Spearman correlation between alignment, structure, and network scores															
dope_score -	1.00	0.34	0.47	0.37	0.15	0.15	0.15	0.49	0.73	0.86	0.81	0.01	-0.00	-0.00	-0.01
dope_score_norm -	0.34	1.00	0.61	0.74	0.57	0.53	0.56	0.45	0.41	-0.07	-0.07	0.01	0.00	-0.01	-0.02
ga341_score -	0.47	0.61	1.00	0.56	0.52	0.51	0.51	0.51	0.52	0.23	0.23	0.01	0.00	-0.01	-0.01
rosetta_score -	0.37	0.74	0.56	1.00	0.67	0.63	0.64	0.57	0.54	0.03	0.03	0.01	0.01	-0.02	-0.02
identity_calc -	0.15	0.57	0.52	0.67			0.94	0.64	0.47	-0.10	-0.10	0.02	0.02	-0.01	-0.01
identity -	0.15	0.53	0.51	0.63			0.95	0.64	0.45	-0.07	-0.10	0.02	0.02	-0.01	-0.01
similarity -	0.15	0.56	0.51	0.64	0.94	0.95	1.00	0.64	0.46	-0.08	-0.12	0.02	0.02	-0.01	-0.00
score -	0.49	0.45	0.51	0.57	0.64	0.64	0.64	1.00	0.82	0.33	0.28	0.02	0.02	-0.00	-0.01
sum_probs -	0.73	0.41	0.52	0.54	0.47	0.45	0.46	0.82		0.58	0.55	0.01	0.01	-0.01	-0.01
query_match_length -	0.86	-0.07	0.23	0.03	-0.10	-0.07	-0.08	0.33	0.58	1.00	0.93	0.01	0.01	0.00	0.00
template_match_length -	0.81	-0.07	0.23	0.03	-0.10	-0.10	-0.12	0.28	0.55	0.93	1.00	0.01	0.00	0.00	0.00
dcn_old_0_pdb -	0.01	0.01	0.01	0.01	0.02	0.02	0.02	0.02	0.01	0.01	0.01	1.00	0.66	0.24	0.14
dcn_old_0_hm2 -	-0.00	0.00	0.00	0.01	0.02	0.02	0.02	0.02	0.01	0.01	0.00	0.66	1.00	0.13	0.16
9c5a963_pdb -	-0.00	-0.01	-0.01	-0.02	-0.01	-0.01	-0.01	-0.00	-0.01	0.00	0.00	0.24	0.13	1.00	0.70
9c5a963_hm2 -	-0.01	-0.02	-0.01	-0.02	-0.01	-0.01	-0.00	-0.01	-0.01	0.00	0.00	0.14	0.16	0.70	1.00
9c5a963_hm2 - స ^{్టర్} స్	score	John	score	score .x	 رها ^د ۲. ۱۲	entity	ilarity	score	probs	ength,	endth	2 by	hins	3 Pdb .3	hus
Pobe	i score	03341	, osetto	identil		Sil.	_	sum	probs Amatch	s match	gen dia	gen old?	octanic	octagio.	
0								gie.	Solar						