11	Author	<u>all values</u>	<u>distinct values</u>
12	Dual use organism	<u>all values</u>	<u>distinct values</u>
13	Quarantine condition	<u>all values</u>	<u>distinct values</u>
14	Condition	<u>all values</u>	<u>distinct values</u>
15	Known method of preservation	all values	distinct values

Per ogni campo 2 link sono disponibili:

#### All values

Questo link permette di accedere ai valori del campo selezionato per tutti i ceppi del database. Cliccando sul codice d'accesso si accede alla scheda ceppo.

accession number	Value of Original acronym (field #44)
MUT00000002	
MUT00000003	Tq MEA 4Ae
MUT00000004	
MUT00000005	
MUT00000006	
MUT00000007	Tq PolyR 2Bb
MUT00000008	T4 PolyR G8a
MUT00000009	T4 PolyR E10b
MUT00000010	
MUT00000011	148
MUT00000012	T4 PolyR E6a
MUT00000013	T4 MEA F10a
MUT0000014	
MUT00000015	
MUT00000016	T4 PolyR H5a

#### Distinct values

questo link permette di visualizzare tutti i valori distinti del campo selezionato con il numero di ceppi corrispondenti.

Distinct values for 'Kind of deposit' (field #7):

Number of strains	Value
2325	
3831	Free for unrestricted distribution
263	Not free for unrestricted distribution
110	Safe deposit

# View all fields of a strain by accession

Questa funzione permette di visualizzare la scheda ceppo in un modo compatto.

#### Super admin

#### All fields of strain

Accession Number	MUT00000002
	1960-01-01 12:00:00
Accession Date	
Type strain	Not Known
Pathogenicity risk for animals and humans	H1
Pathogenicity for vegetals	Not Known
Toxins production	Not Known
Kind of deposit	Free for unrestricted distribution
Genus	Penicillium
Specific epithet	isariiforme
Varietas / Formae Specialis	
Author	Stolk & J. A. Meyer
Dual use organism	No
Quarantine condition	No
Condition	Alive
Known method of preservation	Lyophilisation;Cryopreservation
Mode of preservation	Agar;Lyophilisation;Cryopreservation
Localisation of lyophilized	Armadio lio
Localisation cryopreserved -80	R01B21P20
Form of supply	AG; LY
Restricted item	None
Safety level	BSL-1
Precaution required	None
Deposited in other collection	No
Additional data and General remarks	Revisione sistematica effettuata 1999 Conds for sp
	-

Per accedere a un ceppo particolare cambiare la URL e immettere il codice d'accesso del ceppo richiesto:

https://www.tucc-database.unito.it/super\_admin/strain\_by\_accession/MUT00000002

# Elenco dei campi

Di seguito sono elencati i vari campi della tabella ceppi del database:

- Indice del campo è un valore ad uso interno, non interessa l'utente che carica i dati dei ceppi
- tipo di campo indica il tipo di valore atteso
- campo automatico (Y/N) se questo valore è impostato a Y il campo non sarà visibile all'utente.
- Minimum data Set (Y/N) se questo valore è impostato a Y il campo è inserito nel Minimum Data Set.

#### **Accession Number**

indice del campo: 1
Tipo di campo: text
campo automatico: Y
Minimum Data Set: N

Il sistema attribuisce un codice d'accesso costituito da **TUCC** seguito da 8 ciffra in ordine progressivo. Un codice d'accesso già attribuito non sarà più reattribuito anche in caso di cappo cancellato o morto.

Per la collezione MUT il codice d'accesso comincia con la stringa MUT

#### **Accession Date**

indice del campo: 2 Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Ν

#### **Genus**

indice del campo: 8
Tipo di campo: text
valori autorizzati:
campo automatico: N
Minimum Data Set: Y
Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:MDS

# **Specific epithet**

indice del campo: 9
Tipo di campo: text
campo automatico: N
Minimum Data Set: Y
Campo obbligatorio: N
Descrizione del campo:

# Varietas / Formae Specialis

indice del campo: 10
Tipo di campo: text
campo automatico: N
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

# **Phylum**

indice del campo: 60 Tipo di campo: text campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

### **Class**

indice del campo: 69
Tipo di campo: text
valori autorizzati:
campo automatico: N
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

#### Order

indice del campo: 70
Tipo di campo: text
valori autorizzati:
campo automatico: N
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

### **Family**

indice del campo: 71
Tipo di campo: text
campo automatico: N
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

# Organism type

indice del campo: 73 Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Fungus Yeast Bacterium Alga Archaea Cyanobacteria Phage Virus Plasmid

campo automatico: N Minimum Data Set: Y Campo obbligatorio: N Descrizione del campo:

#### **Author**

indice del campo: 11
Tipo di campo: text
valori autorizzati:
campo automatico: N
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N
Descrizione del campo:

### **Original acronym**

indice del campo: 44
Tipo di campo: text
campo automatico: N
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Unofficial names that are often used for the strain, e.g. in publications, or a name given to the strain by the isolator before its deposit at the collection.

# **Depositor**

indice del campo: 39
Tipo di campo: text
campo automatico: N
Minimum Data Set: Y
Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Name, institute and town / country of the depositor.

#### Collector

indice del campo: 37 Tipo di campo: text campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Name, institute and town / country of the collector.

#### **Date of collection**

indice del campo: 38 Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Date when the sample was collected. Allowed formats: YYYY, YYYY-MM, YYYY-MM-DD

#### **Isolator**

indice del campo: 31 Tipo di campo: text campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Name, institute and town / country of the isolator.

#### Date of isolation

indice del campo: 32 Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

### **Original substrate**

indice del campo: 33
Tipo di campo: text
campo automatico: N
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about the substrate and the host of isolation of the strain. It may include the detailed substrate from which the strain was isolated and the name of host plant/animal.

#### Isolation method

indice del campo: 41
Tipo di campo: text
campo automatico: N
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N
Descrizione del campo:

### Habitat (ecological data)

indice del campo: 34
Tipo di campo: text
campo automatico: N
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about the biotope where the species was found. It should include environmental physical factors, such as humidity, range of temperature, pH and light intensity, as well as biotic factors, such as theavailability of food and the presence or absence of predators. It may also include information already specified in the related fields Geographic origin, Geographic origin coordinates and Altitude.

# Geographical origin (country, province, place)

indice del campo: 35
Tipo di campo: text
campo automatico: N
Minimum Data Set: Y
Campo obbligatorio: N
Descrizione del campo:

#### **GPS** coordinates

indice del campo: 36
Tipo di campo: text
campo automatico: N
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N
Descrizione del campo:

Questo campo è presente per motivi di retrocompatibilità con il database MUT. NON deve essere compilato.

### Latitude (decimal)

indice del campo: 101

Tipo di campo: numero a virgola

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Usare il punto (.) come separatore decimale

Esempio di valori validi:

45.45-20.9

### Longitude (decimal)

indice del campo: 100

Tipo di campo: numero a virgola

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Usare il punto (.) come separatore decimale

Esempio di valori validi:

• 7.45

• -20.9

# Altitude (m)

indice del campo: 103

Tipo di campo: numnero intero positivo o negativo

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N Esempi di valori validi:

• 2890

• 1550

• -15

#### Continent

indice del campo: 105 Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Africa Antartica Asia Europe North America Oceania South America

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: Y Questo campo è compilato automaticamente quando l'utente clicca sulla mappa. Può esssere sovrascitto in caso di errore

### Country

indice del campo: 106 Tipo di campo: text campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: Y

Questo campo è compilato automaticamente quando l'utente clicca sulla mappa. Può esssere sovrascitto in caso di

#### **State**

indice del campo: 107
Tipo di campo: text
campo automatico: N
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: State or region

Questo campo è compilato automaticamente quando l'utente clicca sulla mappa. Può esssere sovrascitto in caso di errore

#### **Town**

indice del campo: 108 Tipo di campo: text campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: Y

Questo campo è compilato automaticamente quando l'utente clicca sulla mappa. Può esssere sovrascitto in caso di errore

#### **Place**

indice del campo: 109 Tipo di campo: text campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Questo campo è compilato automaticamente quando l'utente clicca sulla mappa. Può esssere sovrascitto in caso di errore

# Received from (if not name of collector or isolator)

indice del campo: 43 Tipo di campo: text campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Indicare il nome, il cognome, l'istituto (se presente), il comune e paese.

### **Identified by**

indice del campo: 40 Tipo di campo: text campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Indicare il nome, il cognome, l'istituto (se presente), il comune e paese.

# Location of herbarum specimen

indice del campo: 42 Tipo di campo: text campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

#### **Growth condition medium**

indice del campo: 47
Tipo di campo: text
valori autorizzati:
campo automatico: N
Minimum Data Set: Y
Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: The medium that is recommend for growing the strain.

Indicare il mezzo colturale raccomandato per la crescita del ceppo

# **Growth condition temperature**

indice del campo: 48

Tipo di campo: numero a virgola

campo automatico: N Minimum Data Set: Y Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo:- The recommended growing temperature for the strain. Example: 24

Indicare la temperatura raccomandata per la crescita del ceppo in gradi Celsius. Usare il punto (.) come separatore decimale. Non immetere l'unità.

Esempi di valori validi:

- 25
- 37.5

# Sexual sporulation condition medium

indice del campo: 49
Tipo di campo: text
campo automatico: N
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

# Sexual sporulation condition temperature

indice del campo: 50 Tipo di campo: text valori autorizzati: campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Usare il punto (.) come separatore decimale. Non immetere l'unità.

Esempi di valori validi:

• 25

• 37.5

# **Mating type**

indice del campo: 51 Tipo di campo: text campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

# **Self sporulation**

indice del campo: 52 Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

# Known method of preservation

indice del campo: 15

Tipo di campo: multiselect

valori autorizzati: Lyophilisation Cryopreservation Agar Water Oil Other

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

#### Patented strain

indice del campo: 55 Tipo di campo: select

valori autorizzati:

- Not known
- Yes

• No

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: Y

Indicare se il ceppo è protetto da brevetto.

#### Patent number

indice del campo: 85 Tipo di campo: text campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Se il ceppo è protetto da brevetto indicare il numero del brevetto

# Type strain

indice del campo: 3 Tipo di campo: select

valori autorizzati:

- Not known
- Holotype
- Isotype
- Lectotype
- Sintype
- Neotype
- Epitype

campo automatico: N Minimum Data Set: Y Campo obbligatorio: Y Descrizione del campo:

# Deposited in other collection

indice del campo: 23 Tipo di campo: select valori autorizzati:

Not known

- Yes
- No

campo automatico: N Minimum Data Set: Y Campo obbligatorio: Y Descrizione del campo:

Indicare se il ceppo è stato depositato in una altra collezione

#### **Collection and number**

indice del campo: 83 Tipo di campo: text campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Se il ceppo è stato depositato in una altra collezione indicare la collezione e il codice d'accesso del ceppo.

#### **Additional Data**

indice del campo: 96 Tipo di campo: textarea campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

# Pathogenicity risk for animals and humans

indice del campo: 4
Tipo di campo: select
valori autorizzati:

- Not known
- H0
- H1
- H2
- H3

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

# Pathogenic for species

indice del campo: 80 Tipo di campo: textarea campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N Se il ceppo è patogeno per animali e/o umani indicare le specie seprate da virgola.

# Safety level

indice del campo: 21 Tipo di campo: select valori autorizzati:

Not known

• BSL-1

• BSL-2

• BSL-3

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

# **Precaution required**

indice del campo: 22 Tipo di campo: textarea campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

# Pathogenicity for vegetals

indice del campo: 5 Tipo di campo: select valori autorizzati:

Not known

• P0

• P1

• P2

• P3

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

# Phytopathogenic for species

indice del campo: 81
Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Se il ceppo è patogeno per vegetali indicare le specie seprate da virgola.

# **Toxins production**

indice del campo: 6 Tipo di campo: select

valori autorizzati:

- Not known
- T0
- T1
- T2
- T3

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

# **Specify toxins**

indice del campo: 79
Tipo di campo: textarea
campo automatico: N
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

Se il ceppo produce tossine indicare quali separate da virgola.

# Hallucinogenic toxins

indice del campo: 62 Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

# Specify hallucinogenic

indice del campo: 63
Tipo di campo: text
valori autorizzati:
campo automatico: N
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

Se il ceppo produce tossine allucinogene indicare quali separate da virgola.

#### **Quarantine condition**

indice del campo: 13 Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Specify whether the strain is subject to quarantine according to European Directive 2000/29/CE and its amendments and corrections. The list of quarantine organisms is available in the Commission Implementing Regulation (EU) 2019/2072.

### Specify legislation for quarantine

indice del campo: 86
Tipo di campo: text
campo automatico: N
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

### **Dual use organism**

indice del campo: 12 Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Specify whether the strain has the potential for a harmful use according to EU Council Regulation 2000/1334/CE and its amendments and corrections.

# Specify legislation for dual use

indice del campo: 87
Tipo di campo: text
valori autorizzati:
campo automatico: N
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

# **Biological interactions**

indice del campo: 46
Tipo di campo: textarea
campo automatico: N
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

# **Properties-Application**

indice del campo: 45 Tipo di campo: textarea campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about applications of the strain.

# **Contains plasmides**

indice del campo: 56 Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

# **Specify plasmides**

indice del campo: 82
Tipo di campo: textarea
campo automatico: N
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information about plasmids in the strain. It may include plasmid name and type (original plasmid, cloning vehicle, recombinant plasmid), restriction sites, relevant genes (e.g., origin of replication, transposons, promoters, terminators, structural genes).

Se il ceppo contiene plasmidi indicare quali

## **Genetically modified**

indice del campo: 57 Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

# Specify modifications

indice del campo: 90 Tipo di campo: textarea

valori autorizzati: campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Se il ceppo è stato geneticamente modificato indicare quali modifiche.

# Kind of deposit

indice del campo: 7 Tipo di campo: select valori autorizzati: Safe deposit Free for unrestricted distribution Not free for unrestricted distribution

campo automatico: N Minimum Data Set: Y Campo obbligatorio: Y Descrizione del campo:

# Specify restriction for deposit

indice del campo: 68
Tipo di campo: textarea
campo automatico: N
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

#### Condition

indice del campo: 14 Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Alive Dead

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

### Mode of preservation

indice del campo: 16

Tipo di campo: multiselect

valori autorizzati: Lyophilisation Cryopreservation Agar Water Oil Other

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

# Date of lyophilization

indice del campo: 29 Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Allowed formats: YYYY, YYYY-MM, YYYY-MM-DD

# Tube number of lyophilized

indice del campo: 164

Tipo di campo: numero intero

campo automatico: N

Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Number of tubes of the lyophilized strain

### Localisation of lyophilized

indice del campo: 17
Tipo di campo: text
campo automatico: N
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

# Date of cryopreservation -80

indice del campo: 30 Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Allowed formats: YYYY, YYYY-MM, YYYY-MM-DD

# **Localisation cryopreserved -80**

indice del campo: 18
Tipo di campo: text
campo automatico: N
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

#### **Tube number -80**

indice del campo: 167

Tipo di campo: numero intero

campo automatico: N
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

# Date of cryopreservation -152

indice del campo: 165 Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Allowed formats: YYYY, YYYY-MM, YYYY-MM-DD

# **Localisation cryopreserved -152**

indice del campo: 166 Tipo di campo: text campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

#### **Tube number -152**

indice del campo: 168

Tipo di campo: numero intero

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

#### Last transfert

indice del campo: 27 Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Allowed formats: YYYY, YYYY-MM, YYYY-MM-DD

# **AG** specify

indice del campo: 88
Tipo di campo: textarea

valori autorizzati: campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Ν

#### Last check

indice del campo: 28
Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Allowed formats: YYYY, YYYY-MM, YYYY-MM-DD

#### **Next transfert date**

indice del campo: 95 Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Allowed formats: YYYY, YYYY-MM, YYYY-MM-DD

# Form of supply

indice del campo: 19
Tipo di campo: text
valori autorizzati:
campo automatico: Y
Minimum Data Set: Y
Campo obbligatorio: N
Descrizione del campo:MDS

#### Restricted item

indice del campo: 20 Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Ν

# **Specify restriction**

indice del campo: 89 Tipo di campo: textarea

valori autorizzati: campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Ν

#### **Additional data and General remarks**

indice del campo: 24 Tipo di campo: textarea

valori autorizzati: campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Ν

# **MUT** sequences

indice del campo: 25

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Ν

# **Deposited MUT sequences**

indice del campo: 26 Tipo di campo: text valori autorizzati: campo automatico: N Minimum Data Set: N

Campo obbligatorio: N

Ν

# **Attached documents type**

indice del campo: 53 Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Ν

#### **Distribution**

indice del campo: 58 Tipo di campo: text valori autorizzati:

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Ν

#### **MDS**

indice del campo: 97 Tipo di campo: text valori autorizzati:

campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

#### PIC

indice del campo: 54 Tipo di campo: file valori autorizzati: campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: Y

Ν

#### **MTA**

indice del campo: 74 Tipo di campo: file valori autorizzati: campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Ν

### MAA

indice del campo: 75 Tipo di campo: file valori autorizzati: campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

#### **Tossine**

indice del campo: 76 Tipo di campo: file valori autorizzati: campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

# **Patogeni**

indice del campo: 94

Tipo di campo: file valori autorizzati:

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

# Other (1)

indice del campo: 77
Tipo di campo: file
valori autorizzati:
campo automatico: N
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

# Other (2)

indice del campo: 78
Tipo di campo: file
valori autorizzati:
campo automatico: N
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

# preservation\_lyo

indice del campo: 150 Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

# preservation\_cryo

indice del campo: 151 Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

# preservation\_agar

indice del campo: 152 Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

### preservation\_water

indice del campo: 153 Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

### preservation\_oil

indice del campo: 154 Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

### known\_preservation\_lyo

indice del campo: 160 Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

# known\_preservation\_cryo

indice del campo: 161 Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

# known\_preservation\_agar

indice del campo: 162 Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

#### known\_preservation\_water

indice del campo: 163 Tipo di campo: select

valori autorizzati: Not known Yes No

campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

#### **Export to MIRRI**

indice del campo: 252
Tipo di campo: select
valori autorizzati:No|Yes
campo automatico: N
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:Export this record to MIRRI

#### **MIRRI Other culture collection numbers**

indice del campo: 200
Tipo di campo: text
valori autorizzati:
campo automatico: Y
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Accession numbers of the same strain in other CCs, when known.

Questo campo è compilato automaticamente con il contenuto del campo Collection and number (indice 83)

#### **MIRRI** Restrictions on use

indice del campo: 201 Tipo di campo: select

valori autorizzati: 1:no restrictions apply 2:for research only 3:for commercial development a special

agreement is requested

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Report if the strain can be used for commercial development or not.

# **MIRRI Nagoya protocol compliance conditions**

indice del campo: 202 Tipo di campo: select valori autorizzati:1: Not known restrictions under the Nagoya protocol 2:Documents providing proof of legal access and terms of use available at the collection 3:Strain probably in scope, please contact the culture collection

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo:Situation of the strain in relation to the Nagoya protocol.

#### MIRRI ABS related files

indice del campo: 203 Tipo di campo: text valori autorizzati: campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

#### MIRRI MTA file

indice del campo: 204
Tipo di campo: text
valori autorizzati:
campo automatico: Y
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

# MIRRI Strain from a Registered Collection

indice del campo: 205 Tipo di campo: select

valori autorizzati: 1:No 2:Yes

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:Strain included in the registered CC according to the EU Regulation 511/2014. Unregistered CCs can omit this information.

### **MIRRI Risk Group**

indice del campo: 251 Tipo di campo: select

valori autorizzati: 1:1 2:2 3:3 4:4

campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Risk group according to EU Directive 2000/54/EC and its amendments and corrections.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

### **MIRRI** Biosafety level

indice del campo: 206 Tipo di campo: select

valori autorizzati: 1:BSL-1 2:BSL-2 3:BSL-3 4:BSL-4

campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

#### MIRRI Dual use

indice del campo: 207 Tipo di campo: select

valori autorizzati: 1:No 2:Yes

campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Specify whether the strain has the potential for a harmful use according to EU Council Regulation 2000/1334/CE and its amendments and corrections.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

### MIRRI Quarantine in Europe

indice del campo: 208 Tipo di campo: select

valori autorizzati: 1:No 2:Yes

campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Specify whether the strain is subject to quarantine according to European Directive 2000/29/CE and its amendments and corrections. The list of quarantine organisms is available in the Commission Implementing Regulation (EU) 2019/2072.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

## **MIRRI** Organism type

indice del campo: 209 Tipo di campo: select valori autorizzati:

- 1:Algae
- 2:Archaea
- 3:Bacteria
- 4:Cyanobacteria
- 5:Filamentous Fungi
- 6:Phage
- 7:Plasmid

- 8:Virus
- 9:Yeast

campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: The type of the resource.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

#### **MIRRI Taxon name**

indice del campo: 210
Tipo di campo: text
valori autorizzati:
campo automatico: Y
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: Taxon name including genus, species and variant names, as taken from an authoritative nomenclature reference, including Mycobank for fungi and yeasts, the Prokaryotic Nomenclature Up-to-date for bacteria and archaea, AlgaeBase for algae and cyanobacteria, and ICVT for viruses.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

### **MIRRI Infrasubspecific names**

indice del campo: 211
Tipo di campo: text
valori autorizzati:
campo automatico: Y
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:Infrasubspecific names including biovar, chemovar, cultivar, morphovar, pathovar, phagovar, serovar, forma specialis, phase.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

## MIRRI Comment on taxonomy

indice del campo: 212 Tipo di campo: text campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Any comment and/or note on the taxonomy of the strain. It may be used, e.g., for information on new species or revised nomenclatures. It must be used when the Taxon name data field includes a name that is not present in the nomenclature reference.

#### **MIRRI Status**

indice del campo: 213
Tipo di campo: textarea

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: For type strains, specify their type (type, neotype, holotype, epitype, etc). A list of allowed values is not defined and this information can be provided as free text. Future improvements of the dataset will likely foresee a list of values.

### **MIRRI History of deposit**

indice del campo: 214
Tipo di campo: text
campo automatico: N
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Transfers of the strain between isolation and deposit in the CC.

### **MIRRI** Depositor

indice del campo: 215
Tipo di campo: text
valori autorizzati:
campo automatico: Y
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:Name, institute and town / country of the depositor. Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

## MIRRI Date of deposit

indice del campo: 216 Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Date when the strain was deposited at the CC (YYYY-MM-DD)

## **MIRRI Collected by**

indice del campo: 217
Tipo di campo: text
campo automatico: Y
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Name, institute and town / country of the collector. Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

#### **MIRRI** Date of collection

indice del campo: 218
Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:Date when the sample was collected. (YYYY-MM-DD)

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

### MIRRI Isolated by

indice del campo: 219
Tipo di campo: text
campo automatico: Y
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:Name, institute and town / country of the isolator.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

#### **MIRRI** Date of isolation

indice del campo: 220 Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:Date when the strain was isolated from the sample. (YYYY-MM-DD)

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

## MIRRI Date of inclusion in the catalogue

indice del campo: 221 Tipo di campo: date

valori autorizzati: Gli unici formati di date accettati sono AAAA-MM-GG, AAAA-MM o AAAA

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Date when the strain was included in the catalog and/or an accession number was assigned

to it.

## MIRRI Tested temperature growth range

indice del campo: 222

Tipo di campo: 2 valori decimali separati da un segno meno (-)

valori autorizzati:

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: The lowest and the highest temperature at which the strain was tested for growing. Example:

15;35

Usare il punto (.) come separatore decimale

Esempio di valori validi:

• 25-37.5

• 36-38

### **MIRRI** Recommended growth temperature

indice del campo: 223

Tipo di campo: numero a virgola

valori autorizzati: campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: The recommended growing temperature for the strain. Example: 24

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

## MIRRI Recommended medium for growth

indice del campo: 224
Tipo di campo: text
valori autorizzati:
campo automatico: Y
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: The medium that is recommend for growing the strain.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo XXX

## **MIRRI Form of supply**

indice del campo: 225

Tipo di campo: multiselect

valori autorizzati:

- Agar
- Cryo
- Dry ice
- Liquid Culture Medium
- Lyo
- Oil
- Water

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: The forms of supply of the strain to users.

#### **MIRRI** Other denomination

indice del campo: 226
Tipo di campo: text
valori autorizzati:
campo automatico: Y
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Unofficial names that are often used for the strain, e.g. in publications, or a name given to the strain by the isolator before its deposit at the collection.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del acronym

### MIRRI Coordinates of geographic origin

indice del campo: 227

Tipo di campo: 2 valori decimali separati da un punto virgola (;)

valori autorizzati: campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: The geographic coordinates of the location where the sample was collected. (decimal

coordinates)

Questo campo è compilato automaticamente con i valori dei campi latitude e longitude

#### **MIRRI Altitude**

indice del campo: 228

Tipo di campo: numero intero positivo o negativo

campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: The altitude of the location where the sample was collected.

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo altitude.

# MIRRI Geographic origin

indice del campo: 229
Tipo di campo: text
valori autorizzati:
campo automatico: Y
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: Y

Descrizione del campo: The locality where the sample was collected, defined with the highest possible precision. Example: Altafjorden, Alta, Troms og Finnmark, Norway

Questo campo è compilato automaticamente con i valori dei campi continent, country, state, town, place.

#### **MIRRI GMO**

indice del campo: 230 Tipo di campo: select valori autorizzati:

- 0:Not known
- 1:No
- 2:Yes

campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Specify whether the strain is a Genetically Modified Organism (GMO).

Questo campo è compilato automaticamente con il valore del campo altitude.

#### **MIRRI GMO construction information**

indice del campo: 231 Tipo di campo: textarea campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:Information on the construction of the GMO.

#### **MIRRI Mutant information**

indice del campo: 232 Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:Information on mutant strains.

### **MIRRI** Genotype

indice del campo: 233 Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:Information on the genotype of the strain.

#### **MIRRI** Literature

indice del campo: 234 Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:Information on literature linked to the identification and properties of the strain. Does not include literature related to the sequence of the strain. For publications indexed by Pubmed or having an official DOI number, collections should provide the relative identifiers, respectively PMIDs and DOIs.

#### **MIRRI Sexual state**

indice del campo: 235 Tipo di campo: select

 $valori\ autorizzati: Not\ known | Mata| Mata|$ 

AT1-1|MAT1-2|MAT1|MAT2

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:Information on strain sexual state / mating type, for relevant resource types.

### **MIRRI Ploidy**

indice del campo: 236 Tipo di campo: select

valori autorizzati:0:Aneuploid|1:Haploid|2:Diploid|3:Triploid|4:Tetraploid|9:Polyploid over 4n

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:Information on the ploidy level of the strain.

## **MIRRI Interspecific hybrid**

indice del campo: 237 Tipo di campo: select

valori autorizzati:0:Not known|1:No|2:Yes

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: This field reports whether the strain is an interspecific hybrid.

## **MIRRI Pathogenicity**

indice del campo: 239 Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:Information about pathogenicity of the strain for plants, humans and animals.Can include specification for the Belgian plant pathogenicity code.

### **MIRRI Enzyme production**

indice del campo: 240 Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:Information about enzyme production by the strain.

#### **MIRRI Production of metabolites**

indice del campo: 241 Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:Information about metabolite production by the strain.

## **MIRRI Applications**

indice del campo: 242 Tipo di campo: textarea

valori autorizzati: campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:Information about applications of the strain.

### **MIRRI Remarks**

indice del campo: 243 Tipo di campo: textarea

valori autorizzati: campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Any further note that is not present in the other fields.

#### **MIRRI Plasmids**

indice del campo: 244

Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:Information about plasmids in the strain. It may include plasmid name and type (original plasmid, cloning vehicle, recombinant plasmid), restriction sites, relevant genes (e.g., origin of replication, transposons, promoters, terminators, structural genes).

### **MIRRI Plasmids collections fields**

indice del campo: 245
Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: N Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:Information about availability of strain plasmids in CCs of plasmids.

#### MIRRI Substrate/host of isolation

indice del campo: 246
Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:Information about the substrate and the host of isolation of the strain. It may include the detailed substrate from which the strain was isolated and the name of host plant/animal.

#### MIRRI Isolation habitat

indice del campo: 247 Tipo di campo: textarea

valori autorizzati:

campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:Information about the biotope where the species was found. It should include environmental physical factors, such as humidity, range of temperature, pH and light intensity, as well as biotic factors, such as theavailability of food and the presence or absence of predators. It may also include information already specified in the related fields Geographic origin, Geographic origin coordinates and Altitude.

## MIRRI Ontobiotope term for the isolation habitat

indice del campo: 248

Tipo di campo: text
valori autorizzati:
campo automatico: N
Minimum Data Set: N
Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo:Information about the habitat where the species was found provided by using the most specific term(s) of the Ontobiotope ontology of microorganism habitats. Note that this ontology is mainly for bacteria. See the Ontobiotope browser (http://agroportal.lirmm.fr/ontologies/ONTOBIOTOPE?p=classes)

### MIRRI Gene sequences and accession numbers

indice del campo: 249
Tipo di campo: textarea

valori autorizzati: campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Known genomic sequences and related INSDC accession numbers of the strain. According to the resource type, these include, but are not limited to, the nuclear ribosomal Internal Transcribed Spacer (ITS), the nuclear ribosomal Large SubUnit (LSU) and the 16S rRNA gene. Any further gene or marker that is considered of relevance by the CC, such as Calmodulin (CaM) and  $\beta$ -Tubulin, can be included.

### MIRRI Literature linked to the sequence/genome

indice del campo: 250 Tipo di campo: textarea

valori autorizzati: campo automatico: Y Minimum Data Set: N Campo obbligatorio: N

Descrizione del campo: Information on literature linked to the sequences or genome of the strain. Do not include here literature linked to the identification and properties of thestrain. Include identifiers linking to a separate literature sheet in the same file. For publications indexed by Pubmed or having an official DOI number, collections should provide the relative identifiers, respectively PMIDs and DOIs.

## Aggiornamento del sito web MUT

Il contenuto del sito MUT è gestito tramite il seguente repository GitHub:

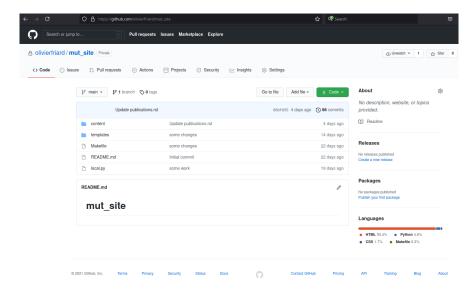
www.tucc-database.unito.it/new mut

La procedura per apportare modifiche o aggiunte al sito si articola in 2 fasi:

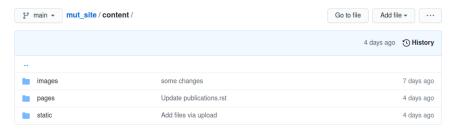
- 1. Modifica e/o aggiunta del contenuto sul repository GitHub
- 2. Generazione del sito

## Modifica / aggiunta del contenuto sul repository GitHub

• Collegarsi al repository GitHub: https://github.com/olivierfriard/mut\_site La pagina ha l'aspetto seguente, la parte centrale presenta un elenco di file.

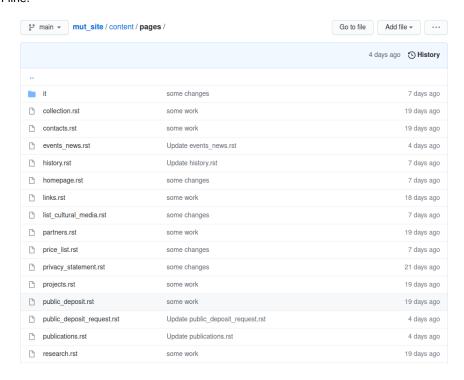


• Aprire la cartella content cliccando sopra



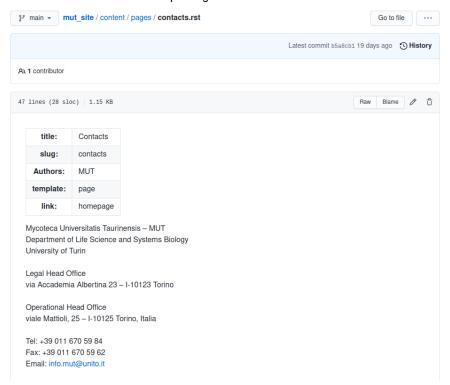
• Aprire la cartella pages cliccando sopra

La cartella **pages** presenta un elenco di file con l'estensione **.rst**. Questi file sono file di testo e possono essere editati direttamente on-line.

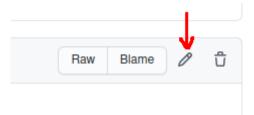


Edizione di un file .rst (sito web versione inglese)

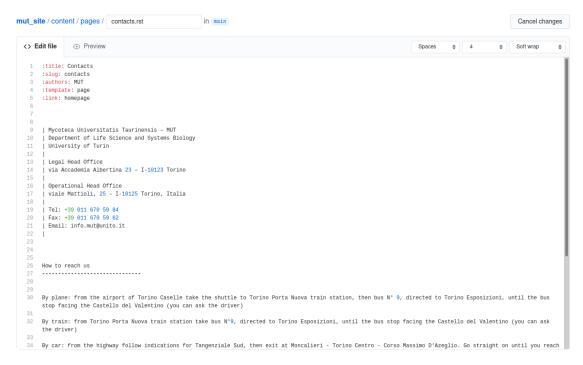
• Cliccare il sul file .rst desiderato. Nel esempio seguente il file contacts.rst verrà utilizzato.



· Cliccare sul pulsante Penna



La schermata presenta un editore che permette di modificare il file aperto (nel esempio seguente contacts.rst)



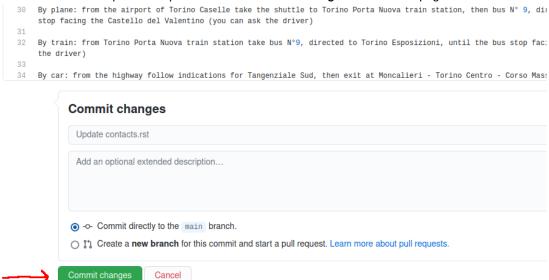
E' possibile modificare il testo e aggiungere o cancellare del testo già presente. Il formato utilizzato è il formato restructured text (rst). Permette di includere formatazione come grassetto, corsivo, elenchi puntati e immagini.

E' importante rispettare alcune regole:

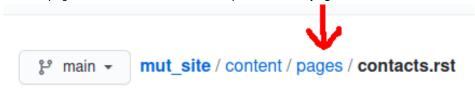
- le righe non possono commincino con uno spazio.
- Non modificare le parole chiavi (:title:, :slug:, :template: :link: ecc)

Per più informazione consultare per esempio il sito https://learnxinyminutes.com/docs/rst .

• Per salvare le modifiche premere il pulsante verde Commit changes in fondo alla pagina.

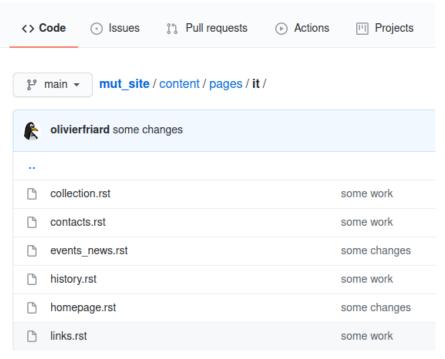


• Per ritornare alla pagina iniziale con l'elenco dei file premere il link pages



### Edizione di un file .rst (sito web versione italiana)

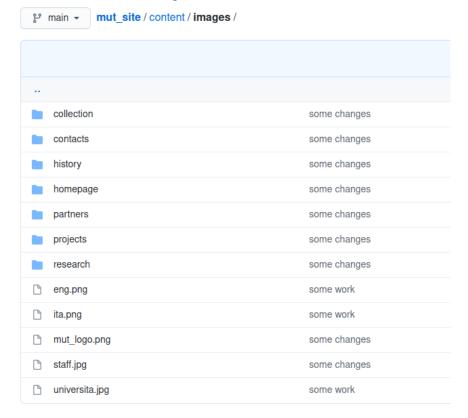
Per l'edizione delle pagine del sito web in italiano procedere come sopra modificando i file presenti nella cartella mut\_site / content / pages / it



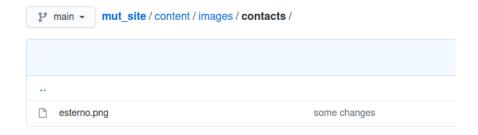
I file devono avere lo stesso nome di quelli della versione inglese.

### Inserire una immagine

• Aprire la cartella mut\_site / content / images

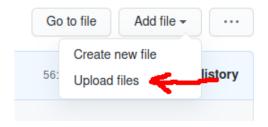


• Aprire la cartella corrispondente alla pagina desiderata. Ad esempio la cartella contacts



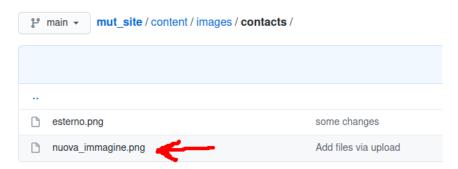
In questa cartella è presente una sola immagine esterno.png

• Aggiungere una nuova immagine cliccando sul pulsante Add file > Upload files



- Procedere all'upload del file contenente la nuova immagine.
- Premere il pulsante verde **Commit changes** in fondo alla pagina.

Il nuovo file compare nell'elenco dei file:



• Per aggiungere l'immagine sulla pagina ritornare all'edizione del file **contacts.rst** (vedere il capitolo **Edizione di un file .rst**):



• Inserire il codice seguente nel testo dove si vuole inserire la nuova immagine:

```
.. image:: {static}/images/contacts/nuova_immagine.png
:alt: vista dell'ortobotanico
:align: center
```

#### dove:

- nuova\_immagine.png è il nome del file contenente l'immagine
- center è la posizione dell'immagine nella pagina (i valori permessi sono: left, center, right)
- vista dell'ortobotanico è la descrizione dell'immagine per l'accessibilità

```
<> Edit file
               Preview
     :title: Contacts
     :slug: contacts
     :authors: MUT
     :template: page
     :link: homepage
     .. image:: {static}/images/contacts/nuova_immagine.png
         :alt: vista dell'ortobotanico
         :align: center
13
     | Mycoteca Universitatis Taurinensis - MUT
       Department of Life Science and Systems Biology
     | University of Turin
       Legal Head Office
       via Accademia Albertina 23 - I-10123 Torino
19
20
     | Operational Head Office
21
     | viale Mattioli, 25 - I-10125 Torino, Italia
22
     | Tel: +39 011 670 59 84
23
     | Fax: +39 011 670 59 62
24
25
     | Email: info.mut@unito.it
26
27
28
29
30
     How to reach us
31
32
33
     By plane: from the airport of Torino Caselle take the shuttle to Torino Porta Nuova tra
     stop facing the Castello del Valentino (you can ask the driver)
```

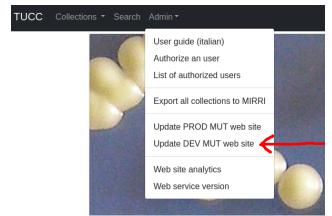
• Premere il pulsante verde Commit changes in fondo alla pagina.

#### Generazione del sito

• Per rigenerare il sito collegarsi alla pagina www.tucc-database.unito.it

#### Generazione del sito di test (DEV)

• Menù Admin > Update DEV MUT site



Se il sito è stato correttamente generato comparirà un messaggio con sfondo verde:



Nel caso contrario verrà riportato un elenco di errori su sfondo **rosso** 

Verificare che il sito di test generato non comporti errori collegandosi alla pagina http://www.tucc-database.unito.it:8080/new\_mut

Se il sito non comporta errori, procedere con la generazione del sito.

#### Generazione del sito

• Menù Admin > Update PROD MUT site

I messaggi sono identici a quelli della generazione del sito di test (DEV).