Sesión IV

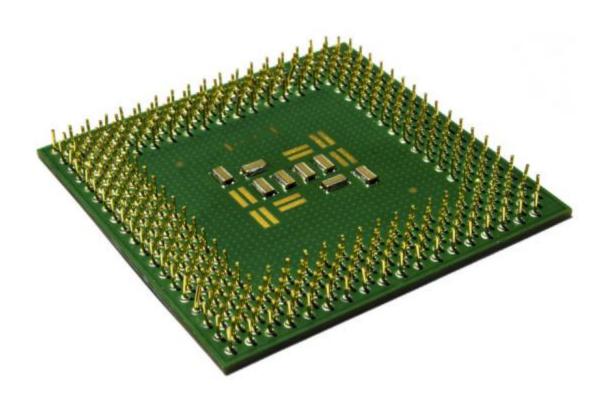
Diseños Box-Behnken y Diseños compuesto central

Optimización de la producción de biodiesel a partir de aceite de cocina residual





Recuperación de oro a partir de residuos de equipos eléctricos y electrónicos usando persulfato de amonio





Metodología de superficie de respuesta – Diseño Box-Behnken

Optimización de la producción de biodiesel a partir de aceite de cocina residual







Contents lists available at ScienceDirect

Process Safety and Environmental Protection



journal homepage: www.elsevier.com/locate/psep

Optimization of biodiesel production from the waste cooking oil using response surface methodology

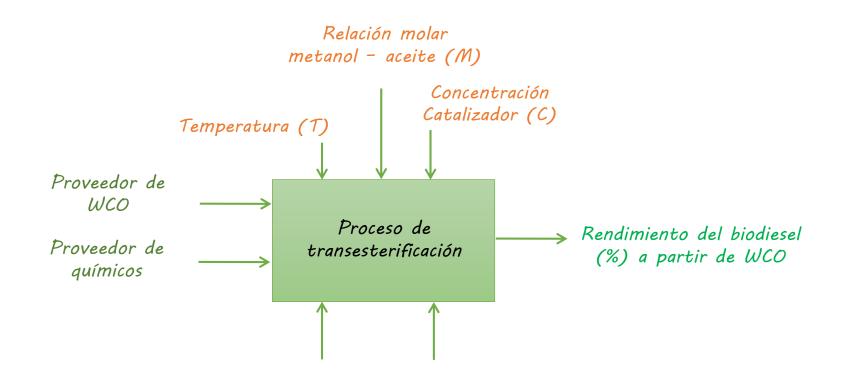


Hoda Hamze^a, Mandana Akia^{a,b,*}, Farshad Yazdani^{a,b}

^a Chemistry and Chemical Engineering Research Center of Iran (CCERCI), Tehran, Iran

^b Biofuel Research Team (BRT), Nanocatalyst Group, ABRII, Karaj, Iran

Objetivo: Investigar los efectos de los parámetros de operación principales del proceso de transesterificación: relación molar metanol –aceite, concentración del catalizador y temperatura de reacción en el rendimiento del biodiesel producido a partir del aceite de cocina.



Unidad experimental:_____

Modelos

Los modelos que se utilizan en la metodología de superficie de respuesta son básicamente polinomios. De esta manera, si se tienen k factores, el modelo de primer orden está dado por

$$y = \beta_0 + \beta_1 x_1 + \beta_2 x_2 + \dots + \beta_k x_k + \varepsilon = \beta_0 + \sum_{i=1}^{\kappa} \beta_i x_i + \varepsilon$$

y el modelo de segundo orden es

$$y = \beta_0 + \sum_{i=1}^{k} \beta_i x_i + \sum_{i=1}^{k} \beta_{ii} x_i^2 + \sum_{i < j} \beta_{ij} x_i x_j + \varepsilon$$

Técnica de optimización

La localización del candidato al punto óptimo (punto estacionario) se obtiene a través del análisis canónico que determina, de acuerdo a su signo, si el punto es un máximo, mínimo o punto de silla.

- 1. Si λ_i es positivo $\forall i$, el punto estacionario es un mínimo.
- 2. Si λ_i es negativo $\forall i$, el punto estacionario es un máximo.
- 3. Si hay ambos signos el punto estacionario es un punto silla.

Pruebas

Prueba 1: Bondad de ajuste

 H_0 : Modelo ajustado es una buena aproximación de la superficie respuesta en la región experimental

 H_a : Modelo ajustado **no** es una buena aproximación de la superficie respuesta en la región experimental

Prueba 2: Variabilidad explicada

$$H_0: \beta_1 = \beta_2 = 0$$

 $H_a: \beta_1 \neq \beta_2 \neq 0$

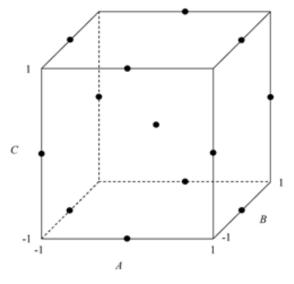
Diseños Box-Behnken

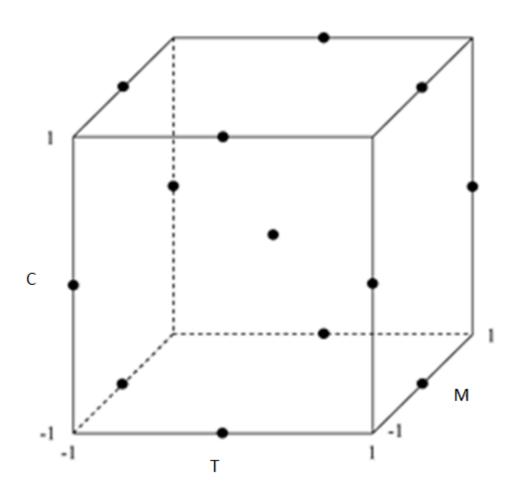
Este diseño se aplica cuando se tienen tres o más factores y suelen ser eficientes en cuanto al número de corridas.

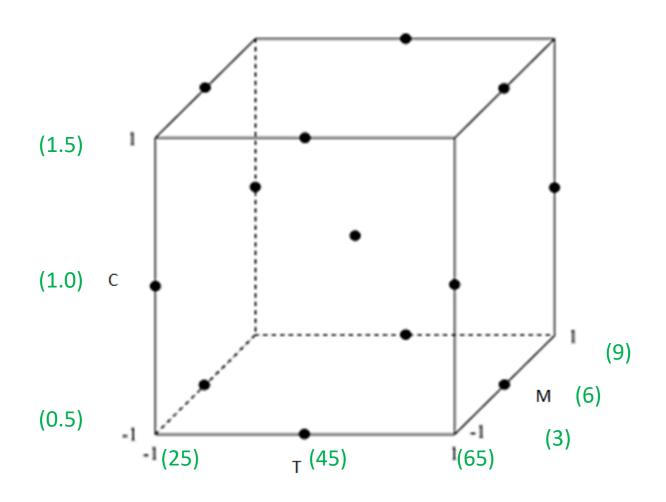
Es un diseño que se distingue porque no incluye como tratamientos los vértices de la región experimental.

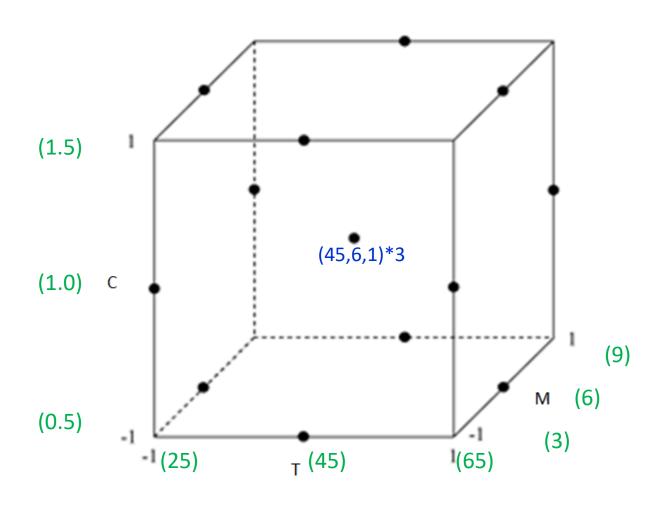
Los puntos de este diseño se ubican en medio de las aristas del cubo centrado en el origen y **no incluye los tratamientos de los vértices** como (1,1,1) y el (-1,-1,-1) **que en algunas situaciones experimentales resultan extremos y no se puede correr**.

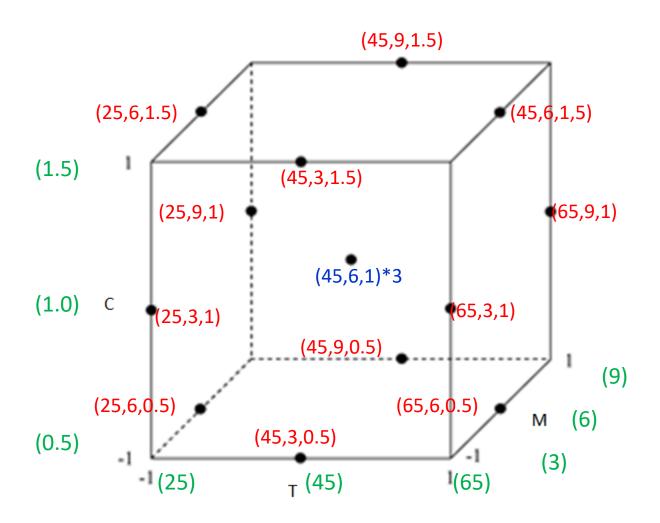
Run	Factors		
	A	В	C
1	-1	-1	0
2	-1	1	0
3	1	-1	0
4	1	1	0
5	-1	0	-1
6	-1	0	1
7	1	0	-1
8	1	0	1
9	0	-1	-1
10	0	-1	1
11	0	1	-1
12	0	1	1
13	0	0	0











Lectura de datos R

```
require(rsm)
datos2 <- coded.data(datos, x1 ~ (T-45)/20, x2 ~ (M-6)/3,x3 ~ (C-1)/0.5)
datos2fo.rsm <- rsm(Y ~ FO(x1,x2,x3), data = datos2)
summary(datos2fo.rsm)

Modelo de primer orden</pre>
```

```
Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
(Intercept) 71.9553 4.9437 14.5550 1.564e-08 ***
                                                                  Coeficientes de la regresión
            9.8225 6.7694 1.4510
                                      0.17469
\times 1
\times 2
          -5.8513 6.7694 -0.8644 0.40584
x3
           15.7113 6.7694 2.3209 0.04051 *
Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 '' 1
Multiple R-squared: 0.4283, Adjusted R-squared: 0.2723
F-statistic: 2.746 on 3 and 11 DF, p-value: 0.09344
Analysis of Variance Table
Response: Y
              Df Sum Sq Mean Sq F value Pr(>F)
                                                                   Prueba 2
FO(x1, x2, x3) 3 3020.5 1006.83 2.7464 0.093440
Residuals 11 4032.6 366.60
Lack of fit 9 4027.3 447.48 169.2862 0.005886
                                                                   Prueba 1
Pure error
                   5.3
                       2.64
```

```
require(rsm)
datos2 <- coded.data(datos, x1 ~ (T-45)/20, x2 ~ (M-6)/3,x3 ~ (C-1)/0.5)
datos2so.rsm <- rsm(Y ~ SO(x1,x2,x3), data = datos2)
summary(datos2so.rsm)

Modelo de segundo orden</pre>
```

```
Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
(Intercept) 89.5667
                       3.1427 28.4999 9.963e-07 ***
            9.8225
                       1.9245 5.1039 0.0037577 **
\times 1
            -5.8512 1.9245 -3.0404 0.0287377 *
x2
\times 3
            15.7113
                     1.9245 8.1638 0.0004482 ***
                                                                  Coeficientes de la regresión
      17.2950 2.7217 6.3546 0.0014257 **
x1:x2
          -10.0300 2.7217 -3.6853 0.0142156 *
x1:x3
                                                                  Niveles codificados
                    2.7217 4.3475 0.0073763 **
x2:x3
         11.8325
x1^2
        -4.9371
                       2.8328 -1.7428 0.1418259
x2^2
           -20.5746 2.8328 -7.2630 0.0007733 ***
x3^2
          -7.5096
                       2.8328 -2.6509 0.0453746 *
Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 '' 1
                                                                     Porcentaje de variabilidad
Multiple R-squared: 0.979, Adjusted R-squared:
                                                                     explicada por el modelo
F-statistic: 25.89 on 9 and 5 DF, p-value: 0.00113
Analysis of Variance Table
Response: Y
               Df Sum Sq Mean Sq F value Pr(>F)
              3 3020.50 1006.83 33.981 0.0009467
FO(x1, x2, x3)
                                                                   Prueba 2
TWI(x1, x2, x3) 3 2158.90 719.63 24.288 0.0020793
                          575.18 19.413 0.0034784
PQ(x1, x2, x3)
                3 1725.55
                5 148.15
Residuals
                           29.63
Lack of fit
                           47.62 18.015 0.0530471
                3 142.86
                                                                   Prueba 1
                            2.64
                     5.29
Rure error
```

```
catalizador acelera la velocidad de la
 Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
                                                                        reacción
                                                                                 del
                                                                                      proceso
(Intercept) 89.5667 3.1427 28.4999 9.963e-07 ***
                                                                        transesterificación, ya que tiene un
                                                                        efecto positivo (signo positivo).
            9.8225
                         1.9245 5.1039 0.0037577 **
\times 1
                     1.9245 -3.0404 0.0287377 *
            -5.8512
x2
x3
            15.7113
                      1.9245 8.1638 0.0004482 ****
                                                                     Coeficientes de la regresión
x1:x2
        17.2950 2.7217 6.3546 0.0014257 **
            -10.0300 2.7217 -3.6853 0.0142156 *
x1:x3
                                                                     Niveles codificados
x2:x3
           11.8325
                         2.7217 4.3475 0.0073763 **
x1^2
           -4.9371
                         2.8328 -1.7428 0.1418259
x2^2
            -20.5746 2.8328 -7.2630 0.0007733 ***
x3^2
           -7.5096
                         2.8328 -2.6509 0.0453746 *
Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 '' 1
                                                                         Porcentaje de variabilidad
Multiple R-squared: 0.979, Adjusted R-squared: 0.9412
                                                                         explicada por el modelo
F-statistic: 25.89 on 9 and 5 DF, p-value: 0.00113
Analysis of Variance Table
Response: Y
                Df Sum Sq Mean Sq F value Pr(>F)
               3 3020.50 1006.83 33.981 0.0009467
FO(x1, x2, x3)
                                                                       Prueba 2
               3 2158.90 719.63 24.288 0.0020793
TWI(x1, x2, x3)
                3 1725.55
                            575.18 19.413 0.0034784
PQ(x1, x2, x3)
                 5 148.15
Residuals
                            29.63
Lack of fit
                 3 142.86
                            47.62 18.015 0.0530471
                                                                       Prueba 1
                              2.64
                      5.29
Rure error
```

Un incremento en la concentración del

[,1] [,2] [,3]

x1 0.8822053 0.2381324 0.4062102 x2 0.2598733 0.4731629 -0.8417736 x3 -0.3926572 0.8481803 0.3555425



Punto estacionario

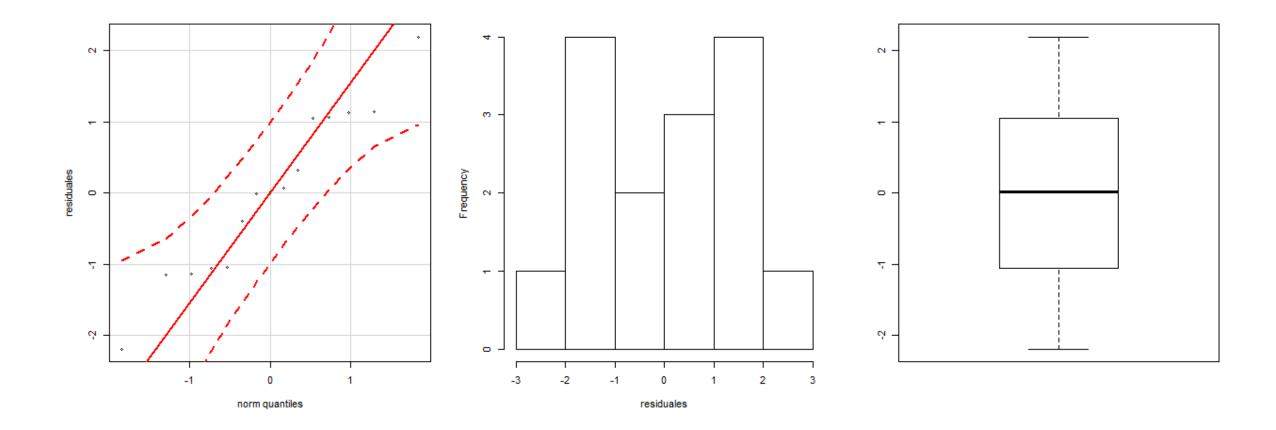


¿Mínimo, máximo o punto de silla?

Validación del modelo en R

```
# Normalidad
residuales <- rstandard(datos2so.rsm)
require(car)

par(mfrow=c(1,3))
qqPlot(residuales)
hist(residuales, main="")
boxplot(residuales)</pre>
```



shapiro.test(residuales)

```
ad.test(residuales)

Shapiro-Wilk normality test

data: residuales
W = 0.96097, p-value = 0.7093

Anderson-Darling normality test

data: residuales
A = 0.32684, p-value = 0.4817
```

```
require(lmtest)
bptest(datos2so.rsm)

require(lmtest)
dwtest(datos2so.rsm)

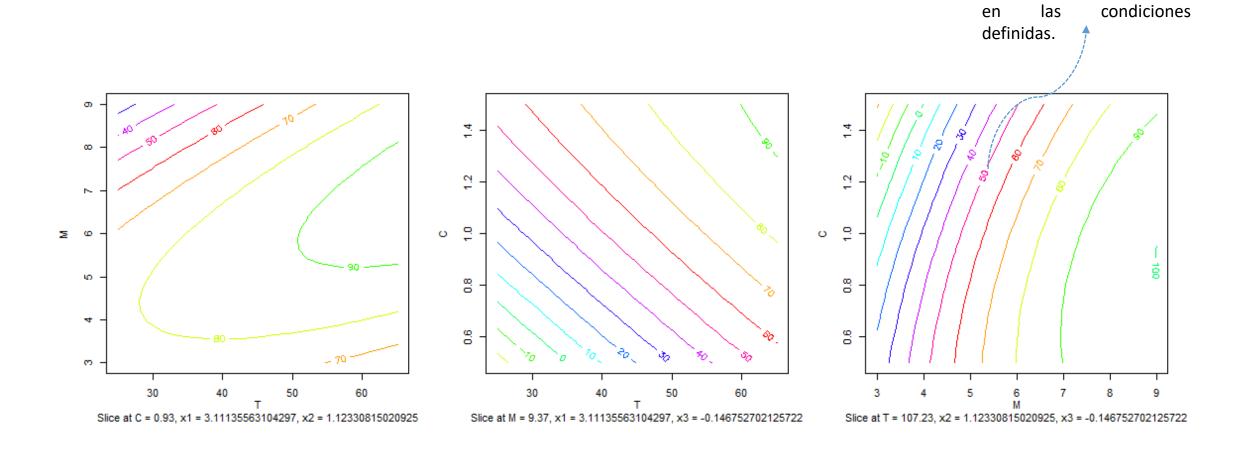
studentized Breusch-Pagan test
```

```
data: datos2so.rsm
BP = 14.96, df = 9, p-value = 0.09204

Durbin-Watson test

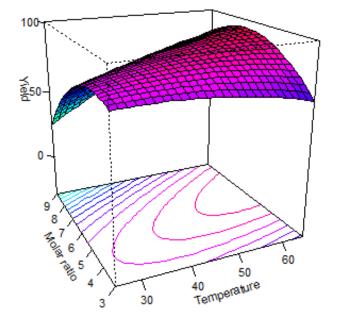
data: datos2so.rsm
DW = 2.2401, p-value = 0.5004
alternative hypothesis: true autocorrelation is greater than 0
```

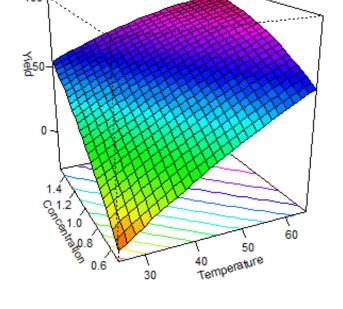
```
par (mfrow = c (1,3))
contour(datos2.rsm , ~ x1 + x2 + x3, at = xs(datos2.rsm), col = rainbow(10))
```

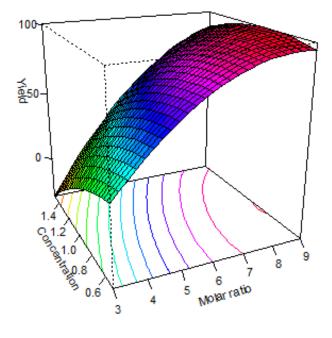


Rendimiento del biodiesel

```
persp(datos2.rsm, \sim x1 + x2 + x3, at = xs(datos2.rsm), contours = "col", col = rainbow(40), zlab = "Yield", xlabs = c("Temperature", "Molar ratio", "Concentration"))
```







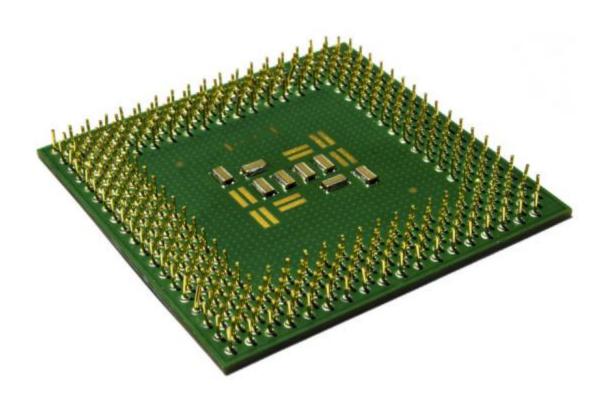
Slice at C = 0.93, x1 = 3.11135563104297, x2 = 1.12330815020925

Slice at M = 9.37, x1 = 3.11135563104297, x3 = -0.146752702125722

Slice at T = 107.23, x2 = 1.12330815020925, x3 = -0.146752702125722

Metodología de superficie de respuesta: Diseño compuesto central con puntos axiales - CCD

Recuperación de oro a partir de residuos de equipos eléctricos y electrónicos usando persulfato de amonio







Contents lists available at ScienceDirect

Waste Management

journal homepage: www.elsevier.com/locate/wasman



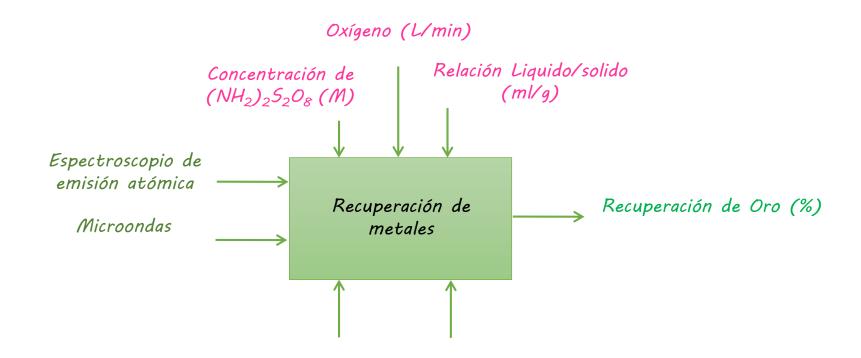
Recovery of gold from waste electrical and electronic equipment (WEEE) using ammonium persulfate

Andrea Alzate a,b,*, Maria Esperanza López a, Claudia Serna a

^a GIPIMME Research Group, Department of Materials Engineering, University of Antioquia, CL 67 53-108, Medellin, Colombia

^b Ingeniería, Suministros y Montajes S.A.S, INSUMON S.A.S, CL 36 36-9, Medellín, Colombia

Objetivo: Investigar los efectos de los parámetros de operación principales del proceso de recuperación de metales: concentración de $(NH_2)_2S_2O_8$ (M), oxígeno y relación líquido/solido en la recuperación de oro.



Unidad experimental: Procesador electrónico Intel Celeron o Intel Peintum de 5 x 5 cm²

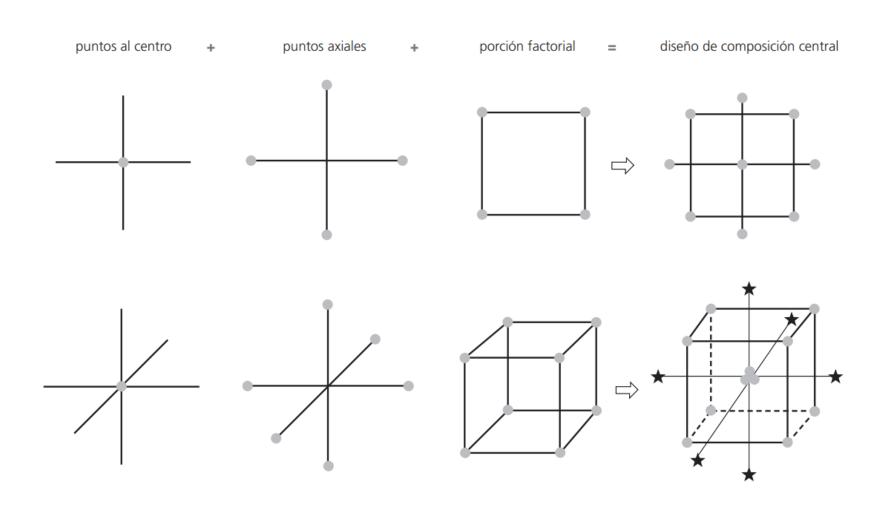
Diseños compuesto central (dos factores)

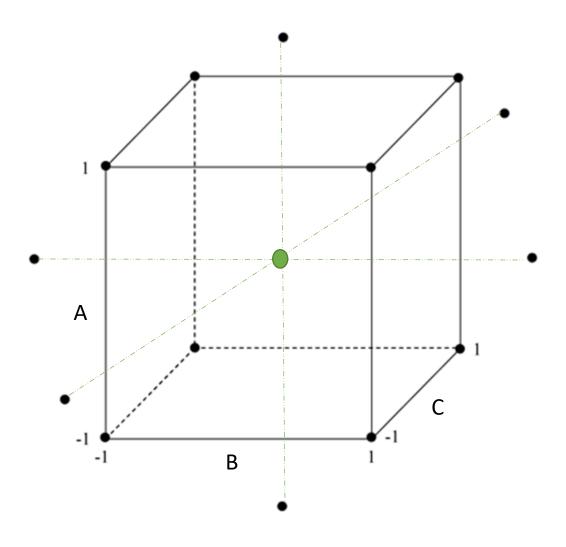
Este diseño es el más utilizado en la etapa de búsqueda de segundo orden debido a su gran flexibilidad, se puede construir a partir de un diseño factorial completo 2^k o fraccionado 2^{k-p} agregando puntos sobre los ejes y al centro.

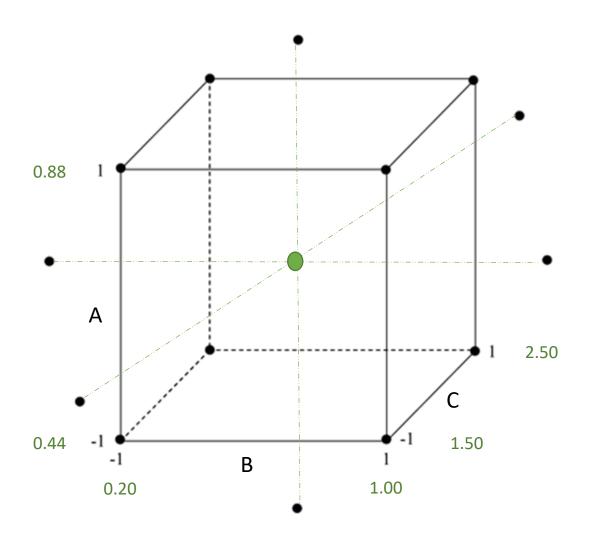
Este diseño se compone de tres tipos de puntos:

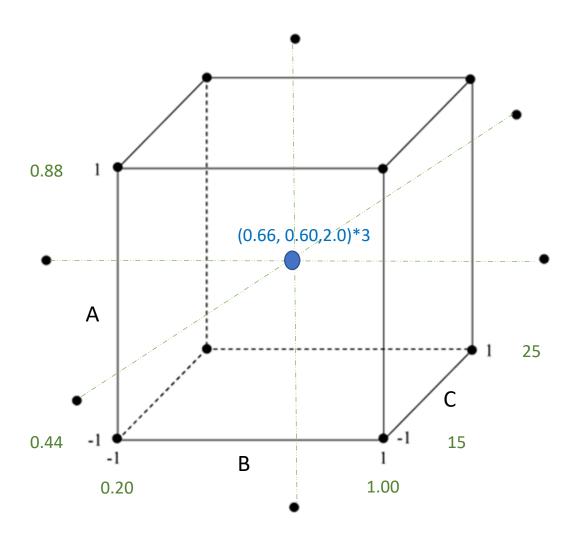
- 1. Una réplica de un diseño factorial en dos niveles, completo o fraccionado. A esta parte del diseño se le llama porción factorial.
- 2. n_0 puntos o repeticiones al centro del diseño, con $n_0 \ge 1$.
- 3. Dos puntos sobre cada eje a una distancia α del origen. Estos puntos se llaman porción axial.

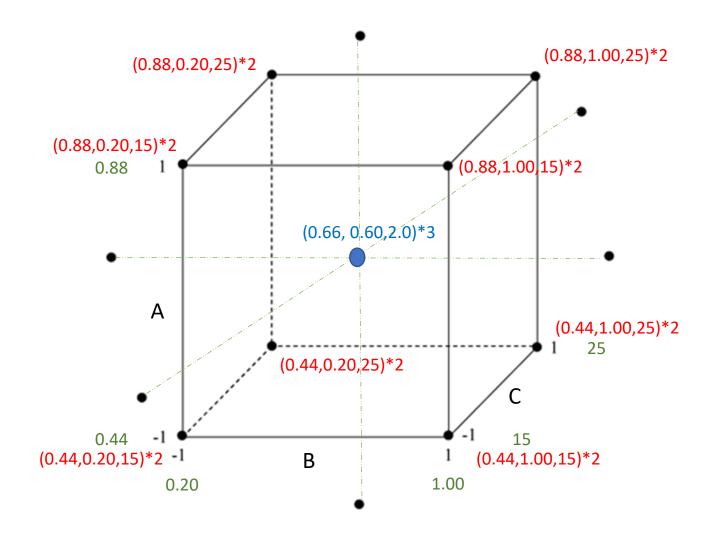
Diseño compuesto central para 2 y 3 factores

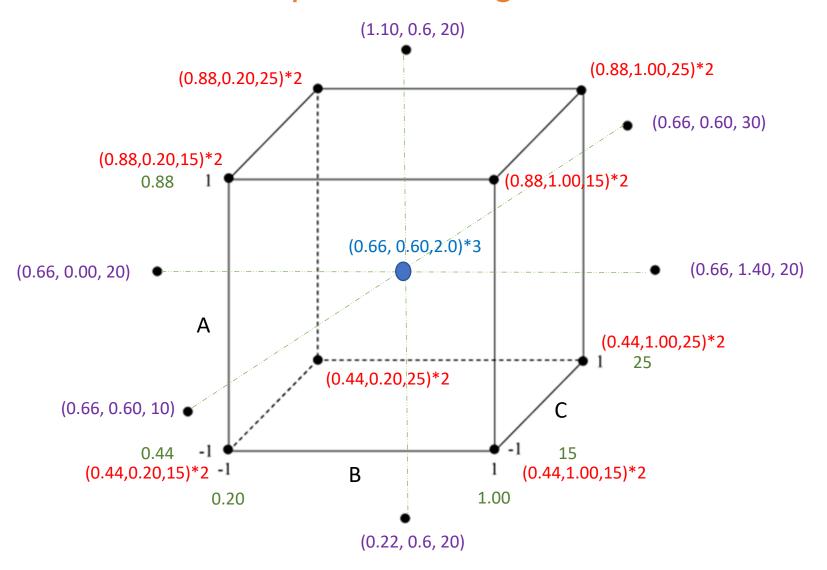










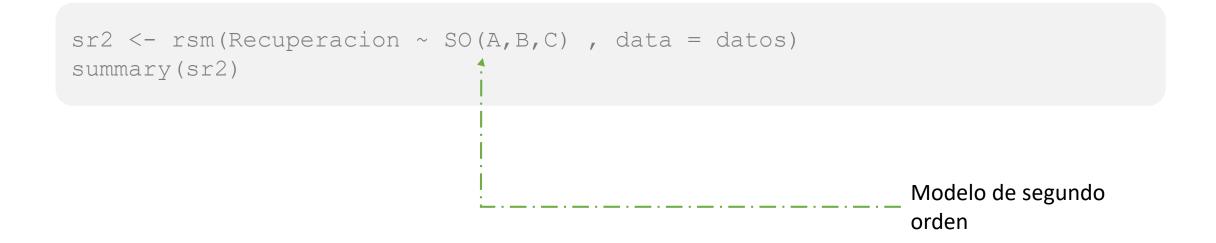


Lectura de datos R

```
require(rsm)
sr1 <- rsm(Recuperacion ~ FO(A,B,C), data = datos)
summary(sr1)

Modelo de primer orden</pre>
```

```
Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
(Intercept) 89.6412 1.0404 86.1586 < 2.2e-16 ***
                                                              Coeficientes de la regresión
            5.1046 1.0619 4.8071 9.463e-05 ***
A
                                                              Niveles codificados
            5.2654 1.0619 4.9586 6.610e-05 ***
            Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 '' 1
Multiple R-squared: 0.7496, Adjusted R-squared: 0.7139
F-statistic: 20.96 on 3 and 21 DF, p-value: 1.609e-06
Analysis of Variance Table
Response: Recuperacion
          Df Sum Sq Mean Sq F value Pr(>F)
                                                               Prueba 2
FO(A, B, C) 3 1701.69 567.23 20.960 1.609e-06
Residuals 21 568.30 27.06
                                                               Prueba 1
Lack of fit 11 559.56 50.87 58.224 1.462e-07
Pure error 10 8.74 0.87
```



```
Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
(Intercept) 98.771471
                     1.193864 82.7326 < 2.2e-16 ***
            A
            5.265417
                    0.449354 11.7177 5.980e-09 ***
В
            4.137917
                     0.449354 9.2086 1.462e-07 ***
                                                                Coeficientes de la regresión
           0.475625
                     0.550344 0.8642
                                        0.4011
A:B
                                                                Niveles codificados
A:C
          0.069375
                     0.550344 0.1261
                                        0.9014
          -3.149375 0.550344 -5.7226 4.037e-05 ***
B:C
A^2
          -3.106066 0.499429 -6.2192 1.643e-05 ***
          -3.481066 0.499429 -6.9701 4.499e-06 ***
B^2
          -2.923566 0.499429 -5.8538 3.172e-05 ***
C^2
Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 '' 1
                                                                 Porcentaje de variabilidad
Multiple R-squared: 0.968, Adjusted R-squared: 0.9488
                                                                 explicada por el modelo
F-statistic: 50.38 on 9 and 15 DF, p-value: 1.367e-09
Analysis of Variance Table
Response: Recuperacion
            Df Sum Sq Mean Sq F value
                                     Pr(>F)
FO(A, B, C) 3 1701.69 567.23 117.05 1.247e-10
                                                                 Prueba 2
TWI(A, B, C) 3 162.39
                       54.13 11.17 0.0004153
PQ(A, B, C)
           3 333.21
                       111.07
                               22.92 7.436e-06
Residuals
         15 72.69
                       4.85
Lack of fit 5 63.95
                       12.79 14.64 0.0002512
                                                                 Prueba 1
           10
               8.74
                        0.87
Pure error
```

```
Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
(Intercept) 98.771471
                    1.193864 82.7326 < 2.2e-16 ***
           A
           В
           4.137917
                    0.449354 9.2086 1.462e-07 ***
                                                             Coeficientes de la regresión
           0.475625
                     0.550344 0.8642
                                      0.4011
A:B
                                                             Niveles codificados
A:C
          0.069375
                    0.550344 0.1261
                                      0.9014
          -3.149375 0.550344 -5.7226 4.037e-05 ***
B:C
A^2
         -3.106066 0.499429 -6.2192 1.643e-05 ***
          -3.481066 0.499429 -6.9701 4.499e-06 ***
B^2
          -2.923566 0.499429 -5.8538 3.172e-05 ***
C^2
Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 '' 1
                                                              Porcentaje de variabilidad
Multiple R-squared: 0.968, Adjusted R-squared: 0.9488
                                                              explicada por el modelo
F-statistic: 50.38 on 9 and 15 DF, p-value: 1.367e-09
Analysis of Variance Table
Response: Recuperacion
           Df Sum Sq Mean Sq F value
                                   Pr(>F)
FO(A, B, C) 3 1701.69 567.23 117.05 1.247e-10
                                                              Prueba 2
TWI(A, B, C) 3 162.39
                      54.13 11.17 0.0004153
PQ(A, B, C)
           3 333.21
                      111.07
                              22.92 7.436e-06
Residuals
        15 72.69
                      4.85
Lack of fit 5 63.95
                      12.79 14.64 0.0002512
                                                              Prueba 1
           10
              8.74
                       0.87
Pure error
```

Stationary point of response surface:

A B C

0.8755556 0.6495430 0.3682153

Eigenanalysis:

eigen() decomposition

\$values

[1] -1.592529 -3.092294 -4.825876

\$vectors

[,1] [,2] [,3]

A -0.08382263 0.98941937 0.1184190

B -0.64435350 0.03683154 -0.7638403

C 0.76011995 0.14033083 -0.6344485



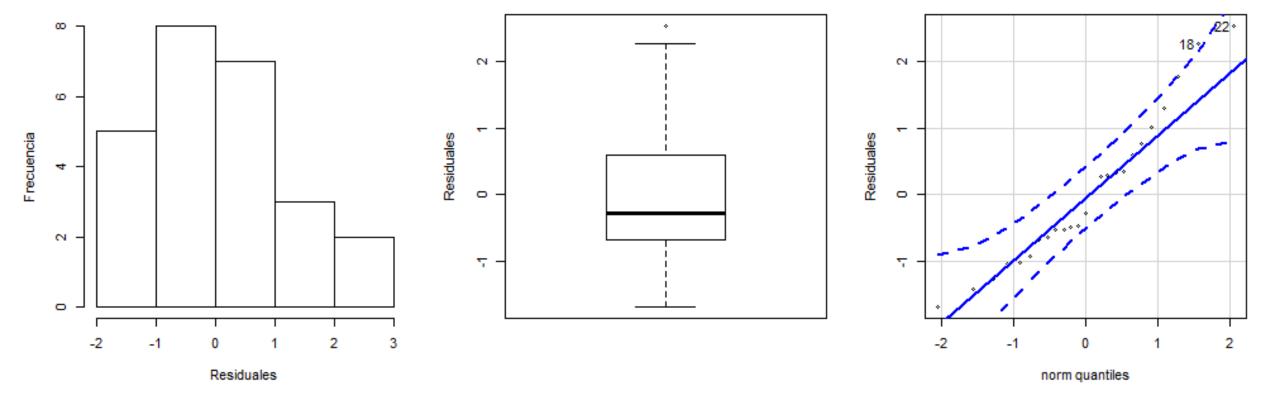
Punto estacionario



¿Mínimo, máximo o punto de silla?

```
# Normalidad
residuales <- rstandard(sr2)
require(car)

par(mfrow=c(1,3))
hist(residuales, main="", ylab="Frecuencia", xlab="Residuales")
boxplot(residuales, ylab="Residuales")
qqPlot(residuales, ylab="Residuales")</pre>
```



```
ad.test(residuales)

Shapiro-Wilk normality test

data: residuales
W = 0.94913, p-value = 0.2397

Anderson-Darling normality test

data: residuales
A = 0.43891, p-value = 0.2705
```

shapiro.test(residuales)

require(nortest)

```
require(lmtest)
bptest(Recuperacion ~ SO(A,B,C) , data = datos)
dwtest(Recuperacion ~ SO(A,B,C) , data = datos)
```

```
studentized Breusch-Pagan test

data: Recuperacion ~ SO(A, B, C)

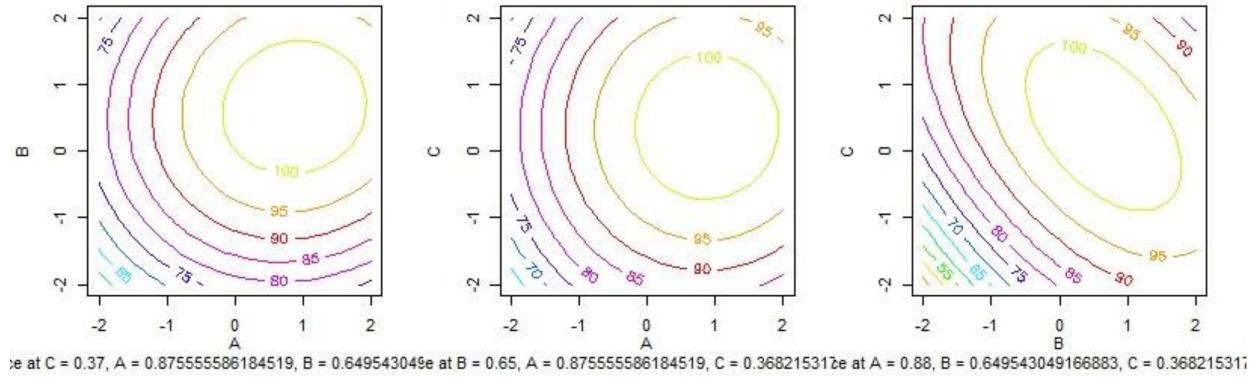
BP = 14.101, df = 9, p-value = 0.1188

Durbin-Watson test

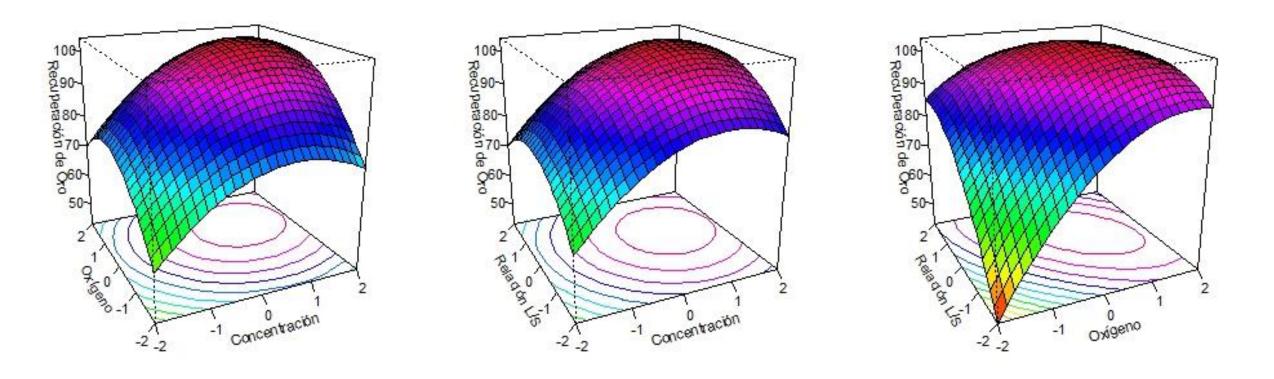
data: Recuperacion ~ SO(A, B, C)

DW = 2.3011, p-value = 0.3456
alternative hypothesis: true autocorrelation is greater than 0
```

```
par (mfrow = c (1,3)) contour(sr2 , \sim A + B + C, at = xs(sr2), col = rainbow(10))
```



```
persp(datos2.rsm, \sim x1 + x2 + x3, at = xs(datos2.rsm), contours = "col", col = rainbow(40), zlab = "Yield", xlabs = c("Temperature", "Molar ratio", "Concentration"))
```



Slice at C = 0.37, A = 0.875555586184519, B = 0.6495430491668 Slice at B = 0.65, A = 0.875555586184519, C = 0.3682153173607 Slice at A = 0.88, B = 0.649543049166883, C = 0.3682153173607

Referencias

Alzate, A., López, M. E., & Serna, C. (2016). Recovery of gold from waste electrical and electronic equipment (WEEE) using ammonium persulfate. *Waste management*, *57*, 113-120.

Fox, J. and Weisberg, S. (2011). An {R} Companion to Applied Regression, Second Edition. Thousand Oaks CA: Sage. URL: http://socserv.socsci.mcmaster.ca/jfox/Books/Companion.

Gross, J. and Ligges, U. (2015). nortest: Tests for Normality. R package version 1.0-4. https://cran.r-project.org/package=nortest.

Gutiérrez, P.H. & De La Vara, S. R. (2012). Análisis y diseño de experimentos. McGraw-Hill. Edición 3.

Hamze, H., Akia, M., & Yazdani, F. (2015). Optimization of biodiesel production from the waste cooking oil using response surface methodology. *Process Safety and Environmental Protection*, 94, 1-10.

Referencias

Mendiburu, F. (2017). agricolae: Statistical Procedures for Agricultural Research. R package version 1.2-8. https://CRAN.R-project.org/package=agricolae.

R Core Team (2018). R: A language and environment for statistical computing. R Foundation for Statistical Computing, Vienna, Austria. URL https://www.R-project.org/.

RStudio Team (2018). RStudio: Integrated Development for R. RStudio, Inc., Boston, MA URL http://www.rstudio.com/.

Zeileis, A. & Hothorn, T. (2002). Diagnostic Checking in Regression Relationships. R News 2(3), 7-10. URL https://CRAN.R-project.org/doc/Rnews/.

Muchas gracias