Statystyczna analiza danych Laboratorium nr 6

30.05.2023

Spis treści

1	Zas	tosowanie ANOVA - Wybór cech	1
	1.1	Problem wielokrotnych porównań	4
	1.2	Przykład	2
	1.3	Porównanie kilku grup na jednym wykresie	•
2	Tes	t Kruskala-Wallisa	•

1 Zastosowanie ANOVA - Wybór cech

ANOVA można zastosować do wyboru cech, badając związek między zmiennymi predykcyjnymi (cechami) a zmienną docelową. Obliczając statystykę F i powiązaną wartość p dla każdej cechy, można określić, czy istnieje statystycznie istotna zależność między cechą a zmienną przewidywaną.

W kontekście wyboru cech, ANOVA jest zwykle używana do wybierania cech numerycznych, gdy zmienna przewidywana jest kategoryczna. Pomaga zidentyfikować cechy, które mają znaczący wpływ na zmienną docelową i może być wykorzystana do odfiltrowania cech nieistotnych lub nie-informacyjnych.

Ogólna procedura korzystania z ANOVA do wyboru cech obejmuje następujące kroki:

- Oblicz statystykę ANOVA (statystyka F) i powiązaną wartość p dla każdej cechy.
- 2. Ustaw poziom istotności (np. 0,05), aby określić próg istotności statystycznej.
- 3. Wybierz cechy, które mają wartości p poniżej wybranego poziomu istotności.
- 4. Użyj wybranych cech do dalszej analizy lub budowy modelu.

Należy zauważyć, że ANOVA zakłada pewne założenia dotyczące danych, takie jak normalność i jednorodność wariancji. Jeśli te założenia zostaną naruszone, konieczne mogą być alternatywne metody lub transformacje. Ponadto ANOVA jest bardziej odpowiednia dla liniowych zależności między cechami a zmienną docelową, więc może nie być najlepszym wyborem dla złożonych lub nieliniowych zależności. W takich przypadkach bardziej odpowiednie mogą być inne metody selekcji cech, takie jak wzajemna informacja lub rekurencyjna eliminacja cech.

1.1 Problem wielokrotnych porównań

Problem porównań wielokrotnych – w statystyce zjawisko występujące przy dokonywaniu estymacji lub weryfikacji hipotez statystycznych polegające na zwiększonym ponad nominalny poziom istotności ryzyku omyłkowego przyjęcia fałszywej hipotezy alternatywnej (popełnienia błędu I rodzaju) przy wykonywaniu wielu porównań tej samej grupy (rodziny) hipotez jednocześnie. Przynajmniej jeden z testów może przypadkiem, dzięki losowej zmienności prób, przekroczyć próg istotności.

Przykładowo, choć w rzeczywistości w populacji badane zjawisko nie występuje w żadnym stopniu, badacz, który wykona kilkaset porównań bez odpowiedniej poprawki w podgrupach według płci, wieku, wykształcenia, klasy socjoekonomicznej, miejsca zamieszkania – np. w modelu 2 płcie × 5 grup wiekowych × 5 grup wykształcenia × 3 klasy socjoekonomiczne × 3 typy miejsca zamieszkania, co daje 450 porównań – znajdzie praktycznie na pewno bardzo wiele przypadkowo istotnych statystycznie różnic. Nawet jeśli badane zjawisko rzeczywiście istnieje, zaburzona kontrola błędu I rodzaju powoduje przeszacowywanie jego wielkości efektu.

Jedną z metod kontroli błędu I rodzaju w rodzinie testów jest procedura Benjaminiego-Hochberga.

1.2 Przykład

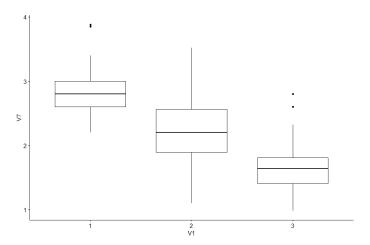
Załóżmy, że zmienna data zawiera dane o n cechach (kolumnach) i m obserwacjach (wierszach) oraz, że zmienna zależna (odpowiedzi) nazywa się target (i stanowi "n plus pierwszą" kolumnę w ramce).

```
1 # Liczba cech - odejmujemy ostatnia kolumne ze zmienna odpowiedzi
2 n <- ncol(data) - 1</pre>
4 # Stworz puste wektory do przechowywania p-wartosci oraz skorygowanej p
     -wartosci
5 p_values <- vector(mode = "numeric", length=n)</pre>
6 adjusted_p_values <- vector(mode = "numeric", length=n)</pre>
# Przeprowadz testy ANOVA oraz oblicz p-wartosc dla kazdej cechy
9 for (i in 1:n) {
      anova_result <- anova(lm(data[,i] ~ data[,target]))</pre>
      p_values[i] <- anova_result$`Pr(>F)`[1] # wyciagniecie p-wartosci
     z tablicy ANOVA
 }
12
# Korekcja metoda Benjamini-Hochberg'a
adjusted_p_values <- p.adjust(p_values, method="BH")
# Wyswietlenie wynikow
18 for (i in 1:length(adjusted_p_values)) {
      cat("Feature ", names(data)[i], ": P-value = ", p_values[i], ",
19
     Adjusted p-value = ", adjusted_p_values[i], "\n")
20 }
```

summary(aov(...)) oraz anova(lm(...)) dają tożsame wyniki, ale na wynikach tej drugiej konstrukcji łatwiej operować.

1.3 Porównanie kilku grup na jednym wykresie

```
1 > library("ggpubr")
2 > ggboxplot(wine, x="V1", y="V7")
```



Zadanie nr 1

- Załóżmy, że zbiór iris spełnia założenia testu ANOVA.
- Za pomocą testu ANOVA zidentyfikuj, które ze zmiennych byłyby dobrymi predyktorami w modelu klasyfikacyjnym oraz w jakiej kolejności (im mniejsza p-wartość, tym lepszy predyktor). Przyjmij pozom istotności $\alpha = 0.05$.
- Pamiętaj o korekcji błędu I rodzaju.
- Dla każdego z wybranych predyktorów stwórz wykres pudełkowy porównujący rozkłady zmiennej w grupach.

2 Test Kruskala-Wallisa

Istnieje nieparametryczna wersja testu ANOVA nazywająca się testem Kruskala-Wallisa. Test Kruskala-Wallisa jest używany gdy założenia normalności lub jednorodności wariancji nie są spełnione lub gdy dane są porządkowe lub rangowe. Test Kruskala-Wallisa weryfikuje istnienie istotnych różnic pomiędzy medianami dwóch lub więcej niezależnych grup.

- Hipoteza zerowa H_0 : Nie ma istotnych różnic pomiędzy medianami w grupach.
- Hipoteza alternatywna H_a : Mediana co najmniej jednej grupy istotnie różni się od pozostałych.
- Interpretacja: Jeżeli wartość p jest mniejsza niż poziom istotności, możemy stwierdzić, że istnieją istotne różnice między grupami.

Test można wykonać za pomocą funkcji kruskal.test() w następujący sposób: kruskal.test(cecha ~ grupa, dane = moje_dane)

Zadanie nr 2

- Pobierz zbiór do klasyfikacji win https://archive.ics.uci.edu/ml/machine-learning-databases/wine/ opik wine.data zawiera dane, natomiast plik wine.names zawiera opis zmiennych. Zidentyfikuj w danych zmienną (kolumnę) odpowiadającą gatunkowi wina oraz zmienne odpowiadające cechom.
- Zidentyfikuj za pomocą właściwego testu, które z tych zmiennych byłyby dobrymi predyktorami w modelu klasyfikacyjnym na poziomie istotności $\alpha=0.05$.
 - Pamiętaj o sprawdzeniu założeń.
 - Pamiętaj o korekcji błędu I rodzaju.