Spearman correlation between alignment, structure, and network scores 0.19 0.38 -0.01 -0.01 0.02 -0.06 0.29 0.58 0.24 0.28 0.34 0.31 0.11 0.17 0.16 0.07 0.04 0.07 0.07 0.08 0.05 0.04 0.04 0.02 0.20 0.20 0.20 0.07 0.02 dope score norm - 0.19 1.00 0.34 0.59 0.09 -0.08 0.07 0.18 0.22 0.30 0.43 0.24 0.20 0.25 0.31 0.20 0.24 0.24 0.24 0.24 0.24 0.17 0.15 0.16 0.16 0.15 0.11 0.04 0.12 0.09 0.16 0.13 0.09 0.11 0.20 0.30 0.27 0.38 0.26 0.24 0.17 0.28 0.21 0.15 0.14 0.13 0.13 0.14 0.12 0.10 0.10 0.11 0.10 0.09 0.05 0.02 rosetta score - -0.01 0.59 0.16 1.00 0.08 -0.11 0.02 0.20 0.18 0.29 0.28 0.16 0.07 0.14 0.15 0.16 0.15 0.15 0.11 0.11 0.07 0.07 0.07 0.07 0.07 0.06 0.09 0.03 -0.01 0.02 identity calc - 0.01 0.09 0.13 0.08 1.00 0.88 0.54 0.19 0.13 0.05 0.05 0.05 0.04 0.04 0.08 0.07 0.06 0.05 0.04 0.04 0.06 0.06 0.05 0.05 0.05 0.06 0.01 0.03 0.00 0.02 identity - 0.02 -0.08 0.09 -0.11 0.88 1.00 0.60 0.16 0.04 -0.03 -0.00 0.00 0.04 -0.01 0.06 0.04 0.00 -0.00 -0.00 -0.00 0.05 0.06 0.04 0.04 0.06 0.00 0.04 0.02 0.01 similarity --0.06 0.07 0.11 0.02 0.54 0.60 1.00 0.22 0.06 0.05 0.10 0.05 0.11 0.08 0.20 0.14 0.09 0.08 0.09 0.09 0.15 0.16 0.14 0.14 0.15 0.05 0.08 0.03 0.04 score - 0.29 0.18 0.20 0.20 0.19 0.16 0.22 1.00 0.68 0.07 0.17 0.10 0.10 0.07 0.14 0.07 0.06 0.05 0.09 0.09 0.07 0.06 0.09 0.09 0.05 0.08 0.11 0.12 0.12 sum probs - 0.58 0.22 0.30 0.18 0.13 0.04 0.06 0.68 1.00 0.15 0.23 0.17 0.16 0.09 0.14 0.09 0.07 0.06 0.10 0.10 0.07 0.04 0.08 0.08 0.03 0.11 0.11 0.10 0.08 ed53292 hm - 0.24 0.30 0.27 0.29 0.05 -0.03 0.05 0.07 0.15 1.00 0.69 0.73 0.52 0.35 0.44 0.64 0.35 0.29 0.19 0.20 0.27 0.27 0.15 0.15 0.15 0.21 0.37 0.26 -0.04 -0.04 6bbf5b7 hm - 0.28 0.43 0.38 0.28 0.05 -0.00 0.10 0.17 0.23 0.69 1.00 0.60 0.41 0.37 0.55 0.43 0.35 0.34 0.32 0.32 0.28 0.26 0.24 0.24 0.24 0.35 0.23 0.17 0.11 eead219 hm - 0.34 0.24 0.26 0.16 0.03 0.00 0.05 0.10 0.17 0.73 0.60 1.00 0.64 0.30 0.40 0.52 0.28 0.23 0.17 0.17 0.24 0.23 0.13 0.13 0.13 0.17 0.37 0.29 -0.01 -0.03 eead219 pdb - 0.31 0.20 0.24 0.07 0.04 0.04 0.11 0.10 0.16 0.52 0.41 0.64 1.00 0.24 0.69 0.77 0.23 0.18 0.12 0.12 0.41 0.39 0.27 0.27 0.34 0.30 0.38 -0.02 0.01 b3b5428 hm - 0.11 0.25 0.17 0.14 0.04 -0.01 0.08 0.07 0.09 0.35 0.37 0.30 0.24 1.00 0.26 0.27 0.74 0.72 0.81 0.81 0.50 0.45 0.47 0.47 0.43 0.36 0.23 0.19 0.12 6bbf5b7 pdb - 0.17 0.31 0.28 0.15 0.08 0.06 0.20 0.14 0.14 0.44 0.55 0.40 0.69 0.26 1.00 0.78 0.26 0.24 0.21 0.21 0.51 0.49 0.44 0.44 0.47 0.24 0.38 0.09 0.17 ed53292 pdb - 0.16 0.20 0.21 0.16 0.07 0.04 0.14 0.07 0.09 0.64 0.43 0.52 0.77 0.27 0.78 1.00 0.27 0.22 0.14 0.14 0.48 0.47 0.32 0.32 0.41 0.28 0.38 -0.05 -0.01 12645fd hm - 0.07 0.24 0.15 0.15 0.06 0.00 0.09 0.06 0.07 0.35 0.35 0.28 0.23 0.74 0.26 0.27 1.00 0.84 0.70 0.70 0.45 0.52 0.41 0.41 0.49 0.34 0.22 0.11 0.07 6c6leba hm - 0.04 0.24 0.14 0.15 0.05 -0.00 0.08 0.05 0.06 0.29 0.34 0.23 0.18 0.72 0.24 0.22 0.84 1.00 0.71 0.71 0.43 0.49 0.41 0.41 0.51 0.30 0.19 0.15 0.09 b077b14 hm - 0.07 0.24 0.13 0.11 0.04 -0.00 0.09 0.09 0.09 0.10 0.19 0.32 0.17 0.12 0.81 0.21 0.14 0.70 0.71 1.00 1.00 0.46 0.40 0.55 0.55 0.40 0.35 0.20 0.39 0.23 2c554af hm - 0.07 0.24 0.13 0.11 0.04 -0.00 0.09 0.09 0.09 0.10 0.20 0.32 0.17 0.12 0.81 0.21 0.14 0.70 0.71 1.00 1.00 0.46 0.40 0.55 0.55 0.40 0.34 0.20 0.39 0.23 b3b5428 pdb - 0.08 0.17 0.14 0.07 0.06 0.05 0.15 0.07 0.07 0.27 0.28 0.24 0.41 0.50 0.51 0.48 0.45 0.43 0.46 0.46 1.00 0.78 0.82 0.82 0.76 0.25 0.36 0.12 0.20 12645fd pdb - 0.05 0.15 0.12 0.07 0.06 0.06 0.16 0.06 0.04 0.27 0.26 0.23 0.39 0.45 0.49 0.47 0.52 0.49 0.40 0.40 0.78 1.00 0.74 0.74 0.74 0.87 0.23 0.35 0.07 0.13 b077b14 pdb - 0.04 0.16 0.10 0.07 0.05 0.04 0.14 0.09 0.08 0.15 0.24 0.13 0.27 0.47 0.44 0.32 0.41 0.41 0.55 0.55 0.82 0.74 1.00 1.00 0.75 0.22 0.35 0.25 0.40 2c554af pdb - 0.04 0.16 0.10 0.07 0.05 0.04 0.14 0.09 0.08 0.15 0.24 0.13 0.27 0.47 0.44 0.32 0.41 0.41 0.55 0.55 0.82 0.74 1.00 1.00 0.75 0.22 0.35 0.25 0.40 6c6leba pdb - 0.02 0.15 0.11 0.06 0.06 0.06 0.05 0.05 0.03 0.21 0.24 0.17 0.34 0.43 0.47 0.41 0.49 0.51 0.40 0.40 0.76 0.87 0.75 0.75 1.00 0.20 0.33 0.09 0.17 aad493f hm - 0.20 0.11 0.10 0.09 0.01 0.00 0.05 0.08 0.11 0.37 0.35 0.37 0.30 0.36 0.24 0.28 0.34 0.30 0.35 0.34 0.25 0.23 0.22 0.22 0.20 aad493f pdb - 0.20 0.04 0.09 0.03 0.03 0.04 0.08 0.11 0.11 0.26 0.23 0.29 0.38 0.23 0.38 0.38 0.22 0.19 0.20 0.20 0.36 0.35 0.35 0.35 0.35 0.35 1.00 0.14 0.31 b5470ad hm - 0.07 0.12 0.05 -0.01 0.00 0.02 0.03 0.12 0.10 -0.04 0.17 -0.01 -0.02 0.19 0.09 -0.05 0.11 0.15 0.39 0.39 0.12 0.07 0.25 0.25 0.09 0.30 0.14 1.00 0.51 b5470ad pdb - 0.02 0.09 0.02 0.02 0.02 0.01 0.04 0.12 0.08 -0.04 0.11 -0.03 0.01 0.12 0.17 -0.01 0.07 0.09 0.23 0.23 0.20 0.13 0.40 0.40 0.47 0.16 0.31 0.51

6362428 July boltola pato osaToad him osaToad palo rosetta score identity calc ed53292 Jun eeadlig polo ed53292 pdb 22645fd Jun bo17b1a,hm 2554at hm 6365A28 Palo 22645td Palo 2554at 9dio ocileba pab aada934 hin aada93t PdD gazan score Similarity eppt201 july eead219 Jun 6bbf5b7 pdb 66 jeba jiri identity sum probs score