**Anexo 5**

**Tabla 5**. Resultados del ajuste de los modelos filogenéticos mixtos y su comparación según el criterio de desviación (DIC). b0 y bi: interceptos de los modelos generales y aleatorios (por Orden taxonómico), respectivamente; B1 y Bi: pendientes de los modelos generales y aleatorios (por Orden taxonómico),respectivamente. pMCMC indica la probabilidad de que el efecto fijo no difiere de 0 es, siendo modelos probables (significativos en términos frecuentistas) aquellos con pMCMC < 0.05. Variables definidas en el texto principal.

