课程链接: CS224W: Machine Learning with Graphs

课程视频: 【课程】斯坦福 CS224W: 图机器学习 (2019 秋 | 英字)

目录

1. 前言

2. Network communities

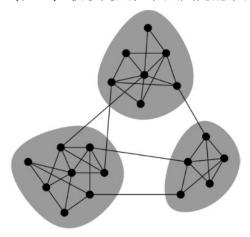
3. Louvain algorithm——Louvain社区发现算法

4. BigCLAM——重叠社区发现算法 Detecting Overlapping Communities

1. 前言

在上一节的内容,我们了解了网络中的Role(角色),我们也讲到了Role和Community的区别(前者是功能相同的节点的集合,后者则是有联系的节点的集合),这一节的内容会来探讨一下Networks中的Community。

在我们的印象中,网络通常是这个样子的,就像社交网络一样:由许多个节点团(社区)联系而成,节点团内的节点联系紧密,节点团之间的节点联系稀疏。



这一节的内容就是来探讨这样一个概念图形成的原因,以及怎样去自动发掘网络中的Community。

我们可以先从社会学的角度去看待这样的概念图。

首先介绍一个很重要的概念——**信息流(information flow**)。这里我们需要考虑一个问题:*信息在网络中是如何流通的。*这里面又涉及到两个小问题:

How does information flow through the network?

- What structurally distinct roles do nodes play?
- What roles do different links ("short" vs. "long") play?

为了阐述信息在网络中的流通,Mark Granovetter 教授在他的博士论文中有做过这样一项研究,他研究人们怎么获取新的工作信息,是怎样找到自己的工作的。他发现,人们通常更倾向于通过熟人(acquaintances)获取这些信息,而不是通过联系更加亲密的朋友(close friends)。这是一个比较"反常"的结论,因为在我们的印象中,我们总是觉得自己在遇到困难或事情的时候,会找更亲密的人来帮忙。

注:在英文中, acquaintance的意思是a person that you know but who is not a close friend, 不会经常联系,关系上看应该要比close friends要疏远一点。close friend指每天都联系的意思。

对此,Mark Granovetter 教授给出了他的解释。

首先,他提供了两个看待友谊的观点:

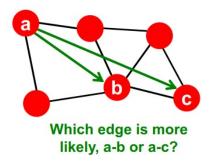
- Two perspectives on friendships:
 - Structural: Friendships span different parts of the network
 - Interpersonal: Friendship between two people is either strong or weak

对于社会中不同角色之间的友谊/联系,Mark Granovetter 教授也提供了两个角度

First Point: Structure

- First point: Structure
 - Structurally embedded edges are also socially strong
 - Long-range edges spanning different parts of the network are socially weak

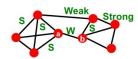
从**结构**的角度上看,如果网络中的两个人有一个共同的朋友,那么他们成为朋友的可能性就会增加。比如在下图中,a和b更可能成为朋友,也就是说a和b之间的边更可能产生。



Second Points: Information

Second point: Information

- Long-range edges allow you to gather information from different parts of the network and get a job
- Structurally embedded edges are heavily redundant in terms of information access

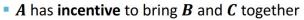


从信息获取的角度上看,长范围的关系可以帮助我们获取不同的、新的信息;而经常联系的人会形成一个圈子,大家获取信息的来源是大致是一样的,从信息获取的角度来说是冗余的——这就解释了为什么我们会选择从熟人而不是密友那里获取信息。

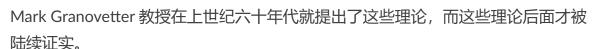
这样的现象被称作**"Triadic closure"(三角闭合)**

Triadic closure = High clustering coefficient Reasons for triadic closure:

- If **B** and **C** have a friend **A** in common, then:
 - B is more likely to meet C
 - (since they both spend time with A)
 - B and C trust each other
 - (since they have a friend in common)



• (since it is hard for A to maintain two disjoint relationships)



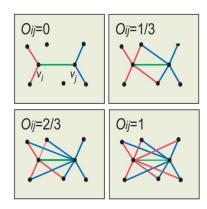
随着这个理论的发展和完善,引入了一个新的概念——Edge overlap

Edge overlap:

$$O_{ij} = \frac{|(N(i) \cap N(j)) \setminus \{i, j\}|}{|(N(i) \cup N(j)) \setminus \{i, j\}|}$$

N(i) ... the set of neighbors of node i

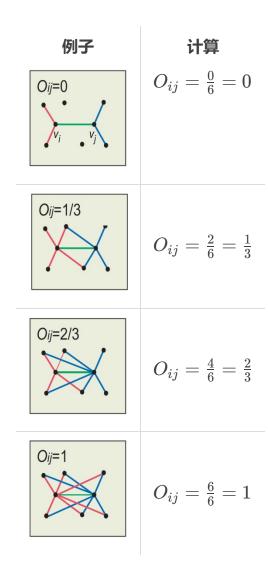




 O_{ij} 的分子是与节点i和节点j共同相连的节点集合的模,分母是除了节点i和节点j以外的所有节点的集合的模。

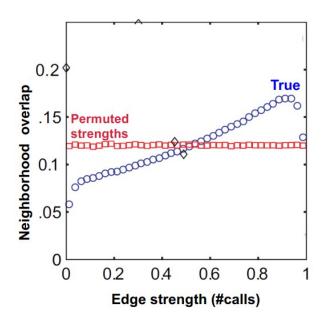
例子

计算



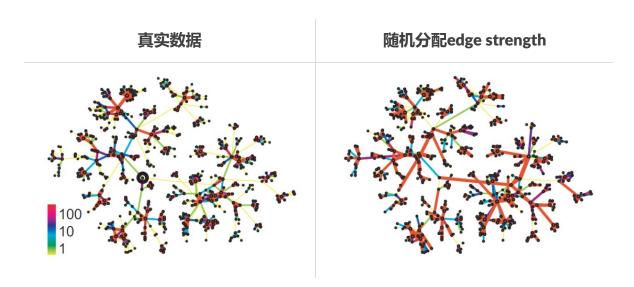
从社会学的角度来看,这里的Edge overlap,感觉描述的是两个人社交圈子的重合程度。

我们可以从具体的数据中感受一下edge overlap:



首先,数据来源于cell phone network。这是一张Edge strength(边的强度,代表联系的亲密程度,打电话的次数越多越亲密)和Neignbourhood overlap(邻居重合度)的关系图。蓝色的是真实数据,可以看到联系越紧密的人其实和你的社交圈子的交集就越多。红色的是保持网络结构不变,给网络中的节点随机分配edge strength之后统计的Neignbourhood overlap,会发现社交圈子的重合度与联系的紧密程度无关了,几乎是一条水平直线。

我们再看另一份数据(mobile call graph):

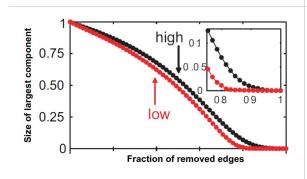


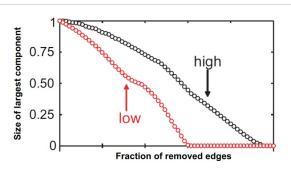
可以看到,随机分配edge strength后的网络中,强连接(红色的边)分布得不是那么集中了。

那么我们怎么从这样的一些数据演化成前面提到的概念图呢?我们做下面这样的处理:

将网络中的边按照edge strength从低到高删除

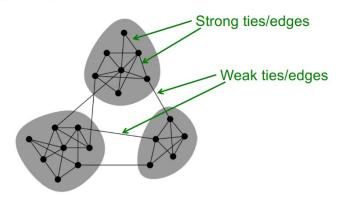
将网络中的边按照edge overlap从低到高删除





可以看到,网络中的最大子图的规模在减小,逐渐形成我们前面提到的概念图:

 Granovetter's theory leads to the following conceptual picture of networks



2. Network communities

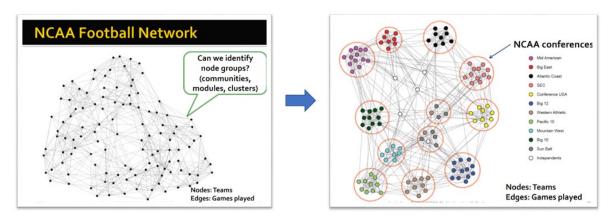
根据Granovetter的理论,网络是由紧密相连的节点组成的。

networks are composed of tightly connected sets of nodes.

而Community是具有大量内部连接和很少外部连接到网络的其余部分的节点集。

Sets of nodes with **lots** of **internal** connections and **few external** ones (to the rest of the network).

那么,我们怎样去自动检测到网络中的这些节点集(community)呢?



我们首先引入参数 Modularity Q: Modularity Q 衡量的是一个网络社区划分的合理程度。

Modularity Q: A measure of how well a network is partitioned into communities

划分partition类似于聚类,将节点划分成不同的不相交的子集

 Given a partitioning of the network into groups disjoint s ∈ S:

$$Q \propto \sum_{s \in S} [(\# \text{ edges within group } s) - (\text{expected } \# \text{ edges within group } s)]$$

假设我们已经有了分组S,那么对于每个组s来说,组内的edges的数量和预期的 edges的数量之间的差异,就可以用参数Modularity Q来衡量。如果这个差值很大,就说明这是一个很凝聚的团体(group)。

那么,我们就需要一个Null Model来得到预期的edges的数量。给定一个包含n个节点、m条边的真实的网络G,重新(随机)地构造新的网络 $G^{'}$,就得到所需要的Null Model。这个新构造的网络 $G^{'}$ 可以看成是一个多重图(multigraph),两个节点之间的预期存在的边可以由下面的公式计算:

- The expected number of edges between nodes i and j of degrees k_i and k_j equals: $k_i \cdot \frac{k_j}{2m} = \frac{k_i k_j}{2m}$
 - The expected number of edges in (multigraph) G':

$$= \frac{1}{2} \sum_{i \in N} \sum_{j \in N} \frac{k_i k_j}{2m} = \frac{1}{2} \cdot \frac{1}{2m} \sum_{i \in N} k_i (\sum_{j \in N} k_j) =$$

$$= \frac{1}{4m} 2m \cdot 2m = m$$
Note:
$$\sum_{i \in N} k_i = 2m$$

这里k为节点的度(如果忘记了可以回顾一下前面课程的内容<u>cs224w</u> 图神经网络 学习笔记(二)Properties of Networks and Random Graph Models)

这样,Modularity Q就可以由下面这个式子计算:

$$Q(G,S) = \frac{1}{2m} \sum_{s \in S} \sum_{i \in s} \sum_{j \in s} \left(A_{ij} - \frac{k_i k_j}{2m} \right)$$
Normalizing const.: $-1 \le Q \le 1$

$$A_{ij} = 1 \text{ if } i \rightarrow j,$$
On otherwise

Q一般取值在-1到1之间。如果划分的社区内节点之间的连边大于预期,则Q为正。通常来说,Q越大,网络结构的社区划分效果越好,但目前大多数网络在较为合理的社区划分之后,其Q值出现在0.3-0.7,在这个区间内的Q值意味着网络存在着比较重要的社区结构(significant community structure)。

上面Q值计算的公式等价于下面这个式子:

$$Q = rac{1}{2m} \sum_{ij} igg[A_{ij} - rac{k_i k_j}{2m} igg] \delta(c_i, c_j)$$

- ullet A_{ij} represents the edge weight between nodes i and j;
- k_i and k_j are the sum of the weights of the edges attached to nodes i and j, respectively;
- ullet 2m is the sum of all of the edge weights in the graph;
- ullet c_i and c_j are the communities of the nodes; and
- δ is an indicator function $\delta(c_i, c_i) = 1$ if $c_i = c_i$ else 0

可以发现,计算Q值可以衡量目前的社区划分是否合理。但是,我们怎么找到这些社区呢?接下来就要介绍发现社区的算法——Louvain算法。

3. Louvain algorithm——Louvain社区发现算法

Louvain algorithm是一种贪心算法。这部分算法网上有很多资料进行介绍。

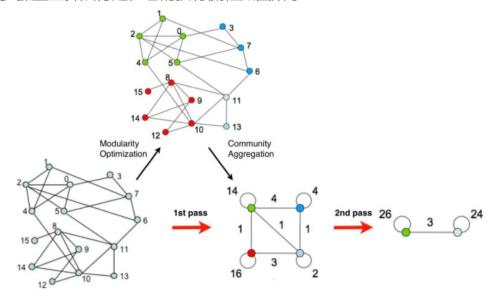
参考资料:

社区发现算法-Louvain

Github项目: CommunityDetection

Louvain算法包括两个阶段,在步骤一它不断地遍历网络中的结点,尝试将单个结点加入能够使modularity提升最大的社区中,直到所有结点都不再变化。在步骤二,它处理第一阶段的结果,将一个个小的社区归并为一个超结点来重新构造网络,这时边的权重为两个结点内所有原始结点的边权重之和。迭代这两个

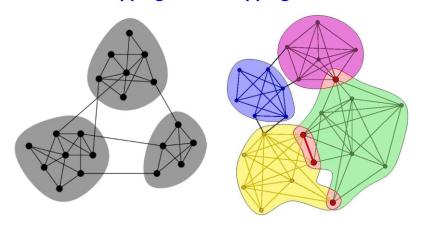
步骤直至算法稳定。它的执行流程如图所示:



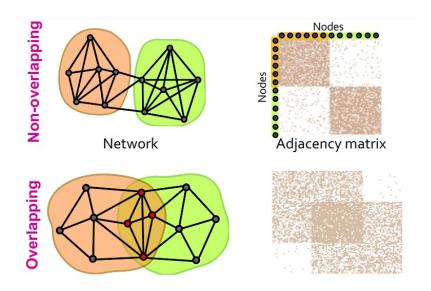
Louvain算法适用于不重叠的社区发现,但是我们现实生活中很多社区其实是存在重叠的,下面就介绍另一种社区发现算法——BigCLAM。

4. BigCLAM——重叠社区发现算法 Detecting Overlapping Communities

Non-overlapping vs. overlapping communities



非重叠社区和重叠社区之间的区别还可以从邻接矩阵上看出来:

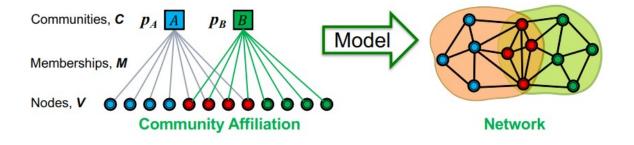


算法过程共有两步:

第一步: Define a generative model for graphs that is based on node community affiliations. 基于节点社区关系生成一个图,可以采用Community Affiliation Graph Model (AGM)算法,在斯坦福SNAP的官网上可以找到这个算法的简介。

第二步: Given graph G, make the assumption that G was generated by AGM. Find the best AGM that could have generated G. 给定一个真实的图,希望AGM算法生成的图尽可能地贴合真实图。

AGM: Generative process



左边是我们预设的社区结构 (可以看成一张二分图) , 我们怎样从这样的社区结构 得到一张网络呢?首先,我们给定生成网络的参数:

- Nodes 节点数V
- Communities 社区数C
- Memberships 成员关系 M
- 每个社区c都给定一个概率 p_c , p_c 的含义是社区c内的节点之间生成边的概率。

这样就可以用随机图生成的思想来从预设的社区结构生成网络:

• 当两个节点在同一个社区 c_1 时,节点之间有 p_{c_1} 的概率进行相连。这时

$$p(u,v) = 1 - \prod_{c \in c_1} (1-p_c) = 1 - 1 + p_{c1} = p_{c1}$$

• 当两个节点不属于同一个社区时, 节点之间没有边进行相连。这时

$$p(u,v) = 1 - (1-0) = 0$$

• 当两个节点属于两个社区 $(c_1 + ac_2)$ 时,

$$egin{aligned} p(u,v) &= 1 - \prod_{c \in c_1 \cap c_2} (1-p_c) \ &= 1 - (1-p_{c1})(1-p_{c2}) \ &= 1 - (1-p_{c1}-p_{c1}+p_{c1}p_{c2}) \ &= p_{c1} + p_{c1} - p_{c1}p_{c2} \end{aligned}$$

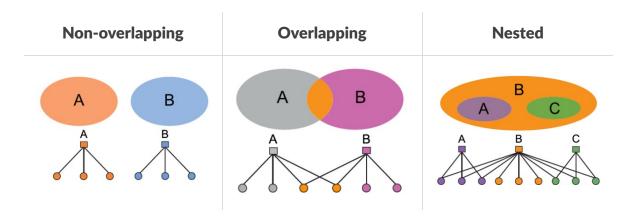
因为 p_{c1} 和 p_{c2} 都是小数,所p(u,v)一定大于 p_{c1} 和 p_{c2} 。从社交网络上理解,就是两个人所处的共同圈子越多,他们认识的可能性就越大。

Given parameters (V, C, M, {p_c})

- Nodes in community c connect to each other by flipping a coin with probability p_c
- Nodes that belong to multiple communities have multiple coin flips
 - If they "miss" the first time, they get another chance through the next community

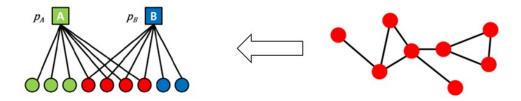
$$p(u,v) = 1 - \prod_{c \in M_u \cap M_v} (1-p_c) \qquad \text{Note: If nodes u and v have no communities in common, then } p(u,v) = 0. \text{ We resolve this by having a background "epsilon" community that every node is a member of.}$$

AGM方法的灵活性很高,可以适用于各种网络结构:



Detecting communities with AGM

上面说的很多内容,是怎么从已知的社区结构得到网络,但是社区发现意味着从已知的网络得到一定的社区结构,也就是前面那个过程的逆过程。也就是说,我们已知网络G,需要找到二分图模型F,且得到相关的参数。



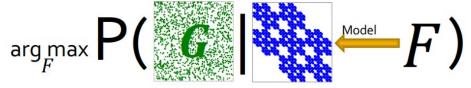
Given a Graph, find the model F

- 1) Affiliation graph M
- 2) Number of communities C
- 3) Parameters **p**_c

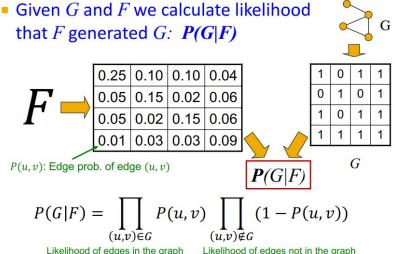
解决这个问题的思路关键在于:已知真实网络G,找到模型F,使得G关于F的条件概率最大(就是上面的正向过程),也就是极大似然估计。

How to estimate model parameters F given a G?

- Maximum likelihood estimation
- Given real graph G
- Find model/parameters F which



那么,我们就需要找到一个计算条件概率P(G|F)的高效的方法,并遍历模型F,其中条件概率P(G|F)最大的模型F就是我们需要的社区结构。



在AGM算法中,p(u,v)表示的是两个结点之间产生连边的关系。在真实网络G中, 两点相连的时候p(u,v)=1, 两点不相连的时候p(u,v)=0。在模型F中, 为了 让它更贴合真实网络G,我们希望相连的两点之间的概率尽可能地大,不相连的两 点之间的概率尽可能地小。这样就引入我们的目标函数:

$$P(G|F) = \prod_{(u,v) \in G} P(u,v) \prod_{(u,v)
otin G} (1-P(u,v))$$

有了目标函数,就可以用梯度下降来求解啦。

BigCLAM的思想是一样的,但是在概率p(u,v)和目标函数的形式上不同:

BigCLAM Model

Prob. of nodes u, v linking is proportional to the strength of shared memberships:

$$P(u,v) = 1 - \exp(-F_u \cdot F_v^T)$$

• Given a network G(V, E), we maximize l(F)

$$l(F) = \sum_{(u,v)\in E} \log(1 - \exp(-\underbrace{F_u F_v^T}_{\text{Dot product}})) - \sum_{(u,v)\not\in E} F_u F_v^T$$

This is log-likelihood of network G – total probability of all edges occurring and all non-edges not occurring.

- Optimization:
 - Start with random F
 - Update F_{uC} for node u while fixing the memberships of all other nodes
 - Updating takes linear time in the degree of u