

Análisis espacial del dengue en Costa Rica

Pablo Vivas Corrales^{*}
pablo.vivas@ucr.ac.cr

16 de diciembre de 2019

Resumen

La posición geográfica de Costa Rica posibilita al vector *Aedes* la propagación de la enfermedad conocida como dengue. Solo en el año 2019 la sección de vigilancia del Ministerio de Salud reportó más de 8000 mil casos de esta enfermedad. Con esos datos e información obtenida del Instituto Nacional de Estadística y Censos (INEC) se realizó un análisis espacial con los siguientes objetivos:

Palabras clave: *Palabra 1, Palabra 2, Palabra 3 & Palabra 4*

1. Introducción

El dengue es una enfermedad aguda febril, producida por un virus ARN de la familia *Flaviridae*, cuyo único reservorio es el hombre. Existen 4 serotipos distintos DEN- 1, DEN- 2, DEN- 3 y DEN- 4. Es más predominante en las regiones tropicales. El virus se transmite por la picadura de la hembra del mosquito *Aedes sp.* Ésta adquiere la infección al alimentarse de un paciente en fase virémica. El virus se multiplica y alcanza las glándulas salivares de la mosquito hembra, donde se mantiene de por vida, por lo que puede infectar a varias personas. Existen varios tipos de *Aedes*: Ae. aegypti, Ae. albopictus, Ae. meiovittatus, Ae. scutellaris .etc. El más importante es Ae. aegypti, que se alimenta principalmente sangre humana y lo hace de día. El virus es altamente transmisible cuando la infestación por el vector es alta, lo que puede producir epidemias de dengue con alta morbilidad y mortalidad, en su forma grave. La infección que produce resulta en un amplio espectro de presentaciones clínicas, que van desde formas asintomáticas, indiferenciadas y leves hasta cuadros graves con compromiso vascular, coagulación y órganos blancos. Puede haber transmisión por la picadura directa del mosquito, vía vertical (madre-hijo,tercer trimestre de embarazo) o vía transfusional (Caja Costarricense del Seguro Social, 2013).

2. Métodos

Los datos utilizados utilizados para realizar el análisis espacial del dengue en Costa Rica provienen de dos fuentes. En primer lugar, de la sección de vigilancia del Ministerio de Salud se obtiene la información de los casos de dengue para el 2019 por cantón. Los paquetes de R (R Core Team, 2019) de readxl

^{*}Maestría Académica en Estadística. Universidad de Costa Rica

(Wickham y Bryan, 2019), sp (R. S. Bivand, Pebesma, y Gomez-Rubio, 2013), sf (Pebesma, 2018), tidyverse (Wickham, 2017), rgdal (R. Bivand, Keitt, y Rowlingson, 2019), RColorBrewer (Neuwirth, 2014), spdep (R. S. Bivand y cols., 2013), tmap (Tennekes, 2018), tmaptools (Tennekes, 2019), spatialreg (R. S. Bivand y cols., 2013), epitools (Aragon, 2017), DCluster (Lopez-Quílez, 2005), plotrix (J, 2006), MASS (Venables y Ripley, 2002) & mgcv (Wood, 2003).

3. Resultados

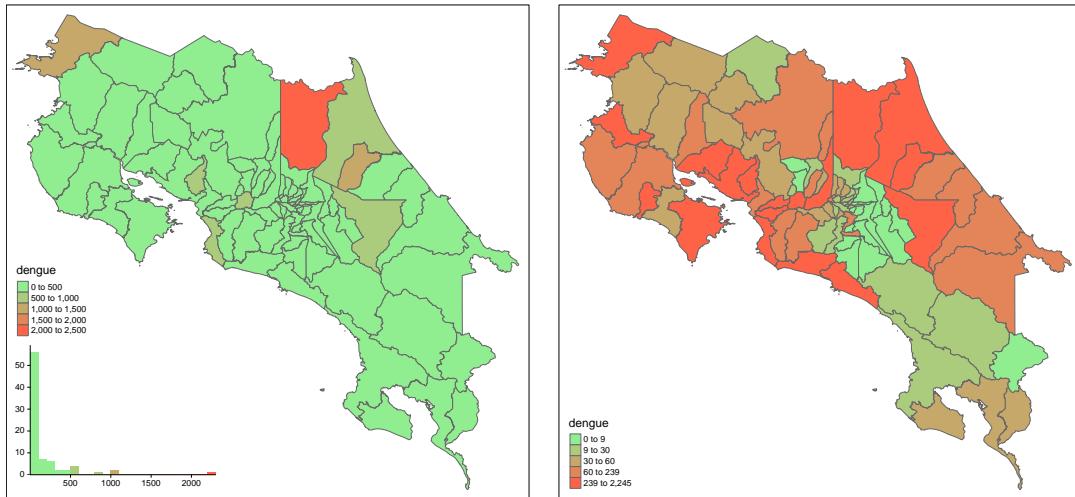


Figura 1: Tasa de dengue (100.000 habitantes) por cantón, 2019.

Vecinos	Matriz de pesos		
	W	B	S
Reina	0,009	0,007	0,006
Torre	0,011	0,008	0,008
Knn(2)	0,018	0,018	0,018
Knn(4)	0,026	0,026	0,026

4. Conclusiones

5. Anexos

Referencias

- Aragon, T. J. (2017). epitools: Epidemiology tools [Manual de software informático]. Descargado de <https://CRAN.R-project.org/package=epitools> (R package version 0.5-10)
- Bivand, R., Keitt, T., y Rowlingson, B. (2019). rgdal: Bindings for the 'geospatial' data abstraction library [Manual de software informático]. Descargado de <https://CRAN.R-project.org/package=rgdal> (R package version 1.4-4)

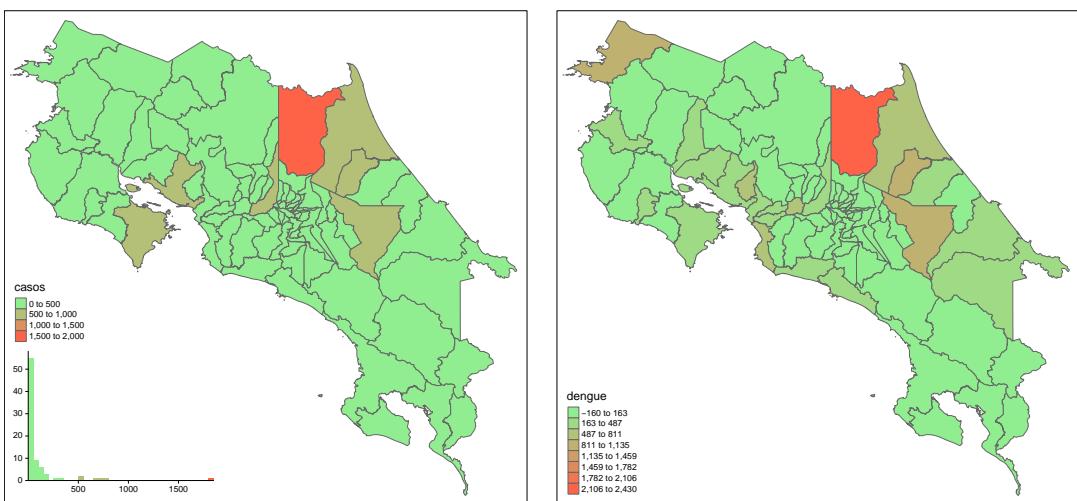


Figura 2: Casos de dengue (100.000 habitantes) por cantón, 2019.

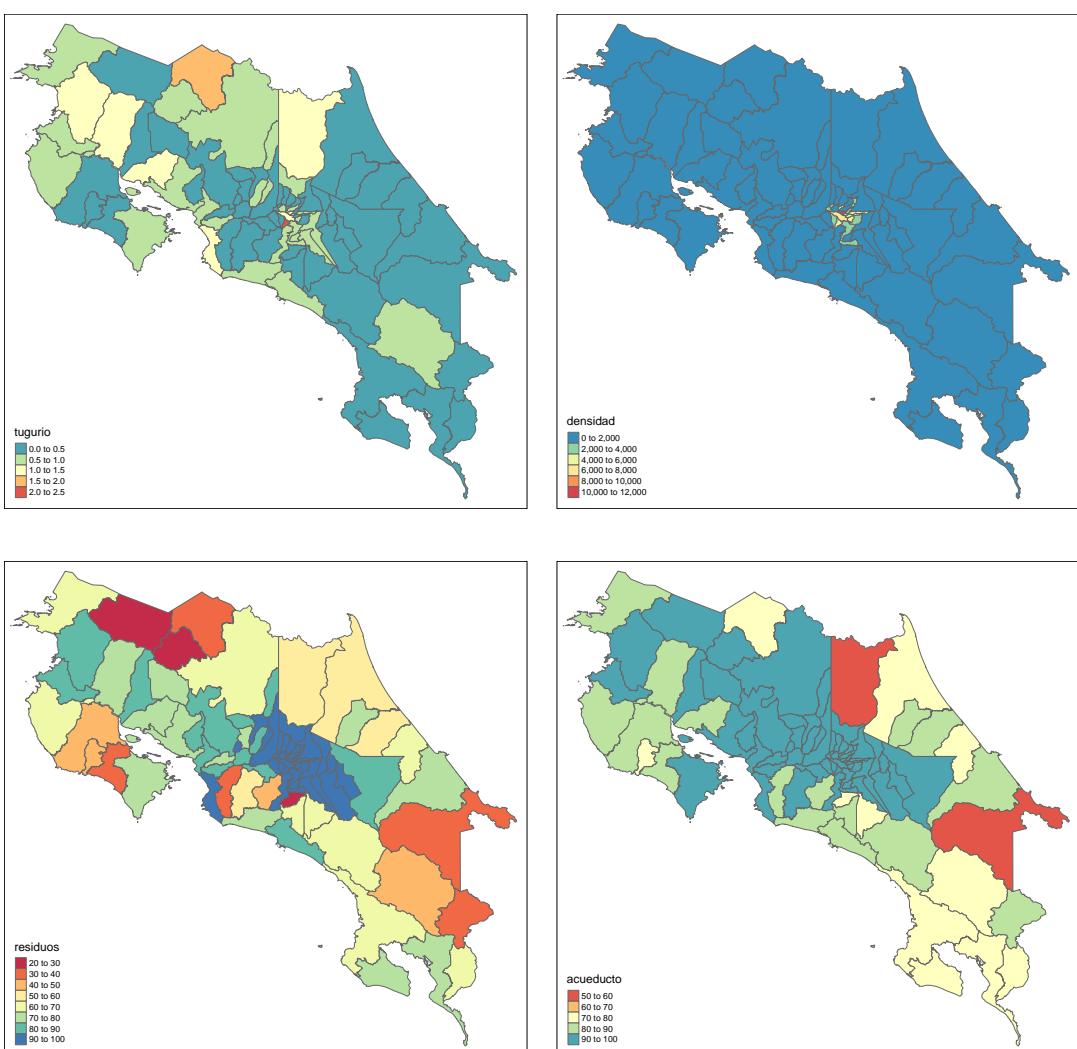


Figura 3: Estadísticos descriptivos

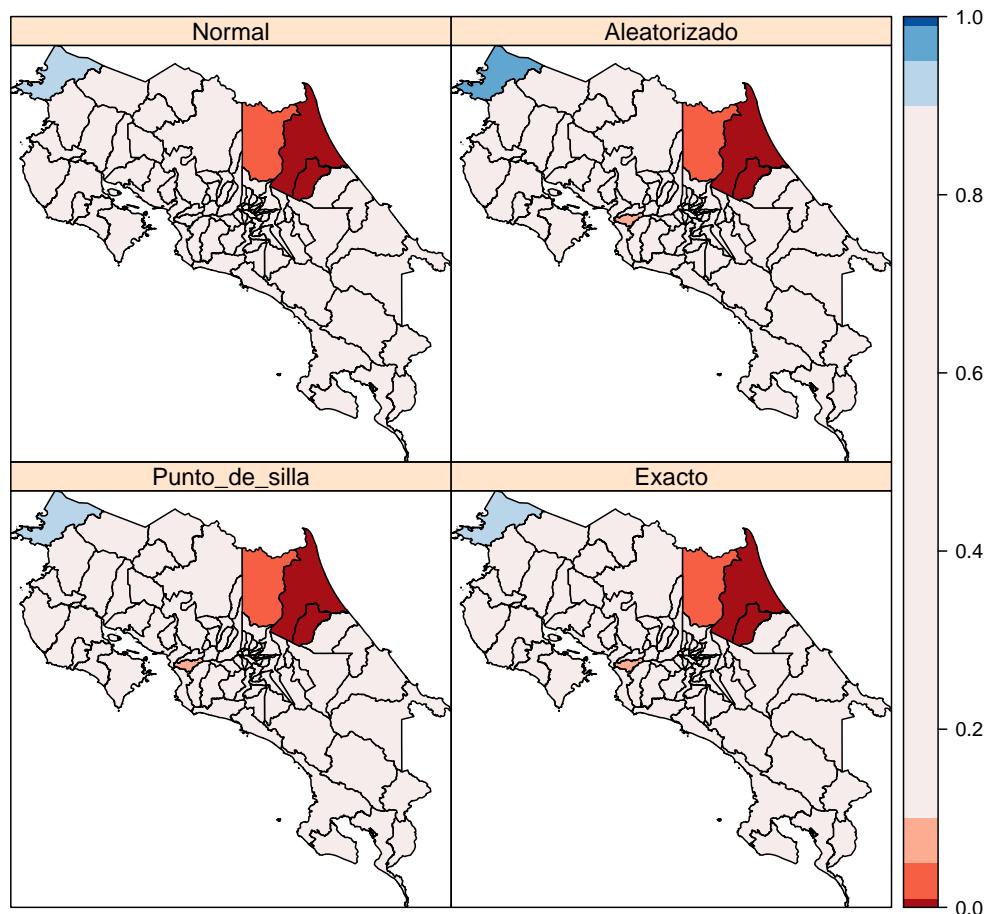


Figura 4: Distintas pruebas de Moran

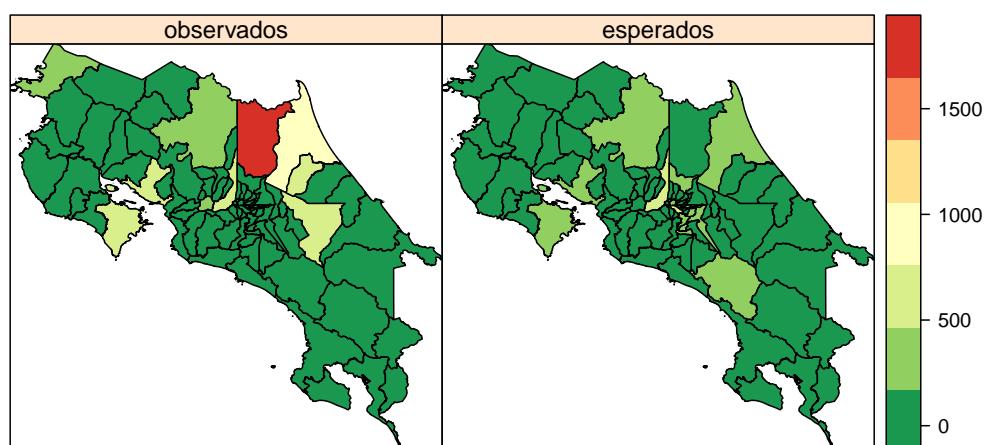


Figura 5: Valores Observados vs Esperados

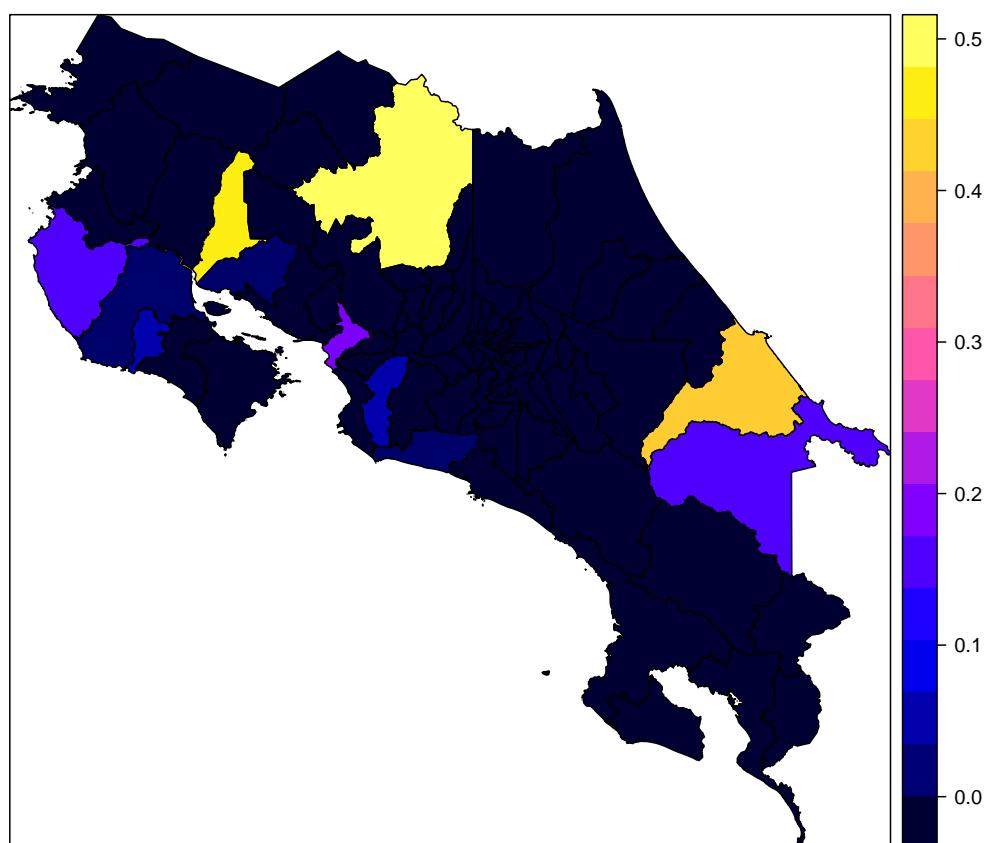


Figura 6: Mapa de probabilidad de Chownoysky

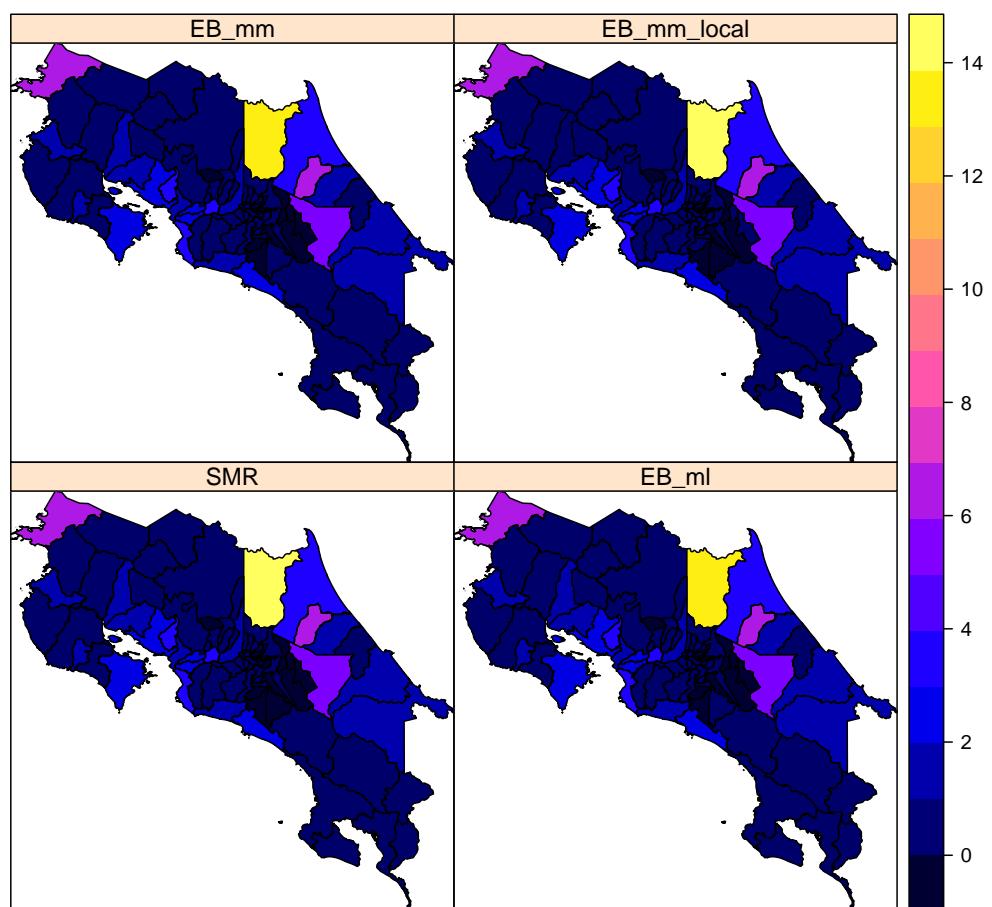


Figura 7: Distintas pruebas de Moran

- Bivand, R. S., Pebesma, E., y Gomez-Rubio, V. (2013). *Applied spatial data analysis with R, second edition*. Springer, NY. Descargado de <http://www.asdar-book.org/>
- Caja Costarricense del Seguro Social. (2013). Guía para la Organización de la Atención y Manejo de los Pacientes con Dengue y Dengue Grave. , 1–61.
- J, L. (2006). Plotrix: a package in the red light district of r. *R-News*, 6(4), 8-12.
- Lopez-Quílez, V. G.-R. J. F.-F. A. (2005). Detecting clusters of disease with r. *Journal of Geographical Systems*, 7(2), 189-206.
- Neuwirth, E. (2014). Rcolorbrewer: Colorbrewer palettes [Manual de software informático]. Descargado de <https://CRAN.R-project.org/package=RColorBrewer> (R package version 1.1-2)
- Pebesma, E. (2018). Simple Features for R: Standardized Support for Spatial Vector Data. *The R Journal*, 10(1), 439–446. Descargado de <https://doi.org/10.32614/RJ-2018-009> doi: 10.32614/RJ-2018-009
- R Core Team. (2019). R: A language and environment for statistical computing [Manual de software informático]. Vienna, Austria. Descargado de <https://www.R-project.org>
- Tennekes, M. (2018). tmap: Thematic maps in R. *Journal of Statistical Software*, 84(6), 1–39. doi: 10.18637/jss.v084.i06
- Tennekes, M. (2019). tmaptools: Thematic map tools [Manual de software informático]. Descargado de <https://CRAN.R-project.org/package=tmaptools> (R package version 2.0-2)
- Venables, W. N., y Ripley, B. D. (2002). *Modern applied statistics with s* (Fourth ed.). New York: Springer. Descargado de <http://www.stats.ox.ac.uk/pub/MASS4> (ISBN 0-387-95457-0)
- Wickham, H. (2017). tidyverse: Easily install and load the 'tidyverse' [Manual de software informático]. Descargado de <https://CRAN.R-project.org/package=tidyverse> (R package version 1.2.1)
- Wickham, H., y Bryan, J. (2019). readxl: Read excel files [Manual de software informático]. Descargado de <https://CRAN.R-project.org/package=readxl> (R package version 1.3.1)
- Wood, S. N. (2003). Thin-plate regression splines. *Journal of the Royal Statistical Society (B)*, 65(1), 95-114.