## Jutge.org

The Virtual Learning Environment for Computer Programming

Control C302E P50279\_ca

Les sequències d'àcid nucleïc són cadenes compostes amb les bases adenina (A), tiamina (T), citosina (C) i guanina (G). La base complementària de l'adenina és la tiamina, la de la citosina és la guanina, i viceversa en ambdós casos.

Feu un programa que donada una seqüència d'àcid nucleïc, n'escrigui la seqüència complementària a partir de la primera aparició del patró *TAG*.

Per exemple, donada la sequència GATAGATAGGCCAGCCT, cal escriure TATCCGGTCGGA.

El vostre programa ha de definir i utilitzar la funció

char complement(char c);

que, donada una base, retorna la seva base complementària.

## **Entrada**

L'entrada és una cadena de com a mínim 3 caràcters A, C, T, o G.

## Sortida

TAG

La sortida és una línia amb la seqüència complementària de la seqüència d'entrada a partir de la primera aparició del patró *TAG*. Si *TAG* no apareix a l'entrada, només cal escriure una línia buida.

Exemple d'entrada 1	Exemple de sortida 1
GATAGATAGGCCAGCCT	TATCCGGTCGGA
Exemple d'entrada 2	Exemple de sortida 2
TATAGTAG	ATC
Exemple d'entrada 3	Exemple de sortida 3
CGTACCATGGG	
Exemple d'entrada 4	Exemple de sortida 4

## Informació del problema

Autor : Professorat de P1 Generació : 2013-12-09 16:43:24

© *Jutge.org*, 2006–2013. http://www.jutge.org