0.1. Guía de uso

La siguiente guía de uso abarca todos los apartados de la aplicación y describe sus funcionalidades, las cuales permiten realizar un estudio sobre las resistencias microbacterianas.

A continuación recorreremos todas las pestañas presentes en la aplicación.

Carga de ficheros

Para iniciar el estudio, primero, es necesario cargar los datos al sistema. Debes subir un archivo Excel y este debe contener las siguientes hojas:

- Ocupacion: contiene el nivel de ocupación del hospital cada mes, es decir, la cantidad de pacientes ingresados.
- ConsumosDDDpor1000Estancias: incluye el consumo diario definido por cada 1000 estancias de cada medicamento suministrado en el centro.
- ResultadosSensibles: por cada tipo de bacteria y medicamento, contiene la cantidad de microorganismos resistentes al tratamiento dado.
- ResultadosResistentes: similar a la anterior, pero registra las observaciones de bacterias sensibles.
- DiccionarioConsumos: codificaciones de todos los antibióticos.
- DiccionarioResistencias: codificaciones de todas las bacterias.

En el repositorio donde se encuentra la aplicación encontrarás un ejemplo de estructura del archivo.

Una vez has subido el archivo puedes seleccionar qué tabla quieres visualizar.

Para finalizar este apartado, si los datos son los deseados, pulsa el botón *Usar datos*. Si después deseas eliminarlos, pulsa el botón *Borrar datos*.

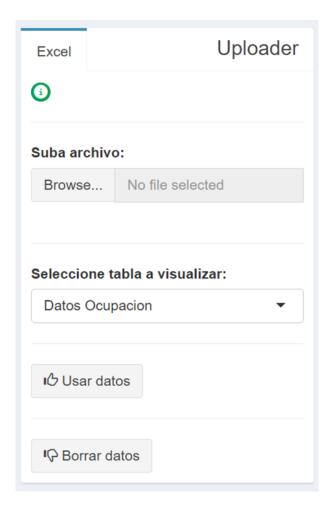


Figura 1: Guía de uso: Carga de ficheros

Datos iniciales

En el siguiente apartado se muestran varios descriptivos y gráficos de los datos.

Puedes seleccionar qué observaciones ver según bacteria y antibiótico.

Los listados de selección se generan a partir de los datos introducidos, por lo que estas viendo todos los datos disponibles en tu tabla.

En el caso que no existan observaciones para la combinación seleccionada, estas no se mostrarán en la tabla de descriptivos* y se indicará con un mensaje en los gráficos.

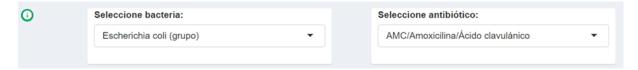


Figura 2: Guía de uso: Seleccionadores

En la tabla de descriptivos visualizarás un resumen de las siguientes variables:

- Cantidad de bacterias resistentes al antibiótico.*
- Cantidad de bacterias sensibles al antibiótico.*
- Cantidad de bacterias en la prueba con ese antibiótico.*
- Consumos DDD por 1000 estancias del antibiótico.
- Ocupación del hospital.

```
Descriptivos
Summary
                                     median
ecoAMC_res 1 177
ecoAMC_sen 2 177
                              9.26
                                      24.00
                      25.15
                      67.38 24.17
             3 177
                      92.53
                             28.39
                                      87.00
             4 177 22813.31 2354.53 22796.00
Ocupacion
             5 177
                    165.16 50.32 168.51
           trimmed
                      mad min
                                     max range
ecoAMC_res
             24.74
                      7.41
             65.83 22.24 10 127.00
91.45 28.17 20 158.00
ecoAMC_sen
total
Ocupacion 22804.86 2114.19 16303 29304.00 13001.00
            168.08 42.18
                           0
                                  271.81 271.81
            skew kurtosis
ecoAMC_res 0.51
                   0.72 0.70
ecoAMC_sen 0.55
                   -0.37
                           1.82
total
           0.33
                   -0.57
                          2.13
Ocupacion 0.01
                    0.16 176.98
AMC
           -0.84
                    1.50
                          3.78
```

Figura 3: Guía de uso: Summary datos iniciales

Después puedes visualizar varios gráficos. Estos son interactivos y ofrecen múltiples opcionalidades, como hacer zoom, seleccionar variables e incluso descargar la figura en formato PNG.

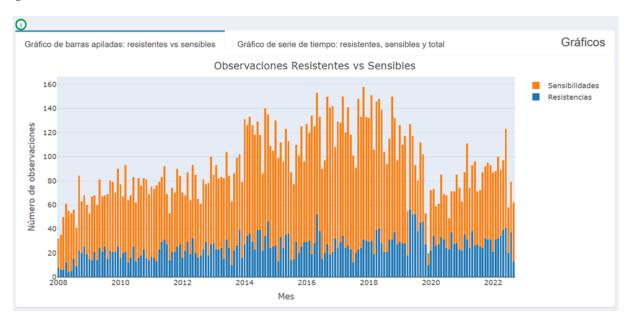


Figura 4: Guía de uso: Gráficos interactivos

Datos elaborados

En la siguiente pestaña se muestran varios gráficos de variables elaboradas. Estos se crearán a partir de la selección de bacteria y antibiótico que tienes disponible.



Figura 5: Guía de uso: Seleccionadores

En cuanto a los gráficos mostrados, primero encontramos el porcentaje de bacterias resistentes de la prueba respecto el total y segundo encontramos la tasa de infección por dosis.

Al igual que en la página anterior, puedes interaccionar con los gráficos.

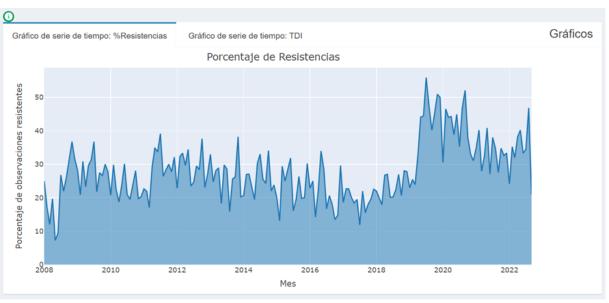


Figura 6: Guía de uso: Gráficos interactivos

Modelización

En este apartado se elaborarán varios modelos con el objetivo de obtener un modelo MARS válido. El proceso de exploración y modelización consta de las siguientes etapas:

Selección de variables a modelizar

Primero es necesario seleccionar las variables para usar en el modelo. Ten en cuenta que la variable respuesta será la utilizada a lo largo de toda la modelización. Después, se trabajará con los retardos deseados de cada variable para la parte explicativa.

Las variables se pueden seleccionar de dos maneras.

Por un lado, se pueden seleccionar a partir de las columnas presentes en las tablas de consumos y resistencias. Una vez seleccionado el modelo, haz clic en el botón *Usar modelo*.

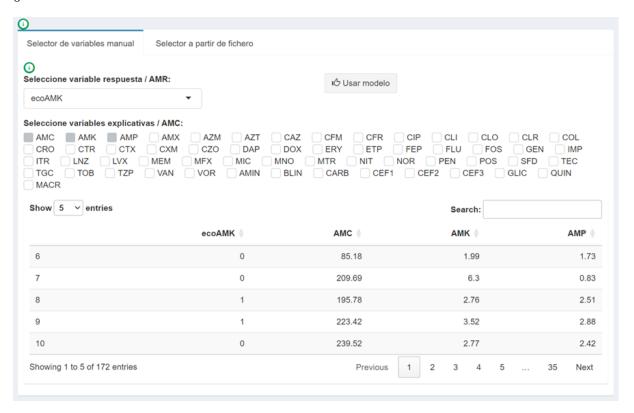


Figura 7: Guía de uso: Selector de variables manual

Por el otro lado, puedes utilizar las variables en modelos predefinidos. Para ello debes cargar un archivo en formato CSV. En este archivo, la primera fila debe contener la variable de respuesta y las filas siguientes deben incluir las variables explicativas, con cada columna representando un modelo. Si el archivo está correctamente formulado y las variables están presentes en la tabla cargada, el sistema lo procesará y mostrará los modelos disponibles. Una vez seleccionado el modelo, haz clic en el botón *Usar modelo*.

De este archivo también hay una muestra en el repositorio.

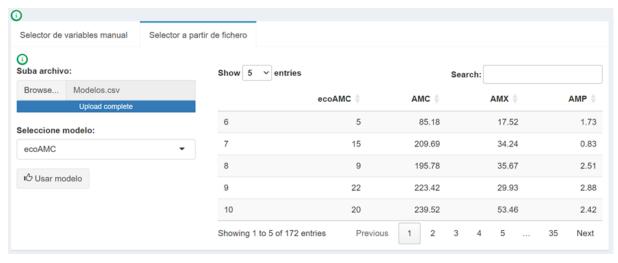


Figura 8: Guía de uso: Seleccionador a partir de fichero

A continuación podrás ver el gráfico de las series temporales:

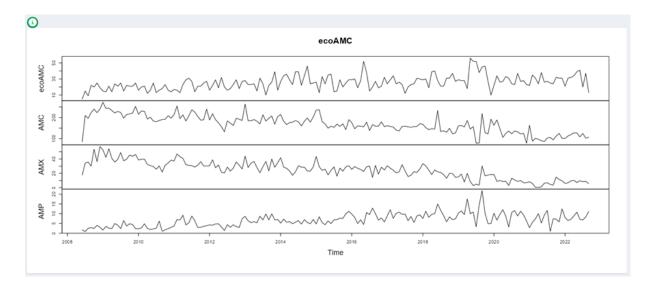


Figura 9: Guía de uso: Gráfico de series temporales

Exploración preeliminar

Así, una vez seleccionadas las variables puedes iniciar la fase de exploración preliminar de modelos.

En esta etapa debes seleccionar la cantidad de retardos AMR y AMC a ajustar en modelos lineales. Ten en cuenta que los retardos seleccionados de las variables AMC serán los utilizados en el resto del estudio.

Puedes indicar el número de retardos a calcular para cada variable y ajustar los modelos pulsando *Ajustar modelo*. También tienes la opción de quitar y recuperar el intercept del modelo pulsando el botón *intercept*.

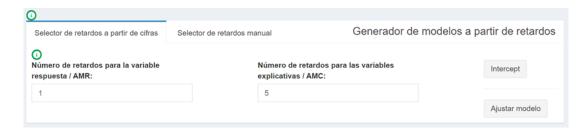


Figura 10: Guía de uso: Selector de retardos a partir de cifras

Por otro lado, también puedes seleccionar los retardos específicos a calcular y pulsar el botón *Ajustar modelo* cuando tengas la selección deseada. También tienes la opción de eliminar y recuperar el intercept del modelo pulsado el botón *intercept*.

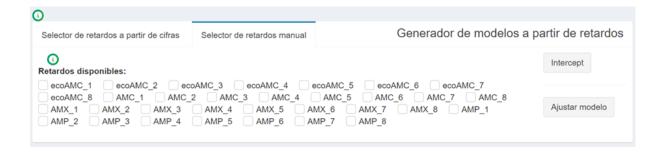


Figura 11: Guía de uso: Selector de retardos manual

A continuación se ajustan modelos lineales a partir de los retardos seleccionados.

Primero se muestra el modelo completo y segundo se muestra un modelo simplificado.



Figura 12: Guía de uso: Ajuste del Modelo Lineal completo preliminar

El modelo simplificado esta construido mediante el método *stepwise* y puedes escoger el criterio de selección que este usará.



Figura 13: Guía de uso: Ajuste del Modelo Lineal simplificado preliminar

Por último, puedes validar los modelos mediante los siguientes gráficos:

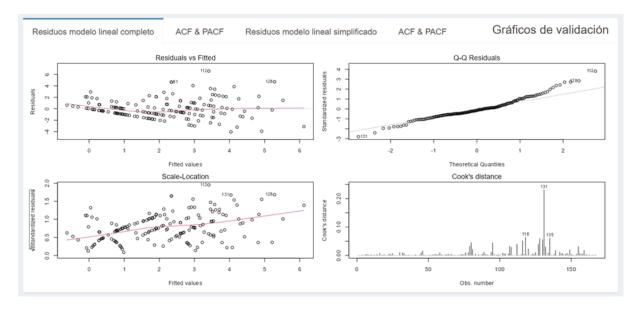


Figura 14: Guía de uso: Validación modelos preliminares

Selección retardos AMC

Una vez exploradas las variables y sus retardos, a partir de los modelos previamente ajustados, selecciona que retardos quieres usar para el resto del estudio. Puedes seleccionar los del modelo completo o los resultantes del método *stepwise*. Ten en cuenta que estos retardos serán los introducidos en los modelos ARMAX y MARS.



Figura 15: Guía de uso: Seleccionador de variables AMC

Ajuste del modelo ARMAX

Con el objetivo de conocer que retardos AMR usar se ajusta un modelo ARMAX. Este se construye a partir de la función *auto.arima()*. Por lo tanto, puedes indicar al procedimiento los valores máximos de cada parámetro. Después de esta selección se muestran el modelo ajustado y los t-ratios.

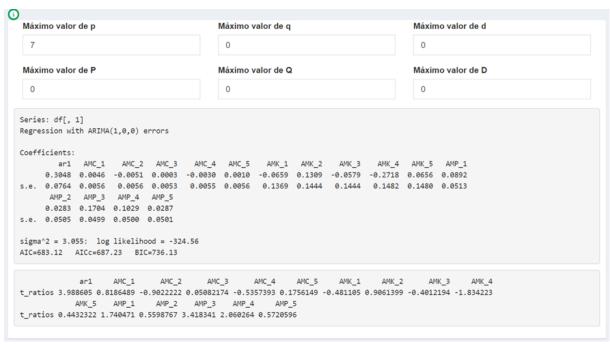


Figura 16: Guía de uso: Selector de parámetros y ajuste del modelo ARMAX

A continuación se ajustan los modelos lineales a partir de las variables presentes en el modelo ARMAX.

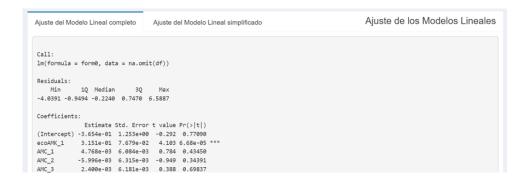


Figura 17: Guía de uso: Ajuste del modelo lineal completo y simplificado

Después puedes validarlos gráficamente:

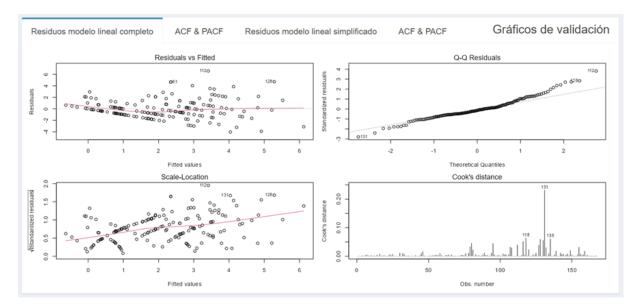


Figura 18: Guía de uso: Validación modelos ARMAX

Ajuste del modelo MARS

Una vez seleccionadas todas las variables para la parte explicativa se modeliza un MARS.

Primero se muestra el output del procedimiento:

```
(1)
   Call: earth(formula=form3, data=na.omit(df), pmethod="exh", trace=4, nprune=np, nfold=1, nk=ng, minspan=ms,
               linpreds=paste0(AMR,"_",1:p))
   x[167,3]:
                  AMP_1 AMP_3
                0.83000 2.880
                2.51000 2.420
   3
                2.88000 4.030
                2.42000 3.050
   167
              0 10.79035 6.762
   y[167,1]:
   2
   3
   167
   Linear predictors 1=ecoAMK_1
   Forward pass: minspan 50 endspan 8
                                       x[167,3] 3.91 kB
```

Figura 19: Guía de uso: Output del modelo MARS

Y después se muestran varios gráficos de utilidad para validar e interpretar el modelo.

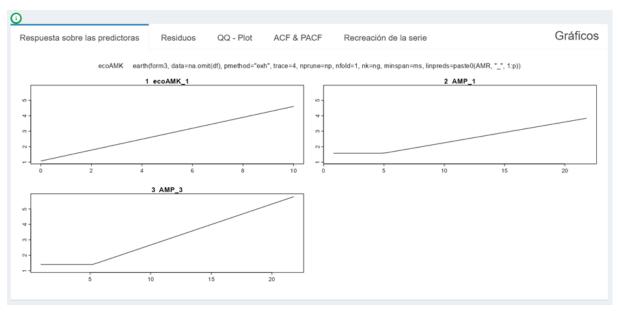


Figura 20: Guía de uso: Validación e Interpretación modelo MARS

Descarga de outputs

Por último, pulsando el siguiente botón puedes descargar todos los outputs en formato PDF.

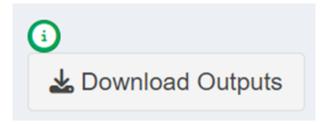


Figura 21: Guía de uso: Botón de descarga